

(12) NACH DEM VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT AUF DEM GEBIET DES
PATENTWESENS (PCT) VERÖFFENTLICHTE INTERNATIONALE ANMELDUNG

(19) Weltorganisation für geistiges Eigentum
Internationales Büro



(43) Internationales Veröffentlichungsdatum
18. März 2004 (18.03.2004)

PCT

(10) Internationale Veröffentlichungsnummer
WO 2004/023142 A1

(51) Internationale Patentklassifikation⁷: G01N 33/543

(21) Internationales Aktenzeichen: PCT/EP2003/009561

(22) Internationales Anmeldedatum:
28. August 2003 (28.08.2003)

(25) Einreichungssprache: Deutsch

(26) Veröffentlichungssprache: Deutsch

(30) Angaben zur Priorität:
1502/02 3. September 2002 (03.09.2002) CH
0114/03 27. Januar 2003 (27.01.2003) CH

(71) Anmelder (für alle Bestimmungsstaaten mit Ausnahme von US): ZEPTOSENS AG [CH/CH]; Benkenstrasse 254, CH-4108 Witterswil (CH).

(72) Erfinder; und

(75) Erfinder/Anmelder (nur für US): PAWLAK, Michael

[DE/DE]; Andelsbachstrasse 5, 79275 Laufenburg (DE).
SCHICK, Eginhard [DE/DE]; Nordschwabener Strasse 8,
79618 Rheinfeldern (DE). OROSZLAN, Peter [HU/CH];
Wielandplatz 10, CH-4054 Basel (CH).

(74) Gemeinsamer Vertreter: ZEPTOSENS AG; Benkenstr.
254, CH-4108 Witterswil (CH).

(81) Bestimmungsstaaten (national): AE, AG, AL, AM, AT,
AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR,
CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EC, EE, ES, FI, GB, GD, GE,
GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ,
LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN,
MW, MX, MZ, NO, NZ, PL, PT, RO, RU, SD, SE, SG, SK,
SL, TJ, TM, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VN, YU, ZA,
ZW.

(84) Bestimmungsstaaten (regional): ARIPO-Patent (GH,
GM, KE, LS, MW, MZ, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW),
eurasisches Patent (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ,
TM), europäisches Patent (AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE,

[Fortsetzung auf der nächsten Seite]

(54) Title: ANALYTICAL PLATFORM AND DETECTION METHOD WITH ANALYTES WHICH ARE TO BE DETECTED
IN A SAMPLE IN THE FORM OF IMMOBILIZED SPECIFIC BINDING PARTNERS

(54) Bezeichnung: ANALYTISCHE PLATTFORM UND NACHWEISVERFAHREN MIT DEN IN EINER PROBE NACHZU-
WEISENDEN ANALYTEN ALS IMMOBILISIERTEN SPEZIFISCHEN BINDUNGSPARTNERN

(57) Abstract: The invention relates to an analytical platform and a method carried out therewith for examining a plurality of naturally identical samples for biologically relevant compounds taking part in specific binding reactions in the form of analytes, characterized in that said samples or dilutions of said samples, with the analyte to be detected contained therein, are applied without modification of the relative molecular composition in comparison to the original relative molecular composition of the sample, as a first plurality of specific binding partners in at least one one-dimensional or two-dimensional array in discrete measuring areas on an evanescence field sensor platform as a fixed carrier; one or several detection substances are brought into contact in one or more steps of a specific binding reaction with the samples applied in said discrete measuring areas in the form of a second plurality of specific binding partners for specific detection of one or several analytes contained in the sample from said first plurality of specific binding partners; modifications of optoelectronic signals resulting from the binding of detection substances to analytes contained in the samples in the discrete measuring areas are measured with local resolution in the evanescence field of the evanescence field sensor platform and the presence of the analytes which are to be specifically detected is determined quantitatively or qualitatively on the basis of the relative quantity of the modifications of said optoelectronic signals from the respective measuring areas.

(57) Zusammenfassung: Die Erfindung betrifft eine analytische Plattform und ein damit ausgeführtes Verfahren zur Untersuchung einer Vielzahl „natur-identischer“ Proben auf in den Proben enthaltene, als Teilnehmer an spezifischen Bindungsreaktionen biologisch relevante Verbindungen als Analyten, dadurch gekennzeichnet, dass besagte Proben oder Verdünnungen besagter Proben ohne Änderung der relativen molekularen Zusammensetzung, im Vergleich zur ursprünglichen relativen molekularen Zusammensetzung der Probe, mit den darin enthaltenen, nachzuweisenden Analyten, als einer ersten Vielzahl von spezifischen Bindungspartnern, in mindestens einem ein- oder zweidimensionalen Array in diskreten Messbereichen auf einer Evaneszenzfeld-Sensorplattform als festem Träger aufgetragen werden, eine oder mehrere Nachweissubstanzen, als eine zweite Vielzahl spezifischer Bindungspartner, zum spezifischen Nachweis von einem oder mehreren in den Proben enthaltenen Analyten, aus besagter ersten Vielzahl spezifischer Bindungspartner, in einem einzigen oder mehreren Schritten einer spezifischen Bindungsreaktion mit den in besagten diskreten Messbereichen aufgetragenen, Proben in Kontakt gebracht werden, Änderungen von optoelektronischen Signalen als Folge der Bindung von Nachweissubstanzen an in diskreten Messbereichen in den Proben enthaltene Analyten, im evaneszenten Feld der Evaneszenzfeld-Sensorplattform, orts aufgelöst gemessen werden und aus der relativen Grösse der Änderungen besagter optoelektronischer Signale aus den jeweiligen Messbereichen qualitativ und / oder quantitativ das Vorhandensein der dort spezifisch nachzuweisenden Analyten bestimmt wird.

WO 2004/023142 A1



DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HU, IE, IT, LU, MC, NL,
PT, RO, SE, SI, SK, TR), OAPI-Patent (BF, BJ, CF, CG,
CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

Zur Erklärung der Zweibuchstaben-Codes und der anderen Abkürzungen wird auf die Erklärungen ("Guidance Notes on Codes and Abbreviations") am Anfang jeder regulären Ausgabe der PCT-Gazette verwiesen.

Veröffentlicht:

— mit internationalem Recherchenbericht

Analytische Plattform und Nachweisverfahren mit den in einer Probe nachzuweisenden Analyten als immobilisierten spezifischen Bindungspartnern

Die vorliegende Erfindung betrifft eine analytische Plattform und ein damit ausgeführtes Verfahren zur Untersuchung einer Vielzahl „natur-identischer“ Proben auf in den Proben enthaltene, als Teilnehmer an spezifischen Bindungsreaktionen biologisch relevante Verbindungen als Analyten, dadurch gekennzeichnet, dass

- besagte Proben oder Verdünnungen besagter Proben ohne Änderung der relativen molekularen Zusammensetzung, im Vergleich zur ursprünglichen relativen molekularen Zusammensetzung der Probe, mit den darin enthaltenen, nachzuweisenden Analyten, als einer ersten Vielzahl von spezifischen Bindungspartnern, in mindestens einem ein- oder zweidimensionalen Array in diskreten Messbereichen auf einer Evaneszenzfeld-Sensorplattform als festem Träger aufgetragen werden,
- eine oder mehrere Nachweissubstanzen, als eine zweite Vielzahl spezifischer Bindungspartner, zum spezifischen Nachweis von einem oder mehreren in den Proben enthaltenen Analyten, aus besagter ersten Vielzahl spezifischer Bindungspartner, in einem einzigen oder mehreren Schritten einer spezifischen Bindungsreaktion mit den in besagten diskreten Messbereichen aufgetragenen Proben in Kontakt gebracht werden,
- Änderungen von optoelektronischen Signalen als Folge der Bindung von Nachweissubstanzen an in diskreten Messbereichen in den Proben enthaltene Analyten, im evaneszenten Feld der Evaneszenzfeld-Sensorplattform, orts aufgelöst gemessen werden und

aus der relativen Grösse der Änderungen besagter optoelektronischer Signale aus den jeweiligen Messbereichen qualitativ und / oder quantitativ das Vorhandensein der dort spezifisch nachzuweisenden Analyten bestimmt wird.

Dabei können besagte Änderungen von optoelektronischen Signalen, als Folge der Bindung von Nachweissubstanzen an in diskreten Messbereichen in den Proben enthaltene Analyten, im evaneszenten Feld der Evaneszenzfeld-Sensorplattform, beispielsweise aus dem Vergleich der gleichzeitig gemessenen Signale aus unterschiedlichen Messbereichen, welche entsprechende nachzuweisende Analyten enthalten (in bekannter oder unbekannter Konzentration bzw. Menge) mit den

Signalen aus Messbereichen, welche entsprechende nachzuweisende Analyten nicht enthalten, bestimmt werden. Für die Bestimmung besagter Signaländerungen können auch die Signale aus Messbereichen mit unbekannter Konzentration mit denjenigen Messbereichen mit darin in bekannter Konzentration enthaltenen Analyten benutzt werden. Für den Fall der kontinuierlichen Signalerfassung vor und während der Zugabe der entsprechenden Nachweissubstanzen und deren Bindung an die entsprechenden Analyten enthaltenden Messbereiche kann eine entsprechende Änderung auch aus dem zeitlichen Verlauf der Signale aus den entsprechenden Messbereichen bestimmt werden.

Im folgenden (und insbesondere auch in den Ansprüchen dieser Patentanmeldungsschrift) bezieht sich die Bezeichnung "einer ("natur-identischen") Probe jeweils auch auf zwei oder mehr, d.h. auf eine Vielzahl ("natur-identischer") Proben, sofern nicht ausdrücklich anders vermerkt.

Für zahlreiche Anwendungsgebiete ist es erforderlich, eine Vielzahl von biologisch relevanten Analyten in einer komplexen Probe zu bestimmen, beispielsweise in diagnostischen Verfahren zur Bestimmung des Gesundheitszustandes eines Individuums oder in der Pharmaforschung und -entwicklung zur Bestimmung der Beeinflussung eines Organismus und dessen komplexer Funktionsweise durch Zuführung biologisch aktiver Verbindungen.

Während bekannte analytische Trennverfahren im allgemeinen dahingehend optimiert sind, innerhalb möglichst kurzer Zeit eine möglichst grosse Anzahl von in einer gegebenen Probe enthaltenen Verbindungen gemäss eines vorgegebenen physikalisch-chemischen Parameters, wie beispielsweise des Molekulargewichts oder des Quotienten aus molekularer Ladung und Masse, aufzutrennen, beruhen Bioaffinitäts-Nachweisverfahren darauf, mit jeweils einem biologischen oder biochemischen oder synthetischen Erkennungselement möglichst hoher Spezifität den entsprechenden (einzelnen) Analyten hochselektiv in einer komplex zusammengesetzten Probe zu erkennen und zu binden. Der Nachweis einer Vielzahl unterschiedlicher Verbindungen erfordert also die Verwendung einer entsprechenden Anzahl unterschiedlicher spezifischer Erkennungselemente.

Ein Nachweisverfahren basierend auf Bioaffinitätsreaktionen kann sowohl in einer homogenen Lösung als auch an der Oberfläche eines festen Trägers erfolgen. Je nach dem spezifischen Aufbau des Verfahrens sind nach Bindung der Analyten an die entsprechenden Erkennungselemente und gegebenenfalls weitere Nachweissubstanzen sowie gegebenenfalls zwischen verschiedenen Verfahrensschritten jeweils Waschschriffe notwendig, um die gebildeten Komplexe aus den Erkennungselementen und den nachzuweisenden Analyten sowie gegebenenfalls weiteren Nachweissubstanzen vom Rest der Probe und der gegebenenfalls eingesetzten zusätzlichen Reagentien zu trennen.

Relativ weit verbreitet sind inzwischen Verfahren zum gleichzeitigen Nachweis einer Vielzahl unterschiedlicher Nukleinsäuren in einer Probe mithilfe entsprechender komplementärer, auf einem festen Träger in diskreten, räumlich getrennten Messbereichen immobilisierter Nukleinsäuren als Erkennungselementen. Beispielsweise sind, basierend auf einfachen Glas- oder Mikroskop-Plättchen, Arrays von Oligonukleotiden als Erkennungselementen mit einer sehr hohen Feature-Dichte (Dichte von Messbereichen auf einem gemeinsamen festen Träger) bekannt. Beispielsweise werden in der US-Patentschrift No. 5,445,934 (Affymax Technologies) Arrays von Oligonukleotiden mit einer Dichte von mehr als 1000 Features pro Quadratcentimeter beschrieben und beansprucht.

Seit kurzem häufen sich auch Beschreibungen von Arrays und damit ausgeführter Nachweisverfahren ähnlicher Art zur gleichzeitigen Bestimmung einer Vielzahl von Proteinen, beispielsweise in der US-Patentschrift No. 6,365,418 B1.

In den Patentschriften für derartige sogenannte „Mikroarrays“, sowohl für den Nachweis von Nukleinsäuren als auch anderer Biopolymere, wie beispielsweise Proteine, wird jeweils beschrieben, dass eine Vielzahl unterschiedlicher spezifischer Erkennungselemente in diskreten Messbereichen zur Erzeugung eines Arrays für die Analyterkennung immobilisiert und anschliessend damit die zu untersuchende Probe mit den darin in einer (gegebenenfalls komplexen) Mischung vorhandenen Analyten in Kontakt gebracht wird. Den bekannten Beschreibungen folgend, liegen unterschiedliche spezifische Erkennungselemente dabei jeweils in einer möglichst hochreinen Form in unterschiedlichen diskreten Messbereichen vor, so dass an

Messbereiche mit unterschiedlichen Erkennungselementen im allgemeinen unterschiedliche Analyten aus der Probe binden.

Diese Art bekannter Assays erfordert, dass die in möglichst hochreiner Form zu immobilisierenden spezifischen Erkennungselemente mittels teilweise sehr aufwendiger Arbeitsschritte angereichert werden. Da sich unterschiedliche Erkennungselemente mehr oder minder stark in ihren physikalisch-chemischen Eigenschaften (z. B. in ihrer Polarität) unterscheiden, gibt es auch entsprechende Unterschiede in den Bedingungen für eine optimale Immobilisierung dieser Erkennungselemente, beispielsweise durch Adsorption oder kovalente Bindung, in diskreten Messbereichen auf einem gemeinsamen festen Träger, gegebenenfalls auf einer darauf aufgetragenen Haftvermittlungsschicht. Demzufolge können die zur Immobilisierung einer Vielzahl unterschiedlicher Erkennungselemente gewählten Immobilisierungsbedingungen (wie z. B. Art der Haftvermittlungsschicht) kaum gleichzeitig für alle Erkennungselemente ein Optimum, sondern lediglich einen Kompromiss zwischen den Immobilisierungseigenschaften der verschiedenen Erkennungselemente darstellen.

Bei dieser Art des Assays ist ausserdem nachteilig, dass zum Nachweis von Analyten in einer Vielzahl unterschiedlichen Proben im allgemeinen die Bereitstellung einer entsprechenden Anzahl diskreter Arrays von Erkennungselementen, denen die unterschiedlichen Proben zugeführt werden, auf gemeinsamen oder diskreten Trägern erforderlich ist. Zur Untersuchung einer Vielzahl unterschiedlicher Proben bedeutet dieses den Bedarf einer hohen Anzahl diskreter Arrays, deren Herstellung relativ aufwendig ist.

Zwar ist beschrieben worden, dass beispielsweise die von immobilisierten Oligonukleotiden und in einer zugeführten Probe enthaltenen, zu den immobilisierten komplementären Oligonukleotiden gebildeten Hybride unter geeigneten Dissoziationsbedingungen mit hoher Effizienz wieder dissoziiert werden können und so eine Erkennungsoberfläche regeneriert werden kann, jedoch kann kaum eine hundertprozentige Regenerierungsfähigkeit garantiert werden. Im Falle von Bioaffinitätskomplexen mit Proteinen besteht oft sogar keine Reversibilität des

Bindungsschrittes, d.h. keine Möglichkeit zur Regenerierung der Erkennungsoberfläche.

Es besteht daher das Bedürfnis nach einem geänderten Assay-Aufbau, welcher es ermöglicht, eine Vielzahl von Proben in einem Array auf einem gemeinsamen Träger gleichzeitig auf in den Proben enthaltene Analyten zu untersuchen. Dazu wäre es zweckmässig, nicht die unterschiedlichen spezifischen Erkennungselemente, sondern die zu untersuchenden Proben selbst direkt, d.h. unbehandelt, oder nach möglichst wenigen Vorbereitungsschritten in diskreten Messbereichen in einem Array auf einem Träger aufzutragen. Ein solcher Assay-Aufbau soll nachfolgend als eine „invertierte Assay-Architektur“ bezeichnet werden.

In der US-Patentschrift No. 6,316,267 wird ein Verfahren beschrieben, in dem Poly-Aminosäuren in einer Probenmischung (wobei es sich offensichtlich auch um eine komplex zusammengesetzte Probe handeln kann) beispielsweise auf einer festen oder quasi-festen („semi-solid“) Probenmatrix aufgetragen werden. Der Nachweisschritt erfolgt jedoch nicht durch ein Bioaffinitätsassay, sondern durch Anfärbung mit einer Reagentienmischung, welche bestimmte, in der Patentschrift benannte Metallkomplexe enthält. Hierbei handelt es sich nicht um einen spezifischen Analytnachweis.

In der US-Patentschrift 6,287,768 wird ein Verfahren beschrieben, dem zufolge verschiedenartige nachzuweisende RNA-Moleküle aus einer biologischen Probe isoliert, der Grösse nach aufgetrennt, auf einem festen Träger aufgebracht und anschliessend dort, beispielsweise in einem Hybridisierungsassay durch Hybridisierung mit bekannten, komplementären Polynukleotiden, nachgewiesen werden. Gemäss der Beschreibung können die aus einem Organismus isolierten nachzuweisenden RNA-Moleküle dabei entweder direkt dem weiteren Nachweisverfahren unterzogen werden, wenn sie in hoher Konzentration vorhanden sind, oder müssen vor dem eigentlichen Nachweisverfahren noch mit bekannten Vervielfältigungsverfahren (z. B. mittels PCR, „Polymerase Chain Reaction“) vermehrt werden.

Auch wenn das in dem US-Patent 6,287,768 vorgeschlagene Verfahren die Möglichkeit eröffnet, RNA aus verschiedenen Proben gleichzeitig zu bestimmen, erfordert es immer noch eine Reihe aufwendiger Probenaufbereitungsschritte und insbesondere die Isolation aus der biologischen Probenmatrix und eine nachfolgende Trennung nach der Molekülgrösse. Indem das beanspruchte Verfahren, welches nur am Beispiel von RNA beschrieben wird, mindestens die Isolation aus der ursprünglichen Probenmatrix und nachfolgende Auftrennung der nachzuweisenden Biopolymere nach deren Grösse voraussetzt, ist zu erwarten, dass die relative molekulare Zusammensetzung nach diesem Auftrennungsschritt, vor dem Nachweisschritt, unterschiedlich ist von der relativen molekularen Zusammensetzung in der ursprünglichen Probenmatrix.

Hierbei und im folgenden soll die Bezeichnung „unveränderte relative molekulare Zusammensetzung“ bedeuten, dass das Konzentrationsverhältnis der in einer Analyse zu bestimmenden Analyten unverändert bleibt. Änderungen des Inhalts an Lösungsmittel- oder Matrixmolekülen oder anderer Verbindungen, welche in dem betreffenden Nachweisverfahren nicht bestimmt werden, sind bei dieser Bezeichnungsweise nicht berücksichtigt.

Als Ursache für den Einbezug der genannten Trenn- oder Anreicherungsschritte in die genannten Nachweismethoden ist zu sehen, dass die dabei angewandten Detektionsschritte im allgemeinen keine ausreichende Empfindlichkeit aufweisen, um die in den Proben nachzuweisenden Analyten mit den erwünschten Nachweiskgrenzen zu bestimmen.

Die Anregung von zum Analytnachweis eingesetzten „Nachweiskomponenten“ (wie beispielsweise radioaktiven Isotopen oder Chromophoren mit einer charakteristischen Absorption und / oder Lumineszenz bzw. Fluoreszenz) und das Auslesen der Signale von Arrays der genannten Art beruht auf klassischen, beispielweise optischen Anordnungen und Detektionsmethoden. Die klassischen Messmethoden, wie beispielsweise Absorptions- oder Fluoreszenzmessungen, beruhen im allgemeinen auf der direkten Beleuchtung eines Probevolumens in einem Probenbehältnis oder eines Messfeldes auf einer Innenwand eines Probenbehältnisses einer flüssigen Probe.

Diese Anordnungen haben den Nachteil, dass neben dem Anregungsvolumen oder der Anregungsfläche, innerhalb derer ein Signal zum Nachweis eines Analyten erzeugt werden soll, im allgemeinen ein erheblicher Anteil der Umgebung von Anregungslicht erfasst wird, was zur nachteiligen Erzeugung von störenden Untergrundsignalen führen kann.

Zur Erreichung tieferer Nachweisgrenzen sind zahlreiche Messanordnungen entwickelt worden, in denen der Nachweis des Analyten auf dessen Wechselwirkung mit dem evaneszenten Feld beruht, welches mit der Lichtleitung in einem optischen Wellenleiter verbunden ist. Koppelt man eine Lichtwelle in einen optischen Wellenleiter ein, der von optisch dünneren Medien, d.h. Medien mit niedrigerem Brechungsindex, umgeben ist, so wird sie durch Totalreflexion an den Grenzflächen der wellenleitenden Schicht geführt. In die optisch dünneren Medien tritt dabei ein Bruchteil des geführten Lichts ein. Diesen Anteil bezeichnet man als evaneszentes oder quergedämpftes Feld. Die Stärke des evaneszenten Feldes ist sehr stark abhängig von der Dicke der wellenleitenden Schicht selbst sowie vom Verhältnis der Brechungsindices der wellenleitenden Schicht und der sie umgebenden Medien. Bei dünnen Wellenleitern, d. h. Wellenleitern mit Schichtdicken von derselben oder niedrigerer Dicke als der zu führenden Wellenlänge, können diskrete Moden des geleiteten Lichts unterschieden werden. Derartige Verfahren haben den Vorteil, dass die Wechselwirkung des Anregungslichts mit dem Analyten auf die Eindringtiefe des evaneszenten Feldes ins angrenzende Medium, in der Größenordnung von einigen hundert Nanometern, beschränkt ist und Störsignale aus der Tiefe des Mediums weitgehend vermieden werden können. Die ersten vorgeschlagenen derartigen Messanordnungen beruhten auf hochmultimodalen, selbsttragenden Einschichtwellenleitern, wie beispielsweise Fasern oder Plättchen aus transparentem Kunststoff oder Glas, mit Stärken von einigen hundert Mikrometern bis zu mehreren Millimetern.

Zur Verbesserung der Empfindlichkeit und gleichzeitig einfacheren Herstellung in Massenfabrikation wurden planare Dünnschichtwellenleiter vorgeschlagen. Ein planarer Dünnschichtwellenleiter besteht im einfachsten Fall aus einem Dreischichtsystem: Trägermaterial, wellenleitende Schicht, Superstrat (bzw. zu

untersuchende Probe), wobei die wellenleitende Schicht den höchsten Brechungsindex besitzt.

Es sind verschiedene Verfahren für die Einkopplung von Anregungslicht in einen planaren Wellenleiter bekannt. Die am frühesten benutzten Verfahren beruhen auf Stirnflächenkopplung oder Prismenkopplung, wobei zur Verminderung von Reflexionen infolge von Luftspalten im allgemeinen eine Flüssigkeit zwischen Prisma und Wellenleiter aufgebracht wird. Diese beiden Methoden sind vor allem in Verbindung mit Wellenleitern relativ grosser Schichtdicke, d. h. insbesondere selbsttragenden Wellenleitern, sowie bei einem Brechungsindex des Wellenleiters von deutlich unter 2 geeignet. Zur Einkopplung von Anregungslicht in sehr dünne, hochbrechende wellenleitende Schichten ist demgegenüber die Verwendung von Koppelgittern eine wesentlich elegantere Methode.

Es können verschiedene Methoden zum Analytnachweis im evaneszenten Feld geführter Lichtwellen in optischen Schichtwellenleitern unterschieden werden. Aufgrund des eingesetzten Messprinzips kann man beispielsweise zwischen Fluoreszenz- oder allgemeiner Lumineszenzmethoden auf der einen Seite und refraktiven Methoden andererseits unterscheiden. Hierbei können Verfahren zur Erzeugung einer Oberflächenplasmonenresonanz in einer dünnen Metallschicht auf einer dielektrischen Schicht mit niedrigerem Brechungsindex in die Gruppe der refraktiven Methoden mit einbezogen werden, sofern als Basis zur Bestimmung der Messgrösse der Resonanzwinkel des eingestrahlteten Anregungslichts zur Erzeugung der Oberflächenplasmonenresonanz dient. Die Oberflächenplasmonenresonanz kann aber auch zur Verstärkung einer Lumineszenz oder zur Verbesserung des Signal-zu-Hintergrund-Verhältnisses in einer Lumineszenzmessung verwendet werden. Die Bedingungen zur Erzeugung einer Oberflächenplasmonenresonanz sowie zur Kombination mit Lumineszenzmessungen sowie mit wellenleitenden Strukturen sind vielfach in der Literatur beschrieben, beispielsweise in den US-Patenten US-P 5,478,755, US-P 5,841,143, US-P 5,006,716 und US-P 4,649,280.

Mit dem Begriff "Lumineszenz" wird in dieser Anmeldung die spontane Emission von Photonen im ultravioletten bis infraroten Bereich nach optischer oder nichtoptischer, wie beispielsweise elektrischer oder chemischer oder biochemischer

oder thermischer Anregung, bezeichnet. Beispielsweise sind Chemilumineszenz, Biolumineszenz, Elektrolumineszenz und insbesondere Fluoreszenz und Phosphoreszenz unter dem Begriff "Lumineszenz" mit eingeschlossen.

Bei den refraktiven Messmethoden wird die Änderung des sogenannten effektiven Brechungsindex aufgrund molekularer Adsorption oder Desorption auf dem Wellenleiter zum Nachweis des Analyten benutzt. Diese Änderung des effektiven Brechungsindex wird, im Falle von Gitterkoppler-Sensoren, bestimmt aus der Änderung des Koppelwinkels für die Ein- oder Auskopplung von Licht in oder aus dem Gitterkoppler-Sensor, und im Falle von interferometrischen Sensoren aus der Änderung der Phasendifferenz zwischen dem in einem Sensorarm und einem Referenzarm des Interferometers geführten Messlichts.

Die genannten refraktiven Methoden haben den Vorteil, dass sie ohne Verwendung zusätzlicher Markierungsmoleküle, sogenannter molekularer Labels, eingesetzt werden können. Der Nachteil dieser labelfreien Methoden ist jedoch, dass die damit erzielbaren Nachweisgrenzen aufgrund der geringen Selektivität des Messprinzips, in Abhängigkeit von dem Molekulargewicht des Analyten, auf pico- bis nanomolare Konzentrationsbereiche beschränkt sind, was für viele Anwendungen der modernen Spurenanalytik, beispielsweise für diagnostische Applikationen, nicht ausreichend ist.

Zur Erreichung noch tieferer Nachweisgrenzen erscheinen lumineszenz-basierende Methoden aufgrund grösserer Selektivität der Signalerzeugung besser geeignet. Dabei ist die Lumineszenzanregung auf die Eindringtiefe des evaneszenten Feldes in das optisch dünnere Medium, also auf die unmittelbare Umgebung des wellenleitenden Bereichs mit einer Eindringtiefe in der Grössenordnung von einigen hundert Nanometern ins Medium beschränkt. Dieses Prinzip wird evaneszente Lumineszenzanregung genannt.

Mittels hochbrechender Dünnschichtwellenleiter, in Kombination mit Lumineszenzdetektion, basierend auf einem nur einige hundert Nanometer dünnen wellenleitenden Film auf einem transparenten Trägermaterial, konnte in den letzten Jahren die Empfindlichkeit deutlich gesteigert werden. Beispielsweise wird in der

WO 95/33197 eine Methode beschrieben, in der das Anregungslicht über ein Reliefgitter als diffraktives optisches Element in den wellenleitenden Film eingekoppelt wird. Die isotrop abgestrahlte Lumineszenz in der Eindringtiefe des evaneszenten Feldes befindlicher lumineszenzfähiger Substanzen wird mittels geeigneter Messvorrichtungen, wie zum Beispiel Photodioden, Photomultiplier oder CCD-Kameras, gemessen. Es ist auch möglich, den in den Wellenleiter rückgekoppelten Anteil der evaneszent angeregten Strahlung über ein diffraktives optisches Element, zum Beispiel ein Gitter, auszukoppeln und zu messen. Diese Methode ist zum Beispiel in der WO 95/33198 beschrieben.

In den vergangenen Jahren sind Weiterentwicklungen von planaren Dünnschichtwellenleitern als Sensorplattformen für „Mikroarrays“ bekannt geworden, beispielsweise in den Internationalen Patentanmeldungen WO 01/13096, WO 01/43875, teilweise in Kombination mit entsprechend angepassten Fluidikstrukturen. Diese Patentanmeldeschriften werden hiermit vollumfänglich als Bestandteil der vorliegenden Anmeldung eingeführt. In der WO 01/79821 wird eine Dünnschicht-Wellenleiterstruktur beschrieben, welche eine Zweiphotonen-Anregung an der Oberfläche des Wellenleiters ermöglicht. In der WO 01/88511 werden eine Gitter-Wellenleiter-Struktur und ein damit ausgeführtes Messverfahren beschrieben, welche ein bildgebendes Verfahren zur Analytbestimmung mithilfe einer refraktiven Messmethode ermöglichen. Beide Patentanmeldeschriften werden hiermit ebenfalls als Bestandteil der vorliegenden Anmeldung eingeführt.- Den genannten Anordnungen ist gemeinsam, dass jeweils bekannte biologische oder biochemische oder synthetische Erkennungselemente für den Nachweis einer Vielzahl von Analyten in diskreten Messbereichen bekannter Lage, als Bestandteile eines oder mehrerer Arrays von Messbereichen, auf dem Trägersubstrat immobilisiert sind.

Es wurde nun überraschend gefunden, dass, bei geeigneter Wahl der physikalisch-chemischen Parameter (wie Schichtdicken, Brechungsindices der beteiligten Schichten) einer Evaneszentfeld-Sensorplattform, infolge der hohen Anregungslichtintensität an der Oberfläche und der gleichzeitigen Beschränkung dieses starken Anregungsfeldes auf die Eindringtiefe des evaneszenten Feldes in die benachbarten Medien, die erreichbare Empfindlichkeit für die Detektion molekularer Wechselwirkungen an der Oberfläche einer Evaneszentfeld-Sensorplattform

ausreichend hoch ist, um eine Vielzahl von Proben oder Verdünnungen dieser Proben auf die darin enthaltenen Analyten, ohne eine Anreicherung der in den Proben enthaltenen Analyten durch weitere Probenaufbreitungsschritte, nach direkter Auftragung dieser Proben oder von deren Verdünnungen auf besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform zu analysieren. Damit wird ein Verfahren mit invertierter Assay-Architektur möglich, bei welchem eine in einem Messbereich auf der Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger aufzubringende Probe eine „unveränderte relative molekulare Zusammensetzung“ (gemäss obiger Definition) aufweist im Vergleich zur ursprünglichen Probe („Ursprungsprobe“).

Als „natur-identische Probe“ soll im Sinne dieser Erfindung ein einer Analyse zu unterziehendes Gemisch von Verbindungen bezeichnet werden, welches die gleiche relative molekulare Zusammensetzung der darin nachzuweisenden Analyten („unveränderte relative molekulare Zusammensetzung“ (gemäss obiger Definition)) aufweist wie die Ursprungsprobe, aus dem es gewonnen wurde. Die Ursprungsprobe fällt entsprechend dieser Definition ebenfalls unter die Bezeichnung „natur-identische Probe“. Beispielsweise kann es sich bei der Ursprungsprobe um eine biologische Zelle handeln, in welcher unterschiedliche Moleküle oder Verbindungen heterogen verteilt sind. Als „Ursprungsprobe“ soll auch eine von einer Gesamtheit von einer oder mehreren Zellen erstellte Probe bezeichnet werden, die zuvor aus einer grösseren Anzahl von Zellen selektiert werden, beispielsweise durch Zentrifugation, Filtration oder durch „Laser Capture Microdissection“.

Im folgenden bezieht sich die Bezeichnung einer (einzelnen) Zelle für die auszuführenden Probenbehandlungsschritte jeweils auch auf eine Vielzahl von Zellen, sofern dieses nicht ausdrücklich anders vermerkt ist.

In einem ersten, für weitere Untersuchungsschritte im allgemeinen notwendigen Aufbereitungsschritt kann die Zelle lysiert werden. Das daraus gewonnene Lysat mit homogener Verteilung der enthaltenen Verbindungen soll ebenfalls als „natur-identische Probe“ bezeichnet werden, wenn die relative molekulare Zusammensetzung der darin nachzuweisenden Analyten unverändert geblieben ist. Eine „natur-identische Probe“ ist insbesondere dadurch gekennzeichnet, dass sie das gesamte Proteom der „Ursprungsprobe“ enthält. Das Lysat kann in einem geeigneten

Lösungsmittel, beispielsweise einer Pufferlösung, gelöst sein und bekannte zugesetzte Beimischungen enthalten, beispielsweise Stabilisatoren wie Enzym-Inhibitoren, um einen Abbau enthaltener Biopolymere zu verhindern. Eine „natur-identische“ Probe im definitionsgemässen Sinne kann auch Zusätze von bekannten Konzentrationen gleichartiger Verbindungen (als Standards) wie der nachzuweisenden Analyten, vergleichbar mit einem „Spiken“ von Proben in der Chromatographie, enthalten. Solche Zusätze können beispielsweise für Kalibrationszwecke dienlich sein. Ausserdem können die „natur-identischen“ Proben Zusätze von der Probenmatrix ähnlichen, aber von den nachzuweisenden Analyten verschiedenen Verbindungen, wie beispielsweise Rinderserumalbumin (BSA), enthalten, welche beispielsweise der kontrollierten Einstellung der Oberflächendichte immobilisierter Analytmoleküle in einem Messbereich dienen können. In den „natur-identischen“ Proben enthaltene Analyten, d.h. insbesondere Biopolymere wie beispielsweise Nukleinsäuren oder Proteine, können in nativer Form oder denaturierter Form, nach Behandlung der „Ursprungsprobe“ beispielsweise mit Harnstoff oder Tensiden (z. B. SDS) vorliegen.

Bevorzugt liegen die in den „natur-identischen Proben“ enthaltenen Analyten, , d.h. insbesondere Biopolymere wie beispielsweise Nukleinsäuren oder Proteine, nach Behandlung mit Harnstoff, in denaturierter Form vor, wobei die Epitope dieser Analyten für die Bindung ihrer jeweiligen Nachweissubstanzen, beispielsweise von Antikörpern, frei zugänglich sind. Dieses wird ermöglicht durch die Zerstörung der tertiären oder quaternären Struktur infolge der Behandlung mit Harnstoff.

Überraschenderweise ist die Empfindlichkeit des erfindungsgemässen Verfahrens derart gross, dass eine „natur-identische“ Probe auch noch stark verdünnt werden kann und in der Mischung enthaltene Verbindungen, trotz teilweiser nur sehr niedriger vorliegender Konzentration und entsprechend geringer verfügbarer Menge in einem einzelnen Messbereich, noch mit hoher Genauigkeit nachgewiesen werden können, was mit den bekannten herkömmlichen Methoden nicht möglich ist. Dabei ist es von einem ausserordentlichen Vorteil, dass bei dem erfindungsgemässen Verfahren die aufgebrachten, in einer Probe enthaltenen und nachzuweisenden Analyten im allgemeinen auch nach ihrer Immobilisierung auf einer Evaneszenzfeld-Sensorplattform im allgemeinen noch in gleicher relativer molekularer Zusammensetzung vorliegen wie in der Ursprungsprobe. Das erfindungsgemässe

Verfahren kann daher Ergebnisse liefern, welche repräsentativ für die gesamthafte molekulare Zusammensetzung der Ursprungsprobe sind, da die sonst üblichen Anreicherungs- und Trennschritte vermieden werden können.

Als „Analyt“ soll im Rahmen der vorliegenden Erfindung eine solche molekulare Spezies bezeichnet werden, welche mithilfe einer hierfür eingesetzten spezifischen Nachweissubstanz von anderen in einer zu analysierenden Probe enthaltenen Verbindungen unterschieden und gebunden wird. Erfolgt beispielsweise die Bindung einer entsprechenden Nachweissubstanz nur an die phosphorylierte, aber nicht an die unphosphorylierte Form einer nachzuweisenden Verbindung oder Spezies, so stellen gemäss dieser Definition beide Formen dieser Verbindung bzw. Spezies zwei unterschiedliche Analyten dar. Werden von einer entsprechenden Nachweissubstanz jegliche Verbindungen oder Spezies erkannt und gebunden, wenn sie phosphoryliert sind, so stellen entsprechend unter dieser Bedingung die entsprechenden phosphorylierten Verbindungen oder Spezies gemeinsam einen Analyten dar. Spezifische Bindungspartner als Nachweissubstanzen eines Analyten gemäss dieser Definition können beispielsweise so ausgewählt sein, dass sie ausschliesslich die phosphorylierte Form oder die glykolisierte Form (oder entsprechend die nicht phosphorylierte bzw. nicht glykolisierte Form) einer nachzuweisenden Verbindung erkennen und daran binden. Die Aktivität eines biologischen Signalwegs in einer Zelle oder einem Organismus kann mit dem Anteil phosphorylierter oder glykolisierter Verbindungen (abhängig von der Natur des Signalwegs), welche diesen Signalweg steuern, korreliert werden. Der relative Anteil der phosphorylierten bzw. glykolisierten Form an der Gesamtmenge, d.h. der Quotient der Menge einer Verbindung in ihrer phosphorylierten bzw. glykolisierten Form und der Gesamtmenge dieser Verbindung in phosphorylierter und nicht phosphorylierter Form bzw. glykolisierter und nicht glykolisierter Form, in einer Probe wird nachfolgend als Phosphorylierungsgrad bzw. Glykolisierungsgrad dieser Verbindung in der Probe bezeichnet. Phosphorylierungsgrad und Glykolisierungsgrad können unter dem Oberbegriff des Aktivierungsgrads einer Verbindung zusammengefasst werden, dessen numerischer Wert beispielsweise dem Phosphorylierungsgrad oder dem Glykolisierungsgrad entspricht. Der Aktivierungsgrad einer Verbindung kann aber auch andere chemisch veränderte Formen einer Verbindung bezeichnen.

Spezifische Bindungspartner als Nachweissubstanzen können auch so ausgewählt sein, dass sie nur dann an eine nachzuweisende Verbindung binden, wenn diese in einer bestimmten dreidimensionalen Struktur vorliegt. Beispielsweise erkennen und binden viele Antikörper nur an spezielle Teilbereiche (Epitope) einer nachzuweisenden Substanz mit einer speziellen dreidimensionalen Struktur. Je nach Konformationszustand der entsprechenden nachzuweisenden Verbindung können diese Teilbereiche (Epitope) für die Bindung der entsprechenden Nachweissubstanz zugänglich oder verborgen sein. Die spezifischen Bindungspartner können jedoch auch so ausgewählt sein, dass sie an Bereiche der nachzuweisenden Verbindung binden, deren Zugänglichkeit unabhängig von der dreidimensionalen Struktur dieser Verbindung ist. Durch den Einsatz entsprechend ausgewählter Nachweissubstanzen ist es daher möglich, den relativen Anteil an der Gesamtmenge einer in einer Probe nachzuweisenden Verbindung, welche einen spezifischen Konformationszustand aufweist, zu bestimmen.

Als „biologisch relevant“ sollen solche Verbindungen bezeichnet werden, welche bekannt sind als Teilnehmer an spezifischen Bindungsreaktionen zu Molekülen oder Verbindungen biologischen Ursprungs oder zu deren synthetisch erzeugten Analogen. Beispiele für „biologisch relevante“ Verbindungen sind daher nicht nur natürliche Proteine, wie Antikörper oder Rezeptoren, oder Nukleinsäuren, sondern auch deren Bindungspartner, wie beispielsweise Antigene, bei denen es sich auch um synthetische Verbindungen, auch sehr niedrigen Molekulargewichts, handeln kann.

Im Sinne der vorliegenden Erfindung sollen räumlich getrennte oder diskrete Messbereiche durch die geschlossene Fläche definiert werden, die dort immobilisierte Bindungspartner, zum Nachweis eines oder mehrerer Analyten in einer oder mehreren Proben in einem Bioaffinitätsassay, einnehmen. Diese Flächen können dabei eine beliebige Geometrie, beispielsweise die Form von Kreisen, Rechtecken, Dreiecken, Ellipsen etc., haben.

Bei unterschiedlichen derartigen Messbereichen kann es sich beispielsweise um eine Vielzahl unterschiedlicher, auf dem Trägersubstrat aufgetragener Proben oder um aufgetragene unterschiedliche Verdünnungen einer oder mehrerer Proben (jeweils in unterschiedlichen diskreten Messbereichen) handeln. Das Material für die diskreten

Messbereiche kann beispielsweise durch selektive Mikropräparationen, wie beispielsweise das selektive Herauslösen einzelner Zellen aus einem Zellverband durch „Laser Capture Micro Dissection“, bereitgestellt sein.

Allgemeiner kann die „natur-identische“ Probe mit den darin nachzuweisenden Analyten ausgewählt sein aus der Gruppe von Extrakten gesunder oder krankhafter Zellen, (z. B. von menschlichen, tierischen, bakteriellen oder pflanzlichen Zellextrakten), Extrakten von tierischem oder menschlichem Gewebe, wie beispielsweise Organ-, Haut-, Haar- oder Knochengewebe, oder von Pflanzengewebe, sowie von Körperflüssigkeiten oder deren Bestandteilen, wie beispielsweise Blut, Serum oder Plasma, Gelenkflüssigkeiten, Tränenflüssigkeit, Urin, Speichel, Gewebeflüssigkeit, Lymphe. Insbesondere kann eine „natur-identische“ Probe auch ausgewählt sein aus der Gruppe, welche Extrakte stimulierter oder unbehandelter Zellen und Extrakte gesunden oder krankhaften Gewebes umfasst.

Entsprechend kann, ausser durch „Laser Capture Micro Dissection“, eine „natur-identische“ Probe auch einem Organismus oder Gewebe- oder Zellverband oder Zelle mittels einer Methode aus der Gruppe von Gewebeschnitten, Biopsie entnommen sein.

In einem Messbereich werden im allgemeinen mehrere unterschiedliche Bindungspartner gleichzeitig immobilisiert sein. Meistens wird es sich um eine Vielzahl, d. h. mehrere hundert oder sogar mehrere tausend unterschiedliche Analyten in einem Messbereich immobilisierte Analyten handeln.

Erster Gegenstand der Erfindung ist ein Verfahren zur Untersuchung einer Vielzahl „natur-identischer“ Proben auf in den Proben enthaltene, als Teilnehmer an spezifischen Bindungsreaktionen biologisch relevante Verbindungen als Analyten, dadurch gekennzeichnet, dass

- besagte Proben oder Verdünnungen besagter Proben ohne Änderung der relativen molekularen Zusammensetzung, im Vergleich zur ursprünglichen relativen molekularen Zusammensetzung der Probe, mit den darin enthaltenen, nachzuweisenden Analyten, als einer ersten Vielzahl von spezifischen Bindungspartnern, in mindestens einem ein- oder zweidimensionalen Array in

diskreten Messbereichen auf einer Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger aufgetragen werden,

- eine oder mehrere Nachweissubstanzen, als eine zweite Vielzahl spezifischer Bindungspartner, zum spezifischen Nachweis von einem oder mehreren in den Proben enthaltenen Analyten, aus besagter ersten Vielzahl spezifischer Bindungspartner, in einem einzigen oder mehreren Schritten einer spezifischen Bindungsreaktion mit den in besagten diskreten Messbereichen aufgetragenen Proben in Kontakt gebracht werden,
- Änderungen von optoelektronischen Signalen als Folge der Bindung von Nachweissubstanzen an in diskreten Messbereichen in den Proben enthaltene Analyten, im evaneszenten Feld der Evaneszentfeld-Sensorplattform, orts aufgelöst gemessen werden und

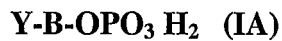
aus der relativen Grösse der Änderungen besagter optoelektronischer Signale aus den jeweiligen Messbereichen qualitativ und / oder quantitativ das Vorhandensein der dort spezifisch nachzuweisenden Analyten bestimmt wird.

Die einfachste Form der Immobilisierung von spezifischen Bindungspartnern für einen Analytnachweis in einer spezifischen Bindungsreaktion besteht in physikalischer Adsorption, beispielsweise infolge hydrophober Wechselwirkungen zwischen den zu immobilisierenden spezifischen Bindungspartnern und der Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger. Diese Wechselwirkungen können jedoch durch die Zusammensetzung des Mediums und dessen physikalisch-chemische Eigenschaften, wie beispielsweise Polarität und Ionenstärke, in ihrem Ausmass stark verändert werden. Insbesondere im Falle sequentieller Zugabe verschiedener Reagentien in einem mehrstufigen Assay ist das Haftvermögen der Erkennungselemente nach rein adsorptiver Immobilisierung auf der Oberfläche oft unzureichend. Es wird daher bevorzugt, dass die Evaneszentfeld-Sensorplattform, zur Verbesserung des Haftvermögens der in diskreten Messbereichen aufgetragenen „natur-identischen“ Proben oder von deren Verdünnungen, eine Haftvermittlungsschicht umfasst, auf welcher besagte Proben oder deren Verdünnungen aufgetragen werden.

Vorzugsweise beträgt dabei die Dicke der Haftvermittlungsschicht weniger als 200 nm, besonders bevorzugt weniger als 20 nm.

Für die Herstellung der Haftvermittlungsschicht eignen sich eine Vielzahl von Materialien. Beispielsweise kann die Haftvermittlungsschicht Verbindungen umfassen aus der Gruppe von Silanen, funktionalisierten Silanen, Epoxiden, funktionalisierten, geladenen oder polaren Polymeren und "selbstorganisierten passiven oder funktionalisierten Mono- oder Mehrschichten", Thiolen, Alkylphosphaten und -phosphonaten, multifunktionellen Block-Copolymeren, wie beispielsweise Poly(L)lysin/Polyethylenglycolen.

Es ist auch möglich, dass besagte Haftvermittlungsschicht Verbindungen umfasst aus der Gruppe von Organophosphorsäuren der allgemeinen Formel I (A)



oder von Organophosphonsäuren der allgemeinen Formel I (B)



und deren Salzen, in denen B einen Alkyl-, Alkenyl-, Alkinyl-, Aryl-, Aralkyl-, Hetaryl- oder Hetarylalkylrest und Y Wasserstoff oder eine funktionelle Gruppe aus der Reihe Hydroxy, Carboxy, Amino, gegebenenfalls durch Niederalkyl substituiertes Mono- oder Dialkylamino, Thiol, oder eine negative Säuregruppe aus der Reihe Ester, Phosphat, Phosphonat, Sulfat, Sulfonat, Maleimid, Succinimydyl, Epoxy oder Acrylat bedeutet. Diese Verbindungen sind genauer beschrieben in der internationalen Anmeldung PCT/EP 01/10077, welche hiermit vollumfänglich als Bestandteil dieser Anmeldung eingeführt wird.

Vorzugsweise ist das erfindungsgemässe Verfahren so gestaltet, dass die relative molekulare Zusammensetzung einer in einem Messbereich immobilisierten ersten Vielzahl von spezifischen Bindungspartnern als Analyten mit der ursprünglichen relativen molekularen Zusammensetzung der dort aufgebrachten Probe übereinstimmt. Diese Bedingung kann beispielsweise dadurch erfüllt werden, dass das Material einer in einem Messbereich aufgebrachten Probe gleich gross oder weniger ist, als zur Ausbildung einer Monoschicht auf der Evaneszentfeld-Sensorplattform als

festem Träger erforderlich ist. Im Falle einer Sub-Monolayerbedeckung der Oberfläche des festen Trägers ist zugleich eine bestmögliche Zugänglichkeit der als Analyten immobilisierten ersten Vielzahl von spezifischen Bindungspartnern für die damit in Kontakt zu bringenden Nachweissubstanzen gewährleistet. Die Zugänglichkeit kann noch dadurch verbessert werden, dass eine zuvor aufgebrauchte Haftvermittlungsschicht zu einer orientierten Immobilisierung führt, beispielsweise indem in der aufgebrauchten Probe enthaltene Antikörper an ihrem F_C-Teil gebunden immobilisiert werden, so dass ihre spezifischen Bindungsepitope zugänglich sind.

Aufgrund der hohen Empfindlichkeit des erfindungsgemässen Verfahrens ist es möglich, auch nur sehr geringe eingesetzten Probevolumina und –mengen zu analysieren. Als Probenmenge soll dabei die Gesamtmenge verstanden werden, welche in einem diskreten Messbereich aufgebracht ist. Es ist beispielsweise möglich, dass eine Probe das Material von weniger als 20000 Zellen umfasst und trotzdem noch mit hoher Genauigkeit analysiert werden kann. Eine aufzubringende Probe kann sogar das Material von weniger als 1000 Zellen umfassen. Die erforderliche Probenmenge kann sogar das Material von weniger als 100 Zellen, oder sogar von nur 1 – 10 Zellen umfassen und noch verlässlich analysiert werden. Das Material, welches dem Inhalt einer Zelle entspricht, soll auch als ein Zell-Äquivalent bezeichnet werden. Die Notwendigkeit einer nur so kleinen Menge für eine Analyse benötigter Zell-Äquivalente ist dann gegeben, wenn es sich bei den nachzuweisenden Analyten um in relativ hoher Konzentration auftretende Inhaltsstoffe handelt. Ebenso ist es möglich, dass eine Probe ein Volumen von weniger als 1 μ l hat. Eine aufzubringende Probe kann sogar ein Volumen von weniger als 10 nl oder sogar weniger als 1 nl haben.

Das erfindungsgemässe Verfahren ermöglicht, dass die in einer „natur-identischen“ Probe enthaltenen relativen Gesamtmengen von einer oder mehreren Verbindungen als Analyten, als Summe von deren Vorkommen in phosphorylierter oder nicht phosphorylierter Form und / oder glykolisierter und / oder nicht glykolisierter Form, bestimmt werden. Vorzugsweise werden die in einer „naturidentischen“ Probe enthaltenen relativen Mengen von einer oder mehreren Verbindungen als Analyten, jeweils von deren Vorkommen in phosphorylierter und / oder nicht phosphorylierter Form und / oder glykolisierter und / oder nicht glykolisierter Form, für eine oder mehrere besagter Formen bestimmt.

Das erfindungsgemässe Verfahren ermöglicht es, gemäss obiger Definition den Aktivierungsgrad eines oder mehrerer in einer „natur-identischen“ Probe enthaltenen Analyten zu bestimmen. Insbesondere kann mit besagtem Verfahren der Phosphorylierungsgrad und / oder Glykolisierungsgrad eines oder mehrerer in einer „naturidentischen“ Probe enthaltenen Analyten bestimmt werden. Charakteristisch für das erfindungsgemässe Verfahren ist ausserdem aufgrund seiner hohen Empfindlichkeit und hohen Genauigkeit und Reproduzierbarkeit, insbesondere aufgrund einer Vielzahl gleichzeitig oder alternativ einsetzbarer, voneinander unabhängiger Referenzierungs- und Kalibrationsmethoden, dass Unterschiede von weniger als 20 %m bezogen auf weniger als 10 %, von den in einer „naturidentischen“ Probe und in einer oder mehreren Vergleichsproben enthaltenen relativen Mengen von einer oder mehreren Verbindungen in phosphorylierter und / oder nicht phosphorylierter Form und / oder glykolisierter und / oder nicht glykolisierter Form als Analyten, für eine oder mehrere besagter Formen nachgewiesen werden.

Ein grosser Vorteil des erfindungsgemässen Verfahrens aufgrund seiner inhärenten, methodenspezifischen hohen Empfindlichkeit und vielfältigen Möglichkeiten der Referenzierung und / oder Kalibration unter Benutzung ein- und derselben analytischen Plattform (bzw. Evaneszentfeld-Sensorplattform) ist, dass die Variation der damit gewonnenen Messergebnisse sehr niedrig ist. Das erfindungsgemässe Verfahren ist daher auch geeignet zur Untersuchung des zeitlichen Verlaufs (d. h. der Veränderungen) der relativen Mengen oder Konzentrationen von biologisch relevanten Substanzen unter Einfluss der Erkrankung eines biologischen Organismus oder einer Zellkultur und / oder der äusseren Beeinflussung eines Organismus oder einer Zellkultur.

Eine weitere Ausführungsform des erfindungsgemässen Verfahrens ist daher dadurch gekennzeichnet, dass besagte „naturidentische“ Probe und eine oder mehrere Vergleichsproben dem gleichen Ursprungsort zu unterschiedlichen Zeitpunkten entnommen sind und dass zeitliche Veränderungen der in diesen Proben enthaltenen relativen Mengen von einer oder mehreren Verbindungen in phosphorylierter und / oder nicht phosphorylierter Form und / oder glykolisierter und / oder nicht

glykolisierter Form als Analyten, bestimmt werden. Unter „dem gleichen Ursprungsort“ soll dabei der gleiche Organismus oder ein gleichartiger Organismus oder die gleiche Zellkultur bzw. gleichartige Zellkultur (jeweils nach unterschiedlich langer gleichartiger Erkrankung oder Beeinflussung) verstanden werden. Vorzugsweise ermöglicht das erfindungsgemässe Verfahren, zeitliche Änderungen der relativen Konzentration bzw. Menge besagter Analyten von weniger als 20 % , bevorzugt von weniger als 10 % , nachzuweisen.

Besagte Proben können bei geeignet hoher Ausgangskonzentration der darin enthaltenen Analyten vor der Auftragung auf besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger in einem flüssigen Verdünnungsmedium gelöst und / oder verdünnt werden und unterschiedliche Verdünnungen einer Probe in unterschiedlichen diskreten Messbereichen auf besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform aufgetragen werden. Die Proben können dabei um mindestens einen Faktor 10, ja sogar um einen Faktor 30 oder 100 verdünnt werden.

Unterschiedliche Proben können dem gleichen Organismus oder der gleichen Zellkultur entnommen werden. Dann kann durch die Analyse auf mehreren Messbereichen mit darin enthaltenem Material aus dem gleichen Organismus oder aus gleichartigen Zellkulturen (bzw. aus der gleichen Zellkultur) beispielsweise statistische Information über die Reproduzierbarkeit der in diesen Messbereichen bestimmten relativen molekularen Zusammensetzung der aufgebrachten Proben gewonnen werden.

Unterschiedliche Proben können insbesondere an verschiedenen Positionen des gleichen Organismus entnommen werden. Dann kann aus den Analysen auf den entsprechenden diskreten Messbereichen beispielsweise Information über Inhomogenitäten der relativen molekularen Zusammensetzung der nachzuweisenden Analyten in dem Organismus, aus dem besagte Proben entnommen wurden, gewonnen werden. Ein solches Vorgehen ist beispielsweise für die Untersuchung krebsbehafteter Organismen von grosser Bedeutung.

Unterschiedliche Proben können aber auch verschiedenen Organismen oder verschiedenen Zellkulturen entnommen sein. Beispielsweise kann es sich dabei um

Proben von mit einem pharmazeutischen Wirkstoff behandelten und unbehandelten Organismen handeln. Ähnlich einer Expressionsanalyse in der Nukleinsäure-Analytik kann dann der Einfluss des jeweiligen Wirkstoffes auf die relative molekulare Zusammensetzung der Proben untersucht werden.

Eine besondere Ausführungsform des erfindungsgemässen Verfahrens ist dadurch gekennzeichnet, dass eine oder mehrere Proben vor ihrer Auftragung auf der Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger (zur Verbesserung des Haftvermögens auf besagtem festem Träger und Erhöhung der Gleichmässigkeit der Auftragung) mit einer Lösung von Polymeren oder polymerisierbaren Monomeren, gegebenenfalls in Anwesenheit von Initiatoren, oder von chemischen „Cross-Linkern“ (z. B. Glutaraldehyd) gemischt werden. Diese Variante des Verfahrens kann beispielsweise dazu beitragen, die Ausbildung von Inhomogenitäten der Verteilung des Probenmaterials innerhalb eines Messbereichs beim Prozess der Verdampfung der Probenflüssigkeit zu vermeiden, was zu einer besseren „Spot-Morphologie“ führt und damit die Auswertung der Ergebnisse erleichtert. Dabei wird bevorzugt, dass besagte Lösung von Polymeren oder polymerisierbaren Monomeren oder chemischen „Cross-Linkern“ ausgewählt ist aus der Gruppe, welche Lösungen von Polysacchariden, wie z. B. Agarose, oder von Acrylamiden oder von Glutaraldehyd etc.umfasst.

Diese besondere Variante des erfindungsgemässen Verfahrens ist auch dadurch gekennzeichnet, dass die Mischung der einen oder mehreren Proben mit einer Lösung von Polymeren oder polymerisierbaren Monomeren, gegebenenfalls in Anwesenheit von Initiatoren, oder von chemischen „Cross-Linkern“ (z. B. Glutaraldehyd) in der Immobilisierung einer dreidimensionalen Netzwerkstruktur mit darin eingebundenen, für Nachweissubstanzen in dem nachfolgenden Schritt einer Bioaffinitätsreaktion zugänglichen Probenbestandteilen, auf der Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger resultiert. Damit kann ein höherer Grad der Oberflächenbedeckung der Evaneszentfeld-Sensorplattform als eine Monoschicht erreicht werden, was zu einer weiteren Erhöhung der messbaren Signale beim Schritt des Analytnachweises führen kann. Wichtig ist dabei, dass die geschaffene Polymeren-Netzwerkstruktur sich nicht über die Eindringtiefe des evaneszenten Feldes ins Medium hinaus erstreckt, da ein Analytnachweis jenseits dieser Entfernung von der Oberfläche der Evaneszentfeld-Sensorplattform nicht möglich ist und damit nicht mehr gewährleistet wäre, dass das

Ergebnis der Analyse die ursprüngliche relative molekulare Zusammensetzung der Probe widerspiegeln würde.

Die Proben können in diskreten Messbereichen auf der Evaneszentfeld-Sensorplattform direkt oder auf einer darauf aufgebracht Haftvermittlungsschicht räumlich selektiv mithilfe eines Verfahrens aufgebracht werden, welches ausgewählt ist aus der Gruppe von Verfahren, die von "Ink jet spotting", mechanischem Spotting mittels Stift, Feder oder Kapillare, „Micro contact printing“, fluidischer Kontaktierung der Messbereiche mit besagten Probe, durch deren Zufuhr in parallelen oder gekreuzten Mikrokanälen, unter Einwirkung von Druckunterschieden oder elektrischen oder elektromagnetischen Potentialen sowie photochemischen oder photolithographischen Immobilisierungsverfahren gebildet wird.

Es ist von Vorteil, wenn Bereiche zwischen den diskreten Messbereichen zur Minimierung unspezifischer Bindung von Nachweissubstanzen "passiviert werden", d.h. dass zwischen den räumlich getrennten Messbereichen gegenüber den Analyten und anderen Inhaltsstoffen der aufgetragenen Proben sowie gegenüber den Nachweissubstanzen für besagte Analyten "chemisch neutrale", d.h. diese nicht bindende, Komponenten aufgebracht sind.

Besagte gegenüber den Analyten und anderen Inhaltsstoffen der aufgetragenen Proben sowie gegenüber den Nachweissubstanzen für besagte Analyten „chemisch neutrale“, d.h. diese nicht bindende, Komponenten können ausgewählt sein aus den Gruppen, die von Albuminen, insbesondere Rinderserumalbumin oder Humanserumalbumin, Casein, unspezifischen, polyklonalen oder monoklonalen, artfremden oder empirisch für den oder die nachzuweisenden Analyten unspezifischen Antikörpern (insbesondere für Immunoassays), Detergentien – wie beispielsweise Tween 20 -, nicht mit zu analysierenden Polynukleotiden hybridisierender, fragmentierter natürlicher oder synthetischer DNA, wie beispielsweise ein Extrakt von Herings- oder Lachssperma (insbesondere für Polynukleotid-Hybridisierungsassays), oder auch ungeladenen, aber hydrophilen Polymeren, wie beispielsweise Polyethylenglycolen oder Dextranen, gebildet werden.

Ohne Beschränkung der Allgemeinheit kann es sich bei den in diskreten Messbereichen aufgetragenen Proben enthaltenen, nachzuweisenden Analyten beispielsweise um Verbindungen aus der Gruppe handeln, die von Proteinen, beispielsweise mono- oder polyklonalen Antikörpern und Antikörperfragmenten, Peptiden, Enzymen, Glycopeptiden, Oligosacchariden, Lektinen, Antigenen für Antikörper, mit zusätzlichen Bindungsstellen funktionalisierten Proteinen („Tag-Proteinen“, wie beispielsweise „Histidin-Tag-Proteinen“) sowie Nukleinsäuren (beispielsweise DNA, RNA) gebildet wird. Bei den in diskreten Messbereichen aufgetragenen Proben enthaltenen, nachzuweisenden Analyten kann es sich auch um Verbindungen aus der Gruppe handeln, welche cytosolische oder membrangebundene Zellproteine, insbesondere an den Prozessen der Signaltransduktion in Zellen beteiligte Proteine, wie z. B. Kinasen, umfasst. Die Analyten können auch biotechnisch modifizierte, beispielsweise mit lumineszenten bzw. fluoreszenten Gruppen und biologisch exprimierte Biopolymere, wie beispielsweise mit „blue fluorescent proteins“ (BFP), „green fluorescent proteins“ (GFP) oder „red fluorescent proteins“ (RFP) sein.

Abhängig von der physikalischen Ausgestaltung der Evaneszentfeld-Sensorplattform gibt es für die messtechnische Art der Signalerzeugung beim Analytnachweis verschiedene Möglichkeiten. Eine mögliche Variante ist dadurch gekennzeichnet, dass die orts aufgelöst zu messenden Änderungen optoelektronischer Signale, als Folge der Bindung von Nachweissubstanzen an in diskreten Messbereichen in den Proben enthaltene Analyten, durch lokale Änderungen der Resonanzbedingungen zur Erzeugung eines Oberflächenplasmons in einer dünnen Metallschicht als Teil besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform hervorgerufen werden.

Messtechnisch sind für die Bestimmung von Änderungen der Resonanzbedingungen der Resonanzwinkel (bei Variation des Einstrahlungswinkels bei konstanter Wellenlänge des eingestrahnten Lichts) und die Resonanzwellenlänge (bei konstantem Einstrahlungswinkel und Variation der eingestrahnten Anregungswellenlänge) zugänglich. Entsprechend kann besagte Änderung der Resonanzbedingungen in einer Änderung des Resonanzwinkels für die Einstrahlung eines Anregungslichts zur Erzeugung eines Oberflächenplasmons in einer dünnen Metallschicht als Teil besagter

Evaneszentfeld-Sensorplattform bestehen. Entsprechend kann auch besagte Änderung der Resonanzbedingungen in einer Änderung der Resonanzwellenlänge eines eingestrahlten Anregungslichts zur Erzeugung eines Oberflächenplasmons in einer dünnen Metallschicht als Teil besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform bestehen.

Die ortaufgelöst zu messenden Änderungen optoelektronischer Signale, als Folge der Bindung von Nachweissubstanzen an in diskreten Messbereichen in den Proben enthaltene Analyten, können durch lokale Änderungen des effektiven Brechungsindex in diesen Bereichen auf besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform hervorgerufen werden.

Eine andere wichtige Ausführungsform des erfindungsgemässen Verfahrens ist dadurch gekennzeichnet, dass die ortaufgelöst zu messenden Änderungen optoelektronischer Signale, als Folge der Bindung von Nachweissubstanzen an in diskreten Messbereichen in den Proben enthaltene Analyten, durch lokale Änderungen einer oder mehrerer Lumineszenzen von innerhalb des evaneszenten Feldes besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform befindlichen lumineszenzfähigen Molekülen hervorgerufen werden.

Es wird bevorzugt, dass besagte Änderungen einer oder mehrerer Lumineszenzen von lumineszenzfähigen Molekülen oder lumineszenzfähigen Nanopartikeln stammen, welche als Lumineszenzlabel an eine oder mehrere Nachweissubstanzen für die in diskreten Messbereichen enthaltenen Analyten gebunden sind.

Von besonderem Vorteil ist, wenn zum Analytnachweis zwei oder mehr Lumineszenzlabel mit unterschiedlichen Emissionswellenlängen und / oder unterschiedlichen Anregungsspektren, bevorzugt mit unterschiedlichen Emissionswellenlängen und gleicher Anregungswellenlänge, eingesetzt werden. Wenn mehrere Lumineszenzlabel mit unterschiedlichen spektralen Eigenschaften, insbesondere unterschiedlichen Emissionswellenlängen an unterschiedliche Nachweissubstanzen aus der zweiten Vielzahl spezifischer Bindungspartner, welche mit den Messbereichen in Kontakt gebracht wird, gebunden sind, können beispielsweise unterschiedliche Analyten in einem einzigen Nachweisschritt, d.h.

Kontaktierung der Messbereiche mit besagten Nachweissubstanzen und gleichzeitige oder nachfolgende Detektion der erzeugten Lumineszenzen, bestimmt werden.

Beispielsweise ist eine solche Variante des erfindungsgemässen Verfahrens besonders gut dafür geeignet, gleichzeitig zum Beispiel die phosphorylierte und die nicht phosphorylierte Form einer Verbindung, insbesondere auch innerhalb eines einzelnen (gemeinsamen) Messbereiches nachzuweisen, mithilfe zweier entsprechender unterschiedlicher, in diesem Fall direkt (z. B. mit grün bzw. rot emittierenden Lumineszenzlabeln) markierter spezifischer Bindungspartner als Nachweissubstanzen.

In ähnlicher Weise können gleichzeitig zwei oder mehr verschiedene Analyten detektiert werden, wenn zum Analytnachweis zwei oder mehr Lumineszenzlabel mit unterschiedlichen Emissionsabklingzeiten eingesetzt werden.

Für das erfindungsgemässe Verfahren wird also bevorzugt, dass zum Nachweis unterschiedlicher Analyten in einer Probe zwei oder mehr Lumineszenzlabel verwendet werden. Ebenso wird bevorzugt, dass zum Nachweis unterschiedlicher Analyten in einem Messbereich zwei oder mehr Lumineszenzlabel verwendet werden.

Von Vorteil ist ausserdem, wenn die Einstrahlung des Anregungslichts in Pulsen mit einer Dauer zwischen 1 fsec und 10 Minuten erfolgt und das Emissionslicht aus den Messbereichen zeitlich aufgelöst gemessen wird.

Vorzugsweise umfasst die Evaneszentfeld-Sensorplattform als fester Träger einen optischen Wellenleiter, umfassend eine oder mehrere Schichten. Es kann sich dabei beispielsweise um einen faseroptischen Wellenleiter, bestehend aus mehreren Schichten handeln. Bevorzugt handelt es sich jedoch um einen planaren optischen Wellenleiter, welcher durchgehend über eine Oberfläche der Evaneszentfeld-Sensorplattform ausgebildet ist oder auch in diskrete wellenleitende Bereiche aufgeteilt sein kann, wie dieses beispielsweise in der Patentanmeldung WO 96/35940 beschrieben ist, deren Inhalt hiermit vollumfänglich in die vorliegende Anmeldung eingeführt wird.

Besonders bevorzugt wird eine solche Ausführungsform des erfindungsgemässen Verfahrens, welche dadurch gekennzeichnet ist, dass die Evaneszentfeld-Sensorplattform als fester Träger einen planaren optischen Dünnschichtwellenleiter mit einer im wesentlichen optisch transparenten, wellenleitenden Schicht (a) auf einer zweiten, ebenfalls im wesentlichen optisch transparenten Schicht (b) mit niedrigerem Brechungsindex als Schicht (a) und gegebenenfalls einer ebenfalls im wesentlichen optisch transparenten Zwischenschicht (b') zwischen Schicht (a) und Schicht (b) mit ebenfalls niedrigerem Brechungsindex als Schicht (a) umfasst.

Das Anregungslicht von einer oder mehreren Lichtquellen kann in eine wellenleitende Schicht der Evaneszentfeld-Sensorplattform über ein oder mehrere optische Koppelemente eingekoppelt werden, welche ausgewählt sind aus der Gruppe, die von Prismenkopplern, evaneszenten Kopplern mit zusammengebrachten optischen Wellenleitern mit überlappenden evaneszenten Feldern, Stirnflächenkopplern mit vor einer Stirnseite der wellenleitenden Schicht angeordneten fokussierenden Linsen, vorzugsweise Zylinderlinsen, und Gitterkopplern gebildet wird.

Es wird bevorzugt, dass die Einkopplung von Anregungslicht in eine wellenleitende Schicht der Evaneszentfeldsensorplattform mithilfe von einer oder mehreren Gitterstrukturen (c) erfolgt, die in der besagten wellenleitenden Schicht ausgeprägt sind.

Ausserdem wird bevorzugt, dass die Auskopplung von in einer wellenleitenden Schicht der Evaneszentfeld-Sensorplattform geführtem Licht mithilfe von einer oder mehreren Gitterstrukturen (c') erfolgt, die in besagter wellenleitender Schicht ausgeprägt sind und gleiche oder unterschiedliche Periode und Gittertiefe wie Gitterstrukturen (c) haben.

Eine besonders bevorzugte Ausführungsform des erfindungsgemässen Verfahrens ist dadurch gekennzeichnet, dass Anregungslicht von einer oder mehreren Lichtquellen über eine Gitterstruktur (c) in eine wellenleitende Schicht besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform eingekoppelt und zu auf der Evaneszentfeld-Sensorplattform befindlichen Messbereichen als geführte Welle geleitet wird, dass weiterhin die im evaneszenten Feld besagter geführter Welle erzeugte Lumineszenz von

lumineszenzfähigen Molekülen mit einem oder mehreren Detektoren orts aufgelöst erfasst und die relative Konzentration eines oder mehrerer Analyten aus der relativen Intensität dieser Lumineszenzsignale bestimmt wird.

Eine besondere Variante besteht dabei darin, dass neben der Bestimmung einer oder mehrerer Lumineszenzen Änderungen des effektiven Brechungsindex auf den Messbereichen bestimmt werden.

Für eine weitere Verbesserung der Empfindlichkeit kann dabei vorteilhaft sein, wenn die einen oder mehreren Lumineszenzen und / oder Bestimmungen von Lichtsignalen bei der Anregungswellenlänge polarisationsselektiv vorgenommen werden. Dabei wird bevorzugt, dass die einen oder mehreren Lumineszenzen bei einer anderen Polarisation als der des Anregungslichts gemessen werden.

Ein weiterer Gegenstand der vorliegenden Erfindung ist eine analytische Plattform zur Untersuchung einer Vielzahl „natur-identischer“ Proben auf in den Proben enthaltene, als Teilnehmer an Bioaffinitätsreaktionen biologisch relevante Verbindungen als Analyten, umfassend

- eine Evaneszentfeld-Sensorplattform als festen Träger
- mindestens ein ein- oder zweidimensionales Array von diskreten Messbereichen mit darin immobilisierten Bindungspartnern auf besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform für den Nachweis besagter Analyten in einer Bioaffinitätsreaktion,

dadurch gekennzeichnet, dass besagte diskrete Messbereiche durch die Auftragung besagter „natur-identischer“ Proben oder daraus hergestellter Verdünnungen, ohne Änderung der relativen molekularen Zusammensetzung, im Vergleich zur ursprünglichen relativen molekularen Zusammensetzung der Probe, mit den darin nachzuweisenden Analyten, als einer ersten Vielzahl von spezifischen Bindungspartnern, erzeugt werden und es sich bei dem einen oder den mehreren immobilisierten Bindungspartnern, welche besagte erste Vielzahl von spezifischen Bindungspartnern bilden, um den einen oder um die mehreren Analyten selbst handelt, welche in besagten „natur-identischen“ Probe enthalten sind.

In den „natur-identischen“ Proben enthaltene Proteine können in nativer Form oder denaturierter Form, nach Behandlung der „Ursprungsprobe“ beispielsweise mit Harnstoff oder Tensiden (z. B. SDS) vorliegen.

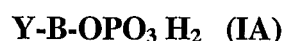
Bevorzugt liegen die „natur-identischen Proben“, nach Behandlung mit Harnstoff, in denaturierter Form vor, wobei die Epitope der enthaltenen Analyten für die Bindung ihrer jeweiligen Nachweissubstanzen, beispielsweise von Antikörpern, frei zugänglich sind. Dieses wird ermöglicht durch die Zerstörung der tertiären oder quarternären Struktur infolge der Behandlung mit Harnstoff.

Es wird bevorzugt, dass die Evaneszentfeld-Sensorplattform, zur Verbesserung des Haftvermögens der in diskreten Messbereichen aufgetragenen „natur-identischen“ Proben oder von deren Verdünnungen, eine Haftvermittlungsschicht umfasst, auf welcher besagte Proben oder deren Verdünnungen aufgetragen werden.

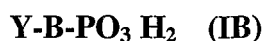
Vorzugsweise beträgt dabei die Dicke der Haftvermittlungsschicht weniger als 200 nm, besonders bevorzugt weniger als 20 nm.

Die Haftvermittlungsschicht kann Verbindungen umfassen aus der Gruppe von Silanen, funktionalisierten Silanen, Epoxiden, funktionalisierten, geladenen oder polaren Polymeren und „selbstorganisierten passiven oder funktionalisierten Mono- oder Mehrfachsichten“, Thiolen, Alkylphosphaten und -phosphonaten, multifunktionalen Block-Copolymeren, wie beispielsweise Poly(L)lysin/Polyethylenglycolen.

Als besonders vorteilhaft hat sich erwiesen, wenn besagte Haftvermittlungsschicht Verbindungen umfasst aus der Gruppe von Organophosphorsäuren der allgemeinen Formel I (A)



oder von Organophosphonsäuren der allgemeinen Formel I (B)



und deren Salzen, in denen B einen Alkyl-, Alkenyl-, Alkinyl-, Aryl-, Aralkyl-, Hetaryl- oder Hetarylalkylrest und Y Wasserstoff oder eine funktionelle Gruppe aus der Reihe Hydroxy, Carboxy, Amino, gegebenenfalls durch Niederalkyl substituiertes Mono-oder Dialkylamino, Thiol, oder eine negative Säuregruppe aus der Reihe Ester, Phosphat, Phosphonat, Sulfat, Sulfonat, Maleimid, Succinimydyl, Epoxy oder Acrylat bedeutet.

Es wird bevorzugt, dass die relative molekulare Zusammensetzung einer in einem Messbereich immobilisierten ersten Vielzahl von spezifischen Bindungspartnern als Analyten mit der ursprünglichen relativen molekularen Zusammensetzung der dort aufgebrauchten Probe übereinstimmt.

Eine aufgebrauchte „natur-identische“ Probe kann ausgewählt sein aus der Extrakten gesunder oder krankhafter Zellen, (z. B. von menschlichen, tierischen, bakteriellen oder pflanzlichen Zellextrakten), Extrakten von tierischem oder menschlichem Gewebe, wie beispielsweise Organ-, Haut-, Haar- oder Knochengewebe, oder von Pflanzengewebe, sowie von Körperflüssigkeiten oder deren Bestandteilen, wie beispielsweise Blut, Serum oder Plasma, Gelenkflüssigkeiten, Tränenflüssigkeit, Urin, Speichel, Gewebeflüssigkeit, Lymphe.

Insbesondere kann eine „natur-identische“ Probe auch ausgewählt sein aus der Gruppe, welche Extrakte stimulierter oder unbehandelter Zellen und Extrakte gesunden oder krankhaften Gewebes umfasst.

Besagte Proben können Proben aus einem Organismus oder Gewebe- oder Zellverband oder Zelle mittels einer Methode aus der Gruppe von Gewebeschnitten, Biopsie oder „Laser Capture Micro Dissection“ entnommen sein.

Eine aufgebrauchte Probe kann das Material von weniger als 20000 Zellen, ja sogar von weniger als 1000 Zellen umfassen. Die Probe kann ein Volumen von weniger als 1 μ l, ja sogar von weniger als 10 nl haben.

Die erforderliche Probenmenge kann sogar das Material von weniger als 100 Zellen umfassen und noch verlässlich analysiert werden. Dieses ist dann der Fall, wenn es sich bei den nachzuweisenden Analyten um in relativ hoher Konzentration auftretende Inhaltsstoffe handelt.

Eine oder mehrere besagter „natur-identischer“ Proben können biologischen Organismen oder Gewebe- oder Zellverbänden oder Zellen entnommen und direkt (d.h. nach Lyse der Zellen) ohne weitere Verdünnung, auf besagtem festen Träger aufgetragen worden sein

Es ist auch möglich, dass eine oder mehrere besagter Proben vor der Auftragung auf der Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger in einem flüssigen Verdünnungsmedium gelöst und / oder verdünnt wurden und unterschiedliche Verdünnungen einer Probe in unterschiedlichen diskreten Messbereichen auf besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform aufgetragen wurden. Dabei können die Proben um mindestens eine Faktor 10 verdünnt werden. Die hohe Empfindlichkeit der erfindungsgemässen analytischen Plattform ermöglicht es sogar, die Proben um einen Faktor 30 oder sogar 100 zu verdünnen und trotz dieser starken Verdünnung eine Vielzahl unterschiedlicher Analyten jeweils innerhalb eines Messbereichs quantitativ zu bestimmen.

Unterschiedliche aufgetragene Proben können dem gleichen Organismus oder gleichen Zellkulturen entnommen sein. Dabei können die Proben an verschiedenen Positionen des gleichen Organismus entnommen sein.

Unterschiedliche aufgetragene Proben können auch verschiedenen Organismen oder verschiedenen Zellkulturen entnommen sein.

Eine besondere Ausführungsform der erfindungsgemässen analytischen Plattform ist dadurch gekennzeichnet, dass eine oder mehrere Proben vor ihrer Auftragung auf der Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger (zur Verbesserung des Haftvermögens auf besagtem festem Träger und Erhöhung der Gleichmässigkeit der Auftragung) mit einer Lösung von Polymeren oder polymerisierbaren Monomeren, gegebenenfalls in Anwesenheit von Initiatoren, oder von chemischen „Cross-Linkern“

(z. B. Glutaraldehyd) gemischt werden. Diese Variante des Verfahrens kann beispielsweise dazu beitragen, die Ausbildung von Inhomogenitäten der Verteilung des Probenmaterials innerhalb eines Messbereichs beim Prozess der Verdampfung der Probenflüssigkeit zu vermeiden, was zu einer besseren „Spot-Morphologie“ führt und damit die Auswertung der Ergebnisse erleichtert. Dabei wird bevorzugt, dass besagte Lösung von Polymeren oder polymerisierbaren Monomeren oder chemischen „Cross-Linkern“ ausgewählt ist aus der Gruppe, welche Lösungen von Polysacchariden, wie z. B. Agarose, oder von Acrylamiden oder von Glutaraldehyd etc. umfasst.

Eine solche spezielle Ausführungsform einer erfindungsgemässen analytischen Plattform ist auch dadurch gekennzeichnet, dass die Mischung der einen oder mehreren Proben mit einer Lösung von Polymeren oder polymerisierbaren Monomeren, gegebenenfalls in Anwesenheit von Initiatoren, oder von chemischen „Cross-Linkern“ (z. B. Glutaraldehyd) in der Immobilisierung einer dreidimensionalen Netzwerkstruktur mit darin eingebundenen, für Nachweissubstanzen in dem nachfolgenden Schritt einer Bioaffinitätsreaktion zugänglichen. Damit kann ein höherer Grad der Oberflächenbedeckung der Evaneszentfeld-Sensorplattform als eine Monoschicht erreicht werden, was zu einer weiteren Erhöhung der messbaren Signale beim Schritt des Analytnachweises führen kann. Wichtig ist dabei, dass die geschaffene Polymeren-Netzwerkstruktur sich nicht über die Eindringtiefe des evaneszenten Feldes ins Medium hinaus erstreckt, da ein Analytnachweis jenseits dieser Entfernung von der Oberfläche der Evaneszentfeld-Sensorplattform nicht möglich ist und damit nicht mehr gewährleistet wäre, dass das Ergebnis der Analyse die ursprüngliche relative molekulare Zusammensetzung der Probe widerspiegeln würde.

Vorteilhaft sind solche Ausführungsformen einer erfindungsgemässen analytischen Plattform, bei denen ein Array mehr als 50, bevorzugt mehr als 500, besonders bevorzugt mehr als 5000 Messbereiche umfasst.

Dabei kann jeder Messbereich eine zu anderen Messbereichen gleiche oder unterschiedliche immobilisierte „natur-identische“ Probe oder immobilisierte Vergleichsprobe enthalten.

Die Messbereiche eines Arrays sind in einer Dichte von mehr als 10, bevorzugt von mehr als 100, besonders bevorzugt von mehr als 1000 Messbereichen pro Quadratzentimeter angeordnet.

Vorteilhaft ist auch eine solche Ausführungsform einer erfindungsgemässen analytischen Plattform, welche dadurch gekennzeichnet ist, dass auf der Evaneszenzfeld-Sensorplattform als festem Träger eine Vielzahl von Arrays von Messbereichen angeordnet sind. Insbesondere können auf der Evaneszenzfeld-Sensorplattform mindestens 5, bevorzugt mindestens 50 Arrays von Messbereichen angeordnet sein. Besonders vorteilhaft ist es, wenn unterschiedliche Arrays von Messbereichen einer solchen Variante einer erfindungsgemässen analytischen Plattform in unterschiedlichen Probenbehältnissen angeordnet sind. Beispielsweise in den Internationalen Patentanmeldungen WO 01/13096 und WO 01/43875 ist beschrieben, wie eine Evaneszenzfeld-Sensorplattform, welche für eine erfindungsgemässe analytische Plattform geeignet ist, als Bodenplatte mit einem geeigneten Aufsatzkörper zur Erzeugung eines geeigneten Arrays von Probenbehältnissen, jeweils für die Aufnahme eines Arrays von Messbereichen, kombiniert werden kann.

Mit einer solchen Ausführungsform einer erfindungsgemässen analytischen Plattform wird eine experimentelle Konzeption ermöglicht, welche man als „multidimensional“ bezeichnen kann: Beispielsweise können in den Zeilen und Spalten eines Arrays verschiedene Proben, beispielsweise von unterschiedlichen Organismen (z. B. entsprechend Spalten), in unterschiedlicher Verdünnung (z. B. entsprechend Zeilen) aufgebracht sein. Unterschiedliche Arrays von Messbereichen, in unterschiedlichen Probenbehältnissen, können dann mit unterschiedlichen zweiten Vielzahlen von spezifischen Bindungspartnern als Nachweissubstanzen zur Bestimmung unterschiedlicher immobilisierter Analyten in unterschiedlichen Arrays in Kontakt gebracht werden. Es ist offensichtlich, dass sich mit einer solchen Variante einer erfindungsgemässen analytischen Plattform eine nahezu unbegrenzte Anzahl verschiedener Experimente durchführen lässt.

Von Vorteil ist weiterhin, wenn Bereiche zwischen den diskreten Messbereichen zur Minimierung unspezifischer Bindung von Nachweissubstanzen „passiviert sind“, d.h.

dass zwischen den räumlich getrennten Messbereichen gegenüber den Analyten und anderen Inhaltsstoffen der aufgetragenen Proben sowie gegenüber den Nachweissubstanzen für besagte Analyten „chemisch neutrale“, d.h. diese nicht bindende, Komponenten aufgebracht sind.

Besagte gegenüber den Analyten und anderen Inhaltsstoffen der aufgetragenen Proben sowie gegenüber den Nachweissubstanzen für besagte Analyten „chemisch neutrale“, d.h. diese nicht bindende, Komponenten können ausgewählt sein aus den Gruppen, die von Albuminen, insbesondere Rinderserumalbumin oder Humanserumalbumin, Casein, unspezifischen, polyklonalen oder monoklonalen, artfremden oder empirisch für den oder die nachzuweisenden Analyten unspezifischen Antikörpern (insbesondere für Immunoassays), Detergentien – wie beispielsweise Tween 20 –, nicht mit zu analysierenden Polynukleotiden hybridisierender, fragmentierter natürlicher oder synthetischer DNA, wie beispielsweise ein Extrakt von Herings- oder Lachssperma (insbesondere für Polynukleotid-Hybridisierungsassays), oder auch ungeladenen, aber hydrophilen Polymeren, wie beispielsweise Polyethylenglycolen oder Dextranen, gebildet werden.

Ohne Beschränkung der Allgemeinheit kann dass es sich bei den in diskreten Messbereichen einer erfindungsgemässen analytischen Plattform aufgetragenen Proben enthaltenen, nachzuweisenden Analyten um Verbindungen aus der Gruppe handeln, die von Proteinen, beispielsweise mono- oder polyklonalen Antikörpern und Antikörperfragmenten, Peptiden, Enzymen, Glycopeptiden, Oligosacchariden, Lektinen, Antigenen für Antikörper, mit zusätzlichen Bindungsstellen funktionalisierten Proteinen („Tag-Proteinen“, wie beispielsweise „Histidin-Tag-Proteinen“) sowie Nukleinsäuren (beispielsweise DNA, RNA) gebildet wird.

Insbesondere kann es sich bei den in diskreten Messbereichen aufgetragenen Proben enthaltenen, nachzuweisenden Analyten um Verbindungen aus der Gruppe handeln, welche cytosolische oder membrangebundene Zellproteine, insbesondere an den Prozessen der Signaltransduktion in Zellen beteiligte Proteine, wie z. B. Kinasen, umfasst. Die Analyten können auch biotechnisch modifizierte, beispielsweise mit lumineszenten bzw. fluoreszenten Gruppen und biologisch exprimierte Biopolymere,

wie beispielsweise mit „blue fluorescent proteins“ (BFP), „green fluorescent proteins“ (GFP) oder „red fluorescent proteins“ (RFP) sein.

Eine spezielle Variante einer erfindungsgemässen analytischen Plattform ist dadurch gekennzeichnet, dass die Evaneszenzfeld-Sensorplattform, als Bestandteil der analytischen Plattform, eine dünne Metallschicht, gegebenenfalls auf einer darunter befindlichen Zwischenschicht mit Brechungsindex vorzugsweise < 1.5 , wie beispielsweise Siliciumdioxid oder Magnesiumfluorid, umfasst, wobei die Dicke der Metallschicht und der eventuellen Zwischenschicht so ausgewählt ist, dass ein Oberflächenplasmon bei der Wellenlänge eines eingestrahnten Anregungslichts und / oder bei der Wellenlänge einer erzeugten Lumineszenz angeregt werden kann.

Dabei wird bevorzugt, dass das Metall ausgewählt ist aus der Gruppe, welche Gold und Silber umfasst. Ausserdem wird bevorzugt, dass die Metallschicht eine Dicke zwischen 10 nm und 1000 nm, bevorzugt zwischen 30 nm und 200 nm, hat.

Vorzugsweise umfasst die Evaneszenzfeld-Sensorplattform als fester Träger einen optischen Wellenleiter, umfassend eine oder mehrere Schichten. Es kann sich dabei beispielsweise um einen faseroptischen Wellenleiter, bestehend aus mehreren Schichten handeln. Bevorzugt handelt es sich jedoch um einen planaren optischen Wellenleiter, welcher durchgehend über eine Oberfläche der Evaneszenzfeld-Sensorplattform ausgebildet ist oder auch in diskrete wellenleitende Bereiche aufgeteilt sein kann, wie dieses beispielsweise in der Patentanmeldung WO 96/35940 beschrieben ist.

Besonders bevorzugt wird eine solche Ausführungsform des erfindungsgemässen Verfahrens, welche dadurch gekennzeichnet ist, dass die Evaneszenzfeld-Sensorplattform als fester Träger einen planaren optischen Dünnschichtwellenleiter mit einer im wesentlichen optisch transparenten, wellenleitenden Schicht (a) auf einer zweiten, ebenfalls im wesentlichen optisch transparenten Schicht (b) mit niedrigerem Brechungsindex als Schicht (a) und gegebenenfalls einer ebenfalls im wesentlichen optisch transparenten Zwischenschicht (b') zwischen Schicht (a) und Schicht (b) mit ebenfalls niedrigerem Brechungsindex als Schicht (a) umfasst.

Vorzugsweise ist eine erfindungsgemässe analytische Plattform so gestaltet, dass eine wellenleitende Schicht der Evaneszenzfeld-Sensorplattform mit einem oder mehreren optischen Koppelementen in optischem Kontakt steht, welche die Einkopplung von Anregungslicht von einer oder mehreren Lichtquellen in die besagte wellenleitende Schicht ermöglichen, wobei besagte optische Koppelemente ausgewählt sind aus der Gruppe von Prismenkopplern, evaneszenten Kopplern mit zusammengebrachten optischen Wellenleitern mit überlappenden evaneszenten Feldern, Stirnflächenkopplern mit vor einer Stirnseite der besagten wellenleitenden Schicht der Evaneszenzfeld-Sensorplattform angeordneten fokussierenden Linsen, vorzugsweise Zylinderlinsen, und Gitterkopplern.

Besonders bevorzugt wird, wenn in einer wellenleitenden Schicht der Evaneszenzfeld-Sensorplattform eine oder mehrere Gitterstrukturen (c) ausgeprägt sind, welche die Einkopplung von Anregungslicht von einer oder mehreren Lichtquellen ermöglichen.

Vorteilhaft ist ausserdem, wenn in einer wellenleitenden Schicht der Evaneszenzfeld-Sensorplattform eine oder mehrere Gitterstrukturen (c') mit gleicher oder unterschiedlicher Gitterperiode und Gittertiefe wie Gitterstrukturen (c) ausgeprägt sind, welche die Auskopplung von in besagter wellenleitender Schicht geführtem Licht ermöglichen.

Weitere Ausführungsformen von Evaneszenzfeld-Sensorplattformen, welche für eine erfindungsgemässe analytische Plattform geeignet sind, sind beispielsweise in den Patentanmeldungen WO 95/33197, WO 95/33198 und WO96/35940 beschrieben, welche hiermit ebenfalls vollumfänglich als Bestandteil der vorliegenden Erfindung eingeführt werden.

Ein weiterer Gegenstand der vorliegenden Erfindung ist die Verwendung eines erfindungsgemässen Verfahrens oder einer erfindungsgemässen analytischen Plattform zu quantitativen und / oder qualitativen Analysen zur Bestimmung chemischer, biochemischer oder biologischer Analyten in Screeningverfahren in der Pharmaforschung, der Kombinatorischen Chemie, der Klinischen und Präklinischen Entwicklung, zu Echtzeitbindungsstudien und zur Bestimmung kinetischer Parameter im Affinitätsscreening und in der Forschung, zu qualitativen und quantitativen

Analytbestimmungen, insbesondere für die DNA- und RNA-Analytik und die Bestimmung von genomischen oder proteomischen Unterschieden im Genom, wie beispielsweise Einzelnukleotid-Polymorphismen, zur Messung von Protein-DNA-wechselwirkungen, zur Bestimmung von Steuerungsmechanismen für die m-RNA-Expression und für die Protein(bio)synthese, für die Erstellung von Toxizitätsstudien sowie für die Bestimmung von Expressionsprofilen, insbesondere zur Bestimmung von biologischen und chemischen Markerstoffen, wie mRNA, Proteinen, Peptiden oder niedermolekularen organischen (Boten-)Stoffen, sowie zum Nachweis von Antikörpern, Antigenen, Pathogenen oder Bakterien in der pharmazeutischen Produktforschung und -entwicklung, der Human- und Veterinärdiagnostik, der Agrochemischen Produktforschung und -entwicklung, der symptomatischen und präsymptomatischen Pflanzendiagnostik, zur Patientenstratifikation in der pharmazeutischen Produktentwicklung und für die therapeutische Medikamentenauswahl, zum Nachweis von Pathogenen, Schadstoffen und Erregern, insbesondere von Salmonellen, Prionen, Viren und Bakterien, insbesondere in der Lebensmittel- und Umweltanalytik.

Die Erfindung wird nachfolgend anhand von Ausführungsbeispielen weiter erläutert, wobei die dort beschriebenen Ausführungsformen keine Einschränkung der Allgemeinheit bedeuten.

Beispiele

1. Analytische Plattform

1.1. Evaneszentfeld-Sensorplattform

Als analytische Plattform dient eine Evaneszentfeld-Sensorplattform als fester Träger mit den Abmessungen 14 mm Breite x 57 mm Länge x 0.7 mm Dicke. Die Evaneszentfeld-Sensorplattform ist als ein Dünnschichtwellenleiter ausgeprägt, umfassend ein Glassubstrat (AF 45) und eine darauf aufgebraute 150-nm dünne, hochbrechende Schicht aus Tantalpentoxid. In dem Glassubstrat sind, parallel zur Länge, zwei Oberflächenreliefgitter (Gitterperiode: 318 nm, Gittertiefe: (12 +/- 2) nm) im Abstand von 9 mm moduliert. Bei der nachfolgenden Auftragung der hochbrechenden Schicht wurden diese Strukturen, die als diffraktive Gitter der Lichteinkopplung in die hochbrechende Schicht dienen sollen, in die Oberfläche der Tantalpentoxidschicht übertragen.

Nach sorgfältiger Reinigung der Evaneszentfeld-Sensorplattform wird auf der Oberfläche der Metalloxidschicht eine Monoschicht aus Mono-Dodecylphosphat (DDP) durch spontane Selbstorganisation als Haftvermittlungsschicht erzeugt, mittels Abscheidung aus wässriger Lösung (0.5 mM DDP). Diese Oberflächenmodifikation der zuvor hydrophilen Metalloxidoberfläche führt zu einer hydrophoben Oberfläche (mit einem Kontaktwinkel von etwa 100° gegenüber Wasser), auf der eine Vielzahl „natur-identischer“ Proben mit darin enthaltenen Analyten als spezifischen Bindungspartnern für den Analytnachweis in einer spezifischen Bindungsreaktion aufgetragen werden sollen.

Auf den mit der hydrophoben Haftvermittlungsschicht versehenen Evaneszentfeld-Sensorplattformen werden 6 identische Mikroarrays von je 90 Messbereichen (Spots), ihrerseits in einer Anordnung von jeweils 10 Reihen und 9 Spalten, mit einem Inkjet-Spotter (Modell BCA1, Perkin Elmer, Boston, MA, USA) aufgetragen. Jeder Spot wird durch die Auftragung eines einzelnen Tröpfchens von 280 pL Volumen auf die Chipoberfläche erzeugt.

1.2. Reagentien und Erzeugung der Arrays von Messbereichen

Für den Nachweis von biologisch relevanten Proteinanalyten in „natur-identischen“ Proben werden humane T-Zell-Kulturen (Jurkat, DMZ # ACC282) benutzt.

Diese Zellen werden in einer Lösung enthaltend RPMI 1640, 10% FCS (Fötale Rinderserum), 2mM Glutamin, 50 U/ml Penicillin, 50 µg/ml Streptomycin bei 37°C kultiviert (Zelldichte ca. $0.5-1.0 \times 10^6$ Zellen/ml). Diese Zellen werden dann mit Antikörpern, nämlich „Maus-anti-human-CD3“ („mouse- α -human-CD3“) bzw. („Maus-anti-Human-CD28“) („mouse- α -human-CD28“), gegen die Oberflächenrezeptoren CD3 bzw. CD28 (in einer Lösung von je 1 µg/ml für 10 min) inkubiert. Für eine Vergleichsprobe zu den mit den Antikörpern behandelten Zellkulturen wird eine ansonsten gleichartige Zellkultur benutzt, die unbehandelt blieb und im analytischen Nachweisverfahren als Negativ-Kontrolle dienen wird. Eine weitere ansonsten gleichartige Zellkultur wird mit Staurosporin (Konzentration: 10 µM), einem starken Proteinkinase-Inhibitor, 180 min lang behandelt.

Anschliessend werden die so behandelten bzw. unbehandelten Zellkulturen auf 4°C gekühlt und 2 Minuten bei einer Zentrifugationskraft von 350 x g pelletiert (Zellzahl ca. 10^7). Dabei werden die Zellen lediglich, ohne Schädigung, vom Medium getrennt. Danach wird der Überstand dekantiert und Lysepuffer (7 M Harnstoff, 2 M Thioharnstoff, 4% CHAPS, 1% DTT, 4 mM Spermidin und Complete (Proteaseinhibitor, Roche AG, 1 Tablette/50 ml)) zugegeben, wobei die Totalproteinkonzentration auf etwa 10 mg/ml eingestellt wird.. Alle proteinhaltigen Zellbestandteile werden hierbei spontan und vollständig denaturiert und solubilisiert.

Die Behandlung mit den genannten Antikörpern dient als Modellsystem für die co-stimulatorische Aktivierung von humanen T-Zellen (M. Diehn et al., „Genomic expression programs and the integration of the CD28 costimulatory signal in T cell activation“, Proceedings of the National Academy of Sciences 99 (2002) 11796 - 11801). Die Bindung besagter Antikörper an zellmembrangebundene Rezeptoren löst eine Phosphorylierungskaskade mit angeschlossenen, unterschiedlichen Signalwegen innerhalb der betroffenen Zellen aus. Die Aktivität eines bestimmten Signalwegs lässt sich hierbei durch die Bestimmung des Phosphorylierungsgrades eines entsprechenden involvierten Schlüsselproteins (als einem sogenannten

„Markerprotein“) oder dessen Substrats nachweisen, was mithilfe einer erfindungsgemässen analytischen Plattform durchgeführt werden soll.

Als Referenzmethode zu dem erfindungsgemässen Verfahren wird eine Western-Blot Analyse durchgeführt.

Die mithilfe der vorangehend beschriebenen Vorbereitungsschritte gewonnenen Proben werden nochmals um einen Faktor 10 auf eine Totalproteinkonzentration von etwa 1 mg/ml verdünnt und dann als „natur-identische“ Proben in diskreten Messbereichen zur Erzeugung eines Arrays von Messbereichen auf der mit der Haftvermittlungsschicht versehenen Evaneszenzfeld-Sensorplattform aufgetragen.

Zusätzlich zu den Messbereichen mit darin aufgebrachten „natur-identischen“ Proben enthält jedes Mikroarray weitere Messbereiche mit darin immobilisiertem Cy5-fluoreszenzmarkiertem Rinderserumalbumin (Cy5-BSA), die zur Referenzierung von lokalen Unterschieden und / oder zeitlichen Variationen der Anregungslichtintensität bei der Messung verwendet werden („Referenz-Spots“). Cy5-BSA wird in einer Konzentration von 1.0 nM in phosphatgepufferten Kochsalzlösung (PBS, pH 7.4) aufgetragen (Markierungsrate: 3 Cy5-Moleküle pro BSA-Molekül).

Nach Aufbringen der „natur-identischen“ Proben und Cy5-BSA wird die analytische Plattform zwei Stunden lang bei Raumtemperatur und 100 % relativer Luftfeuchte gelagert und anschliessend bei Raumluft getrocknet. Dann werden die freien, nicht protein-bedeckten, hydrophoben Oberflächenbereiche der Evaneszenzfeldsensor-Plattform mit Rinderserumalbumin (BSA) abgesättigt, indem die Oberfläche mit einer Lösung von BSA (30 mg/ml) in 50 mM Imidazol / 100 mM NaCl (pH 7.4) inkubiert wird. Danach wird die Evaneszenzfeldsensor-Plattform mit den darauf erzeugten Messbereichen mit Wasser gewaschen und anschliessend in einem Stickstoffstrom getrocknet und bei 4°C bis zur Durchführung des erfindungsgemässen Nachweisverfahrens gelagert.

Die Geometrie einer typischen Anordnung der Messbereiche in einem zweidimensionalen Array und eine lineare Anordnung von sechs (identischen) Arrays auf einer Evaneszenzfeldsensor-Plattform ist in Figur 1 dargestellt (für die Beispiele,

die anhand von Figur 3A/B bzw. Figur 4A/B genauer besprochen werden) . Der Durchmesser der Spots, mit einem Abstand (Zentrum-zu-Zentrum) von 600 μm , beträgt etwa 90 μm . Ein Array von Messbereichen umfasst für diese Beispiele jeweils eine Anordnung von Messbereichen mit 8 verschiedenen, in 5 Replikaten aufgetragenen Proben, wobei die 5 gleichartigen Messbereiche jeweils in einer gemeinsamen Spalte senkrecht zur Ausbreitungsrichtung des während des Detektionsschritts in der wellenleitenden Schicht der analytischen Plattform geführten Lichts angeordnet sind. Mithilfe der jeweils 5 gleichartigen Messbereiche soll die Reproduzierbarkeit der Mess-Signale innerhalb des Arrays von Messbereichen bestimmt werden. Zwischen und neben den Spalten von Messbereichen mit darin aufgetragenen zu analysierenden Proben sind jeweils Spalten von Messbereichen mit darin aufgetragem Cy5-BSA (zu Referenzierungszwecken) angeordnet. Die erfindungsgemäße analytische Plattform umfasst in diesem Beispiel 6 gleichartige derartige Arrays von Messbereichen, wie in Figur 1 dargestellt.

2. Analytisches Nachweisverfahren

2.1. Assay-Architektur

Der Nachweis bestimmter Proteine allgemein (d. h. z. B. mit oder ohne Phosphorylierung) bzw. bestimmter Proteine speziell in aktivierter (z.B. phosphorylierter) Form in den immobilisierten Zell-Lysaten als in diskreten Messbereichen aufgetragenen „natur-identischen“ Proben erfolgt mithilfe sequentieller Zugabe entsprechender Nachweisreagentien als Assay-Schritten vor der Vermessung der resultierenden Fluoreszenzsignale: Zur Vorbereitung für einen ersten Assay-Schritt werden polyklonale analytischspezifische Kaninchen-Antikörper (Antikörper A1 (#2261): Phospho-(Ser) PKC Substrat; Antikörper A2 (#9611): Phospho-(Ser/Thr) Akt Substrat; Antikörper A3 (#9101): Phospho-p44/42 MAP Kinase (Thr202/Tyr204); Antikörper A4 (#9102): p44/42 MAP Kinase (Thr202/Tyr204); alle Antikörper bezogen von Cell Signaling Technology, INC., Beverly, MA, USA) typischerweise im Verhältnis 1:500 in Assay-Puffer (50 mM Imidazol, 100 mM NaCl, 0.1% BSA, 0.05% Tween 20 pH 7.4) verdünnt. Von diesen vier verschiedenen Antikörperlösungen werden jeweils 30 μl auf jeweils eines der 6 identischen Arrays von Messbereichen aufgebracht, gefolgt von einer Inkubation bei Raumtemperatur über Nacht (Erster Assay-Schritt). Überschüssige, nicht spezifisch

gebundene Antikörper werden durch Waschen eines jeden Arrays mit Assaypuffer (5x100 μ l) entfernt.

Die hier benutzten 4 verschiedenen Antikörper sind grundsätzlich unterschiedlicher Natur: Antikörper A1 und A2 erkennen und binden eine Reihe unterschiedlicher, an Serin bzw. Serin/Threonin phosphorylierten Proteinen, welche Proteinkinasen als Substrate dienen. Dieses ist an der Vielzahl der Banden im Western-Blot zu erkennen (Figur 2A und Abschnitt 2.4, "Ergebnisse"). Antikörper A3 und A4 erkennen und binden die gleiche Art von Verbindung, nämlich die p44/42 MAP-Kinase (auch Erk2 genannt), wobei jedoch Antikörper A3 nur dessen phosphorylierte „aktive“ Form (pErk2) erkennt, während Antikörper A4 beide Formen (die nicht phosphorylierte Form Erk2 und die phosphorylierte Form pErk2) erkennt und daran bindet.

Für den Nachweis von in diskreten Messbereichen an dort in den immobilisierten „natur-identischen“ Proben enthaltene gebundene analytspezifische Antikörper erfolgt ein zweiter Assay-Schritt unter Benutzung eines Cy5-markierten anti-Kaninchen-Antikörpers (Amersham Biosciences, Dübendorf, CH), welches an alle vorangehend genannten Antikörper A1 – A4 bindet. Dieser Cy5-markierte Antikörper wird in einer Konzentration von typischerweise 10 nM in Assay-Puffer auf die Arrays aufgebracht (je 30 μ l) und damit anschliessend 2 Stunden lang bei Raumtemperatur im Dunkeln inkubiert wird. Anschliessend werden die Arrays mit Assaypuffer (jeweils fünfmal mit 100 μ l) gewaschen, um nicht spezifisch gebundene Cy5-anti-Kaninchen Antikörper zu entfernen. Danach werden die so vorbereiteten analytischen Plattformen bis zum Detektionsschritt mittels Anregung und Detektion resultierender Fluoreszenzsignale im ZeptoREADER™ (siehe unten) gelagert.

2.2. Bestimmung der Fluoreszenzsignale aus den Arrays von Messbereichen

Die Fluoreszenzsignale aus den verschiedenen Arrays von Messbereichen werden mit einem ZeptoREADER™ (Zeptosens AG, CH-4108 Witterswil, Schweiz) sequentiell automatisch gemessen. Für jedes Array von Messbereichen wird die erfindungsgemässe analytische Plattform justiert zur Erfüllung der Resonanzbedingung für die Lichteinkopplung in die wellenleitende Tantalpentoxid-

Schicht und zur Maximierung des in den Messbereichen verfügbaren Anregungslichts. Anschliessend wird von jedem Array eine vom Benutzer wählbare Anzahl von Bildern der Fluoreszenzsignale aus dem betreffenden Array erzeugt, wobei unterschiedliche Belichtungszeiten gewählt werden können. Die Anregungswellenlänge beträgt bei den Messungen für das vorliegende Beispiel 633 nm, die Detektion des Fluoreszenzlicht erfolgt mit einer gekühlten Kamera bei der Fluoreszenzwellenlänge von Cy5, unter Verwendung eines Interferenzfilters (Transmission 670 ± 20 nm) zur Unterdrückung von Streulicht bei der Anregungswellenlänge, der vor dem Objektiv der Kamera positioniert ist. Die erzeugten Fluoreszenzbilder werden automatisch auf der Speicherplatte des Steuercomputers abgespeichert. Weitere Details des optischen Systems (ZeptoREADER™) sind in der internationalen Patentanmeldung PCT/EP 01/10012 beschrieben, welche hiermit vollumfänglich als Bestandteil dieser Anmeldung eingeführt wird.

2.3. Auswertung und Referenzierung:

Die mittlere Signalintensität aus den Messbereichen (Spots) wird bestimmt mithilfe einer Bildanalyse-Software (ZeptoVIEW, Zeptosens AG, CH-4108 Witterswil), welche es ermöglicht, die Fluoreszenzbilder einer Vielzahl von Arrays von Messbereichen halbautomatisch auszuwerten.

Die Rohdaten der einzelnen Pixel der Kamera stellen eine zweidimensionale Matrix digitalisierter Messwerte dar, mit der gemessenen Intensität als Messwert eines einzelnen Pixels entsprechend der auf ihn abgebildeten Fläche auf der Sensorplattform. Für die Auswertung der Daten wird zunächst manuell ein zweidimensionales (Koordinaten-) Netz über die Bildpunkte (Pixelwerte) gelegt derart, dass das Teilbild jedes Spots in ein individuelles zweidimensionales Netzelement fällt. Innerhalb dieses Netzelements wird jedem Spot ein kreisförmiger möglichst gut anzupassender „Auswertebereich“ (area of interest, AOI) mit einem vom Benutzer vorzugebenden Radius (typischerweise $90\ \mu\text{m}$) zugeordnet. Durch die Bildanalysesoftware wird der Ort der einzelnen AOIs individuell als Funktion der Signalintensität der einzelnen Pixel bestimmt. Dabei bleibt der zu Beginn vom Nutzer vorgegebene Radius der AOIs erhalten. Als mittlere Bruttosignalintensität eines jeden

Spots wird das arithmetische Mittel der Pixelwerte (Signalintensitäten) innerhalb eines gewählten Auswertebereichs bestimmt.

Die Hintergrundsignale werden bestimmt aus den gemessenen Signalintensitäten zwischen den Spots. Dazu werden pro Spot vier weitere kreisförmige Flächen (mit typischerweise gleichem Radius wie für die Auswertebereiche der Spots) als Auswertebereiche zur Hintergrundsignalbestimmung definiert, welche vorzugsweise in der Mitte zwischen benachbarten Spots angeordnet sind. Aus diesen vier Kreisflächen wird die mittlere Hintergrundsignalintensität beispielsweise als das arithmetische Mittel der Pixelwerte (Signalintensitäten) innerhalb eines hierfür gewählten AOIs bestimmt. Die mittlere Nettosignalintensität aus den Messbereichen (Spots) wird dann als Differenz zwischen der lokalen mittleren Brutto- und der lokalen mittleren Hintergrundsignalintensität des jeweiligen Spots berechnet.

Die Referenzierung der Netto-Signalintensität aller Spots erfolgt jeweils mithilfe von Referenzspots (Cy5-BSA) eines jeden Arrays von Messbereichen. Dazu wird die Netto-Signalintensität eines jeden Spots durch den Mittelwert der Netto-Signalintensitäten der benachbarten Referenzspots derselben Reihe (angeordnet parallel zur Ausbreitungsrichtung des in der Evaneszentfeld-Sensorplattform geführten Lichts) dividiert. Durch diese Referenzierung werden die lokalen Unterschiede der verfügbaren Anregungslichtintensität orthogonal zur Lichtausbreitungsrichtung sowohl innerhalb eines jeden Mikroarrays als auch zwischen verschiedenen Mikroarrays kompensiert.

2.4. Ergebnisse

Die Ergebnisse der Western-Blot Analyse als Vergleichsverfahren zu dem erfindungsgemässen Verfahren sind in Figur 2A dargestellt. Der untere Teil der Figur zeigt die Ergebnisse mit den Zellkulturen, die mit den Antikörpern gegen die Oberflächenrezeptoren CD23 („ α CD3““) und CD28 („ α CD28““) behandelt wurden, der

obere Teil die Ergebnisse mit den unbehandelten Kulturen als Vergleichsprobe, nach Inkubation mit den Lösungen der genannten Antikörper A1 – A4.

Die Western-Blot Analyse bestätigt, dass die Antikörper A1 und A2 eine Reihe unterschiedlicher, an Serin bzw. Serin/Threonin phosphorylierten Proteinen, welche Proteinkinasen als Substrate dienen, erkennen und daran binden. Dieses ist an der Vielzahl der Banden im Western-Blot zu erkennen. Die Antikörper A3 und A4 erkennen und binden die gleiche Art von Verbindung, nämlich die p44/42 MAP-Kinase (auch Erk2 genannt), wobei jedoch Antikörper A3 nur dessen phosphorylierte „aktive“ Form (pErk2) erkennt, während Antikörper A4 beide Formen (die nicht phosphorylierte Form Erk2 und die phosphorylierte Form pErk2) erkennt und daran bindet. Daher wird erwartet, dass sich nach Zugabe von A3 zu der behandelten Probe eine stärker ausgeprägte Bande ergeben sollte als nach Zugabe von A3 zur unbehandelten Probe (sofern diese überhaupt in einer nachweisbaren Menge pErk2 enthält). Tatsächlich ist für die unbehandelte Probe keine solche Bande im Western-Blot zu erkennen. Für die behandelte Probe sollte sich in beiden Fällen jeweils eine einzelne Bande ergeben. Diese Erwartungen finden sich in den in Figur 2A dargestellten Ergebnissen vollständig bestätigt.

Figur 2B zeigt die Ergebnisse, welche mit dem erfindungsgemässen Verfahren mit der erfindungsgemässen analytischen Plattform erzielt wurden. Das Balkendiagramm zeigt jeweils im Vergleich die Ergebnisse der mit den Antikörpern gegen die Oberflächenrezeptoren CD23 („ α CD3“) und CD28 („ α CD28“) behandelten Zellkultur (ausgefüllte Balken) und der unbehandelten Kultur („Negativ-Kontrolle“, leere Balken), welche daraus gewonnenen „natur-identischen“ Proben nach Aufbringung in jeweils 6 gleichartigen Arrays von Messbereichen auf einer oben beschriebenen Evaneszentfeld-Sensorplattform mit den Lösungen der verschiedenen Antikörper A1 – A4 zusammengebracht worden sind. Dabei wurden auf jeweils 4 gleichartige Arrays, die in unterschiedlichen Probenbehältnissen auf einer gemeinsamen Evaneszentfeld-Sensorplattform angeordnet waren, jeweils unterschiedliche, jeweils einen der 4 genannten Antikörper A1 – A4 enthaltene Lösungen aufgebracht und anschliessend, wie unter 2.1. beschrieben, Cy5-markierte anti-Kaninchen-Antikörper zugeführt. In Figur 2B sind jeweils die Mittelwerte der

nach dem vorangehend beschriebenen Verfahren referenzierten Signalintensitäten von jeweils fünf gleichartigen Messbereichen innerhalb eines Arrays und deren Standardabweichungen dargestellt.

Dabei korrelieren die ermittelten Signalintensitäten mit der Konzentration eines jeweilig auftretenden bestimmten Analyten (hohe Signalintensität entsprechend hoher Konzentration). Es ist deutlich zu erkennen, dass durch Behandlung der Jurkat-Zellkulturen mit den Antikörpern gegen die Oberflächenrezeptoren CD23 („ α CD3“) und CD28 („ α CD28“) („Stimulation“) die relative intrazelluläre Konzentration an Phospho-(Ser) PKC- und Phospho-(Ser/Thr) Akt Substraten um den Faktor 2.5 bzw. 1.8 im Vergleich zur Negativ-Kontrolle erhöht wurde. Noch stärker, nämlich um den Faktor 10, stieg die Konzentration an pErk2, wobei die Summe des Gehaltes an Erk2 und pErk2 /detektiert mithilfe von Antikörper A4) innerhalb der Messgenauigkeit konstant blieb. Dieses bedeutet, dass innerhalb der Stimulationsdauer von 10 Minuten der Gesamtgehalt an Erk2 nicht durch Anstieg der Expression erhöht wurde, sondern nur der Gehalt an pErk2 durch Phosphorylierung gesteigert wurde. Die Ergebnisse sind in guter Übereinstimmung mit der als Vergleichsmethode durchgeführten Western-Blot Analyse (Fig. 2A), wobei hier allerdings der Anstieg des Anteils von Phospho-(Ser/Thr) Akt Substraten nur schwach oder gar nicht zu erkennen ist und eine quantitative Aussage über relative Konzentrationen oder über deren Änderungen, im Gegensatz zu den Ergebnissen des erfindungsgemässen Verfahrens, generell nicht gemacht werden kann.

Um die Empfindlichkeit des erfindungsgemässen Verfahrens für den Nachweis eines einzelnen interessierenden „Markerproteins“ in einer in einem Messbereich aufgetragenen „natur-identischen“ Probe, d.h. in dem in einem einzelnen Messbereich immobilisierten Proteom, zu prüfen, wird ein unbehandeltes Zell-Lysat (Negativ-Kontrolle), welches gemäss dem zuvor durchgeführten Versuch (dessen Ergebnisse in Figur 2B dargestellt sind) nachweislich nur einen sehr geringen Gehalt an pErk2 (drittes Balkenpaar in Figur 2B) enthielt, für einen zweiten Versuch in einzelne Teillösungen aufgeteilt, welche mit diesem „Markerprotein“ in unterschiedlichen Konzentrationen von (0-3645 ng/ml) versetzt werden. Anschliessend werden diese

Lösungen, wie zuvor beschrieben, auf dem planaren Wellenleiterchip immobilisiert und ein Assay gemäss 2.1 (unter Verwendung von Antikörper A3) durchgeführt. Figur 3A zeigt eine typische Signalverteilung aus einem Array von Messbereichen, wobei die markierten Rechtecke jeweils 5 Replikatspots einer zu dem unbehandelten Zell-Lysat hinzugegebenen pErk2-Konzentration darstellen (1-8: aufsteigende Konzentration, gemäss der in Figur 1 dargestellten geometrischen Anordnung).

Das Ergebnis dieser Messung für die Detektion von pErk2, in Abhängigkeit von dessen hinzugegebener Konzentration, kann durch eine typische Bindungskurve beschrieben werden, indem an den Konzentrationsverlauf der Signale eine Hill-Funktion angepasst („gefittet“) wird (Fig. 3B). Jeder Datenpunkt in Figur 3B stellt den Mittelwert der referenzierten Nettosignalintensitäten von 5 Replikat-Analytspots, jeweils mit der durch Fehlerbalken markierten zugehörigen Standardabweichung, dar. Der vergrösserte Bildausschnitt in Figur 3B zeigt den Konzentrationsverlauf der Signale für die niedrigeren Konzentrationen, dessen Anstieg in der Darstellung für den gesamten Konzentrationsverlauf nicht mehr aufgelöst werden kann. Als Empfindlichkeit des Assays (Limit of Detection) wird, basierend auf der Summe des Signals des 0-Wertes („Blank“, ohne hinzugefügtes p-Erk2) und dessen zweifacher Standardabweichung, ein Wert von 2.0 ng/ml bestimmt, was einer Gewichtsfraktion von 2×10^{-6} g pro g Totalprotein entspricht.

Die Figuren 4A und 4B zeigen die Ergebnisse eines zu dem zweiten im wesentlichen analogen dritten Versuchs. Als Unterschied zum vorangehend beschriebenen zweiten Versuch mit den in Figur 3A und 3 B dargestellten Ergebnissen wird in diesem dritten Versuch das Assay gemäss 2.1 unter Verwendung des Antikörpers A4 (d.h. unter Zugabe zu gleichartigen Arrays wie im zweiten Versuch) durchgeführt. In diesem Versuch wird also die Gesamtheit von phosphorylierter und nicht phosphorylierter Verbindung (pErk2 und Erk2), entsprechend der unterschiedlichen Zugabe von pErk2, bestimmt. Figur 4A zeigt eine typische Signalverteilung aus einem Array von Messbereichen, wobei die markierten Rechtecke wiederum jeweils 5 Replikatspots einer zu dem unbehandelten Zell-Lysat hinzugegebenen pErk2-Konzentration darstellen (1-8: aufsteigende Konzentration, gemäss der in Figur 1 dargestellten geometrischen Anordnung). In diesem Fall wird für die Empfindlichkeit des Assays

(Limit of Detection) ein Wert von 120 ng/ml bestimmt, was einer Gewichtsfraktion von 1.2×10^{-4} g pro g Totalprotein entspricht.

In einem weiteren, vierten Experiment wird untersucht, ob sich auch unterschiedliche Änderungen der Konzentration an pErk2 infolge Co-Stimulation von Jurkat-Zellen mit α CD3/ α CD28, mit unterschiedlicher Stimulationsdauer nachweisen lassen und ob die Unterschiede dieser Änderungen mit dem erfindungsgemässen Verfahren aufgelöst werden können.. Dazu werden Jurkat-Zellkulturen vor ihrer Lyse jeweils unterschiedlich lange (im Minutenbereich) mit je 1 μ g/ml α CD3/ α CD28 inkubiert. Weiterhin wird eine Jurkat Zell-Kultur mit Staurosporin (Proteinkinase-Inhibitor) behandelt. Letzere Zellkultur dient als eine Negativkontrolle, da hier aufgrund der Inhibition aller Proteinkinasen kein pErk2 vorhanden sein sollte (siehe auch Abschnitt 1.2), ein hierfür gemessenes Signal also dem Signal einer von pErk2 freien Probe entsprechen sollte. Anschliessend werden die so behandelten Zell-Lysate auf die Evaneszentfeld-Sensor-Plattform gespottet und ein Assay gemäss 2.1, unter Benutzung des Antikörpers A3 zum Nachweis der Änderungen der Konzentrationen von pErk2, durchgeführt.

Das Ergebnis dieser Messung ist in Fig. 5A dargestellt. Jeder der im Graph gezeigten Balken stellt den referenzierten Mittelwert der Nettosignalintensität von 5 Replikat-Analytspots mit der dazugehörigen Standardabweichung dar. Es ist gut zu erkennen, dass sich die Änderung der pErk2-Konzentration, detektiert mit dem Antikörper 3, sehr gut auflösen lässt, wobei die Zeitabhängigkeit, d.h. die Abhängigkeit von der Stimulationsdauer, durch einen schnellen Anstieg der pErk2-Konzentration gekennzeichnet ist, gefolgt von einem Abfall auf das Niveau der Anfangskonzentration nach einer Stimulationsdauer von 60 Minuten, wobei das Konzentrationsmaximum nach etwa 10 Minuten erreicht wird. Das Signal der nicht stimulierten Kontrollprobe liegt geringfügig höher als als dasjenige der mit Staurosporin behandelten Probe, was den natürlichen Anteil von pErk2 ohne Stimulation repräsentiert.

Als Kontrollmessung werden ein ansonsten gleichartiges Assay und Nachweisverfahren durchgeführt, wobei anstelle des Antikörpers 3 der Antikörper 4

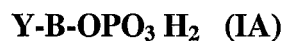
zum Nachweis der Gesamtheit der entsprechenden phosphorylierten und nicht phosphorylierten Proteinform, also des relativen Gesamtgehalts an Erk2/pErk2 eingesetzt wird. Hierbei wird innerhalb der experimentellen Genauigkeit kein signifikanter Unterschied der Signale, d.h. keine Konzentrationsänderung für die unterschiedlichen Stimulationsdauern, von bis zu 60 Minuten, und auch kein Unterschied zur unbehandelten Kontrollprobe und zur mit Staurosporin behandelten Probe festgestellt (Fig. 5B).

Ansprüche

1. Verfahren zur Untersuchung einer Vielzahl „natur-identischer“ Proben auf in den Proben enthaltene, als Teilnehmer an spezifischen Bindungsreaktionen biologisch relevante Verbindungen als Analyten, dadurch gekennzeichnet, dass
 - besagte Proben oder Verdünnungen besagter Proben ohne Änderung der relativen molekularen Zusammensetzung, im Vergleich zur ursprünglichen relativen molekularen Zusammensetzung der Probe, mit den darin enthaltenen, nachzuweisenden Analyten, als einer ersten Vielzahl von spezifischen Bindungspartnern, in mindestens einem ein- oder zweidimensionalen Array in diskreten Messbereichen auf einer Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger aufgetragen werden,
 - eine oder mehrere Nachweissubstanzen, als eine zweite Vielzahl spezifischer Bindungspartner, zum spezifischen Nachweis von einem oder mehreren in den Proben enthaltenen Analyten, aus besagter ersten Vielzahl spezifischer Bindungspartner, in einem einzigen oder mehreren Schritten einer spezifischen Bindungsreaktion mit den in besagten diskreten Messbereichen aufgetragenen Proben in Kontakt gebracht werden,
 - Änderungen von optoelektronischen Signalen als Folge der Bindung von Nachweissubstanzen an in diskreten Messbereichen in den Proben enthaltene Analyten, im evaneszenten Feld der Evaneszentfeld-Sensorplattform, ortsaufgelöst gemessen werden und
 - aus der relativen Grösse der Änderungen besagter optoelektronischer Signale aus den jeweiligen Messbereichen qualitativ und / oder quantitativ das Vorhandensein der dort spezifisch nachzuweisenden Analyten bestimmt wird.
2. Verfahren nach Anspruch 1, dadurch gekennzeichnet, dass die relative molekulare Zusammensetzung einer in einem Messbereich immobilisierten ersten Vielzahl von spezifischen Bindungspartnern als Analyten mit der ursprünglichen relativen molekularen Zusammensetzung der dort aufgetragenen Probe übereinstimmt.
3. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 - 2, dadurch gekennzeichnet, dass die Evaneszentfeld-Sensorplattform, zur Verbesserung des Haftvermögens der in

diskreten Messbereichen aufgetragenen „natur-identischen“ Proben oder von deren Verdünnungen, eine Haftvermittlungsschicht umfasst, auf welcher besagte Proben oder deren Verdünnungen aufgetragen werden.

4. Verfahren nach Anspruch 3, dadurch gekennzeichnet, dass besagte Haftvermittlungsschicht eine Dicke von weniger als 200 nm, bevorzugt von weniger als 20 nm hat.
5. Verfahren nach einem der Ansprüche 3 – 4, dadurch gekennzeichnet, dass besagte Haftvermittlungsschicht Verbindungen umfasst aus der Gruppe von Silanen, funktionalisierten Silanen, Epoxiden, funktionalisierten, geladenen oder polaren Polymeren und “selbstorganisierten passiven oder funktionalisierten Mono- oder Mehrfachschichten”, Thiolen, Alkylphosphaten und -phosphonaten, multifunktionellen Block-Copolymeren, wie beispielsweise Poly(L)lysin/Polyethylenglycolen.
6. Verfahren nach einem der Ansprüche 3 – 4, dadurch gekennzeichnet, dass besagte Haftvermittlungsschicht Verbindungen umfasst aus der Gruppe von Organophosphorsäuren der allgemeinen Formel I (A)



oder von Organophosphonsäuren der allgemeinen Formel I (B)



und deren Salzen, in denen B einen Alkyl-, Alkenyl-, Alkinyl-, Aryl-, Aralkyl-, Hetaryl- oder Hetarylalkylrest und Y Wasserstoff oder eine funktionelle Gruppe aus der Reihe Hydroxy, Carboxy, Amino, gegebenenfalls durch Niederalkyl substituiertes Mono- oder Dialkylamino, Thiol, oder eine negative Säuregruppe aus der Reihe Ester, Phosphat, Phosphonat, Sulfat, Sulfonat, Maleimid, Succinimydyl, Epoxy oder Acrylat bedeutet

7. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 6, dadurch gekennzeichnet, dass besagte „natur-identische“ Proben ausgewählt sind aus der Gruppe von Extrakten gesunder oder krankhafter Zellen, (z. B. von menschlichen, tierischen, bakteriellen oder pflanzlichen Zellextrakten), Extrakten von tierischem oder menschlichem Gewebe, wie beispielsweise Organ-, Haut-, Haar- oder Knochengewebe, oder von Pflanzengewebe, sowie von Körperflüssigkeiten oder deren Bestandteilen, wie beispielsweise Blut, Serum oder Plasma, Gelenkflüssigkeiten, Tränenflüssigkeit, Urin, Speichel, Gewebeflüssigkeit, Lymphe.
8. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 6, dadurch gekennzeichnet, dass besagte „natur-identische“ Proben ausgewählt sind aus der Gruppe, welche Extrakte stimulierter oder unbehandelter Zellen und Extrakte gesunden oder krankhaften Gewebes umfasst.
9. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 8, dadurch gekennzeichnet, dass besagte „natur-identische“ Probe aus einem Organismus oder Gewebe- oder Zellverband oder Zelle mittels einer Methode aus der Gruppe von Gewebeschnitten, Biopsie oder „Laser Micro Dissection“ entnommen wird.
10. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 9, dadurch gekennzeichnet, dass eine Probe das Material von weniger als 20000 Zellen umfasst.
11. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 10, dadurch gekennzeichnet, dass eine Probe das Material von weniger als 1000 Zellen umfasst.
12. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 11, dadurch gekennzeichnet, dass in einer „natur-identischen“ Probe enthaltene Analyten, d.h. insbesondere Biopolymere wie beispielsweise Nukleinsäuren oder Proteine, in nativer Form vorliegen.
13. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 11, dadurch gekennzeichnet, dass in einer „natur-identischen“ Probe enthaltene Analyten, d.h. insbesondere

Biopolymere wie beispielsweise Nukleinsäuren oder Proteine, in denaturierter Form vorliegen.

14. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 - 11, dadurch gekennzeichnet, dass die in einer „natur-identischen“ Probe enthaltenen Analyten, d.h. insbesondere Biopolymere wie beispielsweise Nukleinsäuren oder Proteine, nach Behandlung mit Harnstoff, in denaturierter Form vorliegen, wobei die Epitope besagter Analyten für die Bindung ihrer jeweiligen Nachweissubstanzen, beispielsweise von Antikörpern, frei zugänglich sind.
15. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 14, dadurch gekennzeichnet, dass die in einer „naturidentischen“ Probe enthaltenen relativen Gesamtmengen von einer oder mehreren Verbindungen als Analyten, als Summe von deren Vorkommen in phosphorylierter oder nicht phosphorylierter Form und / oder glykolisierter und / oder nicht glykolisierter Form, bestimmt werden.
16. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 14, dadurch gekennzeichnet, dass die in einer „naturidentischen“ Probe enthaltenen relativen Mengen von einer oder mehreren Verbindungen als Analyten, jeweils von deren Vorkommen in phosphorylierter und / oder nicht phosphorylierter Form und / oder glykolisierter und / oder nicht glykolisierter Form, für eine oder mehrere besagter Formen bestimmt werden.
17. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 14, dadurch gekennzeichnet, dass der Aktivierungsgrad eines oder mehrerer in einer „naturidentischen“ Probe enthaltenen Analyten bestimmt wird.
18. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 14, dadurch gekennzeichnet, dass der Phosphorylierungsgrad und / oder Glykolisierungsgrad eines oder mehrerer in einer „naturidentischen“ Probe enthaltenen Analyten bestimmt wird.
19. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 18, dadurch gekennzeichnet, dass Unterschiede von weniger als 20 % bezogen auf weniger als 10 %, von denen in einer „naturidentischen“ Probe und in einer oder mehreren

Vergleichsproben enthaltenen relativen Mengen von einer oder mehreren Verbindungen in phosphorylierter und / oder nicht phosphorylierter Form und / oder glykolisierter und / oder nicht glykolisierter Form als Analyten, für eine oder mehrere besagter Formen nachgewiesen werden.

20. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 - 19, dadurch gekennzeichnet, dass besagte „naturidentische“ Probe und eine oder mehrere Vergleichsproben dem gleichen Ursprungsort zu unterschiedlichen Zeitpunkten entnommen sind und dass zeitliche Veränderungen der in diesen Proben enthaltenen relativen Mengen von einer oder mehreren Verbindungen in phosphorylierter und / oder nicht phosphorylierter Form und / oder glykolisierter und / oder nicht glykolisierter Form als Analyten, bestimmt werden.
21. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 20, dadurch gekennzeichnet, dass eine oder mehrere besagter Proben vor der Auftragung auf besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger in einem flüssigen Verdünnungsmedium gelöst und / oder verdünnt werden und unterschiedliche Verdünnungen einer Probe in unterschiedlichen diskreten Messbereichen auf besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform aufgetragen werden.
22. Verfahren nach Anspruch 21, dadurch gekennzeichnet, dass eine oder mehrere besagter Proben vor der Auftragung auf besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger in einem flüssigen Verdünnungsmedium gelöst und mindestens um einen Faktor 10 verdünnt werden.
23. Verfahren nach Anspruch 21, dadurch gekennzeichnet, dass eine oder mehrere besagter Proben vor der Auftragung auf besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger in einem flüssigen Verdünnungsmedium gelöst und mindestens um einen Faktor 30 verdünnt werden
24. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 - 23, dadurch gekennzeichnet, dass unterschiedliche Proben dem gleichen Organismus oder der gleichen Zellkultur entnommen wurden.

25. Verfahren nach Anspruch 24, dadurch gekennzeichnet, dass unterschiedliche Proben an verschiedenen Positionen des gleichen Organismus entnommen wurden.

26. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 - 23, dadurch gekennzeichnet, dass unterschiedliche Proben verschiedenen Organismen oder verschiedenen Zellkulturen entnommen wurden.

27. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 26, dadurch gekennzeichnet, dass eine oder mehrere Proben vor ihrer Auftragung auf der Evaneszenzfeld-Sensorplattform als festem Träger (zur Verbesserung des Haftvermögens auf besagtem festem Träger und Erhöhung der Gleichmässigkeit der Auftragung) mit einer Lösung von Polymeren oder polymerisierbaren Monomeren, gegebenenfalls in Anwesenheit von Initiatoren, oder von chemischen „Cross-Linkern“ (z. B. Glutaraldehyd) gemischt werden.

28. Verfahren nach Anspruch 27, dadurch gekennzeichnet, dass besagte Lösung von Polymeren oder polymerisierbaren Monomeren oder chemischen „Cross-Linkern“ ausgewählt ist aus der Gruppe, welche Lösungen von Polysacchariden, wie z. B. Agarose, oder von Acrylamiden oder von Glutaraldehyd etc. umfasst.

29. Verfahren nach einem der Ansprüche 27 – 28, dadurch gekennzeichnet, dass die Mischung der einen oder mehreren Proben mit einer Lösung von Polymeren oder polymerisierbaren Monomeren, gegebenenfalls in Anwesenheit von Initiatoren, oder von chemischen „Cross-Linkern“ (z. B. Glutaraldehyd) in der Immobilisierung einer dreidimensionalen Netzwerkstruktur mit darin eingebundenen, für Nachweissubstanzen in dem nachfolgenden Schritt einer Bioaffinitätsreaktion zugänglichen Probenbestandteilen, auf der Evaneszenzfeld-Sensorplattform als festem Träger resultiert.

30. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 - 29, dadurch gekennzeichnet, dass die Proben in diskreten Messbereichen auf der Evaneszenzfeld-Sensorplattform direkt

oder auf einer darauf aufgetragenen Haftvermittlungsschicht räumlich selektiv mithilfe eines Verfahrens aufgebracht werden, welches ausgewählt ist aus der Gruppe von Verfahren, die von "Ink jet spotting", mechanischem Spotting mittels Stift, Feder oder Kapillare, „Micro contact printing“, fluidischer Kontaktierung der Messbereiche mit besagten Proben durch deren Zufuhr in parallelen oder gekreuzten Mikrokanälen, unter Einwirkung von Druckunterschieden oder elektrischen oder elektromagnetischen Potentialen sowie photochemischen oder photolithographischen Immobilisierungsverfahren gebildet wird.

31. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 30, dadurch gekennzeichnet, dass Bereiche zwischen den diskreten Messbereichen zur Minimierung unspezifischer Bindung von Nachweissubstanzen "passiviert werden", d.h. dass zwischen den räumlich getrennten Messbereichen gegenüber den Analyten und anderen Inhaltsstoffen der aufgetragenen Proben sowie gegenüber den Nachweissubstanzen für besagte Analyten "chemisch neutrale", d.h. diese nicht bindende, Komponenten aufgebracht sind.

32. Verfahren nach Anspruch 31, dadurch gekennzeichnet, dass besagte gegenüber den Analyten und anderen Inhaltsstoffen der aufgetragenen Proben sowie gegenüber den Nachweissubstanzen für besagte Analyten „chemisch neutrale“, d.h. diese nicht bindende, Komponenten ausgewählt sind aus den Gruppen, die von Albuminen, insbesondere Rinderserumalbumin oder Humanserumalbumin, Casein, unspezifischen, polyklonalen oder monoklonalen, artfremden oder empirisch für den oder die nachzuweisenden Analyten unspezifischen Antikörpern (insbesondere für Immunoassays), Detergentien – wie beispielsweise Tween 20 -, nicht mit zu analysierenden Polynukleotiden hybridisierender, fragmentierter natürlicher oder synthetischer DNA, wie beispielsweise ein Extrakt von Herings- oder Lachssperma (insbesondere für Polynukleotid-Hybridisierungsassays), oder auch ungeladenen, aber hydrophilen Polymeren, wie beispielsweise Polyethylenglycolen oder Dextranen, gebildet werden.

33. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 32, dadurch gekennzeichnet, dass es sich bei den in diskreten Messbereichen aufgetragenen Proben enthaltenen, nachzuweisenden Analyten um Verbindungen aus der Gruppe handelt, die von

Proteinen, beispielsweise mono- oder polyklonalen Antikörpern und Antikörperfragmenten, Peptiden, Enzymen, Glycopeptiden, Oligosacchariden, Lektinen, Antigenen für Antikörper, mit zusätzlichen Bindungsstellen funktionalisierten Proteinen („Tag-Proteinen“, wie beispielsweise „Histidin-Tag-Proteinen“) sowie Nukleinsäuren (beispielsweise DNA, RNA) gebildet wird.

34. Verfahren nach Anspruch 33, dadurch gekennzeichnet, dass es sich bei den in diskreten Messbereichen aufgetragenen Proben enthaltenen, nachzuweisenden Analyten um Verbindungen aus der Gruppe handelt, welche cytosolische oder membrangebundene Zellproteine, insbesondere an den Prozessen der Signaltransduktion in Zellen beteiligte Proteine, wie z. B. Kinasen, umfasst.

35. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 34, dadurch gekennzeichnet, dass die ortaufgelöst zu messenden Änderungen optoelektronischer Signale, als Folge der Bindung von Nachweissubstanzen an in diskreten Messbereichen in den Proben enthaltene Analyten, durch lokale Änderungen der Resonanzbedingungen zur Erzeugung eines Oberflächenplasmons in einer dünnen Metallschicht als Teil besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform hervorgerufen werden.

36. Verfahren nach Anspruch 35, dadurch gekennzeichnet, dass besagte Änderung der Resonanzbedingungen in einer Änderung des Resonanzwinkels für die Einstrahlung eines Anregungslichts zur Erzeugung eines Oberflächenplasmons in einer dünnen Metallschicht als Teil besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform besteht.

37. Verfahren nach Anspruch 35, dadurch gekennzeichnet, dass besagte Änderung der Resonanzbedingungen in einer Änderung der Resonanzwellenlänge eines eingestrahltten Anregungslichts zur Erzeugung eines Oberflächenplasmons in einer dünnen Metallschicht als Teil besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform besteht.

38. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 37, dadurch gekennzeichnet, dass die ortaufgelöst zu messenden Änderungen optoelektronischer Signale, als Folge der Bindung von Nachweissubstanzen an in diskreten Messbereichen in den Proben

enthaltene Analyten, durch lokale Änderungen des effektiven Brechungsindex in diesen Bereichen auf besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform hervorgerufen werden.

39. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 – 34, dadurch gekennzeichnet, dass die ortaufgelöst zu messenden Änderungen optoelektronischer Signale, als Folge der Bindung von Nachweissubstanzen an in diskreten Messbereichen in den Proben enthaltene Analyten, durch lokale Änderungen einer oder mehrerer Lumineszenzen von innerhalb des evaneszenten Feldes besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform befindlichen lumineszenzfähigen Molekülen hervorgerufen werden.

40. Verfahren nach Anspruch 39, dadurch gekennzeichnet, dass besagte Änderungen einer oder mehrerer Lumineszenzen von lumineszenzfähigen Molekülen oder lumineszenzfähigen Nanopartikeln stammen, welche als Lumineszenzlabel an eine oder mehrere Nachweissubstanzen für die in diskreten Messbereichen enthaltenen Analyten gebunden sind.

41. Verfahren nach Anspruch 40, dadurch gekennzeichnet, dass zum Analytnachweis zwei oder mehr Lumineszenzlabel mit unterschiedlichen Emissionswellenlängen und / oder unterschiedlichen Anregungsspektren, bevorzugt mit unterschiedlichen Emissionswellenlängen und gleicher Anregungswellenlänge, eingesetzt werden.

42. Verfahren nach einem der Ansprüche 40 - 41, dadurch gekennzeichnet, dass zum Analytnachweis zwei oder mehr Lumineszenzlabel mit unterschiedlichen Emissionsabklingzeiten eingesetzt werden

43. Verfahren nach einem der Ansprüche 41 - 42, dadurch gekennzeichnet, dass zum Nachweis unterschiedlicher Analyten in einer Probe zwei oder mehr Lumineszenzlabel verwendet werden.

44. Verfahren nach einem der Ansprüche 41 - 43, dadurch gekennzeichnet, dass zum Nachweis unterschiedlicher Analyten in einem Messbereich zwei oder mehr Lumineszenzlabel verwendet werden.

45. Verfahren nach einem der Ansprüche 39 - 44, dadurch gekennzeichnet, dass die Einstrahlung des Anregungslichts in Pulsen mit einer Dauer zwischen 1 fsec und 10 Minuten erfolgt und das Emissionslicht aus den Messbereichen zeitlich aufgelöst gemessen wird.
46. Verfahren nach einem der Ansprüche 38 - 45, dadurch gekennzeichnet, dass die Evaneszentfeld-Sensorplattform als fester Träger einen optischen Wellenleiter, umfassend eine oder mehrere Schichten, umfasst.
47. Verfahren nach Anspruch 46, dadurch gekennzeichnet, dass die Evaneszentfeld-Sensorplattform als fester Träger einen durchgehenden oder in diskrete wellenleitende Bereiche aufgeteilten planaren optischen Wellenleiter, umfassend eine oder mehrere Schichten, umfasst.
48. Verfahren nach Anspruch 47, dadurch gekennzeichnet, dass die Evaneszentfeld-Sensorplattform als fester Träger einen planaren optischen Dünnschichtwellenleiter mit einer im wesentlichen optisch transparenten, wellenleitenden Schicht (a) auf einer zweiten, ebenfalls im wesentlichen optisch transparenten Schicht (b) mit niedrigerem Brechungsindex als Schicht (a) und gegebenenfalls einer ebenfalls im wesentlichen optisch transparenten Zwischenschicht (b') zwischen Schicht (a) und Schicht (b) mit ebenfalls niedrigerem Brechungsindex als Schicht (a) umfasst.
49. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 - 48, dadurch gekennzeichnet, dass Anregungslicht von einer oder mehreren Lichtquellen in eine wellenleitende Schicht der Evaneszentfeld-Sensorplattform über ein oder mehrere optische Koppelemente eingekoppelt wird, welche ausgewählt sind aus der Gruppe, die von Prismenkopplern, evaneszenten Kopplern mit zusammengebrachten optischen Wellenleitern mit überlappenden evaneszenten Feldern, Stirnflächenkopplern mit vor einer Stirnseite der wellenleitenden Schicht angeordneten fokussierenden Linsen, vorzugsweise Zylinderlinsen, und Gitterkopplern gebildet wird.
50. Verfahren nach Anspruch 49, dadurch gekennzeichnet, dass die Einkopplung von Anregungslicht in eine wellenleitende Schicht der Evaneszentfeldsensorplattform

mithilfe von einer oder mehreren Gitterstrukturen (c) erfolgt, die in der besagten wellenleitenden Schicht ausgeprägt sind.

51. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 –50, dadurch gekennzeichnet, dass die Auskopplung von in einer wellenleitenden Schicht der Evaneszentfeld-Sensorplattform geführtem Licht mithilfe von einer oder mehreren Gitterstrukturen (c') erfolgt, die in besagter wellenleitender Schicht ausgeprägt sind und gleiche oder unterschiedliche Periode und Gittertiefe wie Gitterstrukturen (c) haben.

52. Verfahren nach einem der Ansprüche 50 - 51, dadurch gekennzeichnet, dass Anregungslicht von einer oder mehreren Lichtquellen über eine Gitterstruktur (c) in eine wellenleitende Schicht besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform eingekoppelt und zu auf der Evaneszentfeld-Sensorplattform befindlichen Messbereichen als geführte Welle geleitet wird, dass weiterhin die im evaneszenten Feld besagter geführter Welle erzeugte Lumineszenz von lumineszenzfähigen Molekülen mit einem oder mehreren Detektoren orts aufgelöst erfasst und die relative Konzentration eines oder mehrerer Analyten aus der relativen Intensität dieser Lumineszenzsignale bestimmt wird.

53. Verfahren nach einem der Ansprüche 39 – 52, dadurch gekennzeichnet, dass neben der Bestimmung einer oder mehrerer Lumineszenzen Änderungen des effektiven Brechungsindex auf den Messbereichen bestimmt werden.

54. Verfahren nach einem der Ansprüche 35 - 53, dadurch gekennzeichnet, dass die einen oder mehreren Lumineszenzen und / oder Bestimmungen von Lichtsignalen bei der Anregungswellenlänge polarisationsselektiv vorgenommen werden.

55. Verfahren nach einem der Ansprüche 39 – 54, dadurch gekennzeichnet, dass die einen oder mehreren Lumineszenzen bei einer anderen Polarisation als der des Anregungslichts gemessen werden.

56. Analytische Plattform zur Untersuchung einer Vielzahl „natur-identischer“ Proben auf in den Proben enthaltene, als Teilnehmer an Bioaffinitätsreaktionen biologisch relevante Verbindungen als Analyten, umfassend

- eine Evaneszenzfeld-Sensorplattform als festen Träger
- mindestens ein ein- oder zweidimensionales Array von diskreten Messbereichen mit darin immobilisierten Bindungspartnern auf besagter Evaneszenzfeld-Sensorplattform für den Nachweis besagter Analyten in einer Bioaffinitätsreaktion,

dadurch gekennzeichnet, dass besagte diskrete Messbereiche durch die Auftragung besagter „natur-identischer“ Proben oder daraus hergestellter Verdünnungen, ohne Änderung der relativen molekularen Zusammensetzung, im Vergleich zur ursprünglichen relativen molekularen Zusammensetzung der Probe, mit den darin nachzuweisenden Analyten, als einer ersten Vielzahl von spezifischen Bindungspartnern, erzeugt werden und es sich bei dem einen oder den mehreren immobilisierten Bindungspartnern, welche besagte erste Vielzahl von spezifischen Bindungspartnern bilden, um den einen oder um die mehreren Analyten selbst handelt, welche in besagten „natur-identischen“ Probe enthalten sind.

57. Analytische Plattform nach Anspruch 56, dadurch gekennzeichnet, dass die relative molekulare Zusammensetzung einer in einem Messbereich immobilisierten ersten Vielzahl von spezifischen Bindungspartnern als Analyten mit der ursprünglichen relativen molekularen Zusammensetzung der dort aufgetragenen Probe übereinstimmt.

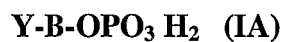
58. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 - 57, dadurch gekennzeichnet, dass die Evaneszenzfeld-Sensorplattform, zur Verbesserung des Haftvermögens der in diskreten Messbereichen aufgetragenen „natur-identischen“ Proben oder von deren Verdünnungen, eine Haftvermittlungsschicht umfasst, auf welcher besagte Proben oder deren Verdünnungen aufgetragen werden.

59. Analytische Plattform nach Anspruch 58, dadurch gekennzeichnet, dass besagte Haftvermittlungsschicht eine Dicke von weniger als 200 nm, bevorzugt von weniger als 20 nm hat.

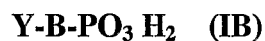
60. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 58 – 59, dadurch gekennzeichnet, dass besagte Haftvermittlungsschicht Verbindungen umfasst aus der Gruppe von Silanen, funktionalisierten Silanen, Epoxiden, funktionalisierten,

geladenen oder polaren Polymeren und "selbstorganisierten passiven oder funktionalisierten Mono- oder Mehrfachschichten", Thiolen, Alkylphosphaten und -phosphonaten, multifunktionellen Block-Copolymeren, wie beispielsweise Poly(L)lysin/Polyethylenglycolen.

61. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 58 – 59, dadurch gekennzeichnet, dass besagte Haftvermittlungsschicht Verbindungen umfasst aus der Gruppe von Organophosphorsäuren der allgemeinen Formel I (A)



oder von Organophosphonsäuren der allgemeinen Formel I (B)



und deren Salzen, in denen B einen Alkyl-, Alkenyl-, Alkinyl-, Aryl-, Aralkyl-, Hetaryl- oder Hetarylalkylrest und Y Wasserstoff oder eine funktionelle Gruppe aus der Reihe Hydroxy, Carboxy, Amino, gegebenenfalls durch Niederalkyl substituiertes Mono- oder Dialkylamino, Thiol, oder eine negative Säuregruppe aus der Reihe Ester, Phosphat, Phosphonat, Sulfat, Sulfonat, Maleimid, Succinimydyl, Epoxy oder Acrylat bedeutet.

62. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 61, dadurch gekennzeichnet, dass besagte aufgebrauchte „natur-identische“ Proben ausgewählt sind aus der Gruppe von Extrakten gesunder oder krankhafter Zellen, (z. B. von menschlichen, tierischen, bakteriellen oder pflanzlichen Zellextrakten), Extrakten von tierischem oder menschlichem Gewebe, wie beispielsweise Organ-, Haut-, Haar- oder Knochengewebe, oder von Pflanzengewebe, sowie von Körperflüssigkeiten oder deren Bestandteilen, wie beispielsweise Blut, Serum oder Plasma, Gelenkflüssigkeiten, Tränenflüssigkeit, Urin, Speichel, Gewebeflüssigkeit, Lymphe.

63. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 61, dadurch gekennzeichnet, dass besagte „natur-identische“ Proben ausgewählt sind aus der

Gruppe, welche Extrakte stimulierter oder unbehandelter Zellen und Extrakte gesunden oder krankhaften Gewebes umfasst.

64. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 63, dadurch gekennzeichnet, dass besagte „natur-identische“ Proben aus einem Organismus oder Gewebe- oder Zellverband oder Zelle mittels einer Methode aus der Gruppe von Gewebeschnitten, Biopsie oder „Laser Capture Micro Dissection“ entnommen sind.

65. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 456– 54, dadurch gekennzeichnet, dass eine aufgebrauchte Probe das Material von weniger als 20000 Zellen umfasst.

66. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 65, dadurch gekennzeichnet, dass eine aufgebrauchte Probe das Material von weniger als 1000 Zellen umfasst.

67. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 66, dadurch gekennzeichnet, dass in einer „natur-identischen“ Probe enthaltene Analyten, d.h. insbesondere Biopolymere wie beispielsweise Nukleinsäuren oder Proteine, in nativer Form vorliegen.

68. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 66, dadurch gekennzeichnet, dass in einer „natur-identischen“ Probe enthaltene Analyten, d.h. insbesondere Biopolymere wie beispielsweise Nukleinsäuren oder Proteine, in denaturierter Form vorliegen.

69. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 - 66, dadurch gekennzeichnet, dass die in einer „natur-identischen“ Probe enthaltenen Analyten, d.h. insbesondere Biopolymere wie beispielsweise Nukleinsäuren oder Proteine, nach Behandlung mit Harnstoff, in denaturierter Form vorliegen, wobei die Epitope besagter Analyten für die Bindung ihrer jeweiligen Nachweissubstanzen, beispielsweise von Antikörpern, frei zugänglich sind.

70. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 69, dadurch gekennzeichnet, dass eine oder mehrere besagter Proben vor der Auftragung auf der Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger in einem flüssigen Verdünnungsmedium gelöst und / oder verdünnt wurden und unterschiedliche Verdünnungen einer Probe in unterschiedlichen diskreten Messbereichen auf besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform aufgetragen wurden.

71. Analytische Plattform nach Anspruch 70, dadurch gekennzeichnet, dass eine oder mehrere besagter Proben vor der Auftragung auf besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger in einem flüssigen Verdünnungsmedium gelöst und mindestens um einen Faktor 10 verdünnt wurden.

72. Analytische Plattform nach Anspruch 70, dadurch gekennzeichnet, dass eine oder mehrere besagter Proben vor der Auftragung auf besagter Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger in einem flüssigen Verdünnungsmedium gelöst und mindestens um einen Faktor 30 verdünnt wurden.

73. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 - 72, dadurch gekennzeichnet, dass unterschiedliche aufgetragene Proben dem gleichen Organismus oder der gleichen Zellkultur entnommen wurden.

74. Analytische Plattform nach Anspruch 73, dadurch gekennzeichnet, dass unterschiedliche aufgetragene Proben an verschiedenen Positionen des gleichen Organismus entnommen wurden.

75. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 - 74, dadurch gekennzeichnet, dass unterschiedliche aufgetragene Proben verschiedenen Organismen oder verschiedenen Zellkulturen entnommen wurden.

76. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 - 75, dadurch gekennzeichnet, dass eine oder mehrere Proben vor ihrer Auftragung auf der Evaneszentfeld-Sensorplattform als festem Träger (zur Verbesserung des Haftvermögens auf besagtem festem Träger und Erhöhung der Gleichmässigkeit der Auftragung) mit einer Lösung von Polymeren oder polymerisierbaren Monomeren,

gegebenenfalls in Anwesenheit von Initiatoren, oder von chemischen „Cross-Linkern“ (z. B. Glutaraldehyd) gemischt werden.

77. Analytische Plattform nach Anspruch 76, dadurch gekennzeichnet, dass besagte Lösung von Polymeren oder polymerisierbaren Monomeren oder chemischen „Cross-Linkern“ ausgewählt ist aus der Gruppe, welche Lösungen von Polysacchariden, wie z. B. Agarose, oder von Acrylamiden oder von Glutaraldehyd etc. umfasst.

78. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 76 – 77, dadurch gekennzeichnet, dass die Mischung der einen oder mehreren Proben mit einer Lösung von Polymeren oder polymerisierbaren Monomeren, gegebenenfalls in Anwesenheit von Initiatoren, oder von chemischen „Cross-Linkern“ (z. B. Glutaraldehyd) in der Immobilisierung einer dreidimensionalen Netzwerkstruktur mit darin eingebundenen, für Nachweissubstanzen in dem nachfolgenden Schritt einer Bioaffinitätsreaktion zugänglichen Probenbestandteilen, auf der Evaneszenzfeld-Sensorplattform als festem Träger resultiert.

79. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 78, dadurch gekennzeichnet, dass ein Array mehr als 50, bevorzugt mehr als 500, besonders bevorzugt mehr als 5000 Messbereiche umfasst.

80. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 79, dadurch gekennzeichnet, dass die Messbereiche eines Arrays in einer Dichte von mehr als 10, bevorzugt von mehr als 100, besonders bevorzugt von mehr als 1000 Messbereichen pro Quadratzentimeter angeordnet sind.

81. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 80, dadurch gekennzeichnet, dass auf der Evaneszenzfeld-Sensorplattform als festem Träger eine Vielzahl von Arrays von Messbereichen angeordnet sind.

82. Analytische Plattform nach Anspruch 81, dadurch gekennzeichnet, dass auf der Evaneszenzfeld-Sensorplattform als festem Träger mindestens 5, bevorzugt mindestens 50 Arrays von Messbereichen angeordnet sind.

83. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 82, dadurch gekennzeichnet, dass Bereiche zwischen den diskreten Messbereichen zur Minimierung unspezifischer Bindung von Nachweissubstanzen "passiviert sind", d.h. dass zwischen den räumlich getrennten Messbereichen gegenüber den Analyten und anderen Inhaltsstoffen der aufgetragenen Proben sowie gegenüber den Nachweissubstanzen für besagte Analyten "chemisch neutrale", d.h. diese nicht bindende, Komponenten aufgebracht sind.

84. Analytische Plattform nach Anspruch 83, dadurch gekennzeichnet, dass besagte gegenüber den Analyten und anderen Inhaltsstoffen der aufgetragenen Proben sowie gegenüber den Nachweissubstanzen für besagte Analyten „chemisch neutrale“, d.h. diese nicht bindende, Komponenten ausgewählt sind aus den Gruppen, die von Albuminen, insbesondere Rinderserumalbumin oder Humanserumalbumin, Casein, unspezifischen, polyklonalen oder monoklonalen, artfremden oder empirisch für den oder die nachzuweisenden Analyten unspezifischen Antikörpern (insbesondere für Immunoassays), Detergentien – wie beispielsweise Tween 20 -, nicht mit zu analysierenden Polynukleotiden hybridisierender, fragmentierter natürlicher oder synthetischer DNA, wie beispielsweise ein Extrakt von Herings- oder Lachssperma (insbesondere für Polynukleotid-Hybridisierungsassays), oder auch ungeladenen, aber hydrophilen Polymeren, wie beispielsweise Polyethylenglycolen oder Dextranen, gebildet werden.

85. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 84, dadurch gekennzeichnet, dass es sich bei den in diskreten Messbereichen aufgetragenen Proben enthaltenden, nachzuweisenden Analyten um Verbindungen aus der Gruppe handelt, die von Proteinen, beispielsweise mono- oder polyklonalen Antikörpern und Antikörperfragmenten, Peptiden, Enzymen, Glycopeptiden, Oligosacchariden, Lektinen, Antigenen für Antikörper, mit zusätzlichen Bindungsstellen funktionalisierten Proteinen („Tag-Proteinen“, wie beispielsweise „Histidin-Tag-Proteinen“) sowie Nukleinsäuren (beispielsweise DNA, RNA) gebildet wird.

86. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 84, dadurch gekennzeichnet, dass es sich bei den in diskreten Messbereichen aufgetragenen Proben enthaltenden, nachzuweisenden Analyten um Verbindungen aus der Gruppe

handelt, welche cytosolische oder membrangebundene Zellproteine, insbesondere an den Prozessen der Signaltransduktion in Zellen beteiligte Proteine, wie z. B. Kinasen, umfasst.

87. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 86, dadurch gekennzeichnet, dass die Evaneszenzfeld-Sensorplattform eine dünne Metallschicht, gegebenenfalls auf einer darunter befindlichen Zwischenschicht mit Brechungsindex vorzugsweise < 1.5 , wie beispielsweise Siliciumdioxid oder Magnesiumfluorid, umfasst, wobei die Dicke der Metallschicht und der eventuellen Zwischenschicht so ausgewählt ist, dass ein Oberflächenplasmon bei der Wellenlänge eines eingestrahnten Anregungslichts und / oder bei der Wellenlänge einer erzeugten Lumineszenz angeregt werden kann.

88. Analytische Plattform nach Anspruch 87, dadurch gekennzeichnet, dass das Metall ausgewählt ist aus der Gruppe, welche Gold und Silber umfasst.

89. Analytische Plattform nach Anspruch 87, dadurch gekennzeichnet, dass die Metallschicht eine Dicke zwischen 10 nm und 1000 nm, bevorzugt zwischen 30 nm und 200 nm, hat.

90. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 89, dadurch gekennzeichnet, dass die Evaneszenzfeld-Sensorplattform als fester Träger einen optischen Wellenleiter, umfassend eine oder mehrere Schichten, umfasst.

91. Analytische Plattform nach Anspruch 90, dadurch gekennzeichnet, dass die Evaneszenzfeld-Sensorplattform als fester Träger einen durchgehenden oder in diskrete wellenleitende Bereiche aufgeteilten planaren optischen Wellenleiter, umfassend eine oder mehrere Schichten, umfasst.

92. Analytische Plattform nach Anspruch 91, dadurch gekennzeichnet, dass die Evaneszenzfeld-Sensorplattform als fester Träger einen planaren optischen Dünnschichtwellenleiter mit einer im wesentlichen optisch transparenten, wellenleitenden Schicht (a) auf einer zweiten, ebenfalls im wesentlichen optisch transparenten Schicht (b) mit niedrigerem Brechungsindex als Schicht (a) und

gegebenenfalls einer ebenfalls im wesentlichen optisch transparenten Zwischenschicht (b') zwischen Schicht (a) und Schicht (b) mit ebenfalls niedrigerem Brechungsindex als Schicht (a) umfasst.

93. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 92, dadurch gekennzeichnet, dass eine wellenleitende Schicht der Evaneszenzfeld-Sensorplattform mit einem oder mehreren optischen Koppellementen in optischem Kontakt steht, welche die Einkopplung von Anregungslicht von einer oder mehreren Lichtquellen in die besagte wellenleitende Schicht ermöglichen, wobei besagte optische Koppellemente ausgewählt sind aus der Gruppe von Prismenkopplern, evaneszenten Kopplern mit zusammengebrachten optischen Wellenleitern mit überlappenden evaneszenten Feldern, Stirnflächenkopplern mit vor einer Stirnseite der besagten wellenleitenden Schicht der Evaneszenzfeld-Sensorplattform angeordneten fokussierenden Linsen, vorzugsweise Zylinderlinsen, und Gitterkopplern.

94. Analytische Plattform nach Anspruch 93, dadurch gekennzeichnet, dass in einer wellenleitenden Schicht der Evaneszenzfeld-Sensorplattform eine oder mehrere Gitterstrukturen (c) ausgeprägt sind, welche die Einkopplung von Anregungslicht von einer oder mehreren Lichtquellen ermöglichen.

95. Analytische Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 94, dadurch gekennzeichnet, dass in einer wellenleitenden Schicht der Evaneszenzfeld-Sensorplattform eine oder mehrere Gitterstrukturen (c') mit gleicher oder unterschiedlicher Gitterperiode und Gittertiefe wie Gitterstrukturen (c) ausgeprägt sind, welche die Auskopplung von in besagter wellenleitender Schicht geführtem Licht ermöglichen.

96. Verwendung eines Verfahrens nach einem der Ansprüche 1 – 55 oder einer analytischen Plattform nach einem der Ansprüche 56 – 95 zu quantitativen und / oder qualitativen Analysen zur Bestimmung chemischer, biochemischer oder biologischer Analyten in Screeningverfahren in der Pharmaforschung, der Kombinatorischen Chemie, der Klinischen und Präklinischen Entwicklung, zu Echtzeitbindungsstudien und zur Bestimmung kinetischer Parameter im Affinitätsscreening und in der Forschung, zu qualitativen und quantitativen Analytbestimmungen, insbesondere für

die DNA- und RNA-Analytik und die Bestimmung von genomischen oder proteomischen Unterschieden im Genom, wie beispielsweise Einzelnukleotid-Polymorphismen, zur Messung von Protein-DNA-Wechselwirkungen, zur Bestimmung von Steuerungsmechanismen für die m-RNA-Expression und für die Protein(bio)synthese, für die Erstellung von Toxizitätsstudien sowie für die Bestimmung von Expressionsprofilen, insbesondere zur Bestimmung von biologischen und chemischen Markerstoffen, wie mRNA, Proteinen, Peptiden oder niedermolekularen organischen (Boten-)Stoffen, sowie zum Nachweis von Antikörpern, Antigenen, Pathogenen oder Bakterien in der pharmazeutischen Produktforschung und -entwicklung, der Human- und Veterinärmedizin, der Agrochemischen Produktforschung und -entwicklung, der symptomatischen und präsymptomatischen Pflanzendiagnostik, zur Patientenstratifizierung in der pharmazeutischen Produktentwicklung und für die therapeutische Medikamentenauswahl, zum Nachweis von Pathogenen, Schadstoffen und Erregern, insbesondere von Salmonellen, Prionen, Viren und Bakterien, insbesondere in der Lebensmittel- und Umweltanalytik.

Fig. 1:

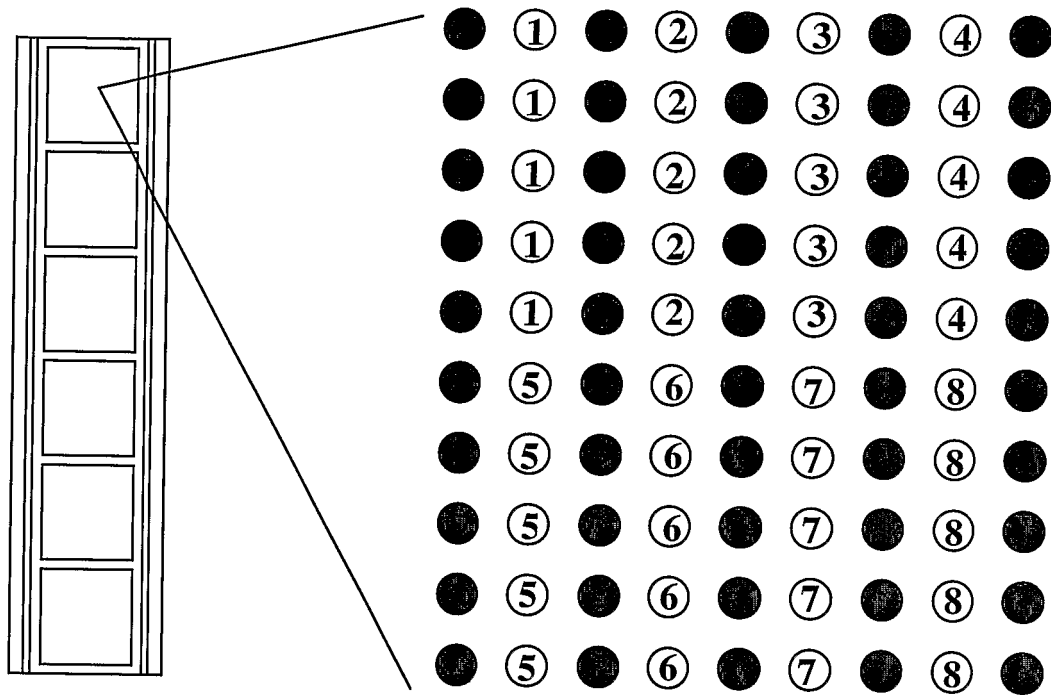
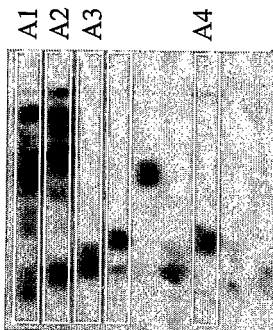
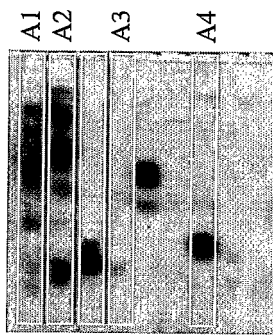


Fig. 2A:



A1: Phospho-(Ser) PKC Substrat; A2 : Phospho-(Ser/Thr) Akt Substrat; A3: Phospho-p44/42 MAP Kinase (Thr202/Tyr204); A4: p44/42 MAP Kinase (Thr202/Tyr204).

Fig. 2B:

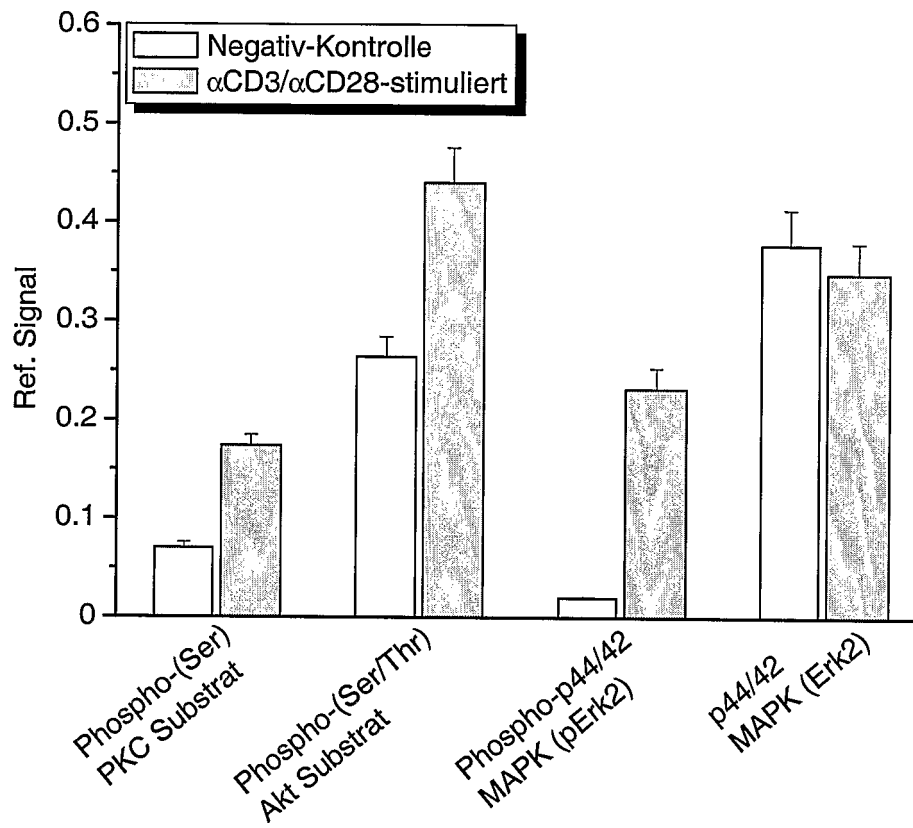


Fig. 3A:

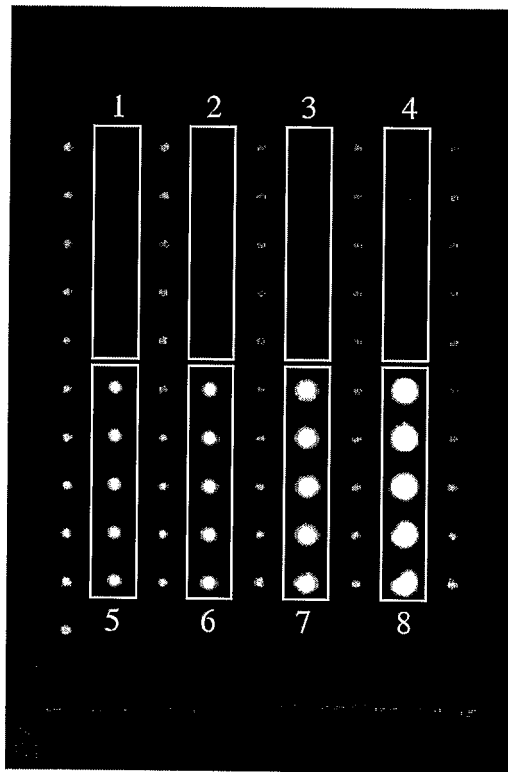


Fig. 3B:

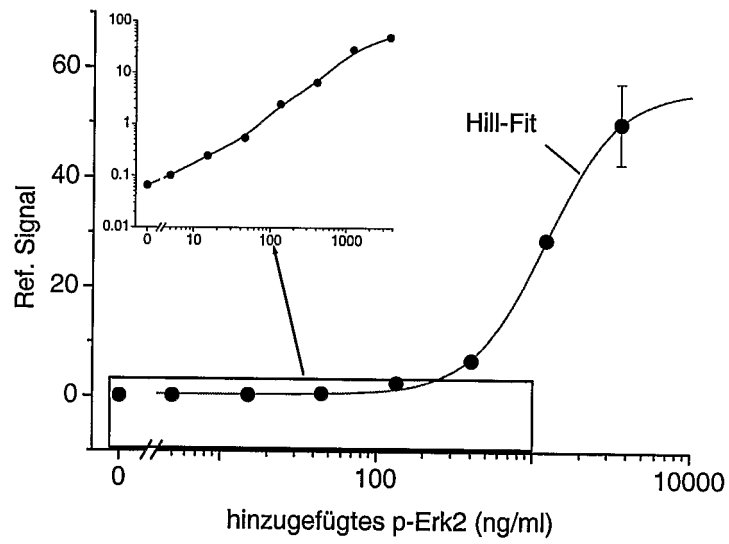


Fig. 4A:

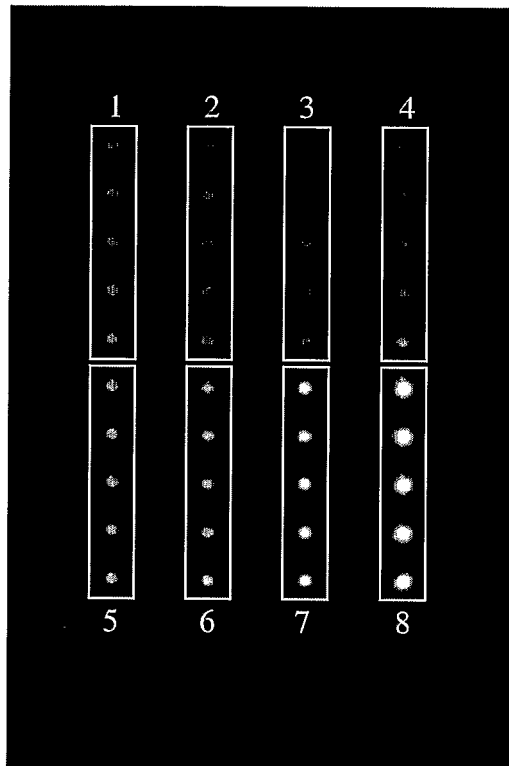


Fig. 4B

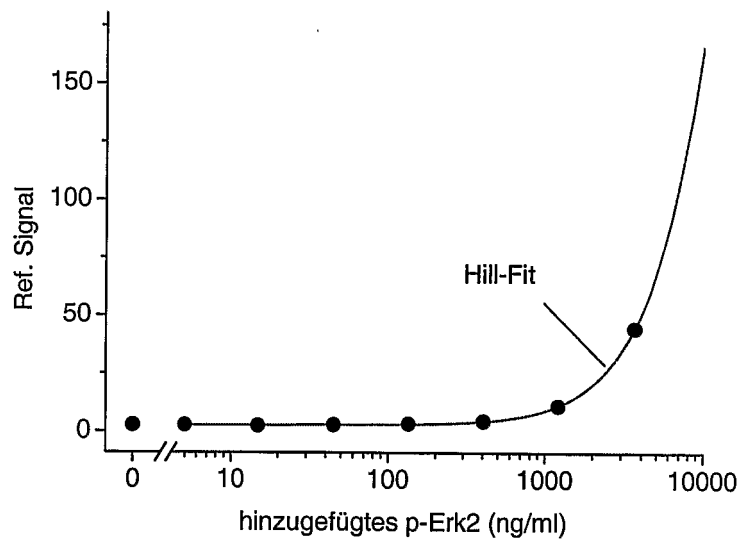


Fig. 5A

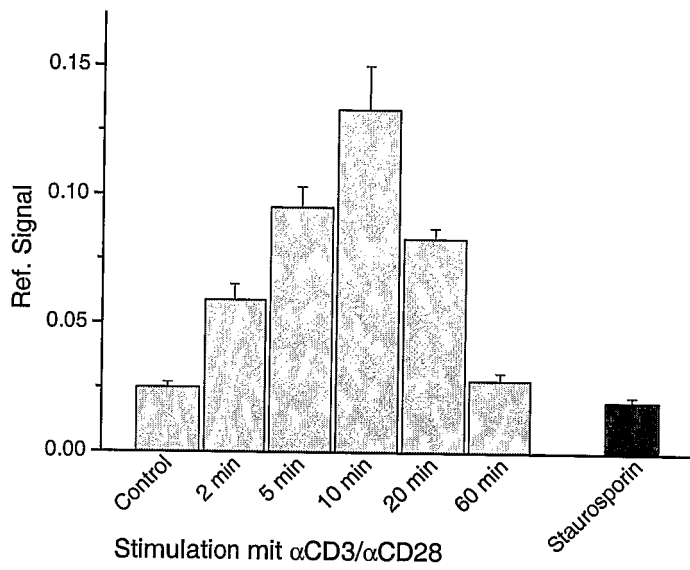
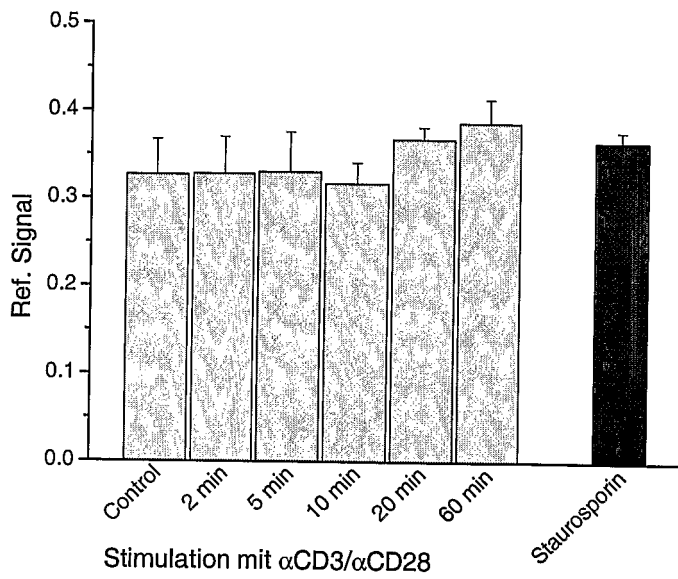


Fig. 5B:



INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International Application No

PCT/EP 03/09561

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER
IPC 7 G01N33/543

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

B. FIELDS SEARCHED

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)
IPC 7 G01N

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practical, search terms used)

EPO-Internal, WPI Data, MEDLINE, EMBASE, BIOSIS

C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category °	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	DUVENECK, G. L. : "Novel bioaffinity sensors for trace analysis based on luminescence excitation by planar waveguides" SENSORS AND ACTUATORS, vol. B, no. 38-39, 1997, pages 88-95, XP004083676 the whole document	1-96
A	WO 97 35181 A (UNIVERSITY OF UTAH) 25 September 1997 (1997-09-25) claims 1-31	1-96
A	WO 98 29736 A (GENOMETRIX INCORPORATED) 9 July 1998 (1998-07-09) claims 1-92	1-96
	-/--	

Further documents are listed in the continuation of box C.

Patent family members are listed in annex.

° Special categories of cited documents :

- *A* document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance
- *E* earlier document but published on or after the international filing date
- *L* document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)
- *O* document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means
- *P* document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed

- *T* later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention
- *X* document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone
- *Y* document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art.
- *Z* document member of the same patent family

Date of the actual completion of the international search

21 November 2003

Date of mailing of the international search report

16/12/2003

Name and mailing address of the ISA

European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2
NL - 2280 HV Rijswijk
Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl,
Fax: (+31-70) 340-3016

Authorized officer

Moreno de Vega, C

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International Application No

PCT/EP 03/09561

C.(Continuation) DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category °	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	US 5 822 472 A (NOVARTIS CORPORATION) 13 October 1998 (1998-10-13) claims 1-36 ---	1-96
X	PAWLAK, M ET AL: "Functional immobilization of biomembrane fragments on planar waveguides for the investigation of side-directed ligand binding by surface confined fluorescence" FARADAY DISCUSSIONS, no. 111, 1998, pages 273-288, XP001156169 England the whole document ---	1-96
A	US 6 078 705 A (NOVARTIS AG) 20 June 2000 (2000-06-20) claims 1-26 ---	1-96
Y	WO 01 84197 A (EDGELIGHT BIOSCIENCES - OPTICAL CROSSLINKS) 8 November 2001 (2001-11-08) the whole document ---	1-96
Y	PAWLAK, M. ET AL: "Zeptosens' protein microarrays: A novel high performance microarray platform for low abundance protein analysis" PROTEOMICS, vol. 2, 2002, pages 383-393, XP009021061 the whole document ---	1-96
Y	WO 02 20873 A (ZEPTOSENS AG) 14 March 2002 (2002-03-14) the whole document -----	1-96

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Information on patent family members

International Application No

PCT/EP 03/09561

Patent document cited in search report	A	Publication date	Patent family member(s)	Publication date
WO 9735181	A	25-09-1997	AU 2334497	10-10-1997
			CA 2248189	25-09-1997
			EP 0890093	13-01-1999
			JP 2000507350	13-06-2000
			NO 984355	13-11-1998
			WO 9735181	25-09-1997
			US 6287871	11-09-2001
WO 9829736	A	09-07-1998	AU 6646398	31-07-1998
			CA 2389358	09-07-1998
			EP 1249705	16-10-2002
			EP 0990142	05-04-2000
			JP 2001510339	31-07-2001
			JP 2003107097	09-04-2003
			US 6083763	04-07-2000
			WO 9829736	09-07-1998
			US 6331441	18-12-2001
			US 6312960	06-11-2001
US 6479301	12-11-2002			
US 5822472	A	13-10-1998	AT 172300	15-10-1998
			AT 216491	15-05-2002
			AU 2317995	21-12-1995
			AU 689604	02-04-1998
			AU 2734695	21-12-1995
			CA 2190362	07-12-1995
			CA 2190643	07-12-1995
			CN 1149335	07-05-1997
			CN 1149336	07-05-1997
			CZ 9603471	11-06-1997
			CZ 9603472	12-03-1997
			DE 69505370	19-11-1998
			DE 69505370	01-04-1999
			DE 69526438	23-05-2002
			DE 69526438	31-10-2002
			DK 760944	05-08-2002
			WO 9533197	07-12-1995
			EP 0759159	26-02-1997
			EP 0760944	12-03-1997
			ES 2174948	16-11-2002
			FI 964664	24-01-1997
			FI 964684	27-01-1997
			HU 76407	28-08-1997
HU 76406	28-08-1997			
WO 9533198	07-12-1995			
JP 10501616	10-02-1998			
JP 10501617	10-02-1998			
PL 317379	01-04-1997			
PL 317402	14-04-1997			
SK 151296	09-07-1997			
SK 151396	09-07-1997			
US 5959292	28-09-1999			
ZA 9504325	27-11-1995			
ZA 9504327	27-11-1995			
US 6078705	A	20-06-2000	AU 5763296	29-11-1996
			BR 9608503	06-07-1999
			CA 2219769	14-11-1996

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Information on patent family members

International Application No

PCT/EP 03/09561

Patent document cited in search report		Publication date	Patent family member(s)	Publication date
US 6078705	A		WO 9635940 A1	14-11-1996
			EP 0824684 A1	25-02-1998
			JP 11505610 T	21-05-1999
			PL 323257 A1	16-03-1998
			US 6289144 B1	11-09-2001
			ZA 9603731 A	12-11-1996
<hr style="border-top: 1px dashed black;"/>				
WO 0184197	A	08-11-2001	AU 6109401 A	12-11-2001
			CA 2407701 A1	08-11-2001
			EP 1285290 A1	26-02-2003
			JP 2003532123 T	28-10-2003
			WO 0184197 A1	08-11-2001
			US 2002110839 A1	15-08-2002
<hr style="border-top: 1px dashed black;"/>				
WO 0220873	A	14-03-2002	AU 8985901 A	22-03-2002
			WO 0220873 A2	14-03-2002
			EP 1315968 A2	04-06-2003
<hr style="border-top: 1px dashed black;"/>				

INTERNATIONALER RESEARCHENBERICHT

Internationaler Aktenzeichen

PCT/EP 03/09561

A. KLASSIFIZIERUNG DES ANMELDUNGSGEGENSTANDES
IPK 7 G01N33/543

Nach der Internationalen Patentklassifikation (IPK) oder nach der nationalen Klassifikation und der IPK

B. RESEARCHIERTE GEBIETE

Recherchierter Mindestprüfstoff (Klassifikationssystem und Klassifikationssymbole)
IPK 7 G01N

Recherchierte aber nicht zum Mindestprüfstoff gehörende Veröffentlichungen, soweit diese unter die recherchierten Gebiete fallen

Während der internationalen Recherche konsultierte elektronische Datenbank (Name der Datenbank und evtl. verwendete Suchbegriffe)

EPO-Internal, WPI Data, MEDLINE, EMBASE, BIOSIS

C. ALS WESENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN

Kategorie*	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der in Betracht kommenden Teile	Betr. Anspruch Nr.
A	DUVENECK, G. L. : "Novel bioaffinity sensors for trace analysis based on luminescence excitation by planar waveguides" SENSORS AND ACTUATORS, Bd. B, Nr. 38-39, 1997, Seiten 88-95, XP004083676 das ganze Dokument	1-96
A	WO 97 35181 A (UNIVERSITY OF UTAH) 25. September 1997 (1997-09-25) Ansprüche 1-31	1-96
A	WO 98 29736 A (GENOMETRIX INCORPORATED) 9. Juli 1998 (1998-07-09) Ansprüche 1-92	1-96
	--- -/-- ---	

Weitere Veröffentlichungen sind der Fortsetzung von Feld C zu entnehmen

Siehe Anhang Patentfamilie

* Besondere Kategorien von angegebenen Veröffentlichungen :

- *A* Veröffentlichung, die den allgemeinen Stand der Technik definiert, aber nicht als besonders bedeutsam anzusehen ist
- *E* älteres Dokument, das jedoch erst am oder nach dem internationalen Anmeldedatum veröffentlicht worden ist
- *L* Veröffentlichung, die geeignet ist, einen Prioritätsanspruch zweifelhaft erscheinen zu lassen, oder durch die das Veröffentlichungsdatum einer anderen im Recherchenbericht genannten Veröffentlichung belegt werden soll oder die aus einem anderen besonderen Grund angegeben ist (wie ausgeführt)
- *O* Veröffentlichung, die sich auf eine mündliche Offenbarung, eine Benutzung, eine Ausstellung oder andere Maßnahmen bezieht
- *P* Veröffentlichung, die vor dem internationalen Anmeldedatum, aber nach dem beanspruchten Prioritätsdatum veröffentlicht worden ist

- *T* Spätere Veröffentlichung, die nach dem internationalen Anmeldedatum oder dem Prioritätsdatum veröffentlicht worden ist und mit der Anmeldung nicht kollidiert, sondern nur zum Verständnis des der Erfindung zugrundeliegenden Prinzips oder der ihr zugrundeliegenden Theorie angegeben ist
- *X* Veröffentlichung von besonderer Bedeutung; die beanspruchte Erfindung kann allein aufgrund dieser Veröffentlichung nicht als neu oder auf erfinderischer Tätigkeit beruhend betrachtet werden
- *Y* Veröffentlichung von besonderer Bedeutung; die beanspruchte Erfindung kann nicht als auf erfinderischer Tätigkeit beruhend betrachtet werden, wenn die Veröffentlichung mit einer oder mehreren anderen Veröffentlichungen dieser Kategorie in Verbindung gebracht wird und diese Verbindung für einen Fachmann naheliegend ist
- *Z* Veröffentlichung, die Mitglied derselben Patentfamilie ist

Datum des Abschlusses der internationalen Recherche

Absenddatum des internationalen Recherchenberichts

21. November 2003

16/12/2003

Name und Postanschrift der Internationalen Recherchenbehörde
Europäisches Patentamt, P.B. 5618 Patentlaan 2
NL - 2280 HV Rijswijk
Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl,
Fax: (+31-70) 340-3016

Bevollmächtigter Bediensteter

Moreno de Vega, C

INTERNATIONALE RESEARCHENBERICHT

International Aktenzeichen

PCT/EP 03/09561

C.(Fortsetzung) ALS WESENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN

Kategorie°	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der in Betracht kommenden Teile	Betr. Anspruch Nr.
A	US 5 822 472 A (NOVARTIS CORPORATION) 13. Oktober 1998 (1998-10-13) Ansprüche 1-36 ---	1-96
X	PAWLAK, M ET AL: "Functional immobilization of biomembrane fragments on planar waveguides for the investigation of side-directed ligand binding by surface confined fluorescence" FARADAY DISCUSSIONS, Nr. 111, 1998, Seiten 273-288, XP001156169 England das ganze Dokument ---	1-96
A	US 6 078 705 A (NOVARTIS AG) 20. Juni 2000 (2000-06-20) Ansprüche 1-26 ---	1-96
Y	WO 01 84197 A (EDGE LIGHT BIOSCIENCES - OPTICAL CROSSLINKS) 8. November 2001 (2001-11-08) das ganze Dokument ---	1-96
Y	PAWLAK, M. ET AL: "Zeptosens' protein microarrays: A novel high performance microarray platform for low abundance protein analysis" PROTEOMICS, Bd. 2, 2002, Seiten 383-393, XP009021061 das ganze Dokument ---	1-96
Y	WO 02 20873 A (ZEPTOSENS AG) 14. März 2002 (2002-03-14) das ganze Dokument -----	1-96

INTERNATIONALER RESEARCHBERICHT

Angaben zu Veröffentlichungen, die zur selben Patentfamilie gehören

Internationale Patentzeichen

PCT/EP 03/09561

Im Recherchenbericht angeführtes Patentdokument		Datum der Veröffentlichung	Mitglied(er) der Patentfamilie	Datum der Veröffentlichung
WO 9735181	A	25-09-1997	AU 2334497 A	10-10-1997
			CA 2248189 A1	25-09-1997
			EP 0890093 A1	13-01-1999
			JP 2000507350 T	13-06-2000
			NO 984355 A	13-11-1998
			WO 9735181 A1	25-09-1997
			US 6287871 B1	11-09-2001

WO 9829736	A	09-07-1998	AU 6646398 A	31-07-1998
			CA 2389358 A1	09-07-1998
			EP 1249705 A2	16-10-2002
			EP 0990142 A1	05-04-2000
			JP 2001510339 T	31-07-2001
			JP 2003107097 A	09-04-2003
			US 6083763 A	04-07-2000
			WO 9829736 A1	09-07-1998
			US 6331441 B1	18-12-2001
			US 6312960 B1	06-11-2001
			US 6479301 B1	12-11-2002

US 5822472	A	13-10-1998	AT 172300 T	15-10-1998
			AT 216491 T	15-05-2002
			AU 2317995 A	21-12-1995
			AU 689604 B2	02-04-1998
			AU 2734695 A	21-12-1995
			CA 2190362 A1	07-12-1995
			CA 2190643 A1	07-12-1995
			CN 1149335 A	07-05-1997
			CN 1149336 A	07-05-1997
			CZ 9603471 A3	11-06-1997
			CZ 9603472 A3	12-03-1997
			DE 69505370 D1	19-11-1998
			DE 69505370 T2	01-04-1999
			DE 69526438 D1	23-05-2002
			DE 69526438 T2	31-10-2002
			DK 760944 T3	05-08-2002
			WO 9533197 A1	07-12-1995
			EP 0759159 A1	26-02-1997
			EP 0760944 A1	12-03-1997
			ES 2174948 T3	16-11-2002
			FI 964664 A	24-01-1997
			FI 964684 A	27-01-1997
			HU 76407 A2	28-08-1997
			HU 76406 A2	28-08-1997
			WO 9533198 A1	07-12-1995
			JP 10501616 T	10-02-1998
			JP 10501617 T	10-02-1998
PL 317379 A1	01-04-1997			
PL 317402 A1	14-04-1997			
SK 151296 A3	09-07-1997			
SK 151396 A3	09-07-1997			
US 5959292 A	28-09-1999			
ZA 9504325 A	27-11-1995			
ZA 9504327 A	27-11-1995			

US 6078705	A	20-06-2000	AU 5763296 A	29-11-1996
			BR 9608503 A	06-07-1999
			CA 2219769 A1	14-11-1996

INTERNATIONALER RESEARCHBERICHT

Angaben zu Veröffentlichungen, die zur selben Patentfamilie gehören

Internationaler Patentkennzeichen

PCT/EP 03/09561

Im Rechenbericht angeführtes Patentdokument	Datum der Veröffentlichung	Mitglied(er) der Patentfamilie	Datum der Veröffentlichung
US 6078705 A		WO 9635940 A1 EP 0824684 A1 JP 11505610 T PL 323257 A1 US 6289144 B1 ZA 9603731 A	14-11-1996 25-02-1998 21-05-1999 16-03-1998 11-09-2001 12-11-1996
WO 0184197 A	08-11-2001	AU 6109401 A CA 2407701 A1 EP 1285290 A1 JP 2003532123 T WO 0184197 A1 US 2002110839 A1	12-11-2001 08-11-2001 26-02-2003 28-10-2003 08-11-2001 15-08-2002
WO 0220873 A	14-03-2002	AU 8985901 A WO 0220873 A2 EP 1315968 A2	22-03-2002 14-03-2002 04-06-2003

专利名称(译)	具有分析物的分析平台和检测方法，所述分析物以固定的特异性结合配偶体的形式在样品中检测		
公开(公告)号	EP1561109A1	公开(公告)日	2005-08-10
申请号	EP2003793766	申请日	2003-08-28
[标]申请(专利权)人(译)	ZEPTOSENS		
申请(专利权)人(译)	ZEPTOSENS AG		
当前申请(专利权)人(译)	拜耳知识产权GMBH		
[标]发明人	PAWLAK MICHAEL SCHICK EGINHARD OROSZLAN PETER		
发明人	PAWLAK, MICHAEL SCHICK, EGINHARD OROSZLAN, PETER		
IPC分类号	G01N33/566 C12M1/00 C12M1/34 C12Q1/68 G01N21/76 G01N33/53 G01N33/543 G01N33/553		
CPC分类号	G01N33/54353 G01N33/54373		
优先权	2002001502 2002-09-03 CH 2003000114 2003-01-27 CH		
外部链接	Espacenet		

摘要(译)

本发明涉及一种分析平台及其所用的方法，用于检测多个天然相同的样品，用于参与分析物形式的特异性结合反应的生物学相关化合物，其特征在于所述样品的所述样品或稀释液，与样品的原始相对分子组成相比，在不改变相对分子组成的情况下应用其中包含的待检测分析物，作为离散的至少一个一维或二维阵列中的第一多个特异性结合配偶体测量作为固定载体的evanescence场传感器平台上的区域；一个或多个检测物质在一个或多个步骤中接触与上述离散测量区域中以第二多个特异性结合配偶体形式应用的样品的特异性结合反应，用于特异性检测来自所述第一多个特异性结合配偶体的样品中包含的一种或多种分析物；在消散场传感器平台的消逝场中以局部分辨率测量由检测物质与离散测量区域中的样品中包含的分析物结合而产生的光电信号的修改，并且要特异性检测的分析物的存在是基于来自相应测量的所述光电信号的修改的相对量，定量地或定性地确定区域。