

(19)



(11) Veröffentlichungsnummer:

(11) Publication number:

EP 1 989 326 A0

(11) Numéro de publication:

Internationale Anmeldung veröffentlicht durch die
Weltorganisation für geistiges Eigentum unter der Nummer:

WO 2007/084568 (Art. 153(3) EPÜ).

International application published by the World
Intellectual Property Organization under number:

WO 2007/084568 (Art. 153(3) EPC).

Demande internationale publiée par l'Organisation
Mondiale de la Propriété Intellectuelle sous le numéro:

WO 2007/084568 (art. 153(3) CBE).

专利名称(译)	异源双链追踪测定		
公开(公告)号	EP1989326A4	公开(公告)日	2009-09-30
申请号	EP2007718131	申请日	2007-01-17
[标]申请(专利权)人(译)	健康研究股份有限公司		
申请(专利权)人(译)	健康研究公司.		
当前申请(专利权)人(译)	健康研究公司.		
[标]发明人	PHILPOTT SEAN WEISER BARBARA BURGER HAROLD		
发明人	PHILPOTT, SEAN WEISER, BARBARA BURGER, HAROLD		
IPC分类号	C12Q1/68 G01N33/53 C12Q1/70		
CPC分类号	C12Q1/703 C12Q2600/118 C12Q2600/156		
代理机构(译)	HARDING , CHARLES THOMAS		
优先权	11/333073 2006-01-17 US 60/838009 2006-08-16 US		
其他公开文献	EP1989326A2		
外部链接	Espacenet		

摘要(译)

随着时间的推移,许多HIV阳性个体发生病毒嗜性的变化,并且可能表明辅助受体使用从CCR5转变为CXCR4。已显示辅助受体使用向CXCR4的转变与疾病进展的增加相关。在接受HAART的患者中,在CXCR4特异性菌株出现后不久,主要的病毒群可能很快转回CCR5介导的进入。本发明涉及一种监测辅助受体在人免疫缺陷病毒(HIV)感染的治疗和临床管理中的诊断方法。本发明进一步涉及应用于经历HAART的HIV阳性个体的诊断方法,以监测CCR5或CXCR4特异性菌株的抑制。诊断方法可用于帮助选择抗逆转录病毒疗法并改善疾病预后随时间的预测。本发明的方法包括基于细胞的方法,包括细胞融合测定,和基于分子的方法,包括异源双链体追踪测定,以定量和定性分析患者来源的HIV用于辅助受体使用。