

(19) 日本国特許庁(JP)

(12) 公表特許公報(A)

(11) 特許出願公表番号

特表2006-500008

(P2006-500008A)

(43) 公表日 平成18年1月5日(2006.1.5)

(51) Int. Cl.	F I	テーマコード (参考)
C 1 2 N 15/09 (2006.01)	C 1 2 N 15/00 Z N A A	2 G O 4 5
A 6 1 K 39/395 (2006.01)	A 6 1 K 39/395 C	4 B O 2 4
A 6 1 K 45/00 (2006.01)	A 6 1 K 39/395 D	4 B O 6 3
A 6 1 P 7/02 (2006.01)	A 6 1 K 39/395 L	4 B O 6 4
A 6 1 P 7/04 (2006.01)	A 6 1 K 39/395 N	4 C O 8 4

審査請求 未請求 予備審査請求 未請求 (全 163 頁) 最終頁に続く

(21) 出願番号	特願2004-520006 (P2004-520006)	(71) 出願人	502409813
(86) (22) 出願日	平成15年7月3日 (2003.7.3)		ザ・トラステイズ・オブ・ザ・ユニバー シテイ・オブ・ペンシルベニア
(85) 翻訳文提出日	平成17年2月18日 (2005.2.18)		アメリカ合衆国ペンシルベニア州1910 4フィラデルフィア・スイート200・チ エスナットストリート3160
(86) 国際出願番号	PCT/US2003/021304	(74) 代理人	100060782
(87) 国際公開番号	W02004/005890		弁理士 小田島 平吉
(87) 国際公開日	平成16年1月15日 (2004.1.15)	(72) 発明者	シーゲル, ドナルド・エル
(31) 優先権主張番号	60/394, 352		アメリカ合衆国ペンシルベニア州1944 6ランスデイル・ブランドンコート258 2
(32) 優先日	平成14年7月3日 (2002.7.3)	Fターム(参考)	2G045 AA34 AA35 DA13 DA36 FB02 FB03
(33) 優先権主張国	米国 (US)		
(31) 優先権主張番号	60/411, 694		
(32) 優先日	平成14年9月18日 (2002.9.18)		
(33) 優先権主張国	米国 (US)		

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】 抗血小板自己抗体およびそのインヒビターに関連する組成物、方法およびキット

(57) 【要約】

本発明は、抗血小板自己抗体を同定しそして製造する新規な方法に関する。さらに好ましくは、本発明は、ヒトモノクローナル抗血小板自己抗体の同定および製造に関する。さらに、本発明は、血小板もしくは血小板成分と結合する抗血小板自己抗体のインヒビターを製造しそして同定する方法に関する。さらに、本発明は、とりわけ、特発性血小板減少性紫斑病のようなしかしこれに限定されるものではない、血小板もしくはその成分と特異的に結合する抗血小板自己抗体により媒介される疾患、障害もしくは症状を処置するかもしくは軽減する方法に関する。

【特許請求の範囲】

【請求項 1】

哺乳類における抗血小板自己抗体を同定する方法であって、該哺乳類から得られるBリンパ球より抗体ファージディスプレイライブラリーを作製すること、血小板成分と特異的に結合するファージを検出するために該ライブラリーをスクリーニングすることを含んでなり、ここで、該スクリーニングは競合的細胞表面パニングを用いて無傷血小板上で該ファージをパニングすることを含んでなり、それにより該哺乳類における該抗血小板自己抗体を同定する方法。

【請求項 2】

該哺乳類がヒトである請求項 1 の方法。

10

【請求項 3】

該哺乳類が特発性血小板減少性紫斑病に苦しむ請求項 2 の方法。

【請求項 4】

該血小板成分が GPIIb/IIIa、GPIIb/IIIa および GPIb/IX よりなる群から選択される請求項 1 の方法。

【請求項 5】

請求項 1 の方法により同定される自己抗体。

【請求項 6】

ヒトモノクローナル抗血小板自己抗体。

【請求項 7】

該自己抗体が IgG 抗体である請求項 6 の自己抗体。

20

【請求項 8】

さらに該自己抗体が GPIIb/IIIa と特異的に結合する請求項 6 の自己抗体。

【請求項 9】

該自己抗体が GPIIb/IIIa と特異的に結合するが、結合に IIIb の N 末端部分を必要としない請求項 8 の自己抗体。

【請求項 10】

該 N 末端部分が該 IIIb (GenBank 受託番号 P08514 ; 配列番号 : 153) の約アミノ酸残基番号 1 ~ 約アミノ酸残基番号 446 を含んでなる請求項 9 の自己抗体。

30

【請求項 11】

該自己抗体が IIIb (GenBank 受託番号 P08514 ; 配列番号 : 153) の約アミノ酸残基番号 447 ~ 約アミノ酸残基番号 1009 を含んでなる GPIIb/IIIa の結合部分を必要とする請求項 9 の自己抗体。

【請求項 12】

自己抗体が H44L4 [配列番号 : 64 (H44) および配列番号 : 70 (L4)]、H46L16 [配列番号 : 66 (H46) および配列番号 : 71 (L16)]、H48L24 [配列番号 : 68 (H48) および配列番号 : 72 (L24)]、H36L35 [配列番号 : 57 (H36) および配列番号 : 74 (L35)]、H40L36 [配列番号 : 61 (H40) および配列番号 : 75 (L36)]、H83L34 [配列番号 : 69 (H83) および配列番号 : 73 (L34)]、H39L37 [配列番号 : 60 (H39) および配列番号 : 76 (L37)]、H42L38 [配列番号 : 63 (H42) および配列番号 : 77 (L38)]、H38L39 [配列番号 : 59 (H38) および配列番号 : 78 (L39)]、H37L40 [配列番号 : 58 (H37) および配列番号 : 79 (L40)]、H37L41 [配列番号 : 58 (H37) および配列番号 : 80 (L41)]、H40L42 [配列番号 : 61 (H40) および配列番号 : 81 (L42)]、H39L43 [配列番号 : 60 (H39) および配列番号 : 82 (L43)]、H37L44 [配列番号 : 58 (H37) および配列番号 : 83 (L44)]、H39L44 [配列番号 : 60 (H39) および配列番号 : 83 (L44)]、H37L45 [配列番号 : 58 (H37) および配列番号 : 84 (L45)]、H39L46 [配列番号 : 60 (H39) お

40

50

よび配列番号：85(L46)]、H37L47[配列番号：58(H37)および配列番号：86(L47)]、H37L48[配列番号：58(H37)および配列番号：87(L48)]、H38L49[配列番号：59(H38)および配列番号：88(L49)]、H37L50[配列番号：58(H37)および配列番号：89(L50)]、H41L51[配列番号：62(H41)および配列番号：90(L51)]、H40L52[配列番号：61(H40)および配列番号：91(L52)]、H40L53[配列番号：61(H40)および配列番号：92(L53)]、H38L54[配列番号：59(H38)および配列番号：93(L54)]、H38L55[配列番号：59(H38)および配列番号：94(L55)]、H45L61[配列番号：84(H45)および配列番号：95(L61)]、H47L63[配列番号：67(H47)および配列番号：96(L63)]、H47L64[配列番号：67(H47)および配列番号：97(L64)]、H38L72[配列番号：59(H38)および配列番号：98(L72)]、H38L74[配列番号：59(H38)および配列番号：99(L74)]、H38L75[配列番号：59(H38)および配列番号：100(L75)]、H38L76[配列番号：59(H38)および配列番号：101(L76)]、H36L76[配列番号：57(H36)および配列番号：101(L76)]、H37L92[配列番号：58(H37)および配列番号：103(L92)]、H29L104[配列番号：56(H29)および配列番号：104(L104)]、H4L106[配列番号：54(H4)および配列番号：105(L106)]ならびにH10L122[配列番号：55(H10)および配列番号：106(L122)]よりなる群から選択される抗血小板自己抗体。

10

20

【請求項13】

自己抗体が配列番号：54(H4)、配列番号：55(H10)、配列番号：56(H29)、配列番号：57(H36)、配列番号：58(H37)、配列番号：59(H38)、配列番号：60(H39)、配列番号：61(H40)、配列番号：62(H41)、配列番号：63(H42)、配列番号：64(H44)、配列番号：65(H45)、配列番号：66(H46)、配列番号：67(H47)、配列番号：68(H48)および配列番号：69(H83)よりなる群から選択されるアミノ酸配列を含んでなる重鎖を含んでなる抗血小板自己抗体。

【請求項14】

該自己抗体が配列番号：70(L4)、配列番号：71(L16)、配列番号：72(L24)、配列番号：73(L34)、配列番号：74(L35)、配列番号：75(L36)、配列番号：76(L37)、配列番号：77(L38)、配列番号：78(L39)、配列番号：79(L40)、配列番号：80(L41)、配列番号：81(L42)、配列番号：82(L43)、配列番号：83(L44)、配列番号：84(L45)、配列番号：86(L47)、配列番号：87(L48)、配列番号：88(L49)、配列番号：89(L50)、配列番号：90(L51)、配列番号：91(L52)、配列番号：92(L53)、配列番号：93(L54)、配列番号：94(L55)、配列番号：95(L61)、配列番号：96(L63)、配列番号：97(L64)、配列番号：98(L72)、配列番号：99(L74)、配列番号：100(L75)、配列番号：101(L76)、配列番号：102(L125)、配列番号：103(L92)、配列番号：104(L104)、配列番号：105(L106)および配列番号：106(L122)よりなる群から選択されるアミノ酸配列を含んでなる軽鎖をさらに含んでなる請求項13の自己抗体。

30

40

【請求項15】

該重鎖がH38(配列番号：78)であり、そして該軽鎖がL39(配列番号：78)、L54(配列番号：93)、L55(配列番号：94)、L72(配列番号：98)、L74(配列番号：99)、L75(配列番号：100)、L76(配列番号：101)およびL92(配列番号：103)よりなる群から選択される請求項14の自己抗体。

【請求項16】

50

該重鎖が H 3 7 であり、そして該軽鎖が L 4 0、L 4 1、L 4 4、L 4 5、L 4 7、L 4 8、L 5 0、L 9 3 よりなる群から選択される請求項 1 4 の自己抗体。

【請求項 1 7】

自己抗体が配列番号：7 0 (L 4)、配列番号：7 1 (L 1 6)、配列番号：7 2 (L 2 4)、配列番号：7 3 (L 3 4)、配列番号：7 4 (L 3 5)、配列番号：7 5 (L 3 6)、配列番号：7 6 (L 3 7)、配列番号：7 7 (L 3 8)、配列番号：7 8 (L 3 9)、配列番号：7 9 (L 4 0)、配列番号：8 0 (L 4 1)、配列番号：8 1 (L 4 2)、配列番号：8 2 (L 4 3)、配列番号：8 3 (L 4 4)、配列番号：8 4 (L 4 5)、配列番号：8 5 (L 4 6)、配列番号：8 6 (L 4 7)、配列番号：8 7 (L 4 8)、配列番号：8 8 (L 4 9)、配列番号：8 9 (L 5 0)、配列番号：9 0 (L 5 1)、配列番号：9 1 (L 5 2)、配列番号：9 2 (L 5 3)、配列番号：9 3 (L 5 4)、配列番号：9 4 (L 5 5)、配列番号：9 5 (L 6 1)、配列番号：9 6 (L 6 3)、配列番号：9 7 (L 6 4)、配列番号：9 8 (L 7 2)、配列番号：9 9 (L 7 4)、配列番号：1 0 0 (L 7 5)、配列番号：1 0 1 (L 7 6)、配列番号：1 0 2 (L 1 2 5)、配列番号：1 0 3 (L 9 2)、配列番号：1 0 4 (L 1 0 4)、配列番号：1 0 5 (L 1 0 6) および配列番号：1 0 6 (L 1 2 2) よりなる群から選択されるアミノ酸配列を含んでなる軽鎖を含んでなる抗血小板自己抗体。

10

【請求項 1 8】

該自己抗体が配列番号：5 4 (H 4)、配列番号：5 5 (H 1 0)、配列番号：5 6 (H 2 9)、配列番号：5 7 (H 3 6)、配列番号：5 8 (H 3 7)、配列番号：5 9 (H 3 8)、配列番号：6 0 (H 3 9)、配列番号：6 1 (H 4 0)、配列番号：6 2 (H 4 1)、配列番号：6 3 (H 4 2)、配列番号：6 4 (H 4 4)、配列番号：6 5 (H 4 5)、配列番号：6 6 (H 4 6)、配列番号：6 7 (H 4 7)、配列番号：6 8 (H 4 8) および配列番号：6 9 (H 8 3) よりなる群から選択されるアミノ酸配列を含んでなる重鎖をさらに含んでなる請求項 1 7 の自己抗体。

20

【請求項 1 9】

該軽鎖が L 7 6 であり、そして該重鎖が H 3 6 および H 3 8 よりなる群から選択される請求項 1 7 の自己抗体。

【請求項 2 0】

抗血小板自己抗体をコードする単離された核酸。

30

【請求項 2 1】

該単離された核酸が重鎖をコードし、そして配列番号：1 (H 4)、配列番号：2 (H 1 0)、配列番号：3 (H 2 9)、配列番号：4 (H 3 6)、配列番号：5 (H 3 7)、配列番号：6 (H 3 8)、配列番号：7 (H 3 9)、配列番号：8 (H 4 0)、配列番号：9 (H 4 1)、配列番号：1 0 (H 4 2)、配列番号：1 1 (H 4 4)、配列番号：1 2 (H 4 5)、配列番号：1 3 (H 4 6)、配列番号：1 4 (H 4 7)、配列番号：1 5 (H 4 8)、配列番号：1 6 (H 8 3) よりなる群から選択されるヌクレオチド配列を含んでなる請求項 2 0 の単離された核酸。

【請求項 2 2】

該核酸が軽鎖をコードし、そして配列番号：1 7 (L 4)、配列番号：1 8 (L 1 6)、配列番号：1 9 (L 2 4)、配列番号：2 0 (L 3 4)、配列番号：2 1 (L 3 5)、配列番号：2 2 (L 3 6)、配列番号：2 3 (L 3 7)、配列番号：2 4 (L 3 8)、配列番号：2 5 (L 3 9)、配列番号：2 6 (L 4 0)、配列番号：2 7 (L 4 1)、配列番号：2 8 (L 4 2)、配列番号：2 9 (L 4 3)、配列番号：3 0 (L 4 4)、配列番号：3 1 (L 4 5)、配列番号：3 2 (L 4 6)、配列番号：3 3 (L 4 7)、配列番号：3 4 (L 4 8)、配列番号：3 5 (L 4 9)、配列番号：3 6 (L 5 0)、配列番号：3 7 (L 5 1)、配列番号：3 8 (L 5 2)、配列番号：3 9 (L 5 3)、配列番号：4 0 (L 5 4)、配列番号：4 1 (L 5 5)、配列番号：4 2 (L 6 1)、配列番号：4 3 (L 6 3)、配列番号：4 4 (L 6 4)、配列番号：4 5 (L 7 2)、配列番号：4 6 (L 7 4)、配列番号：4 7 (L 7 5)、配列番号：4 8 (L 7 6)、配列番号：4 9 (L 1

40

50

25)、配列番号：50(L92)、配列番号：51(L104)、配列番号：52(L106)および配列番号：53(L122)よりなる群から選択されるヌクレオチド配列を含んでなる請求項20の単離された核酸。

【請求項23】

該核酸が配列番号：54(H4)、配列番号：55(H10)、配列番号：56(H29)、配列番号：57(H36)、配列番号：58(H37)、配列番号：59(H38)、配列番号：60(H39)、配列番号：61(H40)、配列番号：62(H41)、配列番号：63(H42)、配列番号：64(H44)、配列番号：65(H45)、配列番号：66(H46)、配列番号：67(H47)、配列番号：68(H48)および配列番号：69(H83)よりなる群から選択されるアミノ酸配列を含んでなる重鎖をコードする請求項20の単離された核酸。 10

【請求項24】

該核酸が配列番号：70(L4)、配列番号：71(L16)、配列番号：72(L24)、配列番号：73(L34)、配列番号：74(L35)、配列番号：75(L36)、配列番号：76(L37)、配列番号：77(L38)、配列番号：78(L39)、配列番号：79(L40)、配列番号：80(L41)、配列番号：81(L42)、配列番号：82(L43)、配列番号：83(L44)、配列番号：84(L45)、配列番号：85(L46)、配列番号：86(L47)、配列番号：87(L48)、配列番号：88(L49)、配列番号：89(L50)、配列番号：90(L51)、配列番号：91(L52)、配列番号：92(L53)、配列番号：93(L54)、配列番号：94(L55)、配列番号：95(L61)、配列番号：96(L63)、配列番号：97(L64)、配列番号：98(L72)、配列番号：99(L74)、配列番号：100(L75)、配列番号：101(L76)、配列番号：102(L125)、配列番号：103(L92)、配列番号：104(L104)、配列番号：105(L106)および配列番号：106(L122)よりなる群から選択されるアミノ酸配列を含んでなる軽鎖をコードする請求項20の単離された核酸。 20

【請求項25】

血栓を有するかもしくは血栓形成の危険がある哺乳類において血液凝固を阻害する方法であって、糖タンパク質IIb/IIaと特異的に結合する抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を該哺乳類に投与することを含んでなり(ここで、該抗体もしくはそのフラグメントは、H44L4抗血小板自己抗体由来の抗原結合領域を含んでなる)、それにより該哺乳類における血液凝固を阻害する方法。 30

【請求項26】

該哺乳類がヒトである請求項25の方法。

【請求項27】

血栓を有するかもしくは血栓形成の危険がある哺乳類において血液凝固を可逆的に阻害する方法であって、糖タンパク質IIb/IIaと特異的に結合する抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を該哺乳類に投与することを含んでなり(ここで、該抗体もしくはそのフラグメントは、H44L4抗血小板自己抗体由来の抗原結合領域を含んでなる)、それにより該哺乳類における血液凝固を阻害し、さらに糖タンパク質IIb/IIaとの該結合のペプチドインヒビターの有効量を該哺乳類に投与することを含んでなり、それにより該哺乳類における血液凝固を可逆的に阻害する方法。 40

【請求項28】

該哺乳類がヒトである請求項27の方法。

【請求項29】

該ペプチドインヒビターがP4-12(配列番号：111)、P3-4(配列番号：112)、P4-7(配列番号：113)、P4-2a(配列番号：114)よりなる群から選択される請求項27の方法。

【請求項30】

血小板成分と抗血小板自己抗体との結合を阻害する方法であって、該自己抗体を該結合 50

のペプチドインヒビターと接触させることを含んでなり、それにより該成分と該抗血小板自己抗体との結合を阻害する方法。

【請求項 3 1】

該成分が G P I I b / I I I a であり、そしてさらに該自己抗体が H 4 4 L 4 であり、そして該ペプチドインヒビターが P 4 - 1 2 (配列番号: 1 1 1)、P 3 - 4 (配列番号: 1 1 2)、P 4 - 7 (配列番号: 1 1 3)、P 4 - 2 a (配列番号: 1 1 4)、P 7 3 - 1 1 (配列番号: 1 1 6)、P 1 2 3 - 1 0 (配列番号: 1 1 8)、P 7 4 - 4 (配列番号: 1 2 0)、P 7 3 - 1 0 (配列番号: 1 2 2)、P 7 4 - 3 (配列番号: 1 2 4)、P 7 4 - 9 (配列番号: 1 2 6)、P 7 4 - 5 (配列番号: 1 2 8)、P 7 3 - 9 (配列番号: 1 3 0)、P 1 2 4 - 8 (配列番号: 1 3 2)、P 1 2 3 - 1 1 (配列番号: 1 3 4)、P 1 2 4 - 1 (配列番号: 1 3 6)、P 7 3 - 2 (配列番号: 1 3 8)、P 7 3 - 6 (配列番号: 1 4 0)、P 1 2 4 - 1 1 (配列番号: 1 4 2)、P 1 2 4 - 2 (配列番号: 1 4 4)、P 7 3 - 7 (配列番号: 1 4 6)、P 7 4 - 1 a (配列番号: 1 4 8)、P 1 2 3 - 8 (配列番号: 1 5 0)、P 7 4 - 8 (配列番号: 1 5 2) よりなる群から選択される請求項 3 0 の方法。

10

【請求項 3 2】

哺乳類における血小板粘着を阻害する方法であって、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を該哺乳類に投与することを含んでなり(ここで、該自己抗体は G P I b / I X と特異的に結合し、それにより血小板粘着に必要とされるフォン・ビルブランドマルチマーと該 G P I b / I X との相互作用を阻害する)、それにより該哺乳類における血小板粘着を阻害する方法。

20

【請求項 3 3】

該哺乳類がヒトである請求項 3 2 の方法。

【請求項 3 4】

哺乳類における血栓性血小板減少性紫斑病を処置する方法であって、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を該動物に投与することを含んでなり(ここで、該自己抗体は G P I b / I X と特異的に結合し、それによりフォン・ビルブランドマルチマーと該 G P I b / I X との相互作用を阻害し、そしてここで、該相互作用は血小板粘着に必要とされ、そしてさらにここで、該血小板粘着は該哺乳類における血栓性血小板減少性紫斑病を媒介する)、それにより該哺乳類における血栓性血小板減少性紫斑病を処置する方法。

30

【請求項 3 5】

該哺乳類がヒトである請求項 3 4 の方法。

【請求項 3 6】

血小板を抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量と接触させることを含んでなる血小板凝集を阻害する方法。

【請求項 3 7】

さらに該自己抗体が G P I I b / I I I a と特異的に結合する請求項 3 6 の方法。

【請求項 3 8】

該自己抗体が H 4 4 L 4 [配列番号: 6 4 (H 4 4) および配列番号: 7 0 (L 4)] である請求項 3 7 の方法。

40

【請求項 3 9】

血小板を抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量と接触させることを含んでなる血小板活性化を阻害する方法。

【請求項 4 0】

血小板を抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量と接触させることを含んでなる血小板機能を阻害する方法。

【請求項 4 1】

該自己抗体が G P I a / I I a、G P I I b / I I I a および G P I b / I X よりなる群から選択される血小板成分と特異的に結合する請求項 4 0 の方法。

50

【請求項 4 2】

血小板と抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントとの結合を阻害する方法であって、該自己抗体をペプチドインヒビターの有効量と接触させることを含んでなり、それにより該血小板と該自己抗体との結合を阻害する方法。

【請求項 4 3】

該自己抗体が G P I a / I I a、G P I I b / I I I a および G P I b / I X よりなる群から選択される少なくとも 1 つの血小板成分と特異的に結合する請求項 4 2 の方法。

【請求項 4 4】

該ペプチドインヒビターが P 4 - 1 2 (配列番号: 1 1 1)、P 3 - 4 (配列番号: 1 1 2)、P 4 - 7 (配列番号: 1 1 3)、P 4 - 2 a (配列番号: 1 1 4)、P 7 3 - 1 1 (配列番号: 1 1 6)、P 1 2 3 - 1 0 (配列番号: 1 1 8)、P 7 4 - 4 (配列番号: 1 2 0)、P 7 3 - 1 0 (配列番号: 1 2 2)、P 7 4 - 3 (配列番号: 1 2 4)、P 7 4 - 9 (配列番号: 1 2 6)、P 7 4 - 5 (配列番号: 1 2 8)、P 7 3 - 9 (配列番号: 1 3 0)、P 1 2 4 - 8 (配列番号: 1 3 2)、P 1 2 3 - 1 1 (配列番号: 1 3 4)、P 1 2 4 - 1 (配列番号: 1 3 6)、P 7 3 - 2 (配列番号: 1 3 8)、P 7 3 - 6 (配列番号: 1 4 0)、P 1 2 4 - 1 1 (配列番号: 1 4 2)、P 1 2 4 - 2 (配列番号: 1 4 4)、P 7 3 - 7 (配列番号: 1 4 6)、P 7 4 - 1 a (配列番号: 1 4 8)、P 1 2 3 - 8 (配列番号: 1 5 0)、P 7 4 - 8 (配列番号: 1 5 2) よりなる群から選択される請求項 4 3 の方法。

【請求項 4 5】

血小板と抗血小板自己抗体との結合を阻害するペプチドを同定する方法であって、ペプチドディスプレイファージの有無で血小板と抗血小板自己抗体との結合を評価することを含んでなり(ここで、該ペプチドディスプレイファージのない場合の該血小板と該自己抗体との結合と比較して該ペプチドディスプレイファージの存在下での該血小板と該自己抗体との結合の低いレベルは、該ペプチドディスプレイファージにより提示されるペプチドが、該血小板と該自己抗体との結合を阻害することの指標となる)、それにより血小板と抗血小板自己抗体との結合を阻害するペプチドを同定する方法。

【請求項 4 6】

請求項 4 5 の方法により同定されるペプチド。

【請求項 4 7】

血小板成分と抗血小板自己抗体との結合を阻害するペプチドを同定する方法であって、ペプチドディスプレイファージの有無で血小板成分と抗血小板自己抗体との結合を評価することを含んでなり(ここで、該ペプチドディスプレイファージのない場合の該血小板成分と該自己抗体との結合と比較して該ペプチドディスプレイファージの存在下での該血小板成分と該自己抗体との結合の低いレベルは、該ペプチドディスプレイファージにより提示されるペプチドが、該血小板成分と該自己抗体との結合を阻害することの指標となる)、それにより血小板成分と抗血小板自己抗体との結合を阻害するペプチドを同定する方法。

【請求項 4 8】

該血小板成分が G P I a / I I a、G P I I b / I I I a および G P I b / I X よりなる群から選択される請求項 4 7 の方法

【請求項 4 9】

請求項 4 7 の方法により同定されるペプチド。

【請求項 5 0】

抗血小板自己抗体と結合するペプチドを同定する方法であって、ペプチドディスプレイファージを抗血小板自己抗体と接触させることおよび該ファージが該自己抗体と特異的に結合するかどうかを検出することを含んでなり、それにより抗血小板自己抗体と特異的に結合するペプチドを同定する方法。

【請求項 5 1】

請求項 5 0 の方法により同定されるペプチド。

10

20

30

40

50

【請求項 5 2】

抗血小板自己抗体と特異的に結合するペプチド。

【請求項 5 3】

哺乳類における特発性血小板減少性紫斑病（ITP）を処置する方法であって、ITP に苦しむ動物に V H 3 - 3 0 を発現する B リンパ球を特異的に殺す化合物の有効量を投与することを含んでなり、それにより該哺乳類における該 I T P を処置する方法。

【請求項 5 4】

該哺乳類がヒトである請求項 5 3 の方法。

【請求項 5 5】

該化合物がスタヒロコッカスプロテイン A（SpA）および V H 3 - 3 0 と特異的に結合する抗体部分を含んでなる免疫毒素から選択される請求項 5 3 の方法。 10

【請求項 5 6】

糖タンパク質 I I b / I I I a と特異的に結合する抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を含んでなり（ここで、該自己抗体もしくはそのフラグメントは、H 4 4 L 4 抗血小板自己抗体由来の抗原結合領域を含んでなる）、さらにアプリケーションおよびその使用のための説明用資料を含んでなる血液凝固を阻害するためのキット。

【請求項 5 7】

糖タンパク質 I I b / I I I a と特異的に結合する抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を含んでなり（ここで、該自己抗体もしくはそのフラグメントは、H 4 4 L 4 抗血小板自己抗体由来の抗原結合領域を含んでなる）、さらに糖タンパク質 I I b / I I I a との該結合のペプチドインヒビターを含んでなり、そしてまたアプリケーションおよびその使用のための説明用資料も含んでなる血液凝固を可逆的に阻害するためのキット。 20

【請求項 5 8】

抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を含んでなり、さらにアプリケーションおよびその使用のための説明用資料を含んでなる血小板凝集を阻害するためのキット。

【請求項 5 9】

抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を接触させることを含んでなり、さらにアプリケーションおよびその使用のための説明用資料を含んでなる血小板機能を阻害するためのキット。 30

【請求項 6 0】

抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を接触させることを含んでなり、さらにアプリケーションおよびその使用のための説明用資料を含んでなる血小板活性化を阻害するためのキット。

【請求項 6 1】

該方法が血栓溶解剤を投与することをさらに含んでなる請求項 2 5 の方法。

【発明の詳細な説明】

【背景技術】

40

【0 0 0 1】

特発性血小板減少性紫斑病（ITP）は、非特許文献 1 に記述されているような血小板反応性自己抗体に起因する一般的な免疫血液疾患である。簡潔に言えば、ITP では、組織マクロファージによる抗体で覆われた血小板のクリアランスが増進され、そしてある場合には、該抗体はまた血小板生産も損なう。小児型 I T P は症例の約 8 0 % において自己限定的であり、そして以前のウイルス感染と関連し得る。成人発症型 I T P は、症例の 7 0 % より多くにおいて慢性疾患であり、そして全身性エリテマトーデス（S L E）、リンパ増殖性疾患、分類不能型免疫不全（C V I D）疾患およびヒト免疫不全ウイルス（H I V）感染を包含する他の障害と関連して起こり得る。

【0 0 0 2】

50

I T Pにかかっている患者を処置する決定は、患者の年齢および疾患の重傷度ならびに予測される自然病歴を考慮に入れる。最初に、治療はグルココルチコイド、脾臓摘出術、抗血液型D [(抗Rh(D))]免疫グロブリン(Ig)、静脈内 - グロブリン(IIVI G)および他の処置を用いることにより抗体で覆われた血小板のクリアランスを妨げることに對して向けられる。免疫抑制療法は非特異的であり、有毒であることが多く、そして典型的には難病の患者のためのものである。

【0003】

血小板破壊の原因となる病原性自己抗体を特定化し、そしてそれによりI T Pを診断し、その病因を理解しそして治療に対する反応性を予測する信頼できる方法を提供するために多数の研究が行われている。血小板糖タンパク質(GP)IIb/IIIaおよびGP IIb/IXと反応するIgG抗体は、いくつかの患者血清サンプルおよび血小板溶出液において同定されている。例えば、非特許文献2、非特許文献3、非特許文献4および非特許文献5を参照。しかしながら、例えば、非特許文献5、非特許文献6、非特許文献7、非特許文献8、非特許文献9、非特許文献10、非特許文献11、非特許文献12および非特許文献13に記述されているように他の血小板抗原もまた標的とされるようである。多くの場合において、例えば非特許文献1に記述されているように抗体特異性は決定することができないかもしくは検出することさえできない。

【0004】

さらに、例えば、GP IIb/IIIaに對して向けられるもののような抗体の任意の単一のサブセットが血小板破壊の原因となるという正式な証拠はない。従って、非特許文献14に記述されているように、これまで、血清もしくは血小板の溶出可能なIgを測定することの臨床的有用性は不明であり、そしてI T Pの診断もしくは処置においてまたは該疾患の成人発症型と小児期発症型を区別することにおいて明確な役割をもたない。結果として、I T Pの診断は除外の一つのみであり、そして他の基準から独立して診断を確かめるかもしくは除外するための利用可能な血小板抗体試験の有用性は確立されていない(例えば非特許文献1を参照)。

【0005】

これらの先行技術の限界は、ポリクローナル血清を分析することにより病的自己免疫応答を特性化することに関する難しさを例証する。クローン性、遺伝的原因、体細胞突然変異および病原性の分子的機序を理解するためには、IgG抗血小板自己抗体のレポーター、例えば罹患患者のB細胞からインビトロで生産されるものが研究されなければならない。ヒトモノクローナル抗体をクローン化するための通常のB細胞不死化方法は、非特許文献15および非特許文献16におけるように、低いトランスフォーメーション頻度をもたらす、そしてIgM生産クローンを生成する傾向があり、従って、サンプリングの偏りをもたらす。その結果として、I T Pにかかっている患者から単離された報告されるヒト抗血小板自己抗体のうち非特許文献17におけるように1つだけを除いて全部がIgMクラスのものであり、そして非特許文献11、非特許文献12、非特許文献18、非特許文献19および非特許文献20におけるように2もしくは3つのユニークな抗体しか所定の患者から単離されていない。I T PはIgGクラスの血小板自己抗体により媒介される自己免疫疾患であり、これらの自己抗体はFcドメインを保有し、そしてIgMクラスの抗体と異なり、脾臓マクロファージ上の受容体と相互作用して血小板消費をもたらすことができるので、通常の細胞クローニング技術を用いて単離されるIgMモノクローナルの疾患関連性は不明である。さらに、細胞クローニング技術を用いて得られた単一の報告されるIgG血小板自己抗体(非特許文献17)は、キーホールリンペットヘモシアニンにならびに血小板GP IIb/IIIaに結合することが見出され、そして破傷風トキソイドに對する3倍優れた特異性を示し、従って、その1つの称するところの「自己」抗体の実際の特異性は疑問を呼んでいる。結果として、通常の方法を用いて個々の患者内で、患者間で、そして異なる臨床設定においてI T P関連自己抗体間の遺伝的多様性ならびに他の生化学的および免疫学的特性を評価することは困難であった。

【0006】

10

20

30

40

50

要約すると、著しいヒト罹患率および死亡率をもたらす疾患であるITPの有効な診断方法もしくは特異的治療法はない。これらの長い間の切実な必要性にもかかわらず、たとえばあったとしても、どの抗体がこの疾患に関連する潜在的な診断および/もしくは治療標的であるかを同定することの従来障害は、ITPの有用な診断法および治療法の開発を妨げている。本発明は、これらの必要性を満たす。

【0007】

さらに、血小板凝集は血栓の形成における必須の事象である。通常状況下で、血栓は血管系からの血液細胞の漏出を防ぐ働きをする。しかしながら、ある種の病状の間に、凝血塊は血流を制限するかもしくは完全にふさぎ、細胞壊死をもたらす得る。例えば、アテローム動脈硬化性プラークの部位での血小板凝集およびその後の血栓は、アンギナ、急性心筋梗塞、ならびに成功した血栓溶解および血管形成術の後の再閉塞のような症状の発生における重要な原因因子である。

10

【0008】

心臓発作患者は、典型的に、凝血塊のフィブリン成分を溶解する組織プラスミノゲンアクチベーターもしくはストレプトキナーゼのような血栓溶解剤で処置される。フィブリン溶解と関連する主要な合併症は、血小板凝集に基づく再閉塞であり、それはさらなる心臓障害をもたらす得る。GPIIb/IIIa受容体は血小板凝集に関与することが既知であるので、これらの受容体の活性を阻害する試薬は、血栓溶解療法後の再閉塞を減らすかもしくは防ぎ、そして血栓溶解の速度を加速すると予想される。そのような試薬はまた、他の血管閉塞性および血栓閉塞性障害の治療にも有用であると予想される。

20

【0009】

血小板凝集を阻害する1つの先行技術方法は、GPIIb/IIIa受容体に特異的なモノクローナル抗体を伴う。血小板凝集を阻害しそしてヒト血栓性疾患の処置に有用であると思われる7E3と呼ばれるマウスモノクローナル抗体は、Coller et al.への公開された特許文献1および特許文献2ならびに特許文献3に記述されている。しかしながら、マウス抗体は、ヒトに投与した場合のそれらの免疫原性のためにヒト治療におけるそれらの使用を厳しく制限する特性を有することが当該技術分野において周知である。さらに、血栓閉塞性障害におけるそのような治療法の再投与の必要性は、これらのタイプの免疫反応の可能性を増大する。

【0010】

ヒトにマウス抗体を投与することの制約を克服するために、ヒト定常領域に連結された非ヒト結合領域からなるキメラ抗体が製造されている(例えば、非特許文献21;および特許文献4)。しかしながら、そのようなキメラ抗体と関連する技術的難しさ(例えば、結合特異性および/もしくはアビディティの喪失、ならびにヒトに投与した場合の持続する免疫原性)は、ヒト患者におけるそれらの治療適用を厳しく制限している。

30

【0011】

従って、ヒト抗血小板自己抗体の製造における先行技術の限界は、血小板抗原に対するマウス/ヒトキメラ抗体を製造することにおける障害と合わせて、そのような治療の長い間の切実な深刻な必要性にもかかわらず、凝固を包含する血小板機能に関連する障害および疾患を処置するためのヒト抗血小板自己抗体の製造を妨げている。本発明は、これらの

40

【特許文献1】欧州特許出願第205,207号明細書

【特許文献2】欧州特許出願第206,532号明細書

【特許文献3】米国特許第5,976,532号明細書

【特許文献4】PCT出願第PCT/GB8500392号明細書

【非特許文献1】Busselet al. (2000, Hematology: Basic Principle and Practice, pp. 2096-2114, Churchill Livingstone, Philadelphia, PA)

【非特許文献2】van Leeuwen et al. (1982, Blood, 59: 23-62)

50

- 【非特許文献3】McMillian et al. (1987, Blood 70: 1040 - 1045)
- 【非特許文献4】Kiefel et al. (1991, Brit. J. Haematol. 79: 256 - 262)
- 【非特許文献5】He et al. (1994, Blood 83: 1024 - 1032)
- 【非特許文献6】Bierling et al. (1994, Brit. J. Haematol. 87: 631 - 633)
- 【非特許文献7】Hou et al. (1995, Eur. J. Haematol. 55: 307 - 314)
- 【非特許文献8】Pfueller et al. (1990, Brit. J. Haematol. 74: 336 - 341)
- 【非特許文献9】Sugiyama et al. (1987, Blood 69: 1712 - 1720)
- 【非特許文献10】Tomiyama et al. (1992, Blood 79: 161 - 168)
- 【非特許文献11】Deckmyn et al. (1994, Blood 84: 1968 - 1974)
- 【非特許文献12】Honda et al. (1990, Brit. J. Haematol. 75: 245 - 249)
- 【非特許文献13】Varon et al. (1990, Clin. Immunol. Immunopathol. 54: 454 - 468)
- 【非特許文献14】George et al. (1996, Blood 88: 3 - 40)
- 【非特許文献15】Winter et al. (1991, Nature 349: 293 - 299)
- 【非特許文献16】Burton et al. (1994, Adv. Immunol. 57: 191 - 280)
- 【非特許文献17】Olee et al. (1997, Brit. J. Haematol. 96: 836 - 845)
- 【非特許文献18】Nugent et al. (1987, Blood 70: 16 - 22)
- 【非特許文献19】Hiraiwa et al. (1990, Autoimmunity 8: 107 - 113)
- 【非特許文献20】Kunicki et al. (1991, Autoimmunity 4: 433 - 446)
- 【非特許文献21】1984, Proc. Natl. Acad. Sci. USA 81: 6851

【発明の開示】

【0012】

[発明の要約]

本発明には、哺乳類における抗血小板自己抗体を同定する方法が包含される。該方法は、哺乳類から得られるBリンパ球より抗体ファージディスプレイライブラリーを作製すること、血小板成分と特異的に結合するファージを検出するために該ライブラリーをスクリーニングすることを含んでなり(ここで、該スクリーニングは、競合的細胞表面パニングを用いて無傷(intact)血小板上で該ファージをパニングすることを含んでなる)、それにより該哺乳類における抗血小板自己抗体を同定する。

【0013】

一つの態様として、哺乳類はヒトである。

【0014】

10

20

30

40

50

別の態様として、哺乳類は特発性血小板減少性紫斑病に苦しむ。

【0015】

さらに別の態様として、血小板成分は GPIa / IIa、GPIIb / IIIa および GPIb / IX よりなる群から選択される。

【0016】

本発明には、この方法により同定される自己抗体が包含される。

【0017】

本発明にはまた、ヒトモノクローナル抗血小板自己抗体も包含される。

【0018】

一つの態様として、自己抗体は IgG 抗体である。

10

【0019】

別の態様として、自己抗体は GPIIb / IIIa と特異的に結合する。

【0020】

さらなる態様として、自己抗体は GPIIb / IIIa と特異的に結合するが、結合に I_{IIb} の N 末端部分を必要としない。

【0021】

なおさらなる態様として、N 末端部分は I_{IIb} (GenBank 受託番号 P08514 ; 配列番号 : 153) の約アミノ酸残基番号 1 ~ 約アミノ酸残基番号 446 を含んでなる。

【0022】

別の態様として、自己抗体は I_{IIb} (GenBank 受託番号 P08514 ; 配列番号 : 153) の約アミノ酸残基番号 447 ~ 約アミノ酸残基番号 1009 を含んでなる GPIIb / IIIa の結合部分を必要とする。

20

【0023】

本発明には、自己抗体が H44L4 [配列番号 : 64 (H44) および配列番号 : 70 (L4)]、H46L16 [配列番号 : 66 (H46) および配列番号 : 71 (L16)]、H48L24 [配列番号 : 68 (H48) および配列番号 : 72 (L24)]、H36L35 [配列番号 : 57 (H36) および配列番号 : 74 (L35)]、H40L36 [配列番号 : 61 (H40) および配列番号 : 75 (L36)]、H83L34 [配列番号 : 69 (H83) および配列番号 : 73 (L34)]、H39L37 [配列番号 : 60 (H39) および配列番号 : 76 (L37)]、H42L38 [配列番号 : 63 (H42) および配列番号 : 77 (L38)]、H38L39 [配列番号 : 59 (H38) および配列番号 : 78 (L39)]、H37L40 [配列番号 : 58 (H37) および配列番号 : 79 (L40)]、H37L41 [配列番号 : 58 (H37) および配列番号 : 80 (L41)]、H40L42 [配列番号 : 61 (H40) および配列番号 : 81 (L42)]、H39L43 [配列番号 : 60 (H39) および配列番号 : 82 (L43)]、H37L44 [配列番号 : 58 (H37) および配列番号 : 83 (L44)]、H39L44 [配列番号 : 60 (H39) および配列番号 : 83 (L44)]、H37L45 [配列番号 : 58 (H37) および配列番号 : 84 (L45)]、H39L46 [配列番号 : 60 (H39) および配列番号 : 85 (L46)]、H37L47 [配列番号 : 58 (H37) および配列番号 : 86 (L47)]、H37L48 [配列番号 : 58 (H37) および配列番号 : 87 (L48)]、H38L49 [配列番号 : 59 (H38) および配列番号 : 88 (L49)]、H37L50 [配列番号 : 58 (H37) および配列番号 : 89 (L50)]、H41L51 [配列番号 : 62 (H41) および配列番号 : 90 (L51)]、H40L52 [配列番号 : 61 (H40) および配列番号 : 91 (L52)]、H40L53 [配列番号 : 61 (H40) および配列番号 : 92 (L53)]、H38L54 [配列番号 : 59 (H38) および配列番号 : 93 (L54)]、H38L55 [配列番号 : 59 (H38) および配列番号 : 94 (L55)]、H45L61 [配列番号 : 84 (H45) および配列番号 : 95 (L61)]、H47L63 [配列番号 : 67 (H47) および配列番号 : 96 (L63)]、H47L64 [配列番号 : 67 (H47) および

30

40

50

配列番号：97(L64)]、H38L72[配列番号：59(H38)および配列番号：98(L72)]、H38L74[配列番号：59(H38)および配列番号：99(L74)]、H38L75[配列番号：59(H38)および配列番号：100(L75)]、H38L76[配列番号：59(H38)および配列番号：101(L76)]、H36L76[配列番号：57(H36)および配列番号：101(L76)]、H37L92[配列番号：58(H37)および配列番号：103(L92)]、H29L104[配列番号：56(H29)および配列番号：104(L104)]、H4L106[配列番号：54(H4)および配列番号：105(L106)]ならびにH10L122[配列番号：55(H10)および配列番号：106(L122)]よりなる群から選択される抗血小板自己抗体が包含される。

10

【0024】

本発明にはまた、自己抗体が配列番号：54(H4)、配列番号：55(H10)、配列番号：56(H29)、配列番号：57(H36)、配列番号：58(H37)、配列番号：59(H38)、配列番号：60(H39)、配列番号：61(H40)、配列番号：62(H41)、配列番号：63(H42)、配列番号：64(H44)、配列番号：65(H45)、配列番号：66(H46)、配列番号：67(H47)、配列番号：68(H48)および配列番号：69(H83)よりなる群から選択されるアミノ酸配列を含んでなる重鎖を含んでなる抗血小板自己抗体も包含される。

【0025】

一つの態様として、自己抗体は配列番号：70(L4)、配列番号：71(L16)、配列番号：72(L24)、配列番号：73(L34)、配列番号：74(L35)、配列番号：75(L36)、配列番号：76(L37)、配列番号：77(L38)、配列番号：78(L39)、配列番号：79(L40)、配列番号：80(L41)、配列番号：81(L42)、配列番号：82(L43)、配列番号：83(L44)、配列番号：84(L45)、配列番号：86(L47)、配列番号：87(L48)、配列番号：88(L49)、配列番号：89(L50)、配列番号：90(L51)、配列番号：91(L52)、配列番号：92(L53)、配列番号：93(L54)、配列番号：94(L55)、配列番号：95(L61)、配列番号：96(L63)、配列番号：97(L64)、配列番号：98(L72)、配列番号：99(L74)、配列番号：100(L75)、配列番号：101(L76)、配列番号：102(L125)、配列番号：103(L92)、配列番号：104(L104)、配列番号：105(L106)および配列番号：106(L122)よりなる群から選択されるアミノ酸配列を含んでなる軽鎖をさらに含んでなる。

20

30

【0026】

さらに別の態様として、重鎖はH38(配列番号：78)であり、そして軽鎖はL39(配列番号：78)、L54(配列番号：93)、L55(配列番号：94)、L72(配列番号：98)、L74(配列番号：99)、L75(配列番号：100)およびL76(配列番号：101)およびL92(配列番号：103)よりなる群から選択される。

【0027】

なおさらなる態様として、重鎖はH37であり、そして軽鎖はL40、L41、L44、L45、L47、L48、L50、L93よりなる群から選択される。

40

【0028】

本発明には、自己抗体が配列番号：70(L4)、配列番号：71(L16)、配列番号：72(L24)、配列番号：73(L34)、配列番号：74(L35)、配列番号：75(L36)、配列番号：76(L37)、配列番号：77(L38)、配列番号：78(L39)、配列番号：79(L40)、配列番号：80(L41)、配列番号：81(L42)、配列番号：82(L43)、配列番号：83(L44)、配列番号：84(L45)、配列番号：85(L46)、配列番号：86(L47)、配列番号：87(L48)、配列番号：88(L49)、配列番号：89(L50)、配列番号：90(L51)、配列番号：91(L52)、配列番号：92(L53)、配列番号：93(L5

50

4)、配列番号：94(L55)、配列番号：95(L61)、配列番号：96(L63)、配列番号：97(L64)、配列番号：98(L72)、配列番号：99(L74)、配列番号：100(L75)、配列番号：101(L76)、配列番号：102(L125)、配列番号：103(L92)、配列番号：104(L104)、配列番号：105(L106)および配列番号：106(L122)よりなる群から選択されるアミノ酸配列を含んでなる軽鎖を含んでなる抗血小板自己抗体が包含される。

【0029】

一つの態様として、自己抗体は配列番号：54(H4)、配列番号：55(H10)、配列番号：56(H29)、配列番号：57(H36)、配列番号：58(H37)、配列番号：59(H38)、配列番号：60(H39)、配列番号：61(H40)、配列番号：62(H41)、配列番号：63(H42)、配列番号：64(H44)、配列番号：65(H45)、配列番号：66(H46)、配列番号：67(H47)、配列番号：68(H48)および配列番号：69(H83)よりなる群から選択されるアミノ酸配列を含んでなる重鎖をさらに含んでなる。

10

【0030】

別の態様として、軽鎖はL76であり、そして重鎖はH36およびH38よりなる群から選択される。

【0031】

本発明には、抗血小板自己抗体をコードする単離された核酸が包含される。

【0032】

一つの態様として、単離された核酸は重鎖をコードし、そして配列番号：1(H4)、配列番号：2(H10)、配列番号：3(H29)、配列番号：4(H36)、配列番号：5(H37)、配列番号：6(H38)、配列番号：7(H39)、配列番号：8(H40)、配列番号：9(H41)、配列番号：10(H42)、配列番号：11(H44)、配列番号：12(H45)、配列番号：13(H46)、配列番号：14(H47)、配列番号：15(H48)、配列番号：16(H83)よりなる群から選択されるヌクレオチド配列を含んでなる。

20

【0033】

別の態様として、核酸は軽鎖をコードし、そして配列番号：17(L4)、配列番号：18(L16)、配列番号：19(L24)、配列番号：20(L34)、配列番号：21(L35)、配列番号：22(L36)、配列番号：23(L37)、配列番号：24(L38)、配列番号：25(L39)、配列番号：26(L40)、配列番号：27(L41)、配列番号：28(L42)、配列番号：29(L43)、配列番号：30(L44)、配列番号：31(L45)、配列番号：32(L46)、配列番号：33(L47)、配列番号34(L48)、配列番号：35(L49)、配列番号：36(L50)、配列番号：37(L51)、配列番号：38(L52)、配列番号：39(L53)、配列番号：40(L54)、配列番号：41(L55)、配列番号：42(L61)、配列番号：43(L63)、配列番号：44(L64)、配列番号：45(L72)、配列番号：46(L74)、配列番号：47(L75)、配列番号：48(L76)、配列番号：49(L125)、配列番号：50(L92)、配列番号：51(L104)、配列番号：52(L106)および配列番号：53(L122)よりなる群から選択されるヌクレオチド配列を含んでなる。

30

40

【0034】

さらに別の態様として、核酸は配列番号：54(H4)、配列番号：55(H10)、配列番号：56(H29)、配列番号：57(H36)、配列番号：58(H37)、配列番号：59(H38)、配列番号：60(H39)、配列番号：61(H40)、配列番号：62(H41)、配列番号：63(H42)、配列番号：64(H44)、配列番号：65(H45)、配列番号：66(H46)、配列番号：67(H47)、配列番号：68(H48)および配列番号：69(H83)よりなる群から選択されるアミノ酸配列を含んでなる重鎖をコードする。

50

【0035】

なおさらなる態様として、核酸は配列番号：70(L4)、配列番号：71(L16)、配列番号：72(L24)、配列番号：73(L34)、配列番号：74(L35)、配列番号：75(L36)、配列番号：76(L37)、配列番号：77(L38)、配列番号：78(L39)、配列番号：79(L40)、配列番号：80(L41)、配列番号：81(L42)、配列番号：82(L43)、配列番号：83(L44)、配列番号：84(L45)、配列番号：85(L46)、配列番号：86(L47)、配列番号：87(L48)、配列番号：88(L49)、配列番号：89(L50)、配列番号：90(L51)、配列番号：91(L52)、配列番号：92(L53)、配列番号：93(L54)、配列番号：94(L55)、配列番号：95(L61)、配列番号：96(L63)、配列番号：97(L64)、配列番号：98(L72)、配列番号：99(L74)、配列番号：100(L75)、配列番号：101(L76)、配列番号：102(L125)、配列番号：103(L92)、配列番号：104(L104)、配列番号：105(L106)および配列番号：106(L122)よりなる群から選択されるアミノ酸配列を含んでなる軽鎖をコードする。

10

【0036】

本発明には、血栓を有するかもしくは血栓形成の危険がある哺乳類における血液凝固を阻害する方法が包含される。該方法は、糖タンパク質IIb/IIIaと特異的に結合する抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を哺乳類に投与することを含んでなり(ここで、該抗体もしくはそのフラグメントは、H44L4抗血小板自己抗体由来の抗原結合領域を含んでなる)、それにより該哺乳類における血液凝固を阻害する。

20

【0037】

一つの態様として、該方法は血栓溶解剤を投与することをさらに含んでなる。

【0038】

別の態様として、哺乳類はヒトである。

【0039】

本発明には、血栓を有するかもしくは血栓形成の危険がある哺乳類における血液凝固を可逆的に阻害する方法が包含される。該方法は、糖タンパク質IIb/IIIaと特異的に結合する抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を哺乳類に投与することを含んでなり(ここで、該抗体もしくはそのフラグメントは、H44L4抗血小板自己抗体由来の抗原結合領域を含んでなる)、それにより該哺乳類における血液凝固を阻害する。該方法はさらに、糖タンパク質IIb/IIIaとの結合のペプチドインヒビターの有効量を該哺乳類に投与することを含んでなり、それにより該哺乳類における血液凝固を可逆的に阻害する。

30

【0040】

一つの態様として、哺乳類はヒトである。

【0041】

別の態様として、ペプチドインヒビターはP4-12(配列番号：111)、P3-4(配列番号：112)、P4-7(配列番号：113)、P4-2a(配列番号：114)よりなる群から選択される。

40

【0042】

本発明には、血小板成分と抗血小板自己抗体との結合を阻害する方法が包含される。該方法は、該自己抗体を該結合のペプチドインヒビターと接触させることを含んでなり、それにより該成分と該抗血小板自己抗体との結合を阻害する。

【0043】

一つの態様として、該成分はGP IIb/IIIaであり、そしてさらに該自己抗体はH44L4であり、そしてここで、ペプチドインヒビターはP4-12(配列番号：111)、P3-4(配列番号：112)、P4-7(配列番号：113)、P4-2a(配列番号：114)、P73-11(配列番号：116)、P123-10(配列番号：118)、P74-4(配列番号：120)、P73-10(配列番号：122)、P74

50

- 3 (配列番号: 124)、P74-9 (配列番号: 126)、P74-5 (配列番号: 128)、P73-9 (配列番号: 130)、P124-8 (配列番号: 132)、P123-11 (配列番号: 134)、P124-1 (配列番号: 136)、P73-2 (配列番号: 138)、P73-6 (配列番号: 140)、P124-11 (配列番号: 142)、P124-2 (配列番号: 144)、P73-7 (配列番号: 146)、P74-1a (配列番号: 148)、P123-8 (配列番号: 150)、P74-8 (配列番号: 152) よりなる群から選択される。

【0044】

本発明にはまた、哺乳類における血小板粘着を阻害する方法も包含される。該方法は、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を哺乳類に投与することを含んでなり(ここで、該自己抗体はGPIIb/IIIaと特異的に結合し、それによりフォン・ビルブランドマルチマーとGPIIb/IIIaとの相互作用を阻害し、そしてここで、該相互作用は血小板粘着に必要とされる)、それにより該哺乳類における血小板粘着を阻害する。

10

【0045】

一つの態様として、哺乳類はヒトである。

【0046】

本発明には、哺乳類における血栓性血小板減少性紫斑病を処置する方法が包含される。該方法は、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を該動物に投与することを含んでなり(ここで、該自己抗体はGPIIb/IIIaと特異的に結合し、それによりフォン・ビルブランドマルチマーとGPIIb/IIIaとの相互作用を阻害し、そしてここで、該相互作用は血小板粘着に必要とされ、そしてさらにここで、該血小板粘着は該哺乳類における血栓性血小板減少性紫斑病を媒介する)、それにより該哺乳類における血栓性血小板減少性紫斑病を処置する。

20

【0047】

一つの態様として、哺乳類はヒトである。

【0048】

本発明には、血小板凝集を阻害する方法が包含される。該方法は、血小板を抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量と接触させることを含んでなる。

【0049】

一つの態様として、自己抗体はGPIIb/IIIaと特異的に結合する。

30

【0050】

別の態様として、自己抗体はH44L4 [配列番号: 64 (H44) および配列番号: 70 (L4)] である。

【0051】

本発明にはさらに、血小板活性化を阻害する方法が包含される。該方法は、血小板を抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量と接触させることを含んでなる。

【0052】

本発明には、血小板機能を阻害する方法が包含される。該方法は、血小板を抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量と接触させることを含んでなる。

40

【0053】

一つの態様として、自己抗体はGPIIa/IIa、GPIIb/IIIa および GPIIb/IIIa よりなる群から選択される血小板成分と特異的に結合する。

【0054】

本発明には、血小板と抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントとの結合を阻害する方法が包含される。該方法は、該自己抗体をペプチドインヒビターの有効量と接触させることを含んでなり、それにより該血小板と該自己抗体との結合を阻害する。

【0055】

一つの態様として、自己抗体はGPIIa/IIa、GPIIb/IIIa および GPIIb/IIIa

50

b / I X よりなる群から選択される少なくとも一つの血小板成分と特異的に結合する。

【0056】

別の態様として、ペプチドインヒビターは P 4 - 1 2 (配列番号: 1 1 1)、P 3 - 4 (配列番号: 1 1 2)、P 4 - 7 (配列番号: 1 1 3)、P 4 - 2 a (配列番号: 1 1 4)、P 7 3 - 1 1 (配列番号: 1 1 6)、P 1 2 3 - 1 0 (配列番号: 1 1 8)、P 7 4 - 4 (配列番号: 1 2 0)、P 7 3 - 1 0 (配列番号: 1 2 2)、P 7 4 - 3 (配列番号: 1 2 4)、P 7 4 - 9 (配列番号: 1 2 6)、P 7 4 - 5 (配列番号: 1 2 8)、P 7 3 - 9 (配列番号: 1 3 0)、P 1 2 4 - 8 (配列番号: 1 3 2)、P 1 2 3 - 1 1 (配列番号: 1 3 4)、P 1 2 4 - 1 (配列番号: 1 3 6)、P 7 3 - 2 (配列番号: 1 3 8)、P 7 3 - 6 (配列番号: 1 4 0)、P 1 2 4 - 1 1 (配列番号: 1 4 2)、P 1 2 4 - 2 (配列番号: 1 4 4)、P 7 3 - 7 (配列番号: 1 4 6)、P 7 4 - 1 a (配列番号: 1 4 8)、P 1 2 3 - 8 (配列番号: 1 5 0)、P 7 4 - 8 (配列番号: 1 5 2) よりなる群から選択される。

10

【0057】

本発明には、血小板と抗血小板自己抗体との結合を阻害するペプチドを同定する方法が包含される。該方法は、ペプチドディスプレイファージの有無で血小板と抗血小板自己抗体との結合を評価することを含んでなり(ここで、該ペプチドディスプレイファージのない場合の該血小板と該自己抗体との結合と比較して該ペプチドディスプレイファージの存在下での該血小板と該自己抗体との結合の低いレベルは、該ペプチドディスプレイファージにより提示されるペプチドが、該血小板と該自己抗体との結合を阻害する表示である)、それにより血小板と抗血小板自己抗体との結合を阻害するペプチドを同定する。

20

【0058】

本発明には、この方法により同定されるペプチドが包含される。

【0059】

本発明には、血小板成分と抗血小板自己抗体との結合を阻害するペプチドを同定する方法が包含される。該方法は、ペプチドディスプレイファージの有無で血小板成分と抗血小板自己抗体との結合を評価することを含んでなり(ここで、該ペプチドディスプレイファージのない場合の該血小板成分と該自己抗体との結合と比較して該ペプチドディスプレイファージの存在下での該血小板成分と該自己抗体との結合の低いレベルは、該ペプチドディスプレイファージにより提示されるペプチドが、該血小板成分と該自己抗体との結合を阻害する表示である)、それにより血小板成分と抗血小板自己抗体との結合を阻害するペプチドを同定する。本発明には、この方法により同定されるペプチドが包含される。

30

【0060】

一つの態様として、血小板成分は G P I a / I I a、G P I I b / I I I a および G P I b / I X よりなる群から選択される

本発明には、抗血小板自己抗体と結合するペプチドを同定する方法が包含される。該方法は、ペプチドディスプレイファージを抗血小板自己抗体と接触させることおよび該ファージが該自己抗体と特異的に結合するかどうかを検出することを含んでなり、それにより抗血小板抗体と特異的に結合するペプチドを同定する。

40

【0061】

本発明には、この方法により同定されるペプチドが包含される。

【0062】

本発明には、抗血小板自己抗体と特異的に結合するペプチドが包含される。

【0063】

本発明にはまた、哺乳類における特発性血小板減少性紫斑病 (I T P) を処置する方法が包含される。該方法は、I T P に苦しむ動物に V H 3 - 3 0 を発現する B リンパ球を特異的に殺す化合物の有効量を投与することを含んでなり、それにより該哺乳類における該 I T P を処置する。

【0064】

一つの態様として、哺乳類はヒトである。

50

【 0 0 6 5 】

別の態様として、化合物はスタヒロコッカスプロテイン A (S p A) および V H 3 - 3 0 と特異的に結合する抗体部分を含んでなる免疫毒素から選択される。

【 0 0 6 6 】

本発明には、血液凝固を阻害するためのキットが包含される。該キットは、糖タンパク質 I I b / I I I a と特異的に結合する抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を含んでなり、ここで、該自己抗体もしくはそのフラグメントは、H 4 4 L 4 抗血小板自己抗体由来の抗原結合領域を含んでなる。該キットはさらに、アプリケーションおよびその使用のための説明用資料を含んでなる。

【 0 0 6 7 】

本発明には、血液凝固を可逆的に阻害するためのキットが包含される。該キットは、糖タンパク質 I I b / I I I a と特異的に結合する抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を含んでなり、ここで、該自己抗体もしくはそのフラグメントは、H 4 4 L 4 抗血小板自己抗体由来の抗原結合領域を含んでなる。該キットはさらに、糖タンパク質 I I b / I I I a との該結合のペプチドインヒビターを含んでなり、そして該キットはまたアプリケーションおよびその使用のための説明用資料も含んでなる。

【 0 0 6 8 】

本発明には、血小板凝集を阻害するためのキットが包含される。該キットは、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を含んでなる。該キットはさらに、アプリケーションおよびその使用のための説明用資料を含んでなる。

【 0 0 6 9 】

本発明にはまた、血小板機能を阻害するためのキットも包含される。該キットは、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を接触させることを含んでなる。該キットはさらに、アプリケーションおよびその使用のための説明用資料を含んでなる。

【 0 0 7 0 】

本発明には、血小板活性化を阻害するためのキットが包含される。該キットは、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を接触させることを含んでなる。該キットはさらに、アプリケーションおよびその使用のための説明用資料を含んでなる。

[発明の詳細な記述]

定義

本明細書において用いる場合、以下の用語の各々は、本節におけるそれと関連する意味を有する。

【 0 0 7 1 】

冠詞「 a 」および「 a n 」は、該冠詞の文法的対象の 1 つもしくは 1 つより多く（すなわち、少なくとも 1 つ）をさすために本明細書において用いる。1 例として、「要素 (a n e l e m e n t) 」は、1 つの要素もしくは 1 つより多くの要素を意味する。

【 0 0 7 2 】

本明細書において用いる場合、アミノ酸は、下記の表に示すように、そのフルネームで、それに対応する 3 文字コードで、もしくはそれに対応する 1 文字コードで表す。

<u>フルネーム</u>	<u>3 文字コード</u>	<u>1 文字コード</u>
アスパラギン酸	A s p	D
グルタミン酸	G l u	E
リシン	L y s	K
アルギニン	A r g	R
ヒスチジン	H i s	H
チロシン	T y r	Y
システイン	C y s	C
アスパラギン	A s n	N

10

20

30

40

50

グルタミン	G l n	Q
セリン	S e r	S
トレオニン	T h r	T
グリシン	G l y	G
アラニン	A l a	A
バリン	V a l	V
ロイシン	L e u	L
イソロイシン	I l e	I
メチオニン	M e t	M
プロリン	P r o	P
フェニルアラニン	P h e	F
トリプトファン	T r p	W

10

「血小板活性化」は、該用語を本明細書において用いる場合、特に血栓形成における血小板機能と関連する生物学的特性を意味する。血小板活性化と関連する生物学的特性には、ある種の膜成分における他の物質（例えば、フィブリノーゲン、フォン・ビルブラント因子、コラーゲンなど）とそれらの相互作用をもたらす構造変化、貯蔵顆粒からの様々な細胞内物質の放出（例えば、とりわけ、セロトニン、フィブリノーゲン、ADP、様々な酵素）、血小板表面上の追加の受容体の発現（例えば、P-セレクチン、アネキシンなど）、ならびに一連の細胞内シグナル伝達経路における酵素および他の成分の開始が包含されるがこれらに限定されるものではない。

20

【0073】

本明細書に用いる場合、疾患を「軽減する」ことは、該疾患の一つもしくはそれ以上の症状の重傷度を軽減することを意味する。

【0074】

「アンチセンス」は、特に、タンパク質をコードする二本鎖DNA分子の非コーディング鎖の核酸配列、もしくは非コーディング鎖に実質的に相同である配列をさす。本明細書において定義する場合、アンチセンス配列は、タンパク質をコードする二本鎖DNA分子の配列に相補的である。アンチセンス配列は、DNA分子のコーディング鎖のコーディング部分にのみ相補的である必要はない。アンチセンス配列は、タンパク質をコードするDNA分子のコーディング鎖上に特定される調節配列に相補的であることができ、これらの調節配列は、コーディング配列の発現を制御する。

30

【0075】

本明細書において「自己抗体」とも呼ばれる「抗血小板自己抗体」は、その同じ動物におけるかもしくは同じ種の動物における、血小板もしくはその成分と特異的に結合する動物における抗体をさす。

【0076】

自己抗体を単離することができる自己免疫疾患およびそれらの関連抗原には、下記のもの：とりわけ、重症筋無力症（アセチルコリン受容体；ニューロン）、慢性炎症性脱髄性多発神経障害（ミエリン；ニューロン）、自己免疫性甲状腺疾患（甲状腺刺激ホルモン受容体；甲状腺細胞）、原発性胆汁性肝硬変（ミトコンドリア自己抗原；肝臓ミトコンドリア）、特発性血小板減少性紫斑病（本明細書の他の所に開示するような、血小板膜インテグリン；血小板）、尋常性天疱瘡（表皮抗原；表皮）およびグッドパスチャー症候群（基底膜抗原；腎臓もしくは肺細胞）が包含されるがこれらに限定されるものではない。

40

【0077】

血小板「成分」には、本明細書において用いる場合、血小板中もしくは上に存在するか、またはそれと関連する任意の分子が包含される。より好ましくは、血小板成分は、別の成分、例えばフィブリノーゲン、抗血小板自己抗体などと特異的に結合しそして/もしくは相互作用することができる、血小板表面上に存在する糖タンパク質（例えば、とりわけ、GPIIb/IIIa、GPIIb/IIIa、GPIIb/IX）を意味する。

【0078】

50

「アプリケーション」という用語は、該用語を本明細書において用いる場合、細胞、組織もしくは動物（例えば、ヒトのような哺乳類）に本発明の自己抗体もしくはペプチドインヒビターを投与するための、皮下注射器、ピペットなどが包含されるがこれらに限定されるものではない、任意の装置を意味する。

【0079】

血小板「凝集」の阻害には、該用語を本明細書において用いる場合、血小板を化合物と接触させた後の、そのように接触させていないそのほかの点では同一の血小板の凝集と比較して、血小板凝集（すなわち、ここで、少なくとも2つの血小板は相互に結合する）のレベルにおける検出可能な減少が包含される。血小板凝集は、別の成分（例えばフィブリノーゲン）と血小板成分（例えば血小板表面上の糖タンパク質）間の相互作用により媒介されることができる。これらの相互作用を妨げるかもしくは阻害する化合物は、血小板凝集を阻害する働きをすることができる。

【0080】

「生物学的活性フラグメント」は、該用語を本明細書において用いる場合、該フラグメントが由来する抗血小板自己抗体の部分が、全長自己抗体が結合する抗原と特異的に結合できること、およびそのような結合が、抗原と全長自己抗体との結合と同一ではないにしても同様の効果をもたらすことを意味する。一つのそのようなフラグメントには、マクロファージおよびFc受容体を保有する他の細胞へのFc受容体結合をなくしそしてそれによりFc受容体結合のためにそうでなければ起こる血小板破壊を防ぎながらフラグメントの血小板結合を維持するように全長抗体のCH2およびCH3定常領域ドメイン（すなわち、Fc部分）を欠く全長抗体の部分が包含されるが、これに限定されるものではない。

【0081】

抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの「生物学的活性」には、血小板成分と特異的に結合する、血小板を活性化する、マクロファージによる血小板のクリアランスを促進する、血小板凝集を誘導するかもしくは阻害する、血小板セロトニン放出を誘導するかもしくは阻害する、フィブリノーゲンとの血小板結合を誘導するかもしくは阻害する、フォン・ビルブラント因子との血小板結合を阻害する、コラーゲンとの血小板結合を阻害するなどの自己抗体の能力が包含されると解釈されるべきであるが、これらに限定されるものではない。

【0082】

本明細書において用いる場合、「フラグメント」という用語は、核酸に適用する場合、通常は少なくとも約20ヌクレオチドの長さ、好ましくは少なくとも約30ヌクレオチド、さらに典型的には約40～約50ヌクレオチド、好ましくは少なくとも約50～約80ヌクレオチド、さらにより好ましくは少なくとも約80ヌクレオチド～約90ヌクレオチド、なおさらにより好ましくは少なくとも約90～約100、さらにより好ましくは少なくとも約100ヌクレオチド～約150ヌクレオチド、なおさらにより好ましくは少なくとも約150～約200、さらにより好ましくは少なくとも約200ヌクレオチド～約250ヌクレオチド、なおさらにより好ましくは少なくとも約250～約300、より好ましくは約300～約350ヌクレオチド、好ましくは少なくとも約350～約360ヌクレオチドであることができ、そして最も好ましくは、核酸フラグメントは約365ヌクレオチドより大きい長さである。

【0083】

本明細書において用いる場合、「フラグメント」という用語は、ポリペプチドに適用する場合、通常は少なくとも約20アミノ酸の長さ、好ましくは少なくとも約30アミノ酸、さらに典型的には約40～約50アミノ酸、好ましくは少なくとも約50～約80アミノ酸、さらにより好ましくは少なくとも約80アミノ酸～約90アミノ酸、なおさらにより好ましくは少なくとも約90～約100、さらにより好ましくは少なくとも約100アミノ酸～約120アミノ酸であることができ、そして最も好ましくは、アミノ酸フラグメントは約123アミノ酸より大きい長さである。

【0084】

10

20

30

40

50

「血液凝固の阻害」は、本明細書において用いる場合、任意の利用可能なアッセイにより検出されるような、血栓形成のレベルにおける任意の検出可能な減少を意味する。血液凝固のそのようなアッセイには、インピボで出血時間を測定することならびに例えば既知の血小板アゴニスト（例えば、ADP、エピネフリン、トロンピン、コラーゲン）に反応する、凝集する、粘着する、そして/もしくはその中に含まれる細胞内顆粒の中身を分泌する血小板の能力を評価することにより、エクスピボで血小板機能活性を評価することが包含されるが、これらに限定されるものではない。

【0085】

「血小板機能を阻害すること」は、本明細書において用いる場合、接触させる前の血小板におけるもしくは化合物と接触させていないそのほかの点では同一の血小板における同じ血小板機能と比較した場合に、血小板を化合物と接触させた際の血小板機能のレベルにおける任意の検出可能な減少を意味する。

10

【0086】

次に、血小板「機能」は、血小板と関連する任意の生物学的活性を意味する。そのような活性には、血小板凝集体の形成、フォン・ビルブラント因子、コラーゲンおよび他の物質への血小板結合、内皮細胞への血小板の粘着、ならびに細胞内貯蔵からの様々な物質の分泌（例えば、セロトニンなど）が包含されるが、これらに限定されるものではない。

【0087】

「血小板活性化の阻害」という用語は、該用語を本明細書において用いる場合、血小板活性化のレベルにおける任意の検出可能な減少を意味する。

20

【0088】

「疾患」は、動物がホメオスタシスを維持することができず、そして該疾患が改善されない場合に動物の健康が悪化し続ける動物の健康状態である。対照的に、動物における「障害」は、動物がホメオスタシスを維持することはできるが、動物の健康状態が該障害のない場合におけるよりも好ましくない健康状態である。未処置のまま、障害は動物の健康状態のさらなる低下を必ずしも引き起こさない。

【0089】

抗血小板自己抗体の「有効量」という用語は、該用語を本明細書において用いる場合、血小板を該自己抗体と接触させた場合に、血小板機能および/もしくは生物学的活性もしくは特性への検出可能な効果をもたらす抗血小板自己抗体の量を意味する。そのような効果は、本明細書に開示するか、当該技術分野において既知であるか、もしくは開発される様々なアッセイを用いて評価することができる。評価される特性および/もしくは生物学的活性には、凝集する、セロトニンもしくは他の細胞内物質を分泌する、フィブリノーゲンに結合する、凝血塊を形成する、コラーゲンで覆われた表面に粘着するなどの血小板の能力が包含されるが、これらに限定されるものではない。

30

【0090】

同様に、「有効量」という用語は、それがペプチドインヒビターに関する場合、抗血小板自己抗体と接触させた場合に、血小板もしくはその成分と自己抗体との結合を検出可能に阻害するペプチドインヒビターの量を意味する。自己抗体とペプチドとの結合のレベル、ならびにペプチドインヒビターの有無での血小板もしくはその成分と自己抗体との結合のレベルは、本明細書に開示する方法、当該技術分野において周知であるもの、もしくは将来に開発されるような方法を用いて容易に評価することができる。

40

【0091】

当業者は、有効量が異なり、そして処置する疾患もしくは症状、処置する哺乳類の年齢ならびに健康および身体状態、疾患の重傷度、投与する特定の化合物などのような多数の因子に基づいて容易に決定できることを理解する。一般に、有効量は約0.1mg/kg～約100mg/kgの間、より好ましくは約1mg/kg～約25mg/kgに設定される。化合物（例えば、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント、ペプチドインヒビターなど）は、とりわけ、ポラス注射を包含する静脈内注射によって投与することができる。しかしながら、本発明はこの投与方法に限定されない。

50

【0092】

「相同な」は、本明細書において用いる場合、2つのポリマー分子間、例えば2つの核酸分子、例えば2つのDNA分子もしくは2つのRNA分子間、または2つのポリペプチド分子間のサブユニット配列類似性をさす。2つの分子の両方におけるあるサブユニット位置が同じモノマーサブユニットで占められる場合、例えば、2つのDNA分子の各々におけるある位置がアデニンで占められる場合、それらはその位置で相同である。2つの配列間の相同性は、マッチするかもしくは相同な位置の数の直接関数であり、例えば、2つの化合物配列における半分の位置（例えば、10個のサブユニットの長さのポリマーにおける5個の位置）が相同である場合、それら2つの配列は50%相同であり、90%の位置（例えば10個のうち9個）がマッチするかもしくは相同である場合、それら2つの配列は90%の相同性を共有する。1例として、DNA配列5'ATTGCC3'と5'TATGGC3'は50%の相同性を共有する。

10

【0093】

血小板もしくは血小板の成分（例えば、精製されたGPIIb/IIIa、GPIIb/IIIa、GPIIb/IXなど）と抗血小板自己抗体との結合の「ペプチドインヒビター」という用語は、自己抗体および血小板の存在下で投与した場合に、血小板もしくはその成分との自己抗体結合のレベルを検出可能に減少する任意のペプチドを意味する。比較的小さいペプチド、例えば線状12merおよびC7C制約（constrained）9merが本明細書の他のところに例示されているが、本発明はこれらのもしくは任意の特定のペプチドに限定されない。その代わりに、ペプチドは約5～約20アミノ酸残基の長さの間であることができる。

20

【0094】

「説明用資料」には、該用語を本明細書において用いる場合、本明細書に列挙する様々な疾患もしくは障害を軽減することもしくは処置することをもたらすためのキットにおいて本発明の核酸、ペプチドおよび/もしくは化合物の有用性を伝えるために用いることができる出版物、記録、図もしくは任意の他の表現媒体が包含される。場合により、あるいはまた、説明用資料は、哺乳類の細胞もしくは組織における疾患もしくは障害を軽減する一つもしくはそれ以上の方法を記述することができる。キットの説明用資料は、例えば、本発明の核酸、ペプチドおよび/もしくは化合物を含有する容器に添付することができ、または核酸、ペプチドおよび/もしくは化合物を含有する容器と一緒に出荷することができる。あるいはまた、説明用資料は、受取人が説明用資料および化合物を協調的に使用することを意図して容器と別個に出荷することができる。

30

【0095】

「単離された核酸」は、天然に存在する状態においてそれに隣接する配列から分離されている核酸セグメントもしくはフラグメント、例えば、該フラグメントに通常は隣接する配列（例えば、それが天然に存在するゲノムにおいて該フラグメントに隣接する配列）から取り除かれているDNAフラグメントをさす。該用語はまた、該核酸に生来付随する他の成分、例えば細胞においてそれに生来付随するRNAもしくはDNAもしくはタンパク質から実質的に精製されている核酸にも適用する。従って、該用語には、例えば、ベクターに、自己複製するプラスミドもしくはウイルスに、または原核生物もしくは真核生物のゲノムDNAに導入されるか、あるいは他の配列から独立して別個の分子として（例えば、cDNAまたはPCRもしくは制限酵素消化により製造されるゲノムもしくはcDNAフラグメントとして）存在する組み換えDNAが包含される。それにはまた、追加のポリペプチド配列をコードするハイブリッド遺伝子の一部である組み換えDNAも包含される。

40

【0096】

「プライマー」は、指定されたポリヌクレオチド鋳型に特異的にハイブリダイズしそして相補的なポリヌクレオチドの合成の開始点を提供することができるポリヌクレオチドをさす。そのような合成は、合成が誘導される条件下に、すなわち、ヌクレオチド、相補的なポリヌクレオチド鋳型、およびDNAポリメラーゼのような重合のための作用因子の存

50

在下にポリヌクレオチドプライマーが置かれる場合に起こる。プライマーは、典型的に一本鎖であるが、二本鎖であることもできる。プライマーは、典型的にデオキシリボ核酸であるが、多種多様な合成のおよび天然に存在するプライマーが多く用途に有用である。プライマーは、ハイブリダイズして合成の開始部位として働くようにそれが設計される鑄型に相補的であるが、鑄型の正確な配列を反映する必要はない。そのような場合、鑄型へのプライマーの特異的ハイブリダイゼーションは、ハイブリダイゼーション条件のストリンジェンシーにより決まる。プライマーは、例えば、発色、放射性もしくは蛍光部分で標識し、そして検出可能な部分として用いることができる。

【0097】

「組み換えポリヌクレオチド」は、生来一緒に連結されない配列を有するポリヌクレオチドをさす。増幅されたもしくは組み立てられた組み換えポリヌクレオチドを適当なベクターに含むことができ、そして適当な宿主細胞を形質転換するために該ベクターを用いることができる。

【0098】

組み換えポリヌクレオチドはまた、非コーディング機能（例えば、プロモーター、複製起点、リボソーム結合部位など）を果たすこともできる。

【0099】

組み換えポリヌクレオチドを含んでなる宿主細胞は、「組み換え宿主細胞」と呼ばれる。組み換え宿主細胞において発現される遺伝子（ここで、該遺伝子は組み換えポリヌクレオチドを含んでなる）は、「組み換えポリペプチド」を生産する。

【0100】

「組み換えポリペプチド」は、組み換えポリヌクレオチドの発現の際に生産されるものである。

【0101】

「ベクター」は、単離された核酸を含んでなりそして単離された核酸を細胞の内部に送達するために用いることができる物質の組成物である。線状ポリヌクレオチド、イオン化合物もしくは両親媒性化合物と関連するポリヌクレオチド、プラスミドおよびウイルスが包含されるが、これらに限定されるものではない多数のベクターが当該技術分野において既知である。従って、「ベクター」という用語には、自己複製するプラスミドもしくはウイルスが包含される。該用語にはまた、例えば、ポリリシン化合物、リボソームなどのような、細胞への核酸の導入を促進する非プラスミドおよび非ウイルス化合物も包含されると解釈されるべきである。ウイルスベクターの例には、アデノウイルスベクター、アデノ随伴ウイルスベクター、レトロウイルスベクターなどが包含されるが、これらに限定されるものではない。

【0102】

「発現ベクター」は、発現されるヌクレオチド配列に操作可能に連結された発現制御配列を含んでなる組み換えポリヌクレオチドを含んでなるベクターをさす。発現ベクターは、発現のための十分なシス作用要素を含んでなり；発現のための他の要素は、宿主細胞によりもしくはインビトロ発現系において供給されることができる。発現ベクターには、組み換えポリヌクレオチドを組み込むコスミド、プラスミド（例えば、裸のもしくはリボソームに含有される）およびウイルスのような当該技術分野において既知である全てのものが包含される。

【0103】

2つのポリヌクレオチドを「操作可能に連結された」と記述することは、2つのポリヌクレオチドの少なくとも一方が、もう一方に対してそれが特徴とする生理的効果を及ぼすことができるように核酸部分内で配置されている2つのポリヌクレオチドを一本鎖もしくは二本鎖核酸部分を含んでなることを意味する。1例として、遺伝子のコーディング領域に操作可能に連結されたプロモーターは、該コーディング領域の転写を促進することができる。

【0104】

10

20

30

40

50

好ましくは、所望のタンパク質をコードする核酸がプロモーター/調節配列をさらに含んでなる場合、該プロモーター/調節配列は、それが細胞において所望のタンパク質の発現を導くように所望のタンパク質をコードする配列の5'末端に位置する。所望のタンパク質をコードする核酸およびそのプロモーター/調節配列は、一緒に、「導入遺伝子」を含んでなる。

【0105】

本明細書において用いる場合、「プロモーター/調節配列」という用語は、該プロモーター/調節配列に操作可能に連結された遺伝子産物の発現に必要とされる核酸配列を意味する。ある場合には、この配列はコアプロモーター配列であることができ、そしてある場合には、この配列はまたエンハンサー配列および遺伝子産物の発現に必要とされる他の調節要素を含むこともできる。プロモーター/調節配列は、例えば、組織特異的に遺伝子産物を発現するものであることができる。

10

【0106】

「構成的」プロモーターは、遺伝子産物をコードするかもしくは特定するポリヌクレオチドと操作可能に連結した場合に、細胞の大部分のもしくは全ての生理的条件下で生きているヒト細胞において遺伝子産物を生産させるヌクレオチド配列である。

【0107】

「誘導性」プロモーターは、遺伝子産物をコードするかもしくは特定するポリヌクレオチドと操作可能に連結した場合に、該プロモーターに対応する誘導因子が細胞に存在する場合にのみ実質的に、生きているヒト細胞において遺伝子産物を生産させるヌクレオチド配列である。

20

【0108】

「組織特異的」プロモーターは、遺伝子産物をコードするかもしくは特定するポリヌクレオチドと操作可能に連結した場合に、細胞が該プロモーターに対応する組織タイプの細胞である場合にのみ実質的に、生きているヒト細胞において遺伝子産物を生産させるヌクレオチド配列である。

【0109】

「ポリアデニル化配列」は、転写されたメッセンジャーRNA配列上へのポリA尾部の付加を導くポリヌクレオチド配列である。

【0110】

「ポリヌクレオチド」は、核酸の一本鎖もしくは平行および逆平行鎖を意味する。従って、ポリヌクレオチドは一本鎖もしくは二本鎖核酸のいずれかであることができる。

30

【0111】

「核酸」という用語は、典型的に、大きいポリヌクレオチドをさす。

【0112】

「オリゴヌクレオチド」という用語は、典型的に、短いポリヌクレオチド（一般に、約50ヌクレオチドより大きくない）をさす。ヌクレオチド配列がDNA配列（すなわち、A、T、G、C）により表される場合、これには「U」が「T」に置き換わるRNA配列（すなわち、A、U、G、C）もまた包含されると理解される。

【0113】

本発明の文脈では、一般に存在する核酸塩基の以下の略語を用いる。「A」はアデノシンをさし、「C」はシチジンをさし、「G」はグアノシンをさし、「T」はチミジンをさし、そして「U」はウリジンをさす。

40

【0114】

ポリヌクレオチド配列を記述するために通常の表記法を本明細書において用いる：一本鎖ポリヌクレオチド配列の左端は5'末端であり；二本鎖ポリヌクレオチド配列の左方向は5'方向と呼ばれる。

【0115】

新生RNA転写産物へのヌクレオチドの5' 3'付加の方向は、転写方向と呼ばれる。mRNAと同じ配列を有するDNA鎖は「コーディング鎖」と呼ばれ；DNA上の基準

50

点に対して5'に位置するDNA鎖上の配列は「上流配列」と呼ばれ；DNA上の基準点に対して3'であるDNA鎖上の配列は「下流配列」と呼ばれる。

【0116】

ポリヌクレオチドの「一部」は、ポリヌクレオチドの少なくとも約20個の連続するヌクレオチド残基を意味する。ポリヌクレオチドの一部は、ポリヌクレオチドのあらゆるヌクレオチド残基を包含することができる。と理解される。

【0117】

「プライマー」は、指定されたポリヌクレオチド鋳型に特異的にハイブリダイズしそして相補的なポリヌクレオチドの合成の開始点を提供することができるポリヌクレオチドをさす。そのような合成は、合成が誘導される条件下に、すなわち、ヌクレオチド、相補的なポリヌクレオチド鋳型、およびDNAポリメラーゼのような重合のための作用因子の存在下にポリヌクレオチドプライマーが置かれる場合に起こる。プライマーは、典型的に一本鎖であるが、二本鎖であることもできる。プライマーは、典型的にデオキシリボ核酸であるが、多種多様な合成のおよび天然に存在するプライマーが多く用途に有用である。プライマーは、ハイブリダイズして合成の開始部位として働くようにそれが設計される鋳型に相補的であるが、鋳型の正確な配列を反映する必要はない。そのような場合、鋳型へのプライマーの特異的ハイブリダイゼーションは、ハイブリダイゼーション条件のストリンジェンシーにより決まる。プライマーは、例えば、発色、放射性もしくは蛍光部分で標識し、そして検出可能な部分として用いることができる。

10

【0118】

「プローブ」は、別のポリヌクレオチドの指定された配列に特異的にハイブリダイズすることができるポリヌクレオチドをさす。プローブは標的相補的ポリヌクレオチドに特異的にハイブリダイズするが、鋳型の正確な相補的配列を反映する必要はない。そのような場合、標的へのプローブの特異的ハイブリダイゼーションは、ハイブリダイゼーション条件のストリンジェンシーにより決まる。プローブは、例えば、発色、放射性もしくは蛍光部分で標識し、そして検出可能な部分として用いることができる。

20

【0119】

「組み換えポリヌクレオチド」は、生来一緒に連結されない配列を有するポリヌクレオチドをさす。増幅されたもしくは組み立てられた組み換えポリヌクレオチドを適当なベクターに含むことができ、そして適当な宿主細胞を形質転換するために該ベクターを用いることができる。

30

【0120】

組み換えポリヌクレオチドはまた、非コーディング機能（例えば、プロモーター、複製起点、リボソーム結合部位など）を果たすこともできる。

【0121】

「組み換えポリペプチド」は、組み換えポリヌクレオチドの発現の際に生産されるものである。

【0122】

「ポリペプチド」は、ペプチド結合、関連する天然に存在する構造バリエーションおよびその合成の天然に存在しないアナログによって連結されるアミノ酸残基、関連する天然に存在する構造バリエーションおよびその合成の天然に存在しないアナログからなるポリマーをさす。合成ポリペプチドは、例えば自動ポリペプチド合成機を用いて合成することができる。

40

【0123】

「タンパク質」という用語は、典型的に、大きいポリペプチドをさす。

【0124】

「ペプチド」という用語は、典型的に、短いポリペプチドをさす。

【0125】

ポリペプチド配列を表すために通常表記法を本明細書において用いる：ポリペプチド配列の左端はアミノ末端であり；ポリペプチド配列の右端はカルボキシル末端である。

50

【0126】

本明細書において用いる場合、「レポーター遺伝子」という用語は、既知の方法を用いてその発現を検出することができる遺伝子を意味する。1例として、エシェリキア・コリ (*Escherichia coli*) lacZ 遺伝子の発現は、培地に発色基質 o-ニトロフェニル-β-D-ガラクトシドを加えることにより既知の方法を用いて検出することができるので lacZ 遺伝子を培地におけるレポーター遺伝子として用いることができる (Gerhardt et al., eds., 1994, *Methods for General and Molecular Bacteriology*, American Society for Microbiology, Washington, DC, p. 574)。

10

【0127】

「受容体」は、リガンドと特異的に結合する化合物である。

【0128】

「特異的に結合する」という用語は、本明細書において用いる場合、特定の分子を認識しそして結合するが、サンプルにおける他の分子を実質的に認識しないかもしくは結合しない化合物、例えば、タンパク質、核酸、抗体などを意味する。例えば、サンプルにおけるコグネイトリガンドを認識しそして結合するが、サンプルにおける他の分子を実質的に認識しないかもしくは結合しない抗体もしくはペプチドインヒビター（すなわち、そのコグネイト血小板抗原と結合する抗血小板自己抗体、および自己抗体と特異的に結合しそれによりそのような結合を阻害するペプチドインヒビター）。

20

【0129】

疾患を「処置する」ことは、該用語を本明細書において用いる場合、疾患もしくは障害の頻度を減らし、疾患もしくは障害の1つもしくはそれ以上の症状のうちある症状が動物によって経験される頻度を減らすことを意味する。

記述

本発明は、抗血小板抗体を同定する組成物および方法、ならびにそのような抗体のインヒビターを同定する組成物および方法に関する。さらに、本発明は、血液凝固および様々な血小板機能を阻害する組成物および方法に、そして様々な血小板に関連する自己免疫疾患を処置する方法に関する。

【0130】

本発明までは、技術的障害により、ヒトモノクローナル抗血小板自己抗体の同定および単離は妨げられていた。本明細書に開示するデータは、本明細書に開示する多数の新規なヒト抗血小板自己抗体の成功した同定の新規なスクリーニング方法を示す。さらに、本発明は、そのような抗体の新規なインヒビターの同定に関する。さらに、本発明は、本発明の新規な抗血小板自己抗体を用いて、とりわけ、血小板凝集、活性化、セロトニン放出、フィブリノーゲン結合などの阻害を包含する、血小板機能を阻害する方法に関する。さらに、本発明は、本発明の新規なインヒビターを用いて阻害を取り消すことに関する。さらに、本発明は、血小板抗原との自己抗体結合によって媒介される疾患の診断およびの治療法の開発を包含する、新規な自己抗体の用途に関する。

30

I. 単離された核酸A. 抗血小板自己抗体をコードする核酸

本発明には、核酸のヌクレオチド配列が配列番号：1 (H4)、配列番号：2 (H10)、配列番号：3 (H29)、配列番号：4 (H36)、配列番号：5 (H37)、配列番号：6 (H38)、配列番号：7 (H39)、配列番号：8 (H40)、配列番号：9 (H41)、配列番号：10 (H42)、配列番号：11 (H44)、配列番号：12 (H45)、配列番号：13 (H46)、配列番号：14 (H47)、配列番号：15 (H48) および配列番号：16 (H83) の少なくとも1つを含んでなる、哺乳類抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする単離された核酸が包含される。

40

【0131】

50

別の態様として、該核酸は軽鎖をコードし、ここで、該軽鎖をコードする核酸のヌクレオチド配列は、配列番号：17(L4)、配列番号：18(L16)、配列番号：19(L24)、配列番号：20(L34)、配列番号：21(L35)、配列番号：22(L36)、配列番号：23(L37)、配列番号：24(L38)、配列番号：25(L39)、配列番号：26(L40)、配列番号：27(L41)、配列番号：28(L42)、配列番号：29(L43)、配列番号：30(L44)、配列番号：31(L45)、配列番号：32(L46)、配列番号：33(L47)、配列番号34(L48)、配列番号：35(L49)、配列番号：36(L50)、配列番号：37(L51)、配列番号：38(L52)、配列番号：39(L53)、配列番号：40(L54)、配列番号：41(L55)、配列番号：42(L61)、配列番号：43(L63)、配列番号：44(L64)、配列番号：45(L72)、配列番号：46(L74)、配列番号：47(L75)、配列番号：48(L76)、配列番号：49(L125)、配列番号：50(L92)、配列番号：51(L104)、配列番号：52(L106)および配列番号：53(L122)よりなる群から選択される少なくとも1つの配列を含んでなる。

10

【0132】

別の態様として、本発明には、核酸によりコードされるタンパク質が重鎖であり、そして該重鎖のアミノ酸が配列番号：54(H4)、配列番号：55(H10)、配列番号：56(H29)、配列番号：57(H36)、配列番号：58(H37)、配列番号：59(H38)、配列番号：60(H39)、配列番号：61(H40)、配列番号：62(H41)、配列番号：63(H42)、配列番号：64(H44)、配列番号：65(H45)、配列番号：66(H46)、配列番号：67(H47)、配列番号：68(H48)および配列番号：69(H83)の少なくとも一つの配列である、哺乳類抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする単離された核酸が包含される。

20

【0133】

同様に、本発明には、核酸が軽鎖をコードし、そして該軽鎖のアミノ酸が配列番号：70(L4)、配列番号：71(L16)、配列番号：72(L24)、配列番号：73(L34)、配列番号：74(L35)、配列番号：75(L36)、配列番号：76(L37)、配列番号：77(L38)、配列番号：78(L39)、配列番号：79(L40)、配列番号：80(L41)、配列番号：81(L42)、配列番号：82(L43)、配列番号：83(L44)、配列番号：84(L45)、配列番号：85(L46)、配列番号：86(L47)、配列番号：87(L48)、配列番号：88(L49)、配列番号：89(L50)、配列番号：90(L51)、配列番号：91(L52)、配列番号：92(L53)、配列番号：93(L54)、配列番号：94(L55)、配列番号：95(L61)、配列番号：96(L63)、配列番号：97(L64)、配列番号：98(L72)、配列番号：99(L74)、配列番号：100(L75)、配列番号：101(L76)、配列番号：102(L125)、配列番号：103(L92)、配列番号：104(L104)、配列番号：105(L106)および配列番号：106(L122)よりなる群から選択される配列を含んでなる、抗血小板自己抗体をコードする単離された核酸が包含される。

30

40

【0134】

当業者は、本明細書に提供する教示を備えて、本明細書の他のところに開示するような抗血小板自己抗体に到達するために本発明の自己抗体の重鎖および軽鎖を任意の組み合わせで組み合わせることができることを理解する。すなわち、本明細書の他のところに開示するデータは、本明細書に開示するような抗血小板自己抗体を製造するために重鎖もしくは軽鎖をそれぞれ様々な他の軽鎖もしくは重鎖と組み合わせることができることを示す。例えば、図1に開示するデータは、重鎖、H38をいくつかの軽鎖、例えば、L39、L49、L54、L55、L72、L74、L75およびL76と組み合わせることができることを明らかに示す。同様に、該データは、軽鎖、例えばL44をいくつかの重鎖、例えば、H37およびH39と組み合わせることができることを示す。従って、該データは

50

、組み合わせが本発明の自己抗体を生成するように、本明細書に開示する重鎖および軽鎖、ならびに本明細書に開示する方法を用いて同定されるものを組み合わせることができることを示す。様々な重鎖および軽鎖の組み合わせを包含する可能な自己抗体をスクリーニングする方法は、本明細書の他のところに記載する。従って、当業者は、当該技術分野において既知である教示および本明細書に提供する開示を備えて、抗血小板自己抗体（特にここで、そのような自己抗体の重鎖および軽鎖は以前に記述されている）を単離しそして同定することができる。

【0135】

当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、本発明の核酸が、興味のある自己抗体の製造に有用であることを理解する。さらに、該核酸は、とりわけ、自己抗体の遺伝的原因、ならびに体細胞突然変異およびクローン関連性の程度（しかしこれらに限定されるものではない）を研究するために有用である。

10

【0136】

当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、抗血小板自己抗体のホモログが存在すると思われ、そして本明細書に記述する新規なスクリーニング方法を用いてそして本明細書に開示する配列データを用いて容易に同定しそして単離できることを理解する。従って、本発明には、本明細書に提供する開示に基づいて容易に同定することができる追加の抗血小板自己抗体が包含される。

【0137】

本発明の単離された核酸には、本発明の抗血小板自己抗体をコードするRNAもしくはDNA配列、およびヌクレオチド配列をそれが無細胞である場合もしくはそれが細胞と関連する場合にいっそう安定にするDNAもしくはRNAの化学修飾を包含する、その任意の修飾形態が包含されると解釈されるべきである。ヌクレオチドの化学修飾はまた、ヌクレオチド配列が細胞により取り込まれる効率もしくはそれが細胞において発現される効率を高めるために用いることもできる。ヌクレオチド配列の修飾のありとあらゆる組み合わせは、本発明において意図される。

20

【0138】

本発明は、本明細書に開示する核酸およびアミノ酸配列にのみ限定されると解釈されるべきではない。いったん本発明を備えると、ヒト自己抗体をコードする他の核酸、ならびに哺乳類の他の種（例えば、類人猿、テナガザル、ウシ、ヒツジ、ウマ、ブタ、イヌ、ネコなど）に存在するもののようなしかしこれらに限定されるものではない、抗血小板自己抗体をコードする他の核酸を同定できることは当業者に容易に明らかである。これらの追加の配列は、本明細書に開示するような抗血小板自己抗体をコードするヒト核酸の単離のための実験の詳細の節において本明細書に記述する方法（例えば、ファージディスプレイライブラリーのスクリーニング、無傷血小板上でのパニングなど）、および当該技術分野において周知であるかもしくは開発される方法に従うことにより得ることができる。

30

【0139】

さらに、例えば、Sambrook et al. (1989, Molecular Cloning: A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Laboratory Press, New York) および Ausubel et al. (1997, Current Protocols in Molecular Biology, Green & Wiley, New York) に記述されているもののような当該技術分野において周知である組み換えDNA方法論を使用する抗血小板自己抗体の突然変異体、誘導体もしくはバリエーション形態の作製にいくつもの方法を用いることができる。

40

【0140】

ポリペプチドをコードするDNA配列を改変することによるタンパク質もしくはポリペプチドにおけるアミノ酸改変の導入の方法は、当該技術分野において周知であり、そしてまた Sambrook et al. (1989, 上記); Ausubel et al. (1997, 上記) にも記述されている。

50

【0141】

本発明には、タグポリペプチドをコードする核酸がそれに共有結合している哺乳類抗血小板自己抗体をコードする核酸が包含される。すなわち、本発明には、タグポリペプチドをコードする核酸配列が少なくとも一つの抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする核酸に共有結合しているキメラ核酸が包含される。そのようなタグポリペプチドは当該技術分野において周知であり、そして例えば、緑色蛍光タンパク質 (GFP)、インフルエンザウイルス赤血球凝集素タグポリペプチド、myc、myc - ピルビン酸キナーゼ (myc - PK)、His₆、マルトース結合タンパク質 (MBP)、FLAGタグポリペプチドおよびグルタチオン - S - トランスフェラーゼ (GST) タグポリペプチドが包含される。しかしながら、本発明は、上記のタグポリペプチドをコードする核酸に限定されると決して解釈されるべきではない。むしろ、これらのタグポリペプチドと実質的に同様に機能することができるポリペプチドをコードする任意の核酸配列は、本発明に包含されると解釈されるべきである。

10

【0142】

タグポリペプチドをコードする核酸を含んでなる核酸は、細胞、組織 (例えば、血管、骨など) および / もしくは丸ごとの生物 (例えば、ヒトなど) 内の抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの場所を突き止めるために、そして細胞における抗血小板自己抗体の役割 (一つもしくは複数) を研究するために用いることができる。さらに、タグポリペプチドの付加は、本発明のタンパク質を製造しそして容易に精製することができるように「タグ付き」タンパク質の単離および精製を容易にする。

20

【0143】

さらに、本発明の抗血小板自己抗体キメラ免疫グロブリンはまた、血栓画像化にも有用である。この目的には、抗体フラグメントが一般に好ましい。キメラ重鎖遺伝子は、免疫シンチグラフィ画像化用のキメラ免疫グロブリンフラグメント (例えば、Fab、Fab' もしくは F (ab')₂) を製造するためにトランケーション形態 (truncated form) で設計することができる。これらの分子は、放射免疫シンチグラフィ剤を製造するために¹³¹ヨウ素、¹²⁵ヨウ素、^{99m}テクネチウムもしくは¹¹¹インジウムのような放射性同位体で、直接もしくは DTPA のような連結したキレート剤を介して標識することができる。あるいはまた、標識化の部位を与えるために放射金属結合 (キレート) ドメインをキメラ抗体部位中に設計することができる。従って、キメラ免疫グロブリンは、血小板特異的可変領域、定常領域 (好ましくはトランケーションされた)、およびメタロチオネインのような金属結合タンパク質由来の金属結合ドメインを有するタンパク質として設計することができる。

30

【0144】

血小板特異的キメラ免疫グロブリンは、血栓を有することが疑われる患者に投与される。標識した免疫グロブリンを血栓部位に局在させるために十分な時間の後に、標識により生成されるシグナルをガンマ線カメラのようなフォトスキャン装置により検出する。次に、検出されるシグナルを血栓の画像に転化する。該画像は、インビボで血栓を特定することおよび適切な治療戦略を考案することを可能にする。

【0145】

本発明の抗血小板自己抗体が、活性化されるか、不活性化されるかもしくは両方である血小板と結合する場合、全ての血小板の標識化に起因するバックグラウンド「ノイズ」を超える検出可能なシグナルを生成する血小板の凝集のために血栓を視覚化することができる。あるいはまた、本発明の抗血小板自己抗体が、活性化された血小板に特異的に結合するが不活性化された血小板にはそうしない場合、血栓は、活性化された血小板がそこに存在するので検出することができる。

40

B. ペプチドインヒビターをコードする核酸

本発明には、核酸が P 4 - 1 2 (配列番号 : 1 0 7) ; P 3 - 4 (配列番号 : 1 0 8) ; P 4 - 7 (配列番号 : 1 0 9) ; P 4 - 2 a (配列番号 : 1 1 0) ; P 7 3 - 1 1 (配列番号 : 1 1 5) ; P 1 2 3 - 1 0 (配列番号 : 1 1 7) ; P 7 4 - 4 (配列番号 : 1 1

50

9) ; P 7 3 - 1 0 (配列番号 : 1 2 1) ; P 7 4 - 3 (配列番号 : 1 2 3) ; P 7 4 - 9 (配列番号 : 1 2 5) ; P 7 4 - 5 (配列番号 : 1 2 7) ; P 7 3 - 9 (配列番号 : 1 2 9) ; P 1 2 4 - 8 (配列番号 : 1 3 1) ; P 1 2 3 - 1 1 (配列番号 : 1 3 3) ; P 1 2 4 - 1 (配列番号 : 1 3 5) ; P 7 3 - 2 (配列番号 : 1 3 7) ; P 7 3 - 6 (配列番号 : 1 3 9) ; P 1 2 4 - 1 1 (配列番号 : 1 4 1) ; P 1 2 4 - 2 (配列番号 : 1 4 3) ; P 7 3 - 7 (配列番号 : 1 4 5) ; P 7 4 - 1 a (配列番号 : 1 4 7) ; P 1 2 3 - 8 (配列番号 : 1 4 9) ; P 7 4 - 8 (配列番号 : 1 5 1) よりなる群から選択されるヌクレオチド配列を含んでなる、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントのペプチドインヒビターをコードする単離された核酸が包含される。

【 0 1 4 6 】

別の態様として、本発明には、コードされるタンパク質が P 4 - 1 2 (配列番号 : 1 1 1) ; P 3 - 4 (配列番号 : 1 1 2) ; P 4 - 7 (配列番号 : 1 1 3) ; P 4 - 2 a (配列番号 : 1 1 4) ; P 7 3 - 1 1 (配列番号 : 1 1 6) ; P 1 2 3 - 1 0 (配列番号 : 1 1 8) ; P 7 4 - 4 (配列番号 : 1 2 0) ; P 7 3 - 1 0 (配列番号 : 1 2 2) ; P 7 4 - 3 (配列番号 : 1 2 4) ; P 7 4 - 9 (配列番号 : 1 2 6) ; P 7 4 - 5 (配列番号 : 1 2 8) ; P 7 3 - 9 (配列番号 : 1 3 0) ; P 1 2 4 - 8 (配列番号 : 1 3 2) ; P 1 2 3 - 1 1 (配列番号 : 1 3 4) ; P 1 2 4 - 1 (配列番号 : 1 3 6) ; P 7 3 - 2 (配列番号 : 1 3 8) ; P 7 3 - 6 (配列番号 : 1 4 0) ; P 1 2 4 - 1 1 (配列番号 : 1 4 2) ; P 1 2 4 - 2 (配列番号 : 1 4 4) ; P 7 3 - 7 (配列番号 : 1 4 6) ; P 7 4 - 1 a (配列番号 : 1 4 8) ; P 1 2 3 - 8 (配列番号 : 1 5 0) ; P 7 4 - 8 (配列番号 : 1 5 2) よりなる群から選択されるアミノ酸配列を含んでなる、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントのペプチドインヒビターをコードする単離された核酸が包含される。

【 0 1 4 7 】

当業者は、本明細書に提供する教示を備えて、抗血小板自己抗体の結合のそのようなペプチドインヒビターが、とりわけ、そのような結合を阻害し、それにより I T P、輸血後紫斑病 (P T P) などが包含されるがこれらに限定されるものではないそのような結合で媒介されるかもしくはそれと関連する任意の疾患を処置するかもしくは改善するために有用であることを理解する。これは、本明細書の他のところに示すように、ペプチドインヒビターが自己抗体と結合し、それにより抗体がそのコグネイト抗原、例えば、血小板表面上に存在する糖タンパク質のようなくかしこれに限定されるものではない血小板成分と結合するのを妨げるからである。従って、ペプチドインヒビターは該結合を阻害し (この結合は疾患を媒介する)、それにより血小板もしくは血小板の成分との自己抗体結合により媒介される疾患、障害もしくは症状を処置するかもしくは改善する。

II. 単離されたポリペプチド

本発明にはまた、哺乳類抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントを含んでなる単離されたポリペプチドが包含される。好ましくは、単離されたポリペプチドは重鎖を含んでなり、ここで、該重鎖のアミノ酸は重鎖よりなる群から選択され、そしてここで、該重鎖のアミノ酸は配列番号 : 5 4 (H 4)、配列番号 : 5 5 (H 1 0)、配列番号 : 5 6 (H 2 9)、配列番号 : 5 7 (H 3 6)、配列番号 : 5 8 (H 3 7)、配列番号 : 5 9 (H 3 8)、配列番号 : 6 0 (H 3 9)、配列番号 : 6 1 (H 4 0)、配列番号 : 6 2 (H 4 1)、配列番号 : 6 3 (H 4 2)、配列番号 : 6 4 (H 4 4)、配列番号 : 6 5 (H 4 5)、配列番号 : 6 6 (H 4 6)、配列番号 : 6 7 (H 4 7)、配列番号 : 6 8 (H 4 8) および配列番号 : 6 9 (H 8 3) の少なくとも一つの配列である。

【 0 1 4 8 】

本発明にはまた、自己抗体が軽鎖を含んでなり、軽鎖のアミノ酸が配列番号 : 7 0 (L 4)、配列番号 : 7 1 (L 1 6)、配列番号 : 7 2 (L 2 4)、配列番号 : 7 3 (L 3 4)、配列番号 : 7 4 (L 3 5)、配列番号 : 7 5 (L 3 6)、配列番号 : 7 6 (L 3 7)、配列番号 : 7 7 (L 3 8)、配列番号 : 7 8 (L 3 9)、配列番号 : 7 9 (L 4 0)、配列番号 : 8 0 (L 4 1)、配列番号 : 8 1 (L 4 2)、配列番号 : 8 2 (L 4 3)、配

10

20

30

40

50

列番号：83(L44)、配列番号：84(L45)、配列番号：85(L46)、配列番号：86(L47)、配列番号：87(L48)、配列番号：88(L49)、配列番号：89(L50)、配列番号：90(L51)、配列番号：91(L52)、配列番号：92(L53)、配列番号：93(L54)、配列番号：94(L55)、配列番号：95(L61)、配列番号：96(L63)、配列番号：97(L64)、配列番号：98(L72)、配列番号：99(L74)、配列番号：100(L75)、配列番号：101(L76)、配列番号：102(L125)、配列番号：103(L92)、配列番号：104(L104)、配列番号：105(L106)および配列番号：106(L122)よりなる群から選択されるアミノ酸配列を含んでなる、哺乳類抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントを含んでなる単離されたポリペプチドも包含される。

10

【0149】

当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、重鎖を幅広く多数の軽鎖と組み合わせることができる、そして逆に、重鎖および軽鎖の各々を本明細書に開示するそれぞれ軽鎖もしくは重鎖と組み合わせることができるように理解する。さらに、本明細書に開示する各重鎖および軽鎖は、開示されていないが当該技術分野において既知であるかもしくは将来に同定されるそれぞれ軽鎖もしくは重鎖と組み合わせることができる。これは、本明細書の他のところにさらに十分に記載するように(例えば、図1およびその説明を参照)、本発明の抗血小板自己抗体を製造するために単一の軽鎖を様々な重鎖と組み合わせることができるからである。同様に、本明細書の他のところに開示するデータは、本発明の抗血小板自己抗体を形成するために単一の重鎖を様々な軽鎖と組み合わせることができることを十分に示す。従って、当業者は、本明細書に提供する教示および当該技術分野において周知である方法を備えて、血小板成分と結合する追加のH+L鎖の組み合わせを容易に同定することができ、そしてそのような自己抗体は本明細書に包含される。

20

【0150】

さらに、重鎖および軽鎖のある種の組み合わせが好ましく、そして次のとおりである：
 H44L4 [配列番号：64(H44)および配列番号：70(L4)]、H46L16 [配列番号：66(H46)および配列番号：71(L16)]、H48L24 [配列番号：68(H48)および配列番号：72(L24)]、H36L35 [配列番号：57(H36)および配列番号：74(L35)]、H40L36 [配列番号：61(H40)および配列番号：75(L36)]、H83L34 [配列番号：69(H83)および配列番号：73(L34)]、H39L37 [配列番号：60(H39)および配列番号：76(L37)]、H42L38 [配列番号：63(H42)および配列番号：77(L38)]、H38L39 [配列番号：59(H38)および配列番号：78(L39)]、H37L40 [配列番号：58(H37)および配列番号：79(L40)]、H37L41 [配列番号：58(H37)および配列番号：80(L41)]、H40L42 [配列番号：61(H40)および配列番号：81(L42)]、H39L43 [配列番号：60(H39)および配列番号：82(L43)]、H37L44 [配列番号：58(H37)および配列番号：83(L44)]、H39L44 [配列番号：60(H39)および配列番号：83(L44)]、H37L45 [配列番号：58(H37)および配列番号：84(L45)]、H39L46 [配列番号：60(H39)および配列番号：85(L46)]、H37L47 [配列番号：58(H37)および配列番号：86(L47)]、H37L48 [配列番号：58(H37)および配列番号：87(L48)]、H38L49 [配列番号：59(H38)および配列番号：88(L49)]、H37L50 [配列番号：58(H37)および配列番号：89(L50)]、H41L51 [配列番号：62(H41)および配列番号：90(L51)]、H40L52 [配列番号：61(H40)および配列番号：91(L52)]、H40L53 [配列番号：61(H40)および配列番号：92(L53)]、H38L54 [配列番号：59(H38)および配列番号：93(L54)]、H38L55 [配列番号：59(H38)および配列番号：94(L55)]、H45L61 [配列番号：84(H45)および配列番号

30

40

50

： 95 (L 6 1)]、H 4 7 L 6 3 [配列番号： 6 7 (H 4 7) および配列番号： 9 6 (L 6 3)]、H 4 7 L 6 4 [配列番号： 6 7 (H 4 7) および配列番号： 9 7 (L 6 4)]、H 3 8 L 7 2 [配列番号： 5 9 (H 3 8) および配列番号： 9 8 (L 7 2)]、H 3 8 L 7 4 [配列番号： 5 9 (H 3 8) および配列番号： 9 9 (L 7 4)]、H 3 8 L 7 5 [配列番号： 5 9 (H 3 8) および配列番号： 1 0 0 (L 7 5)]、H 3 8 L 7 6 [配列番号： 5 9 (H 3 8) および配列番号： 1 0 1 (L 7 6)]、H 3 6 L 7 6 [配列番号： 5 7 (H 3 6) および配列番号： 1 0 1 (L 7 6)]、H 3 7 L 9 2 [配列番号： 5 8 (H 3 7) および配列番号： 1 0 3 (L 9 2)]、H 2 9 L 1 0 4 [配列番号： 5 6 (H 2 9) および配列番号： 1 0 4 (L 1 0 4)]、H 4 L 1 0 6 [配列番号： 5 4 (H 4) および配列番号： 1 0 5 (L 1 0 6)] ならびに H 1 0 L 1 2 2 [配列番号： 5 5 (H 1 0) および配列番号： 1 0 6 (L 1 2 2)]。しかしながら、本明細書の他のところすでに指摘するように、本発明の自己抗体は、重鎖および軽鎖のこれらのもしくはは任意の他の組み合わせに決して限定されない。

10

【 0 1 5 1 】

本発明には、本発明の抗血小板自己抗体の生物学的活性フラグメントが包含される。すなわち、当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、本発明の自己抗体のフラグメントを本発明の方法に使用できることを理解する。抗体フラグメントの使用は当該技術分野において周知であり、そして使用する抗体分子の関連部分（1つもしくは複数）の同定は、当業者の認識範囲内である。従って、全長自己抗体分子と同一ではないにしても実質的に同様である生物学的活性を有する抗体フラグメントの同定および製造は、本発明に包含

20

【 0 1 5 2 】

本発明にはまた、血小板抗原の特定の領域と特異的に結合する抗血小板抗体もしくはその生物学的活性フラグメントも包含される。そのような血小板抗原には、ある種のインテグリン、例えば、とりわけ、G P I a / I I a、G P I I b / I I I a および G P I b / I X が包含されるが、これらに限定されるものではない。しかしながら、本発明は、これらのもしくはは任意の他の血小板成分に限定されない。すなわち、本明細書の他のところに開示する方法を用いて、そして本明細書の他のところに記載する教示に従って、当業者は、幅広く多数の血小板成分と特異的に結合する抗血小板自己抗体を容易に同定することができる。

30

【 0 1 5 3 】

さらに、本発明には、血小板成分のある部分に特異的に結合する抗血小板自己抗体が包含される。さらに特に、エピトープ発現および自己抗体による認識に必要とされる血小板成分の部分を同定することができ、そして全長血小板成分のある部分を必要とするが他の部分を必要としない自己抗体を同定することができる。そのような自己抗体には、血小板成分（G P I I b / I I I a）との結合に、I I b（配列番号： 1 5 3；GenBank 受託番号 P 0 8 5 1 4）の約アミノ酸残基番号 4 4 7～約アミノ酸残基番号 1 0 0 9 のようなしかしこれに限定されるものではない、例えば G P I I b / I I I a のある部分を必要とする抗血小板自己抗体が包含されるが、これに限定されるものではない。従って、本発明には、インテグリンの I I b タイプの N 末端部分（例えば配列番号： 1 5 3 の配列に対して約アミノ酸残基番号 1～約アミノ酸残基番号 4 4 6 を含んでなる部分）を必要としない（すなわち、類似のピトロネクチン部分が十分である）抗血小板自己抗体が包含される。

40

【 0 1 5 4 】

本発明には、モノクローナル、合成抗体などが包含される。当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、本発明の自己抗体の重要な特徴は、自己抗体が血小板成分（例えば、G P I a / I I a、G P I I b / I I I a、G P I b / I X など）と特異的に結合することであることを理解する。すなわち、本発明の自己抗体は、当該技術分野において周知である標準方法を用いて、本明細書の他のところに開示するデータにより示されるように、血小板もしくはその成分を認識し、そしてそのような結合はまた、当該技術分野におい

50

て既知であるが本明細書に記述されていない方法ならびに将来に開発される方法を用いて評価することもできる。

【0155】

本発明には、本明細書の他のところに開示するスクリーニング方法を用いて同定されるモノクローナル抗体が包含される。

【0156】

ファージディスプレイライブラリーにより生産される本発明の自己抗体は、サブクローン化しそして大量のペプチドの生成に適切な細胞において適切なプロモーター配列から発現することができる。本発明のモノクローナル自己抗体はまた、当該技術分野において既知である標準方法を用いて化学合成により製造することもできる。

10

【0157】

本明細書に記述する方法を用いて得られるモノクローナル自己抗体をコードする核酸は、当該技術分野において利用可能でありそして例えば Wright et al. (1992, Critical Rev. Immunol. 12: 125 - 168) およびその中に引用される参考文献に記述されている技術を用いてクローン化しそしてシーケンスすることができる。

【0158】

さらに、本発明の非ヒト哺乳類自己抗体は、例えば、Wright et al. (上記) およびその中に引用される参考文献に、そして Guet al. (1997, Thrombosis and Hematocyst. 77: 755 - 759) に記述されている技術、ならびに当該技術分野において周知であるかもしくは開発される抗体をヒト化する他の方法を用いて「ヒト化」することができる。

20

【0159】

本明細書の他のところにさらに十分に記載するように、ファージ抗体ライブラリーを製作するために、最初に、ファージ表面上に発現される所望のタンパク質（例えば所望の抗体）を発現する細胞（例えば正常動物もしくは動物からの脾臓細胞）から単離される mRNA より cDNA ライブラリーを得る。mRNA の cDNA コピーは、逆転写酵素を用いて製造する。免疫グロブリンフラグメントを特定する cDNA は、PCR により得られ、そして得られる DNA を適当なバクテリオファージベクターにクローン化して免疫グロブリン遺伝子を特定する DNA を含んでなるバクテリオファージ DNA ライブラリーを製作する。異種 DNA を含んでなるバクテリオファージライブラリーを製作する方法は、当該技術分野において周知であり、そして本明細書ならびに例えば Sambrook et al.、上記に記述されている。

30

【0160】

所望の抗体をコードするバクテリオファージは、該タンパク質がその対応する結合タンパク質（例えば、抗体が向けられる抗原）に結合することに利用可能であるようにその表面上に提示されるように設計することができる。従って、特定の抗体を発現するバクテリオファージが、対応する抗原を発現する細胞の存在下でインキュベーションされる場合、該バクテリオファージは該細胞に結合する。抗体を発現しないバクテリオファージは、細胞に結合しない。そのようなパニング技術は当該技術分野において周知であり、そして例えば Wright et al. (上記) に記述されている。

40

【0161】

上記のもののような方法は、M13 バクテリオファージディスプレイを用いてヒト抗体の製造のために開発されている (Burton et al., 1994, Adv. Immunol. 57: 191 - 280)。そのようなディスプレイライブラリーの製造およびそのスクリーニングに関する方法は、Siegel への米国特許第 6,255,455 号に記載されており、それは本明細書にその全部が記載されるように引用することにより組み込まれる。本質的に、cDNA ライブラリーは、抗体産生細胞の集団から得られる mRNA より作製される。該 mRNA は、再編成した免疫グロブリン遺伝子をコードし、従って、該 cDNA は同じものをコードする。増幅した cDNA を M13 発現ベクター（も

50

しくはM13パッケージングシグナルを有するファージ(ミド)にクローン化し、それらの表面上にヒトFabフラグメントを発現するファージのライブラリーを作製する。興味のある抗体を提示するファージを抗原結合により選択し、そして細菌において増やして可溶性ヒトFab免疫グロブリンを製造する。従って、通常モノクローナル抗体合成と異なり、この方法は、ヒト免疫グロブリンを発現する細胞よりむしろヒト免疫グロブリンをコードするDNAを不死化する。

【0162】

この提示する方法は、抗体分子のFab部分をコードするファージの作製を記述する。しかしながら、本発明は、Fab抗体をコードするファージの作製にのみ限定されると解釈されるべきではない。むしろ、一本鎖抗体をコードするファージ(scFv/ファージ抗体ライブラリー)もまた、本発明に包含される。Fab分子は全Ig軽鎖を含んでなり、すなわち、それらは軽鎖の可変および定常領域の両方を含んでなるが、重鎖の可変領域および第一の定常領域ドメイン(CH1)のみを含む。一本鎖抗体分子は、IgFvフラグメントを含んでなるタンパク質の一本鎖を含んでなる。IgFvフラグメントは、抗体の重鎖および軽鎖の可変領域のみを含み、その中に定常領域を含まない。scFvDNAを含んでなるファージライブラリーは、Marks et al. (1991, J. Mol. Biol. 222: 581-597)に記述されている方法に従って作製することができる。所望の抗体の単離のためにそのように作製したファージのパニングは、Fab DNAを含んでなるファージライブラリーに記述するものと同様に行う。

【0163】

本発明の自己抗体は、1価、2価もしくは多価であることができる。1価の免疫グロブリンは、キメラ軽鎖とジスルフィド架橋を介して結合しているキメラ重鎖の形状を成すダイマー(HL)である。2価の免疫グロブリンは、少なくとも1つのジスルフィド架橋を介して結合している2つのダイマーの形状を成すテトラマー(H₂L₂)である。多価の免疫グロブリンもまた、例えば、凝集する重鎖定常領域(例えば、μ重鎖定常領域)を用いることにより製造することができる。Fab、Fab'もしくはF(ab')₂のようなキメラ免疫グロブリンフラグメントもまた、製造することができる。血小板機能に影響を与えるが、血小板破壊をもたらさないために本発明の自己抗体を用いる目的(抗体クローンが由来するITPにかかっている患者におけるような)には、抗原認識部分(例えば、Fab、Fab'、F(ab')₂もしくはFv)だけを保有しそしてFcドメインを欠いている免疫グロブリンフラグメントが望ましくあり得る。すなわち、当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、本発明には、血小板もしくは血小板の成分とフラグメントとの血小板結合を維持するがマクロファージ(およびFc受容体を保有する他の細胞)へのFc受容体結合および結果として起こる血小板破壊をなくすように全長形態のCH2およびCH3定常領域ドメイン(すなわち、Fc部分)を欠いた全長自己抗体のフラグメントを製造することおよび使用することが包含されることを理解する。

【0164】

本発明にはまた、重鎖および軽鎖可変領域がほとんど全ての可能な特異性を含むようにそれらを合成することができる合成ファージディスプレイライブラリーも包含されると解釈されるべきである(Barbas, 1995, Nature Medicine 1: 837-839; de Kruijff et al. 1995, J. Mol. Biol. 248: 97-105)。

【0165】

本発明はまた、本明細書に開示するような、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントを含んでなるタンパク質もしくはペプチドのアナログも提供する。本発明にはさらに、自己抗体結合のペプチドインヒビターのアナログが包含され、これらのインヒビターは本明細書に開示される。アナログは、保存的アミノ酸配列の違いによりもしくは配列に影響を与えない改変により、または両方により天然に存在するタンパク質もしくはペプチドと異なることができる。例えば、保存的アミノ酸改変を行うことができ、それらはタンパク質もしくはペプチドの一次配列を改変するが、その機能を通常は改変しない

10

20

30

40

50

。保存的アミノ酸置換には、典型的に、以下のグループ内の置換が包含される：

グリシン、アラニン；
バリン、イソロイシン、ロイシン；
アスパラギン酸、グルタミン酸；
アスパラギン、グルタミン；
セリン、トレオニン；
リシン、アルギニン；
フェニルアラニン、チロシン。

【0166】

10 改変（通常は一次配列を改変しない）には、インビボもしくはインビトロの、ポリペプチドの化学誘導体化、例えばアセチル化もしくはカルボキシル化が包含される。また包含されるのは、グリコシル化の改変、例えば、ポリペプチドのグリコシル化パターンをその合成およびプロセシング中にもしくはさらなるプロセシング段階において改変することにより；例えば、グリコシル化に影響を与える酵素、例えば哺乳類グリコシル化もしくは脱グリコシル化酵素にポリペプチドをさらすことによりなされるものである。また包含されるのは、リン酸化されたアミノ酸残基、例えば、ホスホチロシン、ホスホセリンもしくはホスホトレオニンを有する配列である。

【0167】

20 また包含されるのは、タンパク質分解に対する抵抗性を高めるためにもしくは溶解特性を最適化するためにもしくは治療薬としてさらに適当にするために通常の分子生物学技術を用いて改変されているポリペプチドである。そのようなポリペプチドのアナログには、天然に存在するLアミノ酸以外の残基、例えばDアミノ酸もしくは天然に存在しない合成アミノ酸を含有するものが包含される。本発明のペプチドは、本明細書に記載する特定の典型的な方法のいずれかの生成物に限定されない。

【0168】

30 本発明にはまた、本発明のペプチドの（もしくはそれらをコードするDNAの）「突然変異体」、「誘導體」および「バリエーション」も包含されると解釈されるべきであり、これらの突然変異体、誘導體およびバリエーションは、該ペプチドが本発明の抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント、またはそのペプチドインヒビターの生物学的/生化学的性質を有する点において、得られるペプチド（もしくはDNA）が本明細書に列挙する配列と同一ではないが本明細書に開示するペプチドと同じ生物学的性質を有するように1つもしくはそれ以上のアミノ酸において改変される（もしくは、それらをコードするヌクレオチド配列に関する場合、1つもしくはそれ以上の塩基対において改変される）抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント、そのペプチドインヒビター、または両方である。

【0169】

40 さらに、本発明には、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント配列の天然に存在するバリエーションもしくは組み換えで得られる突然変異体が包含されると解釈されるべきであり、これらのバリエーションもしくは突然変異体は、それによりコードされるタンパク質を本発明の全長クローンより多く、少なく、もしくはちょうど同じ程度に生物学的に活性にする。

【0170】

該核酸およびそれによりコードされるペプチドは、血小板の機能（1つもしくは複数）を解明しそしてそれに影響を与えるための有用な手段である。さらに、哺乳類抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントを含んでなる核酸およびアミノ酸は、例えば、とりわけ、血小板と抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントとの結合を阻害し、従って、とりわけ、血小板と抗血小板自己抗体との結合により媒介される疾患、障害もしくは症状（例えばITPなど）の潜在的治療薬候補である化合物を同定するために用いることができる有用な診断法である。

【0171】

さらに、本発明の核酸およびアミノ酸は、とりわけ、自己抗体作用の研究、新規な診断法および処置の治療法の同定に、そして抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの細胞役割（1つもしくは複数）を解明することに有用な手段である組み換え細胞およびトランスジェニック非ヒト哺乳類を製造するために用いることができる。例えば、トランスジェニック動物は、ITPのようなしかしこれに限定されるものではない、血小板と抗血小板自己抗体との結合により媒介される疾患、障害もしくは症状に用いることができる。

【0172】

さらに、本発明の核酸およびアミノ酸は、血小板と抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントとの結合により媒介される疾患、障害もしくは症状（例えばITP）の重傷度および予後を評価するために、遺伝子発現もしくはタンパク質発現のレベルを評価することによるいずれかで、診断的に用いることができる。本発明の核酸およびタンパク質はまた、そのような疾患などを処置するか、改善するか、もしくは両方のための処置の効果を評価するアッセイの開発においても有用である。すなわち、本発明の核酸およびポリペプチドは、血小板と抗血小板自己抗体との結合により媒介される疾患、障害もしくは症状への様々な治療の効果を検出し、それによりITPなどの処置効果の評価のようになしかしこれに限定されるものではない治療の効果を確かめるために用いることができる。例えば、患者の抗血小板自己抗体の特定のクローンに特異的なペプチドは、様々な処置プロトコルの間に患者血清におけるそのような自己抗体のレベルを評価するために用いることができる。これは、血漿に存在する自己抗体のレベルが、疾患の重傷度、予後などと相関関係があり、そして自己抗体のレベルを評価することは、処置の効果を評価する方法として提供するからである。

III. ベクター

他の関連する態様として、本発明には、プロモーター/調節配列を含んでなる核酸に、該核酸が好ましくは核酸によりコードされるタンパク質の発現を導くことができるように操作可能に連結された、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする単離された核酸が包含される。従って、本発明には、例えば、Sambrook et al. (1989, 上記) および Ausubel et al. (1997, 上記) に記述されているもののような発現ベクターおよび細胞における外来DNAの同時発現を有する細胞への外来DNAの導入の方法が包含される。しかしながら、本発明には、pComb3Hファージミドベクターを含んでなるベクターは包含されない。

【0173】

抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントを通常は発現しないか、またはタグポリペプチドと融合した抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントを発現しない細胞における、単独のもしくは検出可能なタグポリペプチドに融合した、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの発現は、ベクターが導入される細胞において、タグを有するもしくは有さない、タンパク質の発現を導くように働くプロモーター/調節配列に操作可能に連結された所望の核酸を含んでなるプラスミド、ウイルスもしくは他のタイプのベクターを作製することにより成し遂げることができる。遺伝子の構成的発現を導くために有用な多数のプロモーター/調節配列は当該技術分野において利用可能であり、そして例えばサイトメガロウイルス前初期プロモーターエンハンサー配列、SV40初期プロモーター（これらは両方とも本明細書に開示する実験に使用した）ならびにラウス肉腫ウイルスプロモーターなどが包含されるが、これらに限定されるものではない。

【0174】

さらに、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする核酸の誘導性および組織特異的発現は、誘導性もしくは組織特異的プロモーター/調節配列の制御下に、タグを有するもしくは有さない、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする核酸を置くことにより成し遂げることができる。この目的のために有用な組織特異的もしくは誘導性プロモーター/調節配列の例には、MMTVLTR

誘導性プロモーターおよびSV40後期エンハンサー/プロモーターが包含されるが、これらに限定されるものではない。さらに、金属、グルココルチコイドなどのような誘導因子に応答して誘導される当該技術分野において周知であるプロモーターもまた、本発明において意図される。従って、本発明には、既知もしくは未知のいずれかであり、そしてそれに操作可能に連結された所望のタンパク質の発現を導くことができる任意のプロモーター/調節配列の使用が包含されると理解される。

【0175】

同様に、本発明には、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの結合のペプチドインヒビターをコードする単離された核酸が包含され、ここで、該インヒビターをコードする核酸は、プロモーター/調節配列を含んでなる核酸に、該核酸が好ましくは核酸によりコードされるペプチドインヒビターの発現を導くことができるように操作可能に連結される。

10

【0176】

ベクターを用いる抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント、またはそのような自己抗体のペプチドインヒビターの発現は、大量の組み換えで製造されるタンパク質の単離を可能にする。

【0177】

任意の特定のプラスミドベクターもしくは他のDNAベクターの選択は、本発明における限定因子ではなく、そして幅広く多数のベクターが当該技術分野において周知である。さらに、特定のプロモーター/調節配列を選択し、そしてそれらのプロモーター/調節配列を所望のポリペプチドをコードするDNA配列に操作可能に連結することは当業者の技量の十分に範囲内である。そのような技術は当該技術分野において周知であり、そして例えばSambrook、上記およびAusubel、上記に記述されている。

20

【0178】

従って、本発明には、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント、またはそのような自己抗体のペプチドインヒビターをコードする単離された核酸を含んでなるベクターが包含される。ベクターへの所望の核酸の導入およびベクターの選択は、例えばSambrook、上記およびAusubel、上記に記述されているように当該技術分野において周知である。

【0179】

本発明にはまた、そのようなベクターを含有する細胞、ウイルス、プロウイルスなども包含される。ベクターおよび/もしくは外来核酸を含んでなる細胞を製造する方法は、当該技術分野において周知である。例えば、Sambrook、上記およびAusubel、上記を参照。

30

【0180】

抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント、またはそのような抗血小板自己抗体のペプチドインヒビターをコードする核酸は、様々なプラスミドベクターにクローン化することができる。しかしながら、本発明は、プラスミドにもしくは任意の特定のベクターに限定されると解釈されるべきではない。その代わりに、本発明には、容易に利用可能でありそして/もしくは当該技術分野において周知である幅広く多数のベクターが包含されると解釈されるべきである。

40

IV. アンチセンス分子およびリボザイム

さらに、本発明には、アンチセンス核酸を含んでなる組み換え細胞が包含され、この細胞は、細胞プロセスにおける抗血小板自己抗体の役割(1つもしくは複数)を解明するための有用なモデルである。従って、抗血小板自己抗体をコードする核酸に相補的であるがアンチセンスの向きであるアンチセンス核酸を含んでなるトランスジェニック細胞は、自己抗体の作用機序(1つもしくは複数)および細胞におけるその役割(1つもしくは複数)の研究のそして血小板との自己抗体結合の影響(1つもしくは複数)を改善する治療法の同定の有用な手段である。

【0181】

50

当業者は、細胞における抗血小板自己抗体 mRNA および / もしくはタンパク質のレベルを減少する一つの方法は、該タンパク質をコードする核酸の発現を阻害することであることを理解する。抗血小板自己抗体の発現は、例えばアンチセンス分子を用いて、そしてまた例えば Wianny and Kernicka-Goetz (2000, Nature Cell Biol. 2: 70-75) に記述されているようにリボザイムもしくは二本鎖 RNA を用いることによっても阻害することができる。

【0182】

アンチセンス分子および遺伝子発現を阻害するためのそれらの使用は、当該技術分野において周知である (例えば、Cohen, 1989, Oligodeoxynucleotides, Antisense Inhibitions of Gene Expression, CRC Press を参照)。アンチセンス核酸は、特定の mRNA 分子の少なくとも一部に相補的な (該用語が本明細書の他のところに定義されるように) DNA もしくは RNA 分子である (Weintraub, 1990, Scientific American 262: 40)。細胞において、アンチセンス核酸は対応する mRNA にハイブリダイズし、二本鎖分子を形成し、それにより遺伝子の翻訳を阻害する。

10

【0183】

遺伝子の翻訳を阻害するためのアンチセンス法の使用は、当該技術分野において既知であり、そして例えば Marcus-Sakura (1988, Anal. Biochem. 172: 289) に記述されている。そのようなアンチセンス分子は、Inoue (1993, 米国特許第 5, 190, 931 号) により教示されるようにアンチセンス分子をコードする DNA を用いて遺伝子発現によって細胞に与えることができる。

20

【0184】

あるいはまた、本発明のアンチセンス分子は、合成的に製造し、そして次に細胞に与えることができる。約 10 ~ 約 30 個の間、そしてより好ましくは約 15 個のヌクレオチドのアンチセンスオリゴマーは、容易に合成されそして標的細胞に導入されるので好ましい。本発明により意図される合成アンチセンス分子には、改変されていないオリゴヌクレオチドと比較して改善された生物学的活性を有する当該技術分野において既知であるオリゴヌクレオチド誘導体が包含される (Cohen, 上記; Tullis, 1991, 米国特許第 5, 023, 243 号を参照、その全部が本明細書に引用することにより組み込まれる)。

30

【0185】

リボザイムおよび遺伝子発現を阻害するためのそれらの使用もまた、当該技術分野において周知である (例えば、Cech et al., 1992, J. Biol. Chem. 267: 17479-17482; Hampel et al., 1989, Biochemistry 28: 4929-4933; Eckstein et al., 国際公開第 WO92/07065 号; Altman et al., 米国特許第 5, 168, 053 号を参照、その全部が本明細書に引用することにより組み込まれる)。リボザイムは、DNA 制限エンドヌクレアーゼと同様にして他の一本鎖 RNA を特異的に切断する能力を有する RNA 分子である。これらの RNA をコードするヌクレオチド配列の改変によって、RNA 分子における特定のヌクレオチド配列を認識しそしてそれを切断するように分子を設計することができる (Cech, 1988, J. Amer. Med. Assn. 260: 3030)。この方法の主要な利点は、それらが配列特異的であるので、特定の配列を有する mRNA のみが不活性化されることである。

40

【0186】

2つの基本タイプのリボザイム、すなわち、テトラヒメナ型 (Hasselhoff, 1988, Nature 334: 585) およびハンマーヘッド型がある。テトラヒメナ型リボザイムは 4 塩基の長さである配列を認識し、一方、ハンマーヘッド型リボザイムは 11 ~ 18 塩基の長さの塩基配列を認識する。配列が長くなるほど、配列が標的 mRNA 種にのみ存在する可能性は大きくなる。従って、ハンマーヘッド型リボザイムは、特定

50

の mRNA 種を不活性化するのにテトラヒメナ型リボザイムより好ましく、そして 18 塩基の認識配列は、様々な関係のない mRNA 分子内でランダムに存在し得るより短い認識配列より好ましい。

【0187】

抗血小板自己抗体の発現を阻害するために有用なリボザイムは、抗血小板自己抗体の mRNA 配列に相補的なもしくは配列番号：1 (H4)、配列番号：2 (H10)、配列番号：3 (H29)、配列番号：4 (H36)、配列番号：5 (H37)、配列番号：6 (H38)、配列番号：7 (H39)、配列番号：8 (H40)、配列番号：9 (H41)、配列番号：10 (H42)、配列番号：11 (H44)、配列番号：12 (H45)、配列番号：13 (H46)、配列番号：14 (H47)、配列番号：15 (H48)、配列番号：16 (H83)、配列番号：17 (L4)、配列番号：18 (L16)、配列番号：19 (L24)、配列番号：20 (L34)、配列番号：21 (L35)、配列番号：22 (L36)、配列番号：23 (L37)、配列番号：24 (L38)、配列番号：25 (L39)、配列番号：26 (L40)、配列番号：27 (L41)、配列番号：28 (L42)、配列番号：29 (L43)、配列番号：30 (L44)、配列番号：31 (L45)、配列番号：32 (L46)、配列番号：33 (L47)、配列番号 34 (L48)、配列番号：35 (L49)、配列番号：36 (L50)、配列番号：37 (L51)、配列番号：38 (L52)、配列番号：39 (L53)、配列番号：40 (L54)、配列番号：41 (L55)、配列番号：42 (L61)、配列番号：43 (L63)、配列番号：44 (L64)、配列番号：45 (L72)、配列番号：46 (L74)、配列番号：47 (L75)、配列番号：48 (L76)、配列番号：49 (L125)、配列番号：50 (L92)、配列番号：51 (L104)、配列番号：52 (L106) および配列番号：53 (L122) よりなる群から選択されるヌクレオチド配列を含んでなる核酸配列に相補的な標的配列を基本リボザイム構造に導入することにより設計することができる。さらに、本発明の方法を用いて同定される抗血小板自己抗体をコードする核酸配列のアンチセンスもまた、本発明により包含される。

【0188】

抗血小板自己抗体を標的とするリボザイムは、市販されている試薬 (Applied Biosystems, Inc., Foster City, CA) を用いて合成することができ、もしくはそれらをコードする DNA からそれらを遺伝子的に発現することができる。

V. 組み換え細胞およびトランスジェニック非ヒト哺乳類

本発明には、とりわけ、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする単離された核酸、それに相補的なアンチセンス核酸、抗血小板自己抗体のペプチドインヒビターをコードする核酸などを含んでなる組み換え細胞が包含される。一つの態様として、組み換え細胞は、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする核酸、それに相補的なアンチセンス核酸、抗血小板自己抗体のペプチドインヒビターをコードする核酸の一部をコードするベクター (例えば、プラスミドなど) で一過性トランスフェクションすることができる。核酸は細胞ゲノムに組み込まれる必要はなく、また細胞において発現される必要もない。さらに、細胞は原核もしくは真核細胞であることができ、そして本発明は任意の特定の細胞系もしくは細胞タイプに限定されると解釈されるべきではない。そのような細胞には、繊維芽細胞、マウス幹細胞、両生類卵母細胞、骨芽細胞、平滑筋細胞、内皮細胞などが包含されるが、これらに限定されるものではない。

【0189】

一つの態様として、哺乳類抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする単離された核酸を含んでなる組み換え細胞は、トランスジェニック非ヒト哺乳類を作製するために用いられる。すなわち、本発明の外来核酸、つまり「導入遺伝子」(それが本明細書において同様に呼ばれるような) を細胞に導入し、そして次に該細胞を用いて非ヒトトランスジェニック哺乳類を作製する。導入遺伝子が導入される細胞は、好ま

しくは、胚性幹（ES）細胞である。しかしながら、本発明は、本発明の導入遺伝子を含んでなるES細胞にのみ、またトランスジェニック動物を作製するために用いられる細胞にも限定されると解釈されるべきではない。むしろ、本発明のトランスジェニック細胞には、導入遺伝子を含んでなるトランスジェニック動物に由来する任意の細胞、トランスジェニックES細胞に由来するキメラ動物から得られる導入遺伝子を含んでなる細胞、および非ヒトトランスジェニック哺乳類を作製するために用いることができるかもしくはできない導入遺伝子を含んでなる任意の他のものが包含されるが、これらに限定されるものではない。

【0190】

さらに、導入遺伝子を含んでなる（すなわち、組み換えの）細胞の目的は、トランスジェニック哺乳類の作製に限定されると解釈されるべきではないことに留意することは重要である。むしろ、本発明には、哺乳類抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする単離された核酸を含んでなる原核細胞および真核細胞が包含されるがこれらに限定されるものではない、哺乳類抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする核酸が導入される任意の細胞タイプが包含されると解釈されるべきである。

10

【0191】

細胞が真核細胞である場合、該細胞は、本発明の導入遺伝子がある中に導入され、そして所望の遺伝子によりコードされるタンパク質がそれからもはや発現されない場合に、利益が得られる任意の真核細胞であることができる。そのような利益には、所望の遺伝子の発現の欠如を研究室においてインビトロでもしくは該細胞が存在する哺乳類において研究することができる系、導入される遺伝子欠失を含んでなる細胞を研究、診断および治療手段として用いることができる系、ならびに例えば、血小板と抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントとの結合により媒介される疾患（例えばITP）を包含する哺乳類における選択される病状の新しい診断および治療手段の開発に有用な動物モデルが作製される系などが提供されていることを包含することができる。すなわち、当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、抗血小板抗体のそのリガンドとの結合が、とりわけ、血小板のクリアランス、減少した凝集、活性化などを包含する阻害された血小板機能を媒介するので、ITPおよび輸血後紫斑病（PTP）のようなしかしこれらに限定されるものではない、そのような阻害と関連する選択された病状もしくはプロセスを、抗血小板自己抗体の発現もしくは発現の欠如を評価することにより調べることができることを理解する。

20

30

【0192】

あるいはまた、本発明には、本発明の導入遺伝子がある中に導入され、そして所望の遺伝子によりコードされるタンパク質がそれから発現される（ここで、それは該細胞において以前に存在しないかもしくは発現されず、またはここで、それは導入遺伝子が導入される前のものと異なるレベルでもしくは状況下で現在発現される）場合に、利益が得られる真核細胞が包含される。そのような利益には、所望の遺伝子の発現を研究室においてインビトロでもしくは該細胞が存在する哺乳類において研究することができる系、導入される遺伝子を含んでなる細胞を研究、診断および治療手段として用いることができる系、ならびに哺乳類における選択された病状の新しい診断および治療手段の開発に有用である動物モデルが作製される系が提供されていることを包含することができる。

40

【0193】

抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする単離された核酸を発現するそのような細胞は、低レベルの抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの発現および/もしくは活性と関連する疾患、障害もしくは症状を処置するかもしくは軽減するためにさらに高いレベルの抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントが有用であり得る細胞、組織もしくは丸ごとの動物に抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントを提供するために用いることができる。

【0194】

50

当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、本発明の「ノックイン」もしくは「ノックアウト」ベクターが、それぞれ、置換されるかもしくは取り除かれる核酸の2つの部分に相同な少なくとも2つの配列を含んでなることを理解する。これら2つの配列は、該遺伝子に隣接する配列と相同であり；すなわち、一方の配列は、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする核酸のコーディング配列の5'部分のもしくはその近くの領域と相同であり、そしてもう一方の配列は、第一のものからさらに下流である。当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、本発明が任意の特定の隣接する核酸配列に限定されないことを理解する。その代わりに、ターゲティングベクターは、それぞれ、哺乳類ゲノムからもしくはその中に、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする核酸をいくらかもしくは全て取り除くか（すなわち、「ノックアウト」ベクター）または挿入する（すなわち、「ノックイン」ベクター）2つの配列を含んでなることができる。ターゲティングベクターの重要な特徴は、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする核酸の全部もしくは一部が哺乳類染色体上の位置から取り除かれるかもしくはそれに挿入されるように相同的組み換えによる欠失/挿入が起こることを可能にするために、「ノックアウト」ベクターの場合には抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントのオープンリーディングフレーム（ORF）の反対の（すなわち、5'および3'）末端に向かって位置する2つの配列の十分な部分をそれが含んでなることである。

10

【0195】

導入遺伝子ならびにノックインおよびノックアウトターゲティングベクターの設計は当該技術分野において周知であり、そして Sambrook et al. (1989, Molecular Cloning: A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Laboratory, New York) および Ausubel et al. (1997, Current Protocols in Molecular Biology, John Wiley & Sons, New York) などのような標準的な専門書に記述されている。ターゲティングベクターに用いる抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントのコーディング領域に隣接するかもしくはその内部の上流および下流部分は、既知の方法に基づいてそして多数のヒト抗血小板自己抗体の核酸およびアミノ酸配列を包含する本明細書に提供する開示に基づいて本明細書に開示する教示に従って容易に選択することができる。これらの配列を備えて、当業者は、本発明の導入遺伝子およびノックアウトベクターを構築することができる。

20

30

【0196】

本発明にはさらに、例えば、neo^R 遺伝子をコードする核酸のような選択可能なマーカーをコードする核酸を含んでなり、それによりG418の存在下で増殖する細胞の能力によって抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする核酸が取り除かれそしてネオマイシン耐性遺伝子で置換されているトランスジェニック細胞の選択を可能にするノックアウトターゲティングベクターが包含される。しかしながら、本発明は、選択可能なマーカーとしてネオマイシン耐性に限定されると解釈されるべきではない。むしろ、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント遺伝子を取り除かれそして/もしくは不活性化されそして最適な選択可能なマーカーをコードする核酸により置換されている組み換え細胞の選択を可能にするために当該技術分野において周知である他の選択可能なマーカーをノックアウトターゲティングベクターに用いることができる。選択可能なマーカーを選択しそしてベクターに導入する方法は当該技術分野において周知であり、そして例えば Sambrook et al. (1989, Molecular Cloning: A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Laboratory, New York) および Ausubel et al. (1997, Current Protocols in Molecular Biology, John Wiley & Sons, New York) に記述されている。

40

50

【0197】

本明細書に記載するように、本発明には、そのゲノムの所望の位置に挿入された外来核酸を含んでなりそれにより所望の内因性標的遺伝子のコーディング領域を取り除く非ヒトトランスジェニック哺乳類、すなわち、ノックアウトトランスジェニック哺乳類が包含される。さらに、本発明には、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする外来核酸がゲノムのある部位に挿入されるトランスジェニックヒト哺乳類、すなわち、「ノックイン」トランスジェニック哺乳類が包含される。挿入されるノックイン導入遺伝子は、細胞に通常は存在しないかまたは抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントに典型的には操作可能に連結されない、例えば、タグポリペプチド、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする核酸に操作可能に連結されたプロモーター/調節領域をコードする様々な核酸を含んでなることができる。

10

【0198】

本発明の非ヒトトランスジェニック哺乳類の作製は、好ましくは、これから記述する方法を用いて成し遂げられる。しかしながら、本発明は、所望のノックアウト哺乳類を作製するために他の方法を用いることができる点において、この方法の使用にのみ限定されると決して解釈されるべきではない。

【0199】

非ヒトトランスジェニック哺乳類を作製する好ましい方法として、本質的に Nagy and Rossant (1993, Gene Targeting, A Practical Approach, pp. 146 - 179, Joyner ed., IRL Press) に記述されているように、本発明の導入遺伝子を含んでなるES細胞を作製し、そして次に該細胞を用いてノックアウト動物を作製する。ES細胞は、宿主胚盤胞への注入もしくは割球期胚との集合によりそれらを胚環境に戻す場合に通常の胚細胞として機能する。そのように戻した場合、該細胞は胚の全ての系統に沿って発生する全潜在能力を有する。従って、ES細胞を得て、その中に所望のDNAを導入し、そして次に該細胞を成熟哺乳類細胞への発生のために胚環境に戻すことが可能であり、ここで、所望のDNAを発現することができる。

20

【0200】

トランスジェニックマウスの作製の正確なプロトコルは、Nagy and Rossant (1993, Gene Targeting, A Practical Approach, Joyner ed., IRL Press, pp. 146 - 179) に開示されており、従って、本明細書において繰り返さない。ES細胞のその中に所望のDNAを導入するためのトランスフェクションもしくは導入は、例えば、Sambrook et al. (1989, Molecular Cloning: A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Laboratory, New York) および Ausubel et al. (1997, Current Protocols in Molecular Biology, John Wiley & Sons, New York) に記述されているもののような、標準的なプロトコルを用いて成し遂げられる。好ましくは、本発明の導入遺伝子内に含まれる所望のDNAは、Soriano et al. (1991, Cell 64: 693 - 702) に記述されているように、ES細胞に電気穿孔しそして該細胞を増やす。

30

40

【0201】

哺乳類の受精卵への単離された核酸の導入は、トランスジェニック技術におけるいくつかの標準技術により成し遂げられる (Hogan et al., 1986, Manipulating the Mouse Embryo: A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor, NY)。最も一般的には、核酸を微量注入の方法により胚に導入する。

【0202】

いったん核酸が卵に導入されると、例えば Hogan et al. (1986, Manipulating the Mouse Embryo: A Laboratory

50

Manual, Cold Spring Harbor, NY) に記述されているように、卵を短期間インキュベーションし、そして次に卵が得られた同じ種の偽妊娠哺乳類に導入する。典型的には、実験当たり多数の卵を注入し、そして約 2 / 3 の卵が該処置を生き残る。次に、約 20 個の生存可能な卵を偽妊娠動物に導入し、そして通常はそのように導入した生存可能な卵のうち 4 ~ 10 個が生存する子になる。

【0203】

哺乳類抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする核酸の全部もしくは一部の欠失を含んでなる導入遺伝子を保有するトランスジェニック哺乳類もしくはトランスジェニック細胞を作製するために本明細書に記述する方法において任意の哺乳類抗血小板自己抗体遺伝子もしくはそのフラグメントを用いることができる。好ましくは、例えば、配列番号：1 (H4)、配列番号：2 (H10)、配列番号：3 (H29)、配列番号：4 (H36)、配列番号：5 (H37)、配列番号：6 (H38)、配列番号：7 (H39)、配列番号：8 (H40)、配列番号：9 (H41)、配列番号：10 (H42)、配列番号：11 (H44)、配列番号：12 (H45)、配列番号：13 (H46)、配列番号：14 (H47)、配列番号：15 (H48)、配列番号：16 (H83)、配列番号：17 (L4)、配列番号：18 (L16)、配列番号：19 (L24)、配列番号：20 (L34)、配列番号：21 (L35)、配列番号：22 (L36)、配列番号：23 (L37)、配列番号：24 (L38)、配列番号：25 (L39)、配列番号：26 (L40)、配列番号：27 (L41)、配列番号：28 (L42)、配列番号：29 (L43)、配列番号：30 (L44)、配列番号：31 (L45)、配列番号：32 (L46)、配列番号：33 (L47)、配列番号：34 (L48)、配列番号：35 (L49)、配列番号：36 (L50)、配列番号：37 (L51)、配列番号：38 (L52)、配列番号：39 (L53)、配列番号：40 (L54)、配列番号：41 (L55)、配列番号：42 (L61)、配列番号：43 (L63)、配列番号：44 (L64)、配列番号：45 (L72)、配列番号：46 (L74)、配列番号：47 (L75)、配列番号：48 (L76)、配列番号：49 (L125)、配列番号：50 (L92)、配列番号：51 (L104)、配列番号：52 (L106) および配列番号：53 (L122) のような抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする核酸を用いる。

【0204】

本発明のトランスジェニック哺乳類は、哺乳類の任意の種であることができる。従って、本発明には、キメラ核酸をコードするトランスジェニック哺乳類の作製が包含されると解釈されるべきであり、これらの哺乳類には、マウス、ハムスター、ラット、ウサギ、ブタ、ヒツジおよびウシが包含される。トランスジェニックマウスの作製のための本明細書に記述する方法は、任意の哺乳類種を用いて同様に適用することができる。好ましくは、本発明のトランスジェニック哺乳類はげっ歯類であり、そしてさらにより好ましくは、本発明のトランスジェニック哺乳類はマウスである。一例として、Lukkariinen et al. (1997, Stroke 28: 639 - 645) は、トランスジェニックマウスの作製を可能にする遺伝子構築物が、ラットを包含する他のトランスジェニックげっ歯類の作製もまた可能にすることを教示する。同様に、ある種の動物の遺伝子座におけるヌル接合体 (nullizygous) 突然変異は、第一の種と非常に相異なる遺伝子座を有する別の種の動物において複製することができる。

【0205】

本発明のトランスジェニック哺乳類を同定するために、サザンブロットハイブリダイゼーション、PCR および / もしくは RT-PCR のような標準技術を用いて子を単離された核酸の存在に関して調べる。細胞におけるそして哺乳類の組織における核酸の発現もまた、本明細書に記述する通常の技術を用いて評価する。さらに、トランスジェニック動物の循環血液における抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有無は、該タンパク質が分泌される場合、例えばウェスタンブロット分析を用いることもしくは当該技術分野において周知であるタンパク質検出の標準方法を用いることにより決定するこ

とができる。

【0206】

本発明のトランスジェニック哺乳類から得られる細胞（これらはまた、該用語を本明細書において用いる場合に「トランスジェニック細胞」とも見なされる）には、本明細書の他のところに記述する抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント（+/-）および（-/-）トランスジェニック非ヒト哺乳類から得られるもののような細胞が包含され、血小板機能、クリアランス、凝集、活性化、血液凝固（これは、血液形成における増加もしくは減少を検出する幅広く多数のアッセイを用いて評価することができる）、および抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの発現と関連する任意の他の疾患、障害もしくは症状（例えばITP）への効果のような抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの発現の改変されたレベルと関連すると考えられている哺乳類の疾患および症状のモデルを作るための有用な系である。さらに、血小板機能のマーカーとして、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの発現レベルはまた、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントと関連する様々な疾患、障害もしくは症状（例えば、ITPなど）の評価における有用な指標でもある。

10

【0207】

特に適当であるのは、本明細書に記述する非ヒトノックアウトもしくはノックイントランスジェニック哺乳類の組織に由来する細胞であり、ここで、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント遺伝子を含んでなる導入遺伝子は、様々な組織において発現されるかまたは抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの発現を阻害する。一例として、そのような細胞が由来する細胞タイプには、（1）抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント（+/+）、（+/-）および（-/-）非ヒトトランスジェニック生産哺乳類、（2）抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント（+/+）、（-/-）もしくは（+/-）胎児動物の繊維芽細胞および同様の細胞、ならびに（3）抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント（+/+）、（-/-）および（+/-）胎児および生産哺乳類から得られる胎盤細胞系が包含される。

20

【0208】

当業者は、本開示に基づいて、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの減少したレベル、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント活性の減少したレベル、または両方を含んでなる細胞には、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント発現のインヒビター（例えばアンチセンスもしくはリボザイム分子）を発現する細胞が包含されるがこれらに限定されるものではないことを理解する。

30

【0209】

培養において哺乳類細胞を維持するために有用な方法および組成物は、当該技術分野において周知であり、ここで、本明細書に記述するトランスジェニックマウスのようなマウスから得られる細胞が包含されるがこれらに限定されるものではない哺乳類細胞は、哺乳類から得られる。

【0210】

抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントを発現する組み換え細胞は、エクスピボおよびインピボ治療において投与することができ、ここで、組み換え細胞を投与することは、それにより該タンパク質を細胞、組織および/もしくは動物に投与する。さらに、組み換え細胞は、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメント、リガンドおよび抗血小板自己抗体が関連する細胞経路（1つもしくは複数）の発見に有用である。

40

【0211】

例えば、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントのノックインマウスのような、ITPなどにかかりやすくした本発明のトランスジェニック哺乳類は、この疾患の病因およびそれにおける抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの潜在的役割を研究するために用いることができる。そのようなモデル系は、スタヒロコッ

50

カスプロテイン A (S p A) により誘導される B 細胞欠失の効能もしくは自己抗体プロッキング試薬の使用のような I T P の新規のより特異的な治療を開発するために用いることができる。

V I . 組成物

本発明には、哺乳類抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする単離された核酸を含んでなる組成物が包含される。好ましくは、該組成物は製薬学的に許容しうる担体を含んでなる。

【 0 2 1 2 】

本発明には、転写に関してアンチセンスの向きである、哺乳類抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントをコードする核酸もしくはその一部に相補的な単離された核酸を含んでなる組成物が包含される。好ましくは、該組成物は製薬学的に許容しうる担体を含んでなる。

10

【 0 2 1 3 】

本発明には、本明細書に記述するような単離された哺乳類抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントを含んでなる組成物が包含される。好ましくは、該組成物は製薬学的に許容しうる担体を含んでなる。一つの態様として、哺乳類はヒトである。別の態様として、自己抗体は H 4 4 L 4 である。

【 0 2 1 4 】

本発明にはさらに、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントのペプチドインヒビターをコードする単離された核酸を含んでなる組成物が包含される。好ましくは、該組成物は製薬学的に許容しうる担体を含んでなる。

20

【 0 2 1 5 】

該組成物は、細胞、組織もしくは動物に抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントのペプチドインヒビターを投与するためにまたは血小板と自己抗体との結合を阻害するために用いることができる。該組成物は、血小板と自己抗体との結合を減少することが哺乳類にとって有益であるように血小板と自己抗体との結合により媒介される疾患、障害もしくは症状を処置するために有用である。すなわち、動物における疾患、障害もしくは症状（例えば、とりわけ、I T P）が血小板と抗血小板自己抗体との結合により媒介されるかもしくはそれと関連する場合に、該組成物はそのような結合を調節するために用いることができる。

30

【 0 2 1 6 】

哺乳類への投与のために、ポリペプチドもしくはそれをコードする核酸、および/またはその全部もしくは一部に相補的なアンチセンス核酸を任意の製薬学的に許容しうる担体、例えば、約 7 . 8 の p H の H E P E S 緩衝食塩水に懸濁することができる。

【 0 2 1 7 】

有用である他の製薬学的に許容しうる担体には、グリセロール、水、食塩水、エタノールならびにリン酸塩および有機酸の塩のような他の製薬学的に許容しうる塩溶液が包含されるが、これらに限定されるものではない。これらのおよび他の製薬学的に許容しうる担体の例は、Remington's Pharmaceutical Sciences (1 9 9 1 , Mack Publication Co . , New Jersey) に記述されている。

40

【 0 2 1 8 】

製薬学的組成物は、滅菌した注入可能な水性もしくは油性の懸濁液もしくは溶液の形態で製造し、包装し、もしくは販売することができる。この懸濁液もしくは溶液は、既知の技術に従って調合することができ、そして有効成分に加えて、本明細書に記述する分散剤、湿潤剤もしくは沈殿防止剤のような追加成分を含んでなることができる。そのような滅菌した注入可能な製剤は、例えば、水もしくは 1 , 3 - ブタンジオールのような無毒の非経口的に許容しうる希釈剤もしくは溶媒を用いて製造することができる。他の許容しうる希釈剤および溶媒には、リンガー溶液、等張塩化ナトリウム溶液、および合成のモノ-もしくはジ-グリセリドのような不揮発性油が包含されるが、これらに限定されるものでは

50

ない。

【0219】

本発明の方法において有用である製薬学的組成物は、経口、直腸、膣、非経口、局所、肺、鼻腔内、口腔、眼球もしくは別の投与経路に適切な製剤において投与し、製造し、包装し、そしてノもしくは販売することができる。他の意図される製剤には、投射 (projected) ナノ粒子、リポソーム製剤、有効成分を含有する再封入赤血球、および免疫学的に基づく製剤が包含される。

【0220】

本発明の組成物は、経口、直腸、膣、非経口、局所、肺、鼻腔内、口腔もしくは眼球投与経路が包含されるがこれらに限定されるものではない多数の経路によって投与することができる。投与の経路 (1つもしくは複数) は当業者に容易に明らかであり、そして処置する疾患のタイプおよび重傷度、処置する動物もしくはヒト患者のタイプおよび年齢などを包含するいくつかの因子により決まる。

10

【0221】

本発明の方法において有用である製薬学的組成物は、経口用固形製剤、眼球用、座薬、エアゾール、局所用もしくは他の同様の製剤において全身的に投与することができる。ヘパラン硫酸もしくはその生物学的同等物のような化合物に加えて、そのような製薬学的組成物は、製薬学的に許容しうる担体および薬剤投与を高めそして促進することが既知である他の成分を含有することができる。ナノ粒子、リポソーム、再封入赤血球および免疫学的に基づく系のような他の可能な製剤もまた、本発明の方法に従って、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性部分、およびノまたはそれらをコードする核酸を投与するために用いることができる。

20

【0222】

本明細書に記述する方法のいずれかを用いて同定される化合物を調合してITP、血栓症などの処置のために哺乳類に投与することができ、これから記述する。

【0223】

本発明には、有効成分として動脈再狭窄、外膜線維症、ネガティブリモデリングなどの処置に有用な化合物を含んでなる製薬学的組成物の製造および使用が包含される。そのような製薬学的組成物は、被験体への投与に適切な形態で、有効成分のみからなることができ、あるいは製薬学的組成物は、有効成分および1つもしくはそれ以上の製薬学的に許容しうる担体、1つもしくはそれ以上の追加成分、またはこれらのいくつかの組み合わせを含んでなることができる。有効成分は、当該技術分野において周知であるように、生理学的に許容しうるカチオンもしくはアニオンとの組み合わせにおけるような、生理学的に許容しうるエステルもしくは塩の形態で製薬学的組成物に存在することができる。

30

【0224】

本明細書において用いる場合、「製薬学的に許容しうる担体」という用語は、有効成分を組み合わせることができそして該組み合わせの後に被験体に有効成分を投与するために用いることができる化学組成物を意味する。

【0225】

本明細書において用いる場合、「生理学的に許容しうる」エステルもしくは塩は、製薬学的組成物の任意の他の成分と適合し、組成物が投与される被験体に有害ではない有効成分のエステルもしくは塩形態を意味する。

40

【0226】

本明細書に記述する製薬学的組成物の製剤は、薬理学の技術分野において既知であるかもしくは今後が開発される任意の方法により製造することができる。一般に、そのような製造方法は、有効成分を担体または1つもしくはそれ以上の他の副成分と会合させ、そして次に必要に応じてもしくは所望に応じて、生成物を所望の単回もしくは複数回投与単位に成形するもしくは包装する段階を含む。

【0227】

本明細書に提供する製薬学的組成物の記述は、主に、ヒトへの倫理的投与に適切な製薬

50

学的組成物に関するが、そのような組成物は一般に全ての種類の動物への投与に適當であることが当業者により理解される。組成物を様々な動物への投与に適當にするためのヒトへの投与に適當な製薬学的組成物の改変は汎用的であり、そして通常の熟練した動物薬理学者は、たとえあるとしても単に通常の実験でそのような改変を設計しそして実施することができる。本発明の製薬学的組成物の投与が意図される被験体には、ヒトおよび他の霊長類、ウシ、ブタ、ウマ、ヒツジ、ネコおよびイヌのような商業的に関連する哺乳類を含む哺乳類が包含されるが、これらに限定されるものではない。

【0228】

本発明の方法において有用である製薬学的組成物は、経口、直腸、膺、非経口、局所、肺、鼻腔内、口腔、眼球、髄腔内もしくは別の投与経路に適當な製剤において製造し、包装し、もしくは販売することができる。他の意図される製剤には、投影ナノ粒子、リポソーム製剤、有効成分を含有する再封入赤血球、および免疫学的に基づく製剤が包含される。

10

【0229】

本発明の製薬学的組成物は、バルクで、単一単位用量として、もしくは複数の単一単位用量として製造し、包装し、もしくは販売することができる。本明細書において用いる場合、「単位用量」は、有効成分の既定量を含んでなる製薬学的組成物の別個の量である。有効成分の量は、一般に、被験体に投与される有効成分の投与量またはそのような投与量の例えば1/2もしくは1/3のようなそのような投与量の都合のよい割合に等しい。

【0230】

本発明の製薬学的組成物における有効成分、製薬学的に許容しうる担体および任意の追加成分の相対量は、処置する被験体の同一性、サイズおよび症状により、そしてさらに組成物が投与される経路により異なる。一例として、組成物は、0.1%~100%(w/w)の間の有効成分を含んでなることができる。

20

【0231】

有効成分に加えて、本発明の製薬学的組成物は、1つもしくはそれ以上の追加の製薬学的活性因子をさらに含んでなることができる。特に意図される追加因子には、制吐剤ならびにシアン化物およびシアン酸塩スカベンジャーのようなスカベンジャーが包含される。

【0232】

本発明の製薬学的組成物の制御放出製剤もしくは徐放性製剤は、通常の技術を用いて製造することができる。

30

【0233】

経口投与に適當な本発明の製薬学的組成物の製剤は、各々が有効成分の既定量を含有する、錠剤、硬もしくは軟カプセル剤、カシェ剤、トローチ剤もしくはロゼンジが包含されるがこれらに限定されるものではない別個の固形用量単位の形態で製造し、包装し、もしくは販売することができる。経口投与に適當な他の製剤には、粉末もしくは顆粒製剤、水性もしくは油性の懸濁液、水性もしくは油性の溶液、またはエマルジョンが包含されるが、これらに限定されるものではない。

【0234】

本明細書において用いる場合、「油性の」液体は、炭素を含有する液体分子を含んでなりそして水より低い極性の性質を示すものである。

40

【0235】

有効成分を含んでなる錠剤は、例えば、場合により1つもしくはそれ以上の追加成分と一緒に、有効成分を圧縮するかもしくは成形することにより製造することができる。圧縮錠剤は、場合により結合剤、潤滑剤、賦形剤、界面活性剤および分散剤の一つもしくはそれ以上と混合して、粉末もしくは顆粒製剤のようなフリー・フロー形態の有効成分を適當な装置において圧縮することにより製造することができる。成形錠剤は、有効成分、製薬学的に許容しうる担体の混合物、および該混合物を湿らすために少なくとも十分な液体を適當な装置において成形することにより製造することができる。錠剤の製造に用いる製薬学的に許容しうる賦形剤には、不活性希釈剤、造粒剤および崩壊剤、結合剤、ならびに潤

50

滑剤が包含されるがこれらに限定されるものではない。既知の分散剤には、ジャガイモ澱粉およびグリコール酸ナトリウム澱粉が包含されるが、これらに限定されるものではない。既知の界面活性剤には、ラウリル硫酸ナトリウムが包含されるが、これに限定されるものではない。既知の希釈剤には、炭酸カルシウム、炭酸ナトリウム、ラクトース、微晶質セルロース、リン酸カルシウム、リン酸水素カルシウムおよびリン酸ナトリウムが包含されるが、これらに限定されるものではない。既知の造粒剤および崩壊剤には、コーンスターチおよびアルギン酸が包含されるが、これらに限定されるものではない。既知の結合剤には、ゼラチン、アカシア、糊化済トウモロコシ澱粉、ポリビニルピロリドンおよびヒドロキシプロピルメチルセルロースが包含されるが、これらに限定されるものではない。既知の潤滑剤には、ステアリン酸マグネシウム、ステアリン酸、シリカおよびタルクが包含されるが、これらに限定されるものではない。

10

【0236】

錠剤は非コーティングであることができ、もしくはそれらは被験体の胃腸管における遅延分解をもたらす、それにより有効成分の持続性放出および吸収を与えるために既知の方法を用いてコーティングすることができる。一例として、錠剤をコーティングするためにモノステアリン酸グリセリルもしくはジステアリン酸グリセリルのような物質を用いることができる。さらに、一例として、錠剤は、浸透圧制御放出錠剤を生成せしめるために米国特許第4,256,108号；第4,160,452号；および第4,265,874号に記述されている方法を用いてコーティングすることができる。錠剤はさらに、製薬学的に洗練されそして口当たりのよい製剤を提供するために甘味料、香料、着色剤、防腐剤、もしくはこれらのいくつかの組み合わせを含んでなることができる。

20

【0237】

有効成分を含んでなる硬カプセル剤は、ゼラチンのような生理学的に分解可能な組成物を用いて製造することができる。そのような硬カプセル剤は有効成分を含んでなり、そしてさらに例えば炭酸カルシウム、リン酸カルシウムもしくはカオリンのような不活性固形希釈剤を包含する追加成分を含んでなることができる。

【0238】

有効成分を含んでなる軟ゼラチンカプセル剤は、ゼラチンのような生理学的に分解可能な組成物を用いて製造することができる。そのような軟カプセル剤は有効成分を含んでなり、それを水またはピーナッツ油、流動パラフィンもしくはオリーブ油のような油媒質と混合することができる。

30

【0239】

経口投与に相当である本発明の製薬学的組成物の液状製剤は、液体形態でまたは使用前に水もしくは別の適当な賦形剤での再構成が意図される乾燥製品の形態で製造し、包装し、そして販売することができる。

【0240】

液状懸濁液は、水性もしくは油性の賦形剤における有効成分の懸濁を成し遂げるために常法を用いて製造することができる。水性賦形剤には、例えば、水および等張食塩水が包含される。油性賦形剤には、例えば、扁桃油、油状エステル、エチルアルコール、ラッカセイ油、オリーブ油、ゴマ油もしくはヤシ油のような植物油、分留植物油、および流動パラフィンのような鉱油が包含される。液状懸濁液はさらに、沈殿防止剤、分散剤もしくは湿潤剤、乳化剤、粘滑剤、防腐剤、バッファー、塩、香料、着色剤および甘味料が包含されるが、これらに限定されるものではない1つもしくはそれ以上の追加成分を含んでなることができる。油性懸濁液はさらに、増粘剤を含んでなることができる。既知の沈殿防止剤には、ソルビトールシロップ、水素化された食用脂、アルギン酸ナトリウム、ポリビニルピロリドン、トラガカントゴム、アカシアゴム、およびナトリウムカルボキシメチルセルロース、メチルセルロース、ヒドロキシプロピルメチルセルロースのようなセルロース誘導体が包含されるが、これらに限定されるものではない。既知の分散剤もしくは湿潤剤には、レシチンのような天然に存在するリン脂質、脂肪酸と、長鎖脂肪族アルコールと、脂肪酸およびヘキシトールから得られる部分エステルと、もしくは脂肪酸および無水ヘキ

40

50

シトールから得られる部分エステルとアルキレンオキシドとの縮合生成物（例えば、それぞれ、ポリオキシエチレンステアレート、ヘプタデカエチレンオキシセタノール、ポリオキシエチレンソルビトールモノオレエートおよびポリオキシエチレンソルビタンモノオレエート）が包含されるが、これらに限定されるものではない。既知の乳化剤には、レシチンおよびアカシアが包含されるが、これらに限定されるものではない。既知の防腐剤には、メチル、エチルもしくはn-プロピル-パラ-ヒドロキシベンゾエート、アスコルビン酸およびソルビン酸が包含されるが、これらに限定されるものではない。既知の甘味料には、例えば、グリセロール、プロピレングリコール、ソルビトール、ショ糖およびサッカリンが包含される。油性懸濁液の既知の増粘剤には、例えば、蜜蝋、固形パラフィンおよびセチルアルコールが包含される。

10

【0241】

水性もしくは油性の溶媒における有効成分の液状溶液は、液状懸濁液と実質的に同様にして製造することができ、主要な違いは、有効成分を溶媒に懸濁するよりむしろ溶解することである。本発明の製薬学的組成物の液状溶液は、液状懸濁液に関して記述する成分の各々を含んでなることができ、沈殿防止剤は、溶媒における有効成分の溶解を必ずしも助けられないことが理解される。水性溶媒には、例えば、水および等張食塩水が包含される。油性溶媒には、例えば、扁桃油、油状エステル、エチルアルコール、ラッカセイ油、オリーブ油、ゴマ油もしくはヤシ油のような植物油、分留植物油、および流動パラフィンのような鉱油が包含される。

【0242】

本発明の製剤の粉末および顆粒製剤は、既知の方法を用いて製造することができる。そのような製剤は、被験体に直接投与するか、例えば錠剤を生成せしめるために、カプセル剤に詰めるために、またはそれに水性もしくは油性の賦形剤を加えることにより水性もしくは油性の懸濁液もしくは溶液を製造するために使用することができる。これらの製剤の各々はさらに、分散剤もしくは湿潤剤、沈殿防止剤および防腐剤の1つもしくはそれ以上を含んでなることができる。増量剤および甘味料、香料もしくは着色剤のような追加の賦形剤もまた、これらの製剤に含むことができる。

20

【0243】

本発明の製薬学的組成物はまた、水中油滴型エマルジョンもしくは油中水滴型エマルジョンの形態で製造し、包装し、もしくは販売することもできる。油相は、オリーブ油もしくはラッカセイ油のような植物油、流動パラフィンのような鉱油、またはこれらの組み合わせであることができる。そのような組成物はさらに、アカシアゴムもしくはトラガカントゴムのような天然に存在するゴム、ダイズもしくはレシチンリン脂質のような天然に存在するリン脂質、ソルビタンモノオレエートのような脂肪酸と無水ヘキシトールとの組み合わせから得られるエステルもしくは部分エステル、ならびにポリオキシエチレンソルビタンモノオレエートのようなエキレンオキシドとそのような部分エステルとの縮合生成物のような1つもしくはそれ以上の乳化剤を含んでなることができる。これらのエマルジョンはまた、例えば、甘味料もしくは香料を包含する追加成分を含有することもできる。

30

【0244】

本発明の製薬学的組成物は、直腸投与に適切な製剤において製造し、包装し、もしくは販売することができる。そのような組成物は、例えば、座薬、停留浣腸製剤、および直腸もしくは結腸の洗浄用溶液の形態であることができる。

40

【0245】

浣腸製剤は、通常室温（すなわち、約20℃）で固体でありそして被験体の直腸温度（すなわち、健康なヒトでは約37℃）で液体である非刺激性の製薬学的に許容しうる賦形剤と有効成分を組み合わせることにより製造することができる。適切な製薬学的に許容しうる賦形剤には、ココアバター、ポリエチレングリコールおよび様々なグリセリドが包含されるが、これらに限定されるものではない。座薬製剤はさらに、酸化防止剤および防腐剤が包含されるがこれらに限定されるものではない様々な追加成分を含んでなることができる。

50

【0246】

停留浣腸製剤または直腸もしくは結腸洗浄用溶液は、有効成分を製薬学的に許容しうる液状担体と組み合わせることにより製造することができる。当該技術分野において周知であるように、浣腸製剤は、被験体の直腸生体構造に適合する送達装置を用いて投与することができ、そしてその内部に詰めることができる。浣腸製剤はさらに、酸化防止剤および防腐剤が包含されるがこれらに限定されるものではない様々な追加成分を含んでなることができる。

【0247】

本発明の製薬学的組成物は、腔投与に適当な製剤において製造し、包装し、もしくは販売することができる。そのような組成物は、例えば、座薬、タンポンのような含浸させるかもしくはコーティングした腔に挿入可能な物質、ピデ製剤、またはゲルもしくはクリームまたは腔洗浄用溶液の形態であることができる。

10

【0248】

化学組成物を物質に含浸させるかもしくはコーティングする方法は当該技術分野において既知であり、そして表面上に化学組成物を置くかもしくは結合させる方法、物質の合成中に物質の構造に化学組成物を導入する方法（すなわち、生理的に分解可能な物質でのような）、および次に乾燥するもしくはしない、吸収材料に水性もしくは油性の溶液もしくは懸濁液を吸収させる方法が包含されるがこれらに限定されるものではない。

【0249】

ピデ製剤もしくは腔洗浄用溶液は、有効成分を製薬学的に許容しうる液状担体と組み合わせることにより製造することができる。当該技術分野において周知であるように、ピデ製剤は、被験体の腔生体構造に適合する送達装置を用いて投与することができ、そしてその内部に詰めることができる。ピデ製剤はさらに、酸化防止剤、抗生物質、抗真菌剤および防腐剤が包含されるがこれらに限定されるものではない様々な追加成分を含んでなることができる。

20

【0250】

本明細書において用いる場合、製薬学的組成物の「非経口投与」には、被験体の組織の物理的突破を特徴とする投与および組織における突破口を通じた製薬学的組成物の投与の任意の経路が包含される。従って、非経口投与には、組成物の注射による、外科的切開による組成物の使用による、組織穿通性非外科的損傷による組成物の使用によるなどの製薬学的組成物の投与が包含されるがこれらに限定されるものではない。特に、非経口投与には、皮下、腹腔内、筋肉内、胸骨内注射、および腎臓透析注入技術が包含されるがこれらに限定されるものではないことが意図される。

30

【0251】

非経口投与に適当な製薬学的組成物の製剤は、滅菌水もしくは滅菌等張食塩水のような製薬学的に許容しうる担体と組み合わせた有効成分を含んでなる。そのような製剤は、ポラス投与にもしくは連続投与に適当な形態で製造し、包装し、もしくは販売することができる。注入可能な製剤は、アンプルにおけるかしくは防腐剤を含有する複数回投与容器におけるような単位投与形態物において製造し、包装し、もしくは販売することができる。非経口投与のための製剤には、懸濁液、溶液、油性もしくは水性賦形剤におけるエマルジョン、泥膏および移植可能な持続性放出もしくは生体分解性製剤が包含されるが、これらに限定されるものではない。そのような製剤はさらに、沈殿防止剤、安定剤もしくは分散剤が包含されるがこれらに限定されるものではない1つもしくはそれ以上の追加成分を含んでなることができる。非経口投与のための製剤の一つの態様として、有効成分は、再構成した組成物の非経口投与の前の適当な賦形剤（例えば滅菌した発熱物質なしの水）での再構成のための乾燥（すなわち、粉末もしくは顆粒）形態で提供される。

40

【0252】

製薬学的組成物は、滅菌した注入可能な水性もしくは油性の懸濁液もしくは溶液の形態で製造し、包装し、もしくは販売することができる。この懸濁液もしくは溶液は、既知の技術に従って調合することができ、そして有効成分に加えて、本明細書に記述する分散剤

50

、湿潤剤もしくは沈殿防止剤のような追加成分を含んでなることができる。そのような滅菌した注入可能な製剤は、例えば、水もしくは1,3-ブタノールのような無毒の非経口的に許容しうる希釈剤もしくは溶媒を用いて製造することができる。他の許容しうる希釈剤および溶媒には、リンガー溶液、等張塩化ナトリウム溶液、および合成のモノ-もしくはジ-グリセリドのような不揮発性油が包含されるが、これらに限定されるものではない。有用である他の非経口的に投与可能な製剤には、微晶質形態で、リポソーム製剤において、もしくは生体分解性ポリマー系の成分として有効成分を含んでなるものが包含される。持続性放出もしくは移植のための組成物は、エマルジョン、イオン交換樹脂、やや溶けにくいポリマーもしくはやや溶けにくい塩のような製薬学的に許容しうる高分子材料もしくは疎水性物質を含んでなることができる。

10

【0253】

局所投与に適切な製剤には、塗布剤、ローションのような液体もしくは半液体の製剤、クリーム、軟膏もしくは泥膏のような水中油滴型もしくは油中水滴型エマルジョン、および溶液もしくは懸濁液が包含されるが、これらに限定されるものではない。局所的に投与可能な製剤は、有効成分の濃度が、溶媒における有効成分の溶解限度と同程度に高いことができるが、例えば、約1%~約10%(w/w)の有効成分を含んでなることができる。局所投与のための製剤はさらに、本明細書に記述する追加成分の1つもしくはそれ以上を含んでなることができる。

【0254】

本発明の製薬学的組成物は、口腔を介した肺投与に適切な製剤において製造し、包装し、もしくは販売することができる。そのような製剤は、有効成分を含んでなりそして約0.5~約7ナノメートル、そして好ましくは約1~約6ナノメートルの範囲の直径を有する乾燥粒子を含んでなることができる。そのような組成物は、都合よく、粉末を分散させるように推進剤の流れをそれに導くことができる乾燥粉末容器を含んでなる装置を用いるかまたは密封容器において低沸点の推進剤に溶解するかもしくは懸濁した有効成分を含んでなる装置のような自己推進溶媒/粉末調剤容器を用いる投与のための乾燥粉末の形態である。好ましくは、そのような粉末は、粒子の少なくとも98重量%が0.5ナノメートルより大きい直径を有しそして粒子の数で少なくとも95%が7ナノメートルより小さい直径を有する粒子を含んでなる。より好ましくは、粒子の少なくとも95重量%は1ナノメートルより大きい直径を有し、そして粒子の数で少なくとも90%は6ナノメートルより小さい直径を有する。乾燥粉末組成物は、好ましくは、糖のような固形微粉希釈剤を含み、そして単位用量形態で都合よく提供される。

20

30

【0255】

低沸点推進剤には、一般に、大気圧で65°Fより低い沸点を有する液状推進剤が包含される。一般に、推進剤は組成物の50~99.9%(w/w)を構成することができる。そして有効成分は組成物の0.1~20%(w/w)を構成することができる。推進剤はさらに、液状の非イオン性もしくは固形の陰イオン性界面活性剤または固形の希釈剤(好ましくは、有効成分を含んでなる粒子と同じ次数の粒子サイズを有する)のような追加成分を含んでなることができる。

【0256】

肺送達のために調合される本発明の製薬学的組成物はまた、溶液もしくは懸濁液の液滴の形態で有効成分を提供することもできる。そのような製剤は、有効成分を含んでなる、場合により滅菌した、水性もしくは希アルコール性の溶液もしくは懸濁液として製造し、包装し、もしくは販売することができる。そして任意の霧化もしくは噴霧化装置を用いて都合よく投与することができる。そのような製剤はさらに、サッカリンナトリウムのような香料、揮発性油、緩衝剤、界面活性剤、もしくはメチルヒドロキシベンゾエートのような防腐剤が包含されるがこれらに限定されるものではない1つもしくはそれ以上の追加成分を含んでなることができる。この投与経路により提供される液滴は、好ましくは、約0.1~約200ナノメートルの範囲の平均直径を有する。

40

【0257】

50

肺送達に有用であると本明細書に記述する製剤はまた、本発明の製薬学的組成物の鼻腔内送達にも有用である。

【0258】

鼻腔内投与に適当な別の製剤は、有効成分を含んでなりそして約0.2~500マイクロメートルの平均粒子を有する粗末である。そのような製剤は、吸うようにして、すなわち、鼻孔の近くで保持した粉末の容器から鼻腔を通した迅速な吸入により投与される。

【0259】

鼻腔投与に適当な製剤は、例えば、約0.1%(w/w)のみ~100%(w/w)も有効成分を含んでなることができ、そして本明細書に記述する追加成分の1つもしくはそれ以上をさらに含んでなることができる。

10

【0260】

本発明の製薬学的組成物は、口腔投与に適当な製剤において製造し、包装し、もしくは販売することができる。そのような製剤は、例えば、常法を用いて製造される錠剤もしくは口ゼンジの形態であることができ、そして例えば0.1~20%(w/w)の有効成分であることができ、残りは、経口で溶解可能なもしくは分解可能な組成物および場合により本明細書に記述する追加成分の1つもしくはそれ以上を含んでなる。あるいはまた、口腔投与に適当な製剤は、有効成分を含んでなる粉末またはエアゾール化もしくは噴霧化した溶液もしくは懸濁液を含んでなることができる。そのような、粉末化、エアゾール化もしくは噴霧化した製剤は、分散させた場合に、好ましくは約0.1~約200ナノメートルの範囲の平均粒子もしくは液滴サイズを有し、そして本明細書に記述する追加成分の1

20

【0261】

本発明の製薬学的組成物は、眼球投与に適当な製剤において製造し、包装し、もしくは販売することができる。例えば、そのような製剤は、例えば水性もしくは油性の液状担体における有効成分の0.1~1.0%(w/w)溶液もしくは懸濁液を包含する点眼剤の形態であることができる。そのような点眼剤はさらに、緩衝剤、塩、または本明細書に記述する1つもしくはそれ以上の他の追加成分を含んでなることができる。有用である他の眼球に投与可能な製剤には、微晶質形態でもしくはリポソーム製剤において有効成分を含んでなるものが包含される。

【0262】

本明細書において用いる場合、「追加成分」には、以下のもの：賦形剤；界面活性剤；分散剤；不活性希釈剤；造粒剤および崩壊剤；結合剤；潤滑剤；甘味料；香料；着色剤；防腐剤；ゼラチンのような生理的に分解可能な組成物；水性の賦形剤および溶媒；油性の賦形剤および溶媒；沈殿防止剤；分散剤もしくは湿潤剤；乳化剤、粘滑剤；バッファー；塩；増粘剤；増量剤；酸化防止剤；抗生物質；抗真菌剤；安定剤；ならびに製薬学的に許容しうる高分子材料もしくは疎水性物質の1つもしくはそれ以上が包含されるが、これらに限定されるものではない。本発明の製薬学的組成物に含むことができる他の「追加成分」は当該技術分野において既知であり、そして例えば引用することにより本明細書に組み込まれる Genaro, ed. (1985, Remington's Pharmaceutical Sciences, Mack Publishing Co., Easton, PA) に記述されている。

30

40

【0263】

典型的には、動物、好ましくはヒトに投与することができる本発明の化合物の投与量は、処置する動物のタイプおよび病状のタイプ、動物の年齢ならびに投与の経路が包含されるがこれらに限定されるものではないいくつかの因子により異なる。

【0264】

化合物は、毎日数回程度の頻度で動物に投与ことができ、もしくは1日に1回、1週に1回、2週ごとに1回、1ヶ月に1回のようなさらに低い頻度で、または数ヶ月ごとに1回もしくはさらに1年に1回もしくはさらに少ないようないっそう低い頻度で投与することができる。投与の頻度は当業者に容易に明らかであり、そして処置する疾患のタイ

50

ブおよび重傷度、動物のタイプおよび年齢などのようないくつもの因子により決まる。

V I I . 方法

A . 有用な化合物を同定する方法

本発明にはさらに、哺乳類において抗血小板自己抗体を同定する方法が包含され、ここで、該哺乳類はそのような自己抗体により媒介される疾患に苦しむ。該方法は、当該技術分野において周知である方法を用いて哺乳類の末梢血もしくは脾臓組織のサンプル内に含まれるB細胞からファージディスプレイライブラリーを作製することを含んでなる。すなわち、B細胞は抗原産生細胞であるので、そのような細胞から作られるファージディスプレイライブラリーは、多数の抗体を発現しそして提示するファージを含有することが当該技術分野において十分に理解されている（例えば、Chang et al. (1998, Blood 91:3066-3078; Roark et al., 2002, Blood 100:1388-1398を参照)。好ましくは、タンパク質を提示するファージは、本質的に以前に(Siegel et al., 1997, J. Immunol. Methods 206:73-85)および本明細書に引用することにより組み込まれる米国特許第6,255,455号に記述されているように競合的細胞表面パニングおよび磁気活性化細胞分類を用いて無傷血小板上でパニングすることができる。

【0265】

次に、ファージを無傷血小板上に存在する表面タンパク質に結合するそれらの能力（1つもしくは複数）に関して選択する。好ましくは、該タンパク質は、とりわけ、GPIIb/IIIa、GPIIb/IIIaおよびGPIIb/IXの群から選択されるインテグリン受容体である。さらにより好ましくは、血小板タンパク質はGPIIb/IIIaである。当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、無傷血小板上に存在する任意の成分に対して向けられる自己抗体を同定するために該方法を容易に使用できることを理解する。そのような血小板成分には、GPIIa/IIIa、GPIIb/IIIa、GPIIb/IX、ならびに他の糖タンパク質、糖脂質、脂質もしくは任意の他の細胞表面部分が包含されるが、これらに限定されるものではない。

【0266】

B細胞が得られる動物は、血小板との抗血小板自己抗体結合により媒介される疾患に苦しんでいることができる。そのようにして、疾患に関与する自己抗体を容易に同定することができる。好ましくは、動物は、血小板と特異的に結合する自己抗体を生産することが既知である。より好ましくは、自己抗体は、GPIIa/IIIa、GPIIb/IIIaおよびGPIIb/IXと特異的に結合し、ここで、動物はこれらの分子の少なくとも1つに結合する自己抗体を有することができる、そして該分子の各々に結合する少なくとも1つの抗体ならびに血小板表面上の他の分子に結合する自己抗体を有することができる。

【0267】

本発明は、ITPに苦しむ患者から得られるB細胞を用いて自己抗体を製造することを包含する。これは、血小板と自己抗体との結合により媒介されるこのもしくは任意の他の特定の疾患、障害もしくは症状に特異的な自己抗体に本発明を限定すると決して解釈されるべきではない。また、これは、Bリンパ球源として脾臓細胞のみを用いることに本発明を限定すると解釈されるべきでもなく、例えば、末梢血リンパ球(PBL)、脾臓細胞、もしくは両方を自己抗体ライブラリー構築の出発材料として用いることができる。従って、本発明には、本明細書に開示する方法を用いて得られる自己抗体が包含され、ここで、ファージディスプレイライブラリーは、ITPおよびPTPが包含されるがこれらに限定されるものではない、血小板との自己抗体結合により媒介される任意の疾患、障害もしくは症状に苦しむ広い種類の患者からのB細胞を用いて作製される。これは、本明細書に提供する開示に基づいて、当業者により理解されるように、本発明の方法が、血小板の表面成分（この成分は本明細書に例示されるが、GPIIa/IIIa、GPIIb/IIIaおよびGPIIb/IXに限定されない）に特異的な自己抗体の迅速な同定および単離を初めて可能にするからである。

【0268】

10

20

30

40

50

本発明には、血小板の成分の一部に特異的に結合する抗血小板自己抗体を同定することが包含される。すなわち、抗体-ファージディスプレイライブラリーをスクリーニングするために血小板抗原の一部を用いることにより、抗原の所望の部分と特異的に結合する抗体を選択することができる。これは、分子が $I I b$ (配列番号: 153、GenBank 受託番号 P08514) の約アミノ酸残基番号 447~約アミノ酸残基番号 1009 を含んでなる GPIIb/IIIa 分子と結合する抗血小板自己抗体 (すなわち、H44L4) が製造されたが、該自己抗体は、分子が GPIIb/IIIa の N 末端部分、例えば、 $I I b$ (全長 1009 個のアミノ酸を記載する、配列番号: 153 のアミノ酸配列に基づく) の約アミノ酸残基番号 1~約アミノ酸残基番号 446 を含んでなる GPIIb/IIIa に結合しない点において本明細書の他のところに例示されている。従って、本発明は、モノクローナル抗体の優れた特異性を利用し、そして抗血小板自己抗体を製造する方法を提供し、この自己抗体は、最適な血小板抗原もしくはその正確な部分に対する所望の特異性を保有する。従って、本発明の方法は、血小板成分 (すなわち、標的) が既知でありそして血小板機能もしくは疾患の病状に関与する成分の特定の部分が既知である多種多様な抗血小板自己抗体の同定および製造に容易に適用可能である。

10

【0269】

この方法は、血小板と特異的に結合する (この結合は、哺乳類における疾患、障害もしくは症状を媒介することができる) 抗血小板自己抗体を同定するための強力な手段を提供する。さらに、この方法により同定される自己抗体は、本明細書の他のところにさらに十分に開示されるように、血栓の画像化のための抗体の使用ならびに動物における血栓を処置するかもしくは防ぐための自己抗体の使用のような、とりわけ、血小板と自己抗体との結合を利用する方法を包含する幅広い数の用途を有する。そのような自己抗体はこれらのおよび他の用途に望ましいことは既知であったが、本発明の前にヒトモノクローナル IgG 抗血小板自己抗体は同定されていなかった。当業者は、ヒトモノクローナル IgG 抗血小板自己抗体が、ヒト由来のものではなくそしてヒトにおいて使用した場合にそのような種内自己抗体は免疫原性でありそしてこの免疫反応性のために望ましくない深刻な副作用をもたらした点において重大な欠点に苦しんだ先行技術の抗体の重要な改善を意味することを理解する。従って、本発明は、抗血小板自己抗体を製造する先行技術の方法の大きな改善を意味し、そして ITP 患者の免疫レパートリーから血小板特異的ヒト IgG 自己抗体を製造する最初の成功した方法である。

20

30

【0270】

本発明にはまた、血小板と抗血小板自己抗体との結合を阻害するペプチドを同定する方法も包含される。該方法は、ペプチドディスプレイファージの有無で血小板と抗血小板自己抗体との結合を評価することを含んでなる。すなわち、抗血小板自己抗体のそのリガンドとの結合を、特定のペプチドを提示するファージの存在下、そのようなファージのない場合もしくは関係のないペプチドを提示するファージ (コントロールファージ) の存在下の両方で評価する。ファージのない場合もしくはコントロールファージでリガンドと結合する自己抗体のレベルと比較して、特定のファージの存在下で抗血小板自己抗体のそのリガンドとの結合の低いレベルが検出される場合、これは、該ファージにより提示されるペプチドが、リガンドと抗血小板自己抗体との結合を阻害することを示す。

40

【0271】

当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、本発明には、多数のペプチドを提示する幅広く多数のファージを用いることが包含されることを理解する。すなわち、本発明は、血小板と抗血小板自己抗体との結合を検出可能に阻害するペプチド (すなわち、ペプチドインヒビター) を同定するために用いることができるペプチドディスプレイファージライブラリーによって決して限定されない。従って、本明細書に開示するデータは、ある種のペプチドを発現する市販されているファージディスプレイライブラリー (例えば、12mer 線状ペプチドライブラリーおよび「cys-7mer-cys」制約ペプチドライブラリー) の使用を示すことにより本発明を例示するが、本発明は、これらのもしくは任意の他のペプチドファージディスプレイライブラリーもしくは提示される任意の特定のペ

50

プチドに決して限定されない。実際に、本発明には、当該技術分野において既知であるかもしくは開発されるような他のペプチドおよびペプチドディスプレイライブラリーを用いることが包含される。例えば、特定の血小板膜タンパク質の線状配列に基づく非ランダムペプチドライブラリーを当該技術分野において周知である技術を用いて構築することができる。

【0272】

抗血小板自己抗体のそのリガンドとの結合を阻害する提示されるペプチドの能力は、本明細書に例示するものならびに当該技術分野において既知であるかもしくは将来に開発されるもののような幅広く多数の方法を用いて評価することができる。例えば、固形基質をリガンド（すなわち、「標的」とも呼ばれる）で被覆するELISAに基づくアッセイを用いることができ、ここで、該標的に特異的に結合するファージが選択される。次に、選択されるファージを、同じ標的に別に特異的に結合することが既知である抗血小板自己抗体（例えば、H44L4、H31L4など）の結合を阻害するそれらの能力に関してアッセイする。すなわち、抗血小板自己抗体を基質と結合することができ、そして自己抗体のその標的との結合（この標的は、多種多様な方法を用いて検出することができる）を標的の検出に基づく幅広く多数の方法を用いて評価することができる。標的と抗血小板自己抗体との結合は、興味のあるペプチドを提示するファージの有無で評価することができ、このファージにより提示されるペプチドは自己抗体と結合し、それにより自己抗体のそのコグネイト抗原との結合を妨げる。そのような方法は本明細書に例示されており、そして当該技術分野において周知である。

【0273】

当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、本明細書に開示するファージにより提示されるペプチドは、該ペプチドのカルボキシル末端が「遊離」していないように作製されたことを理解する。すなわち、各ペプチドのカルボキシル末端は、該末端が負電荷を保有しないように（pIIIとのペプチド結合のために）、M13 pIIIコートタンパク質と融合させた。従って、遊離のペプチドは、pIIIコートタンパク質部分からいったん単離されると、ペプチドがコートタンパク質と結合していた時と異なる性質を有することができる。当業者は、ペプチドがファージコートタンパク質部分からいったん単離されるとその結合活性を実質的に回復させるために遊離のCOOH末端をそれと関連する任意の負電荷をなくすようにキャッピングする方法のようなしかしこれらに限定されるものではない当該技術分野において周知である方法を使用できることを理解する。さらに、無傷血小板と抗血小板自己抗体との結合に影響を与えるペプチドの能力もまた評価することができる。すなわち、蛍光活性化フローサイトメトリーと併せて標識した自己抗体を用いることが包含されるがこれに限定されるものではない、血小板と自己抗体との結合を評価するための、本明細書に例示するものおよび当該技術分野において既知であるもののようなしかしこれらに限定されるものではない多種多様な方法がある。これらのペプチドは、血小板と抗血小板自己抗体との結合により媒介される疾患、障害もしくは症状において使用する非常に有用な潜在的治療法である。これは、これらのペプチドが結合（この結合は、疾患プロセスに必要とされる）を阻害することができるからである。さらに、本明細書の他のところに開示するように、ペプチドインヒビターは、抗血小板自己抗体が、とりわけ、血小板機能に影響を与えるために患者に投与され、そして次にそのように投与された自己抗体の効果を取消すことが望ましいかもしくは有益である組み合わせ治療において用いることができる。

【0274】

本発明には、とりわけ、12mer線状ペプチドP4-12およびP4-7、ならびにC7C制約ペプチドP4-2aおよびP3-4により例示されるような、この方法により同定される任意のペプチドが包含される。当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、本発明がこれらもしくは任意の他のペプチドインヒビターに決して限定されないことを認識する。血小板抗原、無傷血小板もしくは両方と抗血小板自己抗体との結合のそのようなペプチドインヒビターは、そのような結合が疾患（例えばITPなど）を媒介する場

10

20

30

40

50

合のような、血小板と自己抗体との結合を阻害することが望ましい場合の用途が包含されるがそれらに限定されるものではない多種多様な用途を有する。あるいはまた、血小板自己抗体のそれらの血小板標的成分との結合を中和するペプチドは、天然のもしくは合成の血液型物質を抗赤血球抗体の特異性を同定するために用いることができる方法と同様の診断アッセイのために有用であることができる。

【0275】

本明細書に開示するデータは、本発明のペプチドインヒビターが、精製された GPIIb / IIIa とおよび / もしくは無傷血小板と抗血小板自己抗体（例えば H44L4）との結合を阻害できることを例示するが、本発明は任意の特定の抗血小板抗体もしくは血小板の任意の特定の標的成分に決して限定されない。

10

【0276】

B. 血小板成分との自己抗体結合に関連する方法

本発明には、血小板もしくはその成分と抗血小板自己抗体との結合に基づく多数の方法が包含される。これらの方法は、血小板と自己抗体との結合が、ITP および PTTP が包含されるがこれらに限定されるものではない疾患、障害もしくは症状を媒介することを包含する、そのような血小板およびそれらの機能（1つもしくは複数）への多数の影響を媒介する点において重要である。処置する方法などは哺乳類に行うことができるが、本発明の方法は、好ましくはヒトに行われると理解されるべきである。

【0277】

本発明には、血液凝固を阻害する方法が包含される。該方法は、血小板と特異的に結合する抗血小板自己抗体の有効量を患者に投与することを含んでなる。患者は、血栓形成もしくは再形成（再開塞）が予防されなければならない様々な状況が包含されるがこれらに限定されるものではない、とりわけ、血栓もしくは血栓形成の危険を有するために、血液凝固を阻害する処置を必要とする。例えば、自己抗体は、肺塞栓症、一過性脳虚血発作（TIA）、深部静脈血栓症、冠状動脈バイパス手術、人工弁もしくは血管を挿入する手術（例えば、自己、非自己もしくは合成血管移植における）における血栓を防ぐために個体（例えば、ヒトのような哺乳類）に投与することができる。

20

【0278】

本発明の自己抗体はまた、バルーンによって行われる血管形成術処置、冠状動脈内粥腫切除術、レーザー血管形成術もしくは他の適当な方法における血小板凝集および血栓を防ぐために個体に投与することもできる。自己抗体は、血管形成術処置の前に（前血管形成術）、血管形成術中、もしくは血管形成術後に投与することができる。そのような処置は血栓を防ぎ、それにより、死亡、心筋梗塞、または血管形成術（経皮経管冠状動脈形成術、PTCA）もしくは冠状動脈バイパス手術を必要とする再発虚血性事象のような血管形成後の血栓性合併症の割合を減らすことができる。

30

【0279】

例えば、血管形成術の前の補助療法としての本発明の抗血小板自己抗体の投与は、出血時間を増やし、そして血小板凝集を減らすことができる。抗血小板自己抗体が、とりわけ、血小板凝集、活性化、機能、セロトニンの放出、フィブリノーゲンへの結合などを阻害したことを示す本明細書に開示するデータは、血小板 GPIIb / IIIa と自己抗体との結合の阻害が、ヒトにおけるインビボ抗血栓効果を与えることができることを示す。

40

【0280】

本発明の抗血小板自己抗体は、血栓溶解後に起こり得る再開塞を防ぐかもしくは減らすためにそして凝血塊溶解を加速するために、単独であるいはプラスミノゲンアクチベーター（例えば、組織プラスミノゲンアクチベーター、ウロキナーゼもしくはステレプトキナーゼ、組み換え組織プラスミノゲンアクチベーター）のような血栓溶解剤、またはアスピリン、ヘパリンもしくはクマリン抗凝血剤（例えばワーファリン）のような抗凝血剤もしくは抗血小板薬と併せて個体（例えばヒト）に投与することができる。自己抗体もしくは生物学的活性フラグメントは、再開塞をもたらし得る血小板凝集を防ぐために十分な量で、血栓溶解剤もしくは抗凝血剤の投与の前に、それと一緒にもしくはその後

50

することができる。

【0281】

抗体もしくは抗体フラグメントの有効量（例えば、とりわけ、血小板凝集、機能、活性化の阻害、そしてそれによる血栓形成の阻害に十分な量）は、滅菌食塩水のような製薬学的に許容しうる賦形剤において、非経口的に、好ましくは静脈内に与えることができる。緩衝媒質を含むことができる。抗体製剤は、安定剤（例えば、ポリソルベート80、USP/NF）のような追加の添加剤を含有することができる。抗体は、単回用量において、連続的に、もしくは複数回注入（例えば、ポラス注入、続いて連続注入）において投与することができる。あるいはまた、抗体は、制御放出機序により（例えば、ポリマーもしくはパッチ送達系により）または別の適当な方法により投与することができる。投与する量は、臨床症状、個体の体重、他の薬剤（例えば血栓溶解剤）を投与するかどうかなのような様々な因子により決まる。製剤、投与量および処置処方計画の決定は、当業者により日常的に行われ、そして本明細書の他のところにさらに十分に記載するように、とりわけ、当業者に利用可能な多数の専門書（例えば、Genaro, ed., 1985, Remington's Pharmaceutical Sciences, Mack Publishing Co., Easton, PA）に説明されている。

10

【0282】

本発明には、例えば、GPIIb/IIIaと特異的に結合する抗血小板自己抗体を用いて血小板凝集を阻害することが包含される。そのような自己抗体はH44L4により例示され、これは、GenBank受託番号P08514（インテグリンアルファ-IIIb前駆体、血小板膜糖タンパク質IIb、GPalpIIb、GPIIbおよびCD41抗原とも呼ばれる；配列番号：153）に提供されるアミノ酸配列に基づいて、約アミノ酸残基番号447～約アミノ酸残基番号1009を含んでなるIIIbの部分の存在を必要とする。しかしながら、本発明は、この血小板タンパク質にも、またその任意の特定の部分にも限定されない。例えば、GPIIb/IXに特異的な抗血小板自己抗体は、フォン・ビルブラント因子マルチマーと血小板との相互作用を阻止することに有効であり、そして疾患血栓性血小板減少性紫斑病（TTP）と関連する血栓形成、罹患率および死亡率を防ぐことができる。さらに、血小板Fc受容体を包含する他の血小板膜成分に対する抗血小板自己抗体は、血小板への抗血小板因子4/ヘパリン複合体自己抗体の結合を妨げ、そして障害ヘパリン誘発性血小板減少症/血栓症（HIT/T）と関連する血小板減少症および血栓症を防ぐことができる。

20

30

【0283】

血栓性血小板減少性紫斑病（TTP）は、個体の血小板が凝集しそして不適切に粘着し、多数の臓器において起こりそしてそれらの機能（特に脳および腎臓）に影響を及ぼし得る小血管血栓（凝血塊）をもたらす疾患である。血漿交換および新鮮凍結血漿の補液からなる緊急処置なしで、死亡率は90%より大きい。

【0284】

最近の研究は、この疾患の急性型の病態生理学の理解を著しく進めている（例えば、Tsai et al., 1998, NEJM 339: 1585-1594）。すなわち、自己抗体が血流中に発生し、それは「フォン・ビルブラント因子切断プロテアーゼ」として知られている血清酵素の作用を阻害する。この酵素の機能は、正常な血小板機能に必要とされる血清タンパク質、vWF（フォン・ビルブラント因子）を小さい機能性単位に切断することである。この酵素の正常な活性がなければ、vWFは内皮細胞により生産されるような不適切に大きい形態（「非常に大きいマルチマー（unusually large multimer）」と呼ばれる）のままである。次に、これらの大きいマルチマーは、GPIIb/IXと不適切に相互作用し、理由もなく個体の血小板を凝集させそして内皮表面に粘着させる。

40

【0285】

現在、FFP注入を有する血漿交換がTTPの有効な処置である理由は理解されている。さらに特に、該処置の間の患者血漿の除去は、望ましくないプロテアーゼインヒビター

50

を除くために役立つ、そして新鮮正常血漿での患者血漿の同時置換は、活性プロテアーゼ酵素を患者に供給するために役立つ。毎日の血漿交換処置（通常は、追加の免疫抑制剤と一緒に）で、成功する場合、プロテアーゼインヒビターの患者の生産は止まり、そして疾患の処置および/もしくは軽減が成し遂げられる。

【0286】

永久的な「治癒」が得られ、そして患者がおそらく1ヶ月もしくはそれ以上もの長い間毎日血漿交換処置を受けるまで、それらの血小板は不適切に凝集して粘着し続け、そしてそれらが最初に提示した症状、すなわち、血小板血栓からの閉塞した血流に起因する神経学的、腎臓および/もしくは他の臓器障害（vWFにより不適切に媒介される）；血小板の消費のために結果として起こる血小板減少症、従って、患者を他の場所で出血の危険にさらすこと；およびおそらく微小血管系において血栓を無理に通過させられる場合の赤血球の断片化に起因する貧血をさらに悪化させ得る。ある患者では、血漿交換は十分に迅速に効果がなく、そしてvWFとそれらの血小板との間の不適切な相互作用を止める前に死亡する（通常は、脳もしくは心筋梗塞で）。血小板交換処置を行うことができる病院に迅速に到着することができないある患者では、処置を開始することができる前に死亡する。

10

【0287】

不適切なvWFにより媒介される血小板凝集および粘着ならびにその後の臓器障害および疾患の他の病理学的特徴のサイクルを壊すために緊急にそして処置の間に患者に注入するためのvWFマルチマーのそれらの主要な血小板受容体、GPIIb/IIIaとの相互作用を阻害することができる因子を有することが望ましい。本明細書に記述する方法を用いて開発されるGPIIb/IIIaに対するヒト自己抗体は、本明細書の他のところに示すように、血小板GPIIb/IIIaに結合し、それにより望ましくないvWF/血小板相互作用を妨げそして/もしくは阻害することにより強力な治療法として役立つことができる。

20

【0288】

要約すると、本発明には、血液凝固を阻害するために抗血小板自己抗体を用いることが包含され、ここで、該自己抗体は、結合が血小板による凝血塊の形成を阻害するように血小板に結合する。

【0289】

いかなる特定の理論によっても拘束されることを所望せずに、自己抗体による血小板機能の阻害は、血小板がリガンドと結合すること（この結合は次に血栓形成もしくは他の血小板機能に必要とされる様々な効果を媒介する）ができないという単に立体障害のためであることができる。あるいはまた、血小板と（すなわち、血小板成分と）自己抗体との結合は、血小板上の標的抗原の構造を改変するかもしれないもしくはそのような改変が自然に起こるのを防ぐことができる。そのような効果は、そうでなければ血小板機能に必要とされる標的タンパク質（血小板成分とも呼ばれる）における構造変化が標的と自己抗体との結合により阻害され得る点において、活性化する、凝集する、セロトニンを分泌するなどの血小板の能力に影響を与えることができる。例えば、インテグリン活性化の調節の機序に関する構造研究を含んでなる研究は、不活性化状態において、ヘテロダイマーの茎鎖がそれらの細胞外の長さの中間で鋭く曲げられていることを示唆する（Takagi et al., 2002, Cell, 110: 599-611）。活性化の際に、該分子はより直立した向きに転化し、それらの球状頭部の近くのリガンド（フィブリノーゲン）結合ドメインを露出する。本発明に記述する血小板阻害自己抗体、H44L4の結合に必要とされるIIBの領域は、屈曲の領域と一致する。H44L4はインテグリンに結合し、その不活性化状態を安定させ、そしてその活性化およびその後のそのリガンドとの結合に必要とされる構造変化を妨げると予測することは魅力的であり；しかしながら、本発明は、本発明の自己抗体が血小板機能などに影響を与えるこのもしくは任意の他の可能な機序に決して限定されない。

30

40

【0290】

本発明には、血小板と患者に投与する自己抗体との結合が今度は阻害されるように、ペプチドインヒビターの有効量を患者に投与することが包含される。そのような阻害は、患

50

者にとって、血液凝固がもはや所望されず、そして/もしくは治療利益を与えない場合に望ましい。これは、例えば心筋梗塞のために血液凝固の阻害を以前は必要とし、そして現在は減少した凝固が外科的処置に望ましくない危険性を与えるように外科的介入を必要とする患者に特に当てはまる。可逆的ではない、抗血小板キメラマウス-ヒト自己抗体(例えばReoProTM)の投与に関する先行技術の方法と異なり、本発明の方法は、GPIIb/IIIaと自己抗体との結合のペプチドインヒビターを投与し、それにより自己抗体の抗凝固効果を迅速に取り消すことができる、血液凝固を阻害する可逆的な方法を提供する。ReoProに対するペプチドインヒビターを開発することは、それらの構造が_{I I b}のフィブリノーゲン結合ドメインによく似ていると予想され、従って、遊離の血漿フィブリノーゲンの比較的莫大な量により迅速に結合されてReoProTMを中和するためには不十分な量を残すと予想されるので、問題があり得る。本発明はこれらの制約を回避し、そして哺乳類、さらに特にヒトに自己抗体を投与することの効果を取り消すことが所望される場合に本発明の自己抗体の効果の場合により取り消すことを可能にする。これは、ReoProTMの使用が包含されるがこれに限定されるものではない、血小板機能および活性に影響を及ぼす先行方法の実質的な改善である。

10

【0291】

さらに、ReoProTMは、それが他の物質の中でもビトロネクチン受容体に結合することが既知であるようにGPIIb/IIIaに特異的ではない。ReoProTMと異なり、本明細書(例えば、図13)に開示するデータは、H44L4がビトロネクチン受容体に結合しないことを示す。従って、本発明の自己抗体は、ビトロネクチンと自己抗体との結合が所望されない場合に、ReoProTMのようなしかしこれに限定されるものではない非特異的な抗体の実質的な改善を与える。

20

【0292】

本発明は血小板成分(例えばGPIIb/IIIa)と結合する抗血小板自己抗体(例えばH44L4)の結合を阻害する多数のペプチドインヒビター(例えば、P4-12、P4-7、P4-2aおよびP3-4)を提供するが、当業者は、本明細書に提供する教示に基づいて、本発明がこれらのもしくは任意の他の特定のペプチドインヒビター、自己抗体もしくは標的抗原に限定されないことを理解する。むしろ、本発明の教示を備えて、当業者は、本明細書に開示するように本発明の方法を実施するために、追加の標的、自己抗体およびペプチドインヒビターを容易に同定することができる。

30

【0293】

本発明には、血小板凝集を阻害する方法が包含される。これは、本明細書の他のところの開示するデータにより示されるように、血小板と抗血小板自己抗体との結合(血小板上のタンパク質、例えば、GPIIa/IIIa、GPIIb/IIIaおよびGPIb/IXとの結合によるような、しかしこれらに限定されるものではない)は、とりわけ、血小板凝集を阻害することができるからである。従って、該方法は、血小板凝集が阻害されるように、血小板を抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量と接触させることを含んでなる。そのような方法は、血小板凝集により媒介される疾患、障害もしくは症状、例えば、血栓性血小板減少性紫斑病(TTP)およびヘパリン誘発性血小板減少症/血栓症(HIT/T)を処置するかもしくは軽減するために有用である。

40

【0294】

同様に、本発明には、血小板活性化を阻害する方法が包含される。さらに特に、該方法は、血小板を抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量と接触させることを含んでなる。これは、本明細書の他のところの開示するデータにより示されるように、血小板と抗血小板自己抗体との結合は、セロトニン放出における阻害およびリガンド(フィブリノーゲン)結合の阻害により例示されるように、血小板活性化を阻害することができるからである。そのような方法は、血小板活性化を阻害することが、とりわけ、血小板凝集を阻害する場合のようなしかしこれに限定されるものではない、血小板活性化を阻害することが利益を与えることができる場合に有用であり、これらの利益は、本明細書においてすでに他のところに説明されている。

50

【0295】

本発明にはまた、血小板機能を阻害する方法も包含され、ここで、そのような機能には、血小板と関連する任意の生物学的活性が包含されるが、これらに限定されるものではない。そのような活性には、血小板凝集体の形成、フォン・ビルブランド因子、コラーゲンおよび他の物質への血小板結合、内皮細胞への血小板の粘着、ならびに細胞内貯蔵からの様々な物質の分泌（例えば、セロトニンなど）などが包含されるが、これらに限定されるものではない。該方法は、血小板を抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量と接触させることを含んでなる。これは、そのような結合が血小板機能を阻害することが本明細書の他のところに示されているからである。さらに、本発明は、本明細書の他のところに例示される特定の抗体（H44L4）もしくは血小板標的（GP1Ib / IIIa）に限定されない。代わりに、本発明には、本発明の方法に従って製造されるような自己抗体、ならびに本明細書に開示されるか、当該技術分野において既知であるかもしくは将来に同定される任意の血小板標的が包含される。

10

【0296】

本発明には、血小板と抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの結合を阻害する方法が包含される。該方法は、血小板を自己抗体のペプチドインヒビターの有効量と接触させることを含んでなる。これは、抗血小板自己抗体が血小板と結合する場合に、ペプチドインヒビターを用いてそのような結合を阻害できることを本明細書に開示するデータが示すからである。さらに、本発明は、本明細書の他のところに例示する特定の抗体（H44L4）、血小板標的（GP1Ib / IIIa）もしくはペプチドインヒビター（12mer線状ペプチドおよびC7C制約ペプチド）に限定されない。代わりに、本発明には、本発明の方法に従って製造されるような自己抗体およびペプチドインヒビター、ならびに本明細書に開示されるか、当該技術分野において既知であるかもしくは将来に同定される任意の血小板標的が包含される。

20

【0297】

本発明には、哺乳類（より好ましくはヒト）においてITPを処置する方法が包含される。該方法は、VH3-30を発現するBリンパ球を特異的に殺す化合物の有効量をITPに苦しむ動物に投与することを含んでなる。これは、本明細書の他のところに開示するデータにより示されるように、VH3-30を含んでなる抗血小板自己抗体が様々な疾患、障害もしくは症状を媒介することができる（ここで、抗血小板自己抗体は血小板もしくはその成分と特異的に結合し、それにより疾患、障害もしくは症状を媒介する）からである。一つのそのような疾患、障害もしくは症状はITPであり、そして本明細書に開示するデータは、該疾患を媒介する抗血小板自己抗体の相当数がVH3-30を含んでなることを初めて示す。従って、当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、そのような有害な抗血小板自己抗体を発現するBリンパ球の削除が、そのような自己抗体の生産により媒介される疾患、障害もしくは症状、例えばITPに苦しむ動物に治療利益を与えることを理解する。

30

【0298】

すなわち、ITP患者から抗血小板自己抗体レパートリーをクローン化することにより、本明細書に開示するデータは、VH3-30免疫グロブリン遺伝子への自己抗体重鎖遺伝子使用における明白な拘束があるという新規な発見を示す。この拘束を利用することは、とりわけ、ITPにかかっている患者からの特定の自己抗体産生B細胞の削除を目標とするために用いることができる。

40

【0299】

当業者は、本明細書に開示する教示を備えて、動物における興味のあるBリンパ球を特異的に削除する幅広く多数の方法があることを理解する。例えば、本明細書の他のところに説明するように、スタヒロコッカスプロテインAを用いるVH3-30を含んでなる抗体を発現するBリンパ球の特異的除去は、本発明の抗血小板自己抗体を発現するBリンパ球を選択的に標的としそして削除するために用いることができる。さらに、ヨード化を用いるSpAの修飾（「mod SpA」と称する）は、Fc結合活性を欠くが、Fabと

50

、さらに特にVH3-30と相互作用する能力を保持するSpAを提供する。実際に、本明細書の他のところに開示するデータ(例えば図7)は、mod SpAがVH3-30を含んでなる本発明の抗血小板自己抗体に結合することを示す。これらのデータは、興味のある抗血小板自己抗体を発現するB細胞を選択的に削除し、それによりそのような自己抗体により媒介される疾患、障害もしくは症状(例えばITPなど)を処置するための修飾したもしくは修飾していないいずれかのSpAの使用を初めて示す。

【0300】

当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、興味のあるB細胞をB細胞レパートリーから選択的に除去することができる多数の方法があることをさらに理解する。例えば、本明細書の他のところに示す抗血小板自己抗体のVH3-30拘束を利用する別の方法は、VH3-30の一般構造に特異的な(すなわち、抗体の実際の特異性とは独立にVH3-30抗体を他のものと区別する可変領域における共通のフレームワーク決定基に特異的な)因子(例えば抗体)を開発することである。そのような抗体試薬は、特定のヒト免疫グロブリン遺伝子産物に対するマウスモノクローナル抗体を作製するための当該技術分野において周知である方法を用いて得ることができる。VH3によりコードされる抗体に対するそのようなマウス抗体は、実際にすでに存在し、そしてVH3-30および相同な抗体に対するSpAと同様の結合プロファイルを示すものもある(例えば、Potter et al., 1998, Molec. Immunol. 35: 1179-1187)。治療用途には、そのような抗体は構造において「ヒト」であることが望ましい可能性があり、従って、Abgenix Corp.により製造されるXenomouseTMを用いることによるような、ヒト重鎖および軽鎖Ig遺伝子に関してトランスジェニックであるマウスにおいてそのようなハイブリドーマを製造することを行うことができる。さらに、本明細書の他のところにさらに十分に開示するように、興味のある任意の抗体は、当該技術分野において周知であるかもしくは将来に開発される方法を用いて「ヒト化」することができる(例えば、ヒト化マウスモノクローナル自己抗体の例としてReoproTMを参照)。

【0301】

あるいはまた、インビトロで製造されるヒト様抗体配列を含んでなる合成抗体ファージディスプレイライブラリーを用いることができる(Siegel, 2001, Trans. Med. Rev. 15: 35-52に概説される)。そのような抗体は、それらの由来にかかわらず、細胞表面免疫グロブリンへのそれらの結合に基づいてVH3-30を発現するB細胞を破壊する免疫毒素を含んでなるように有毒分子に連結することができる。

【0302】

抗体結合ドメイン(すなわち、抗原と特異的に結合する免疫反応性ドメイン)および毒素ドメインを含んでなる典型的にはバイシストロン性分子である免疫毒素の製造は、当該技術分野において周知であり、そしてとりわけ、Dohlsten et al. (1994, Proc. Natl. Acad. Sci. USA 91: 8945-8949)およびRosenblum et al. (米国特許第5,624,827号)に記述されている。従って、当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、VH3-30ドメインを含んでなる抗体を発現するB細胞が包含されるがこれらに限定されるものではない、本発明の抗血小板自己抗体を発現するBリンパ球を選択的に削除するために免疫毒素を製造するためのこれらのおよび当該技術分野において周知である他の方法を使用できることを理解する。

【0303】

VH3-30重鎖を使用する全てのB細胞を考え得る限り破壊することができる抗VH3-30免疫毒素の代わりに、ITPにさらに特異的な免疫療法は、既定患者により作られる抗血小板自己抗体の特定のイディオタイプもしくは複数のイディオタイプに特異的な因子を含んでなることができる。そのようなイディオタイプは、本明細書に記述するような患者の免疫レパートリーのクローニングから決定されるか、もしくは請求する特定の抗血小板自己抗体により発現される特定のイディオタイプを実際に使用することができる

10

20

30

40

50

。それらの血小板自己抗体の可変領域に特異的な因子（それらがVH3-30によりコードされるかどうかにかかわらず）を設計することができる。そのような因子は、本明細書に記述する方法を用いるか、または上記のハイブリドーマもしくは合成ファージライブラリーを用いて血小板自己抗体に対する抗イディオタイプ抗体を作製することにより得られるものなどのような、特定のペプチドを含んでなることができる。すなわち、当業者は、本明細書に提供する開示に基づいて、抗血小板自己抗体と特異的に結合しそれにより血小板もしくはその成分と自己抗体との結合を阻害するペプチド（例えば、P4-12（配列番号：111）；P3-4（配列番号：112）；P4-7（配列番号：113）；P4-2a（配列番号：114）；P73-11（配列番号：116）；P123-10（配列番号：118）；P74-4（配列番号：120）；P73-10（配列番号：122）；P74-3（配列番号：124）；P74-9（配列番号：126）；P74-5（配列番号：128）；P73-9（配列番号：130）；P124-8（配列番号：132）；P123-11（配列番号：134）；P124-1（配列番号：136）；P73-2（配列番号：138）；P73-6（配列番号：140）；P124-11（配列番号：142）；P124-2（配列番号：144）；P73-7（配列番号：146）；P74-1a（配列番号：148）；P123-8（配列番号：150）；P74-8（配列番号：152））もまた、興味のある自己抗体を発現する特定のB細胞が抗体産生レパートリーから削除されるように免疫毒素を標的にするために使用できることを理解する。

10

20

【0304】

C. 診断の方法および治療の評価

本発明には、前述のようにペプチドインヒビターをそれらの特異性（1つもしくは複数）を特性化するのに役立つ中和アッセイにおいて用いることのようなしかしそれに限定されるものではないある種の疾患、障害もしくは症状を診断する方法が包含される。さらに、GP1Ib/IIa、GP1b/IXおよびGP1a/IIaのような血小板膜成分に対するヒト抗血小板自己抗体は、患者の血清もしくは血小板溶出液における血小板自己抗体を検出するための市販のELISAアッセイキットの陽性コントロールとして役立つことができる。現在、そのようなキットは、陽性コントロールとして使用する既知のITP患者から得られるヒト血清のバイアルを包装する。そのような物質は、供給が限られており、集めるのに費用がかかり、制御されていない組成のものであり、そして実験室研究者に感染症の危険となる。

30

【0305】

VIII. キット

本発明には、抗血小板自己抗体をコードする核酸、抗血小板自己抗体、そのような結合のペプチドインヒビターもしくはペプチドインヒビターをコードする核酸のような化合物、および/または本発明の組成物、アプリケーション、ならびに本発明の方法を行うための化合物の使用を記述する説明用資料を含んでなる様々なキットが包含される。典型的なキットを以下に記述するが、他の有用なキットの内容は、本開示を考慮に入れると当業者に明らかである。これらのキットの各々は、本発明内に包含される。

40

【0306】

一つの態様として、本発明には、血液凝固を阻害するためのキットが包含される。該キットは、本発明に開示する方法に従って使用する。簡潔に言えば、該キットは、血栓を有するもしくは血栓形成の危険がある哺乳類（例えばヒト）に本発明の抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントを投与するために用いることができる。これは、本明細書の他のところにさらに十分に開示されるように、血小板と自己抗体との結合が減少した血液凝固を媒介し、ここで、減少した凝固は有益な効果を媒介することができるからである。

【0307】

該キットはさらに、哺乳類に自己抗体を投与するために有用なアプリケーションを含んでなる。キットに含まれる特定のアプリケーションは、例えば、自己抗体を投与するために使

50

用する方法、ならびに自己抗体を投与する哺乳類により決まり、そしてそのようなアプリケーションは当該技術分野において周知であり、そしてとりわけ、ピペット、注射器、点滴器などを包含することができる。さらに、該キットはキットを使用するための説明用資料を含んでなる。これらの説明書は、本明細書に提供する開示を単に具体化する。

【0308】

キットは、製薬学的に許容しうる担体を含む。組成物は、本明細書の他のところに記載するような適切な量で提供される。さらに、投与の経路および投与の頻度は、本明細書の他のところにすでに記載するとおりである。

【0309】

一つの態様として、キットはさらに血小板と抗血小板自己抗体との結合のペプチドインヒビターを含んでなる。そのようなペプチドインヒビターおよびそれらを製造する方法は、本明細書の他のところに開示されている。ペプチドインヒビターを投与することは、本明細書の他のところにさらに十分に説明するように、血小板と自己抗体との結合を阻害しそれにより自己抗体の抗凝固効果を阻害するので、このキットは、血液凝固を可逆的に阻害する方法を提供する。

10

【0310】

本発明には、血小板凝集を阻害するためのキットが包含される。該キットは、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を含んでなる。

【0311】

該キットはさらに、自己抗体を投与するために有用なアプリケーションを含んでなる。キットに含まれる特定のアプリケーションは、例えば、自己抗体を投与するために使用する方法により決まり、そしてそのようなアプリケーションは当該技術分野において周知であり、そしてとりわけ、ピペット、注射器、点滴器などを包含することができる。さらに、該キットはキットを使用するための説明用資料を含んでなる。これらの説明書は、本明細書に提供する開示を単に具体化する。

20

【0312】

本発明には、血小板機能を阻害するためのキットが包含される。該キットは、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を含んでなる。

【0313】

該キットはさらに、自己抗体を投与するために有用なアプリケーションを含んでなる。キットに含まれる特定のアプリケーションは、例えば、自己抗体を投与するために使用する方法により決まり、そしてそのようなアプリケーションは当該技術分野において周知であり、そしてとりわけ、ピペット、注射器、点滴器などを包含することができる。さらに、該キットはキットの使用のための説明用資料を含んでなる。これらの説明書は、本明細書に提供する開示を単に具体化する。

30

【0314】

本発明には、血小板活性化を阻害するためのキットが包含される。該キットは、抗血小板自己抗体もしくはその生物学的活性フラグメントの有効量を含んでなる。

【0315】

該キットはさらに、自己抗体を投与するために有用なアプリケーションを含んでなる。キットに含まれる特定のアプリケーションは、例えば、自己抗体を投与するために使用する方法により決まり、そしてそのようなアプリケーションは当該技術分野において周知であり、そしてとりわけ、ピペット、注射器、点滴器などを包含することができる。さらに、該キットはキットの使用のための説明用資料を含んでなる。これらの説明書は、本明細書に提供する開示を単に具体化する。

40

【0316】

本発明には、血小板もしくは血小板成分と抗血小板抗体もしくはその生物学的活性フラグメントとの結合を阻害するためのキットが包含される。該キットは、ペプチドインヒビターの有効量を含んでなる。そのようなペプチドインヒビターには、P4-12（配列番号：111）；P3-4（配列番号：112）；P4-7（配列番号：113）；P4-

50

2 a (配列番号：114)；P73-11 (配列番号：116)；P123-10 (配列番号：118)；P74-4 (配列番号：120)；P73-10 (配列番号：122)；P74-3 (配列番号：124)；P74-9 (配列番号：126)；P74-5 (配列番号：128)；P73-9 (配列番号：130)；P124-8 (配列番号：132)；P123-11 (配列番号：134)；P124-1 (配列番号：136)；P73-2 (配列番号：138)；P73-6 (配列番号：140)；P124-11 (配列番号：142)；P124-2 (配列番号：144)；P73-7 (配列番号：146)；P74-1 a (配列番号：148)；P123-8 (配列番号：150)；P74-8 (配列番号：152)が包含されるが、これらに限定されるものではない。

【0317】

該キットはさらに、ペプチドインヒビターを投与するために有用なアプリケーションを含んでなる。キットに含まれる特定のアプリケーションは、例えば、インヒビターを投与するために使用する方法により決まり、そしてそのようなアプリケーションは当該技術分野において周知であり、そしてとりわけ、ピベット、注射器、点滴器などを包含することができる。さらに、該キットはキットの使用のための説明用資料を含んでなる。これらの説明書は、本明細書に提供する開示を単に具体化する。

【0318】

本発明を以下の実施例に関してこれから記述する。これらの実施例は、説明の目的のみに提供され、そして本発明はこれらの実施例に限定されると決して解釈されるべきではなく、むしろ、本明細書に提供する教示の結果として明らかになるありとあらゆるバリエーションが包含されると解釈されるべきである。

[実施例]

【実施例1】

【0319】

特発性血小板減少性紫斑病における自己抗体

特発性血小板減少性紫斑病 (ITP) は、最も一般的な自己免疫性血液学的疾患であるが、分子レベルに関連する自己抗体についてほとんど知られていない。結果として、ITPの診断アッセイおよび治療は特異性を欠く。先行技術のB細胞不死化法により課される技術的制約を回避するために、レパートリークローニング (Fab/ファージディスプレイ) を用いて血小板自己抗体をクローン化し、そして免疫グロブリン (Ig) 遺伝子使用、クローン性および抗原特異性の間の関係を調べた。ファージディスプレイライブラリーを慢性ITPにかかっている二人の患者からの脾臓細胞より構築し、そして競合的細胞表面選択を用いて数十のユニークなIgG血小板特異的自己抗体を単離した。すなわち、ヒト免疫レパートリーをクローン化するための分子手法、抗体ファージディスプレイ (Siegel et al., 2001, Transfus. Med. Rev. 15: 35-52) を新規の競合的細胞表面選択スキーム (Siegel et al., 1997, J. Immunol. Methods 206: 73-85) と組み合わせて、慢性ITPにかかっている二人の関係のない患者からIgG抗血小板自己抗体のレパートリーを単離し、そして研究した。この戦略を用いて、数十のIgG血小板反応性自己抗体を各患者から単離し、従って、それらの遺伝的原因、体細胞突然変異の程度およびクローン関連性の総合的解析を可能にした。

【0320】

本明細書に開示するデータは、両方の患者における血小板反応性Fabが、抗原特異性の明らかな多様性にもかかわらず、単一のIg重鎖可変領域遺伝子 (VH3-30) の再編成とほぼ例外なく関連したことを示す。各患者からの血小板反応性Fab-Ig遺伝子再編成の比較分析により、それらは高い置換：サイレント突然変異比を有する体細胞突然変異によって限られた数のB細胞クローンから進化したことが示唆された。VH3-30によりコードされる重鎖は、いくつかの異なるIg遺伝子によりコードされる軽鎖と見出されたが、分子修復実験は、血小板反応性を可能にする特定の重鎖および軽鎖組み合わせへの強い拘束を示した。

10

20

30

40

50

【0321】

総合して、これらのデータは、ITPと関連する血小板反応性自己抗体の発生が、重鎖および軽鎖遺伝子産物の遺伝学的に拘束されそして非常に特異的な組み合わせを用いるB細胞のクローン性増殖を通して多様な血小板抗原との遭遇により導かれることを初めて示す。これらの患者におけるVH3-30重鎖遺伝子の非常に高い使用は、慢性ITPの病因、診断および管理に関する重要な進歩を与える。

血小板調製：

多血小板血漿 (PRP) は、 $3 \mu\text{M}/\text{L}$ のプロスタグランジンE1 (PGE1; Sigma Chemicals, St Louis, MO) を含有するクエン酸ナトリウム (最終濃度、 $10.5 \text{mM}/\text{L}$) に集めた新たに単離された全血を室温で15分間遠心分離 ($500 \times g$) することにより調製した。ある実験では、血小板は、CP2D抗凝固処理全血 (Fenwall; Baxter Healthcare, Deerfield, IL) 由来の新鮮貯蔵血小板濃縮物から得られた。両方の供給源からのPRPを1% wt/volウシ血清アルブミン (BSA) を補足した酸-クエン酸塩-デキストロース (ACD; $145 \text{mM}/\text{L}$ の塩化ナトリウム、 $5 \text{mM}/\text{L}$ のクエン酸、 $9 \text{mM}/\text{L}$ のクエン酸ナトリウムおよび $17 \text{mM}/\text{L}$ のデキストロース [pH 6.5]) において3回洗浄した。

10

患者：

Fab/ファージディスプレイライブラリーは、慢性ITPにかかっている2人の関係のない成人 (ITP患者AおよびITP患者B) および血小板減少症にかかっているがITPではない1人のコントロール患者からの脾臓単核細胞より構築した。患者A (56歳の男性) および患者B (43歳の女性) は両方とも、少なくとも8ヶ月間プレドニゾンおよびIVIgでは効果がないITPにかかっていた。脾臓摘出後に、血小板数は正常範囲に上昇した。患者Aは、その後に関係のない原因で死亡し、そして患者Bは4年以上の間臨床的寛解期にある。非免疫性の多因子性血小板減少症にかかっている65歳の男性のコントロール患者からの脾臓細胞は、呼吸不全で死亡した後に検死解剖で採取した。

20

Fab/ファージディスプレイライブラリーの構築

Siegel et al. (1994, Blood 83: 2334-2344) に記述されているIgG1 および免疫レパートリーをクローン化するための以前に記述されている方法を用いて、約 10^8 個の脾臓細胞から全RNAを調製した。重鎖および軽鎖再編成Ig遺伝子セグメントを逆転写酵素-ポリメラーゼ連鎖反応により増幅し、そしてDNAをファージミド発現ベクター (pComb3H, Scripps Research Institute, La Jolla, CA) にクローン化した。XL1-Blue細菌 (Stratagene, La Jolla) への電気穿孔およびVC5M13ヘルパーファージ (Stratagene) での共感染の後、pIIIバクテリオファージコートタンパク質に融合したヒトFab分子を発現する線状ファージ粒子にIg DNAをパッケージングした。

30

Fab/ファージディスプレイライブラリーのパニング

Fab/ファージディスプレイライブラリーをSiegel et al. (1997, J. Immunol. Methods 206: 73-85) に記述されているような競合的細胞表面選択および磁気活性化細胞分類を用いる以前に記述されている方法の改変により血小板反応性Fabに関して濃縮した。簡潔に言えば、血小板をリン酸緩衝食塩水 (PBS) およびPGE1においてBSAなしに洗浄し、 $5 \times 10^8 / \text{mL}$ の濃度になるように再懸濁し、そしてスルホ-N-ヒドロキシスクシンイミドピオチン (Pierce, Rockford, IL) を $400 \mu\text{g} / \text{mL}$ になるように加えることにより表面ピオチニル化した。ACDおよびBSAでの2回の洗浄の後、 2×10^8 個のピオチニル化血小板を $20 \mu\text{L}$ のストレプトアビジンで被覆した常磁性マイクロビーズ (Miltenyi Biotec, Sunnyvale, CA) と $100 \mu\text{L}$ のACD、BSAおよびPGE1の総容量において室温で10分間インキュベーションした。約5倍過剰 (表面積により) のヒト赤血球 (RBC; 1×10^7) を含有するACD-BSAバッファー (1mL

40

50

)を加えた。細胞混合物を遠心分離し、そして約 3×10^{11} コロニー形成単位の Fab / ファージディスプレイライブラリーを含有する $50 \mu\text{L}$ の ACD、BSA および PGE 1 に再懸濁した。断続的に混合しながら室温で2時間のインキュベーションの後、血小板、RBC およびファージの懸濁液を ACD および BSA で前もって平衡化した MiniMACS カラム (Mitenyi Biotec, Germany) 上に載せた。カラム洗浄 (RBS および関係のない Fab - ファージを除くため)、血小板に結合した Fab ファージの溶出、およびパニングしたライブラリーの増幅は、Siegel et al. (1997, J. Immunol. Methods 206: 73-85) に以前に記述されているように行った。

可溶性抗血小板 Fab Ig の製造

個々のモノクローナル血小板結合 Fab をスクリーニングし、単離しそして特性化するために、ファージ滴定プレートから得られるランダムに選択した細菌コロニーを 0.5 の 600 nm の光学密度まで増やし、イソプロピル - D - チオガラクトピラノシド ($1 \text{ mM} / \text{L}$) を加え、そして培養物を 30°C で一晩振盪した。可溶性 Fab を Chang et al. (1998, Blood 91: 3066-3078) におけるような浸透圧衝撃により細菌ペレットから単離し、そしてさらに精製せずにフローサイトメトリー実験および固相酵素免疫検定法 (ELISA) において用いた。示される場合、可溶性 Fab は、Siegel et al. (1994, Blood 83: 2334-2344) におけるようにニッケルキレート化クロマトグラフィーにより精製した。細菌ペレットのアリコートを用いてヌクレオチドシーケンスもしくは抗体鎖シャッフリングのためのプラスミド DNA を調製した (Qiawell Plus; Qiagen, Valencia, CA)。Chang et al. (1998, Blood 91: 3066-3078) において以前に記述されているように重鎖および軽鎖 DNA をシーケンスしそして分析した。多数の配列 (約 60 より多い) のために、抗体のサブセットの予測アミノ酸配列のアライメントのみが Roark et al. (2002, Blood 100: 1388-1398) に示され、そして残りの配列アライメントは、該雑誌、すなわち、Blood の公的に利用可能なウェブサイト上で提供され、それらの全ては本明細書にその全部が記載されるように引用することにより組み込まれる。さらに、配列データの全ては、本明細書の他のところに開示されている (例えば、図 2A ~ 2D を参照)。

フローサイトメトリーによる抗体結合の特性化

$5 \mu\text{L}$ の PRP ($\sim 5 \times 10^6$ 個の血小板) および $50 \mu\text{L}$ の Fab を用いることにより血小板を染色した。30分のインキュベーションの後、血小板を ACD および BSA で洗浄し、そして洗浄バッファーに $1:25$ 希釈したヤギ抗ヒト F(ab)2 特異的 Ig (Jackson ImmunoResearch, West Grove, PA) のフィコエリトリン (PE) 結合 F(ab)2 フラグメントを用いることにより結合した抗体を検出した。サンプルをマイクロ蛍光光度計 (FACScan; Becton Dickinson, Mountain View, CA) を用いて分析した。血小板集団の前方および側方散乱光ゲートは、PE 結合ヤギ抗マウス試薬 (Southern Biotechnology, Birmingham, AL) で対比染色したマウス抗ヒト GPIIIa (SSA6; Dr. J. Bennett, University of Pennsylvania) を用いることにより決定した。I 型グランツマン血小板無力症にかかっている3人の関係のないドナーからの血小板は、Dr. M. Poncz (University of Pennsylvania) により提供された。GPIa / IIa を発現する安定な K562 細胞系は、Dr. M. Zutter (Washington University, St. Louis, MO) により提供された。

【0322】

ITP 患者 A および B からの組み換え血小板反応性自己抗体のレパートリーを慢性 ITP にかかっている他の患者の血清におけるものと比較するためにブロック実験を行った。血小板アリコートを 19 の異なる ITP 血清サンプルの各々もしくは正常血清のプールとブレインキュベーションし、次にファージディスプレイ Fab として発現される IT

10

20

30

40

50

P患者AもしくはBからの抗体と混合した。次に、ITP血清による組み換え患者自己抗体のブロックをChang et al. (1998, Blood 91:3066-3078)におけるようにビオチニル化抗M13抗体およびPE-ストレプトアビジンで検出した。正常血清の存在下での組み換え自己抗体の結合を100%と定義し、そしてITP血清の存在下での阻害をその値に正規化した。脾臓摘出術直前のITP患者AおよびBへのIVIgの投与により、競合アッセイにおけるそれらの血清の使用は除外された。

E L I S A および免疫蛍光法による抗体結合の特性化：

血小板GPIIb/IIIa、GPIb/IXもしくはGPIa/IIaに対する抗体は、PakAutoキット(GTI, Brookfield, WI)を用いることにより測定し；カルジオリピンに対するものは、QuantaLiteキット(Inova, San Diego, CA)で評価した。細胞質もしくは核決定基への結合は、HEp-2細胞(ANAキット、Antibodies Incorporated, Davis, CA)での免疫蛍光法により評価した。 10

血小板-Fab免疫複合体の免疫沈降：

ビオチニル化血小板膜タンパク質の免疫沈降は、免疫複合体を捕獲するためにプロテインL(Pierce)をプロテインAの代わりに用いたことを除いて、Hou et al. (1995, Eur. J. Haematol. 55:307-314)におけるように以前に記述されているとおりに行った。沈降物質を非還元および還元条件下で4%~12%ポリアクリルアミドゲル上で電気泳動し、そしてニトロセルロース膜上に電気泳動的にプロットした。沈殿したビオチニル化血小板膜タンパク質は、ビオチニル化西洋ワサビペルオキシダーゼ-アビジン複合体(ABC染色キット、Pierce)で検出した。 20

軽鎖ライブラリーシャッフリング：

H44重鎖を軽鎖のライブラリーとランダムに組み合わせるために、クローンH44L4(ITP患者Aから単離されたGPIIb/IIIa特異的Fab)からの10μgのプラスミドDNAをSacIおよびXbaI(Roche Molecular Biochemicals, Indianapolis, IN)で37で6時間消化して内因性軽鎖L4を取り除き、そして重鎖を含有するベクターフラグメントをゲル精製した。元のパニングしていないITP患者Aライブラリーからの および 軽鎖セグメントの調製物は、ライブラリー調製中に得られる細菌ペレットより精製された同等量のプラスミドDNAをSacI/XbaIで消化し、そして切り出された軽鎖をゲル精製することにより得られた。次に、重鎖H44を含有するベクターを軽鎖のライブラリーに連結し、そしてXL1-Blue細菌に電気穿孔した。 30

【0323】

形質転換体をカルベニシリン含有LBプレート上で平板培養し、それらから抗体クローンをランダムに選択し、可溶性Fab調製物として製造し、そしてフローサイトメトリーにより血小板結合に関してアッセイした。発現実験から得られる細菌ペレットにプラスミド少量調製を行い、そして重鎖H44の存在を確かめるためにそしてそれがランダムに組み合わされる軽鎖の配列を決定するためにヌクレオチドシーケンスを行った。 40

血小板結合クローン間の重鎖および軽鎖の交換：

クローンH36/L76、H44/L4およびH47/L64からの軽鎖遺伝子セグメントをSacI/XbaI消化によりそれらのそれぞれのプラスミドDNAから遊離させ、そしてこれら3個のクローンからの制限生成物(すなわち、3個の重鎖含有プラスミドおよび3個の遊離した軽鎖)を組み合わせた。再連結は、3つの元のFabを再生し、そして6つの新規な重鎖-軽鎖組み合わせを生成した。細菌の形質転換後に、数十の細菌クローンをランダムに選択して血小板結合アッセイ用のFabを製造しそしてプラスミドDNAを単離して重鎖および軽鎖組成を決定した。

修飾したスタヒロコッカスプロテインAへのFab結合：

スタヒロコッカスプロテインA(SpA)の超抗原ドメインへのFabの結合は、Si 50

l v e r m a n e t a l . (1 9 9 3 , I m m u n o m e t h o d s 2 : 1 7 - 3 2) におけるようにその天然のFc結合ドメインを破壊するために一塩化ヨウ素で化学的に修飾されているSpA(mod-SpAと称する)を用いてELISAにより測定した。Mod-SpA(50μL中1μg)を96ウェルマイクロプレートのウェル上に被覆し、そして4で一晚インキュベーションした。蒸留水ですすいだ後、ウェルをPBSおよび1%BSAで37で1時間ブロックし、そしてFabサンプルを加えた(50μL/ウェル)。37で2時間のインキュベーションの後、ウェルをPBSで3回洗浄し、そしてアルカリホスファターゼ結合ヤギ抗ヒト(1:10000)および(1:5000)軽鎖試薬の混合物を加えた(Sigma Chemical)。ウェルを37でもう1時間インキュベーションし、PBSで再び洗浄し、そしてp-ニトロフェニルホスフェートで発色させた。

10

モノクローナルヒト血小板自己抗体の単離

本研究の目的は、慢性ITPにおける血小板自己抗体のレパートリーを遺伝子レベルで特性化することであった。レパートリーを単離するために、Fab/Fァージディスプレイ技術を用いて、ヒトモノクローナル抗体を製造するためにB細胞不死化に依存する実験方法に固有の技術的制約を回避した。慢性ITPにかかっている二人の患者および多因子性血小板減少症にかかっているがITPに起因しないコントロール患者からの脾臓リンパ球よりIgGおよびライブラリーを構築した。全ての可能な自己抗原決定基をライブラリーに提示するために、そして天然の抗原構造を保ちそして捕獲を最適化する生理学的に適切な方法でそのようにするために、これらのライブラリー(各々、約 2×10^8 個より多い独立した形質転換体を含んでなる)を無傷血小板(単離された血小板膜GPとは対照的に)に対してパニングした。血小板結合物の選択を関係のない細胞タイプ(RBC)の存在下で行う磁気活性化競合的細胞表面パニング戦略を用いることにより、パン反応性(panreactive)もしくは非特異的Fab-Fァージの捕獲を防いだ。

20

【0324】

個々のFabクローンを血小板選択ライブラリーからランダムに選択し、そしてフローサイトメトリーにより血小板結合に関して評価した。ITPにかかっている二人の患者では、294個のクローンのうち78個が陽性であり、これらのうち39個は、重鎖および軽鎖DNA配列に基づいてユニークな抗体であると決定された。対照的に、パニングしていないITPライブラリーからランダムに選択された77個の追加のクローンのうち1個のみが血小板反応性を示し、そしてコントロールライブラリーから単離された59個のクローン(元のパニングしていないものから16個そして血小板選択ライブラリーから43個)のうちいずれも血小板活性を示さなかった。

30

【0325】

次に、パニングしたITP FabライブラリーがITPにかかっている患者からの血清におけるポリクローナル抗体により認識される抗原のコホートに結合するかどうかを評価した。FァージディスプレイFabの結合を妨げる19個のITP血清サンプルの能力は、正常コントロール血清サンプルに対して蛍光的に標識した抗M13(Fァージ)抗体を用いてフローサイトメトリーにより評価した。ITP患者AからのFab-Fァージは、平均して $25\% \pm 15\%$ (範囲、 $0\% \sim 41\%$)阻害され; ITP患者Bからのものは、 $41\% \pm 17\%$ (範囲、 $14\% \sim 74\%$)阻害された。これらの患者からの血清での同様の研究は、サンプル収集直前のIVIgの投与により除外された。

40

血小板自己抗体の配列分析:

39のユニークな血小板自己抗体からの重鎖および軽鎖ヌクレオチド配列を、それらの遺伝的原因および可能な遺伝的相関性を調べるためにMedical Research Council, Cambridge, UKのCenter for Protein Engineeringウェブサイトを利用して利用可能なヒトV遺伝子セグメントのV塩基ディレクトリで整列させた。図1(濃いボックス)に示すように、ITP患者Aからの全ての重鎖(6個のうち6個)およびITP患者Bからの4個以外の全ての重鎖(33個のうち29個)はVH3-30を使用した。軽鎖可変領域遺伝子の使用はそれほど拘束がなかつ

50

たが、V 遺伝子 A 1 9 / A 3、A 2 7 および L 6 を包含する V L 遺伝子の限られた組を含んでなった。

【 0 3 2 6 】

抗体のコホートにおける特定の重鎖もしくは軽鎖の選択的使用は、インビボもしくはインビトロ前選択因子（例えば、B細胞の既存のプールによるさらに大きい遺伝子使用もしくはクローニングアーチファクト）のためにまたは抗原との遭遇がその特定の遺伝子を使用するB細胞の限られた集団のクローン性増殖および体細胞突然変異を導く場合に起こり得る。第一の可能性を検討するために、パニングしていないITP患者Aおよび患者Bライブラリーの多様性を評価した。元のライブラリーからの76個の非血小板結合クローンのうち43個のランダムコホートの重鎖および軽鎖の分析により、血小板結合の選択の前

10

V 遺伝子表示における重複配列および著しい不均一性は見出されなかった（図1、患者AおよびB、空いているボックス）。特に、20個の異なるVH遺伝子および20個の異なるVL遺伝子が表示され、そしてそれらの分布は、成人のレパトリーにおけるIgG分泌リンパ球で典型的に見られるものと同様であった（Stollár et al., 1995, Ann. N. Y. Acad. Sci. 764: 547-558）。コントロールライブラリーからの組み換え抗体の血小板反応性の欠如は、VH3-30によりコードされる3個の抗体を包含する、26個の異なるVH遺伝子および25個の異なるVL遺伝子が使用されたので、効率の悪いライブラリー構築もしくはVH3-30重鎖表示の欠如のためではなかった（図1、Cボックス）。従って、39個の血小板に結合するITP患者自己抗体によるVH3-30の非常に拘束されたほとんど完全な使用は、脾臓リンパ球

20

の元のプール内の遺伝子の偏った表示を反映せず、また、それはFab/ファージディスプレイライブラリーの構築中に導入されるクローニングアーチファクトの結果でもなかった。

【 0 3 2 7 】

既定のV遺伝子の増加した使用は、限られたB細胞集団のクローン性増殖に起因する可能性を評価した。これを行うために、再編成したIg遺伝子は広い多様性を有する、すなわち、2つのB細胞が、VH、DおよびJH（重鎖には）もしくはVLおよびJL（軽鎖には）遺伝子セグメントの同一の組み合わせをランダムに選択するだけでなく、それらの遺伝子を一緒にスプライシングして同一の連結部領域も生成せしめる希薄な可能性しかないことを利用した。さらに特に、ITP患者AおよびBからの39個の血小板自己抗体の

30

コホートの重鎖および軽鎖可変領域アミノ酸配列のアライメントを行った。一式の重鎖配列の調査（図2A参照）は、両方の患者におけるVH3-30を用いるB細胞のサブセットのクローン性増殖の証拠を示した。各クローンのメンバーは、VH3-30、D1-26およびJH4b遺伝子セグメントの組み換えに起因しているようであり、そして各クローン内で、それらは同一の連結部領域を示した。クローンAおよびクローンBのCDR3領域が全く別個であったことは、いずれもライブラリー間汚染に起因しなかったことを示す。

【 0 3 2 8 】

生殖細胞系遺伝子とのヌクレオチドアライメントを調べることにより、それぞれの重鎖における体細胞突然変異のパターンがインビボでどのように進化した可能性があるかを説明

40

するために2個の推定クローンの個体発生樹を構築した（図2）。特にITP患者Aクローンでは、推定の中間体重鎖を得るために儉約突然変異スキーム（すなわち、突然変異の最小数を仮定する）を用いた（図2B、1、2および3個の星印）。このクローンのメンバーは、両方とも抗原により推進される選択を特徴とする免疫応答の顕著な特徴である（Shlomchik et al., 1987, Nature 328: 805-811; およびShlomchik et al., 1990, J. Exp. Med. 171: 265-292）、高い置換：サイレント（R：S）比をもたらした過度の体細胞突然変異（VHセグメント単独において4~21個のヌクレオチド変化）を受けているようである。ITP患者Bクローンでは、より少ない突然変異が全体にあったが、ほとんどあらゆる突然変異はアミノ酸置換をもたらし、そしてクローン性増殖は明らかであった。従っ

50

て、血小板結合抗体のこれらのコホートにおけるVH3-30の顕著な使用は、クローン性増殖を受けている限られた数の自己反応性B細胞に少なくとも部分的に起因した。VH3-30はクローン的に関係のない重鎖、H44、およびKunicki et al. (1991, J. Autoimmun. 4: 415-431) に記述されているような通常の組織培養技術により作製される少なくとも1つのIgM血小板自己抗体をコードするので、その使用はまた血小板結合を与えることにおいても重要であり得る。

【0329】

H44および残りの重鎖(H4、H10、H29およびH83)は各々、その独自のユニークなVHDJH組み換えを有し、そしてH29を除いて、体細胞突然変異はそれらのVHセグメントにおいて同様に起こった。軽鎖もまた、体細胞突然変異を受けた(例えば、図2Cおよび2Dを参照)。いかなる特定の理論によっても拘束されることを所望せず、コホートにおけるある軽鎖はクローン的に関連し得る(例えば、L43、L44およびL45)が、VLJL連結部は、重鎖の連結部領域ほど多様ではないので、軽鎖間のクローン関連性は、証明するのがさらに困難である。数個の軽鎖のみが血小板反応性Fabに存在し、これらのいずれもクローン的に関連しないようである。

組み換え血小板自己抗体特異性の同定:

ITPにかかっている患者からの自己抗体は、van Leeuwen et al. (1982, Blood 59: 23-62)、Kiefel et al. (1991, Brit. J. Haematol. 79: 256-262)、He et al. (1994, Blood 83: 1024-1032)、Hou et al. (1995, Eur. J. Haematol. 55: 307-314)、Olee et al. (1997, Brit. J. Haematol. 96: 836-845)、Kunicki et al. (1991, J. Autoimmun. 4: 415-431)、Woods et al. (1984, Blood 63: 368-375)、Woods et al. (1984, Blood 64: 156-160)、McMillan et al. (1987, Blood 70: 1040-1045)およびGruel et al. (1995, Semin. Thromb. Hemost. 21: 60-67)に記述されているように、血小板糖タンパク質GPIIb/IIIaもしくはGPIb/IXからなる複合体を認識することが多い。しかしながら、他の同定されたおよび同定されていない抗原に対する自己抗体が、例えば、He et al. (1994, Blood 83: 1024-1032)、Bierling et al. (1994, Brit. J. Haematol. 87: 631-633)、Hou et al. (1995, Eur. J. Haematol. 55: 307-314)、Pfueller et al. (1990, Brit. J. Haematol. 74: 336-341)、Sugiyama et al. (1987, Blood 69: 1712-1720)、Tomiyama et al. (1992, Blood 79: 161-168)、Deckmyn et al. (1994, Blood 84: 1968-1974)、Honda et al. (1990, Brit. J. Haematol. 75: 245-249)およびVaron et al. (1990, Clin. Immunol. Immunopathol. 54: 454-468)に記述されている。

【0330】

無傷血小板上でのパニングは、全ての関連する抗原が選択プロセス中に存在することおよびそれらの天然の構造が保たれることを保証した。39個のユニークな血小板反応性抗体の各々は、この細胞タイプに対する特異性を示した。いずれも、フローサイトメトリー分析でチャニーズハムスター卵巣細胞、K562細胞、赤血球もしくは白血球に結合しなかった。さらに、いずれも免疫蛍光分析でHEp-2細胞への表面、細胞質もしくは核結合を示さず、そしていずれもカルジオリピンに結合しなかった。しかしながら、H44L4の抗原特異性のみは比較的明確に決定することができた。ELISAにおいて、H44L4は精製され固定されたGPIIb/IIIaと反応したが、GPIb/IXもしくはGPIa/IIaとは反応しなかった(図3A)。H44L4は、I型グランツマン血

小板無力症にかかっている3人の関係のないドナーからの血小板を認識せず(図3B)、一方、全ての他の血小板反応性Fabは、野生型血小板およびグランツマン血小板に同等に結合した。さらに、H44L4で免疫沈降したポリペプチドは、還元および非還元条件下でGPIIb/IIIaの挙動に従って移動した(図4)。

【0331】

他のFabのいずれも、GPIIb/IIIaの挙動と一致するようにポリペプチドを免疫沈降せず、ELISAおよびグランツマン血小板を用いるフローサイトメトリー分析の結果と一致する結果であり;また、それらのいずれもGPIa/IIIaを発現する安定なK562細胞系と反応しなかった。しかしながら、クローン的に関連する重鎖を有する3個のFab、自己抗体H46L16、H47L64およびH48L24は、GPIb/IXのものと同じ分子量を有するポリペプチドを免疫沈降した。ELISAで、Fabのこの組は、精製され固定されたGPIb/IXにバックグラウンドレベルを有意に超えて結合しなかったが、マウスモノクローナル捕獲抗体による関連するエピトープのブロッキングを除外することはできなかった。いかなる特定の理論によっても拘束されることを所望せずに、開示するデータは、GPIb/IXをクローンAの特異性として示唆する。クローンBからの2つの抗体のいずれも(H37L50およびH42L38)、また2つのVH3-30でコードされない抗体(H4L106およびH83L34)も、おそらく、そしていかなる特定の理論によっても拘束されることを所望せずに、それらの標的ポリペプチドが十分にビオチニル化されなかったかもしくは可溶化中に構造を喪失したためまたはそれらの標的がタンパク質ではないので、標識タンパク質を特異的に免疫沈降しなかった。

GPIIb/IIIa特異性へのH44L4の重鎖および軽鎖の寄与:

ある種の抗体では、抗原特異性は、Chang et al. (1991, J. Immunol. 146:176-182)、Hoett et al. (1999, J. Immunol. 163:3304-3312)、Ohlin et al. (1996, Mol. Immunol. 33:47-56)およびSmith-Gill et al. (1987, J. Immunol. 139:4135-4144)におけるように一方もしくはもう一方の成分鎖により主に決定される。Fab H44L4の抗原標的としての血小板GPIIb/IIIa複合体の同定は、抗原認識へのその構成要素重鎖および軽鎖の寄与の試験を可能にした。H44L4のVH3-30重鎖がGPIIb/IIIa結合に単独で関与する場合、用いられる特定の軽鎖は、それが許容である限り、ほとんど関連性がないかもしれない。あるいはまた、VH3-30重鎖の優れた特異性は、Chang et al. (1998, Blood 91:3066-3078)に記述されているように組み合わせられる軽鎖により改変されるかもしくは実際に決定されるかもしれない。ファージディスプレイ由来の抗体の分子操作の施しやすさは、この問題を詳細に調べることが可能にした。

【0332】

H44重鎖を一団の軽鎖と組み合わせ、そして得られる組み合わせFabを血小板と結合するそれらの能力に関して調べた。これを行うために、重鎖H44を元のITP患者Aライブラリーからの全軽鎖レパートリーと組み換えた新しいライブラリーを作製した。ランダムな軽鎖と組み合わせられたH44重鎖を発現する101個のFabのうち1個のみが血小板と反応した。元のH44L4抗体のように、この組み換えFabはELISAでGPIIb/IIIaを認識した。配列分析は、このFabをコードするためにH44が用いられたことを裏付けた。20個のランダムに選択した非反応性FabにおけるH44の存在もまた確かめられた。従って、H44重鎖のみの単なる使用は、Fab分子にGPIIb/IIIa反応性を与えるのには不十分であった。いかなる特定の理論によっても拘束されることを所望せずに、この結果は、この結合特異性を与えるために特定のVH-VL組み合わせが必要とされることを示唆する。

【0333】

この考えをさらに調べるために、血小板反応性Fabの軽鎖遺伝子セグメントおよび血

血小板反応性を欠いた20個のH44を発現するFabの基準組をコードするものをシーケンシングした。興味深いことに、単一の陽性Fab(H44L125)は、元のH44L4Fabのように、O12/O2可変軽鎖遺伝子およびJ4Jセグメント遺伝子を用いた(図5)。実際に、軽鎖L4およびL125は、通常はアミノ酸位置95に存在する生殖細胞系によりコードされるプロリンの欠失をもたらす3個のヌクレオチドが喪失している特に異なるVJ連結部を共有したので、それらは同じB細胞クローンに由来しているようである(図5B)。この残基は軽鎖のCDR3領域に存在するので、95Pの欠失はGPIIb/IIIa特異性を与えるかもしくはそれに少なくとも寄与し得る。これは、O12/O2軽鎖を用いる3個の標本抽出した非血小板反応性Fab(図5B;クローンH44L126、H44L127およびH44L128)のいずれも、位置95での欠失がなかったという結果によりさらに裏付けられる。これらの結果は、軽鎖の限られた組のみが、既定のVH3-30遺伝子産物と組み合わせられる場合にGPIIb/IIIa特異性を与えるかもしくは許容性であることを示す。従って、血小板反応性Fabを作製するために必要とされる重鎖および軽鎖組み合わせにおける制約をさらに調べた。VH3-30重鎖遺伝子使用が血小板反応性抗体間でそのように一般的である結果を考慮して、当然の結果として、特定の軽鎖が抗原特異性を実際に決定するかどうかを評価した。

【0334】

H44L4(V-O12/O2を用いるGPIIb/IIIa特異的Fab)、H47L64(V-A27を用いる推定のGPIb/IX特異的FabおよびクローンAメンバー)およびH36L76(V-L6を用いるクローンBメンバー)(これらの各々はVH3-30によりコードされる重鎖を用いる)の別個のフローサイトメトリー(図6A)および免疫沈降パターンを利用した。すなわち、それらのプラスミドDNAを混合し、各軽鎖を制限消化してその最初に結合する重鎖から離し、そして重鎖および軽鎖遺伝子セグメントの得られる混合物を再連結することにより、3個の重鎖および3個の軽鎖の9つの全ての可能な組み合わせを作製した。各組み合わせの数例を含有する43個のランダムに選択したクローンを血小板結合に関して評価した。3個の元のFabを再構成した重鎖および軽鎖の組み合わせのみが血小板に結合し(図6B)、そしてそれらのフローサイトメトリーパターンは、親分子のものと区別できなかった。従って、VH3-30は血小板に結合する自己抗体により高頻度で用いられるが、血小板反応性および特異性を与えるのは特定の軽鎖だけでなく、特定の重鎖および軽鎖の組み合わせでもある。

SpAの超抗原ドメインへの血小板自己抗体の結合

慢性ITPにおいてまれにしか有効でない処置である(Williams et al., 1990, Current Studies in Hematology and Blood Transfusion, Karger, Basel, Switzerland; およびOwen et al., 1997, Apheresis: Principles and Practice, pp. 225-226, AABB Press Bethesda, MD)、血漿交換中に除かれるIgGの量は除かれるものの約2%のみである(Bussell et al., 2000, Hematology: Basic Principles and Practice pp. 2097-2114, Churchill Livingstone, Philadelphia, PA; およびVamvakas et al., 1997, Apheresis: Principles and Practice, pp. 375-407, AABB Press, Bethesda, MD)ことを考えれば、SpAを含有するアフィニティーカラムでのITP患者からの血漿の体外吸収は有効なことがある機序は不明である。

【0335】

そのよく特性化されたFc結合部位から独立しており、そしてVH3ファミリーのあるメンバー、特にVH3-30によりコードされる抗体の可変領域と相互作用するSpA上のB細胞超抗原部位が記述されている(例えば、Silverman, 1998, Semin. Immunol. 10: 43-55; Graille et al., 2000, Proc. Natl. Acad. Sci. USA 97: 5399-5404を参照)。

ヨード化によるSpAの修飾は、Fc結合活性を完全に破壊し、一方、Fab結合活性は保持される(Silverman et al., 1993, Immunomethods 2:17-32)。この修飾したSpAは、本明細書の他のところに開示する血小板自己抗体にそれらの遺伝子拘束に基づいて結合するかどうかを評価した。本明細書の他のところに開示するデータは、血小板結合自己抗体がポリクローナルの多重特異性Fabライブラリーから順次的な数ラウンドのパニングによって選択されたように、SpAの超抗原ドメインへの結合活性の同時選択があったことを示す(図7)。

血小板自己抗体は、VH遺伝子の限られた組によりコードされる

VH3-30重鎖遺伝子の使用は、一般ライブラリーにおけるその発生頻度と比較してそして抗原特異性における違いにもかかわらずITPにかかっている両方の患者からの血小板反応性Fab間で高度に表示されることが見出された(フィッシャーの直接確率検定により $P < 10^{-13}$; 図1および4)。興味深いことに、この同じ重鎖遺伝子は、ITPにかかっている別の患者からハイブリドーマ技術により得られるIgM抗GP11b自己抗体(Kunicki et al., 1991, J. Autoimmun. 4:433-446; Kunicki et al., 1991, J. Autoimmun. 4:415-431)、ならびにIVIGに結合するそれらの能力のために選択されるITP患者からのいくつかの血小板反応性IgGファージディスプレイ由来の抗体(例えば、Jendreyko et al., 1998, Eur. J. Immunol. 28:4236-4247; Fischer et al., 1999, Brit. J. Haematol. 105:626-640)をコードすることが見出された。いかなる特定の理論によっても拘束されることを所望せずに、抗血小板自己抗体のVH3-30重鎖遺伝子へのこの顕著な遺伝子拘束は、VH3-30および関連する遺伝子産物が増大されるかもしくはは疾病病因に關与する(例えば、Efremov et al., 1996, Blood 87:3869-3876; Efremov et al., 1997, Ann. N. Y. Acad. Sci. 815:443-447; Roben et al., 1996, J. Clin. Invest. 98:2827-2837; Braun et al., 1992, J. Clin. Invest. 89:1395-1402; Berberian et al., 1993, Science 261:1588-1591; Wisniewski et al., 1996, J. Acquir. Immune. Defic. Syndr. Hum. Retrovirology 11:31-38; およびBettaieb et al., 1996, Clin. Exp. Immunol. 103:19-23を参照)、自己免疫性溶血性貧血、SLE、慢性リンパ性白血病、CVIDおよびHIV感染のような、一見したところ関係のない疾患とITPとの関連性に説明を与えることができる。

【0336】

VH3-30重鎖の使用が、血小板反応性を示す抗体間で過剰表示される理由は、極めて重要な問題である。一つの可能性は、大部分の他のVH遺伝子産物によりコードされる抗体が血小板に結合する能力が劣ることである。抗原認識へのそのような制限は、VH3-23重鎖遺伝子産物がレパートリーにおいて最も高頻度で使用されるVH遺伝子であるにもかかわらず、血小板反応性Fab間で同定されなかった理由を説明することができる(Brezinschek et al., 1995, J. Immunol. 155:190-202; Brezinschek et al., 1997, J. Clin. Invest. 99:2488-2501; Kraj et al., 1997, J. Immunol. 158:5824-5832; Suzuki et al., 1995, J. Immunol. 154:3902-3911; およびHuang et al., 1996, Mol. Immunol. 33:553-560)。しかしながら、血小板結合物のコホートにおけるいくつかの抗体は、VH1-02、VH1-46、VH3-21およびVH4-59を包含する、VH3-30以外のVH遺伝子によりコードされた(図1および図2A~2D)。注目すべきことに、この同一群のVH遺伝子は、多数のヒト抗Rh(D)RBC同種異系抗体において1つだけを除いて全部の抗体をコードすることがBo

ucher et al. (1997, Blood 89:3277-3286) により見出された。これらの研究者により記載されるように、これらの生殖細胞系遺伝子の産物は、ヒトVHレパートリーにおける最もカチオン性のものの中にある。

【0337】

いかなる特定の理論によっても拘束されることを所望せずに、得られる構成的な正味の正電荷は、抗体が非常に負のRBC電位を効果的に通り抜けることを可能にし、従って、抗体との接触を可能にし得る(Mollison et al., 1997, Blood Transfusion in Clinical Medicine, Blackwell Scientific Publications, Oxford, United Kingdom)。血小板は、酸性ムコ多糖が豊富なそれらの厚い糖衣の結果として細胞表面負電荷のさらに大きい密度を有するので(White, 1971, The Circulating Platelet, pp. 44-45, Academic Press, New York, New York; およびSeaman et al., 1967, Platelets: Their Role in Haemostasis and Thrombosis, pp. 53-68, Schattauer-Verlag, Stuttgart, Germany)、血小板表面電荷は、カチオン性生殖細胞系VHセグメントの使用に偏らせることにおいて同様の役割を果たし得る。従って、カチオン性VH遺伝子の使用は、膜表面への接近を容易にし得るが、特定の抗原に対する特異性は、重鎖CDR3および軽鎖により決定され得る。

10

【0338】

本明細書に開示するデータは、軽鎖のこの役割が、血小板GPIIb/IIIa特異的Fabに存在するVH3-30によりコードされるH44重鎖産物を同じライブラリーからの全軽鎖レパートリーの全てのメンバー(約 10^8 の軽鎖)と組み合わせることにより調べられたことを示す。1つだけの他の血小板反応性のGPIIb/IIIa特異的Fabが取り出された(図5)。注目すべきことに、このFabの軽鎖は、元の抗体に存在する軽鎖に配列が非常に類似するだけでなく、CDR3分析に基づいて、インビボで同じB細胞クローンに由来しているようでもあった。さらに、VH3-30重鎖遺伝子を使用する血小板反応性Fabからの軽鎖は、交換可能ではなかった。実際に、異なる特異性を有する1組の血小板反応性Fabからの遺伝子がランダムに組み変わることを可能にした場合、重鎖および軽鎖の元の組み合わせのみが検出可能な血小板結合をもたらした(図6)

20

30

慢性ITPにおける自己抗原の役割およびクローン性増殖

ヒト自己免疫疾患の研究は、関連する自己抗体が病因に明白に関与することが明らかである、ITPのような疾患に焦点を当てることにより大きく促進される。しかしながら、自己反応性抗体の発生において自己抗原により果たされる役割および自己免疫応答のクローン性は、まだ十分に理解されていない。軽鎖拘束に基づいて、以前の報告は、慢性ITPにおける血小板自己抗体がクローン的に拘束されることを示唆した(van der Harst et al., 1990, Blood 76:2321-2326; Christie et al., 1993, Brit. J. Haematol. 85:277-284; Stockelberg et al., 1995, Brit. J. Haematol. 90:175-179; Stockelberg et al., 1996, Ann. Haematol. 72:29-34; およびMcMillan et al., 2001, Thromb. Haemost. 85:821-823)。

40

【0339】

本明細書の他の所に初めて開示される血小板反応性自己抗体のいくつかの特徴は、それらが非特異的刺激により誘発されるポリクローナルB細胞活性化の結果であるよりむしろ、抗原により推進されるクローン性増殖の一部として生じたことを示唆する。第一に、各患者から単離された大部分の抗体は、単一の重鎖VH DJH再編成を共有し、単一のB細胞

50

胞からのそれらの由来を示唆する(図2B)。第二に、高いR:S比を有する体細胞突然変異は、重鎖および軽鎖可変領域において明らかであった(図2A~2D)。第三に、血小板反応性Fabの各々はIgGライブラリーに由来し、T細胞依存性の抗原により推進される免疫応答の別の顕著な特徴であるアイソタイプスイッチングが起こったことを示唆する。最後に、抗原特異性をもたらすための正確な重鎖および軽鎖組み合わせの必要条件もまた(図5および6)、抗原により推進される免疫応答の特徴を表している(例えば、Hoet et al., 1999, J. Immunol. 163: 3304-3312; Ohlin et al., 1996, Mol. Immunol. 33: 47-56; Near et al., 1990, Mol. Immunol. 27: 901-909; およびCzerwinski et al., 1998, J. Immunol. 160: 4406-4417を参照)。

【0340】

いかなる特定の理論によっても拘束されることを所望せずに、病気に冒されていないドナーからのサンプルよりクローン化される「良性の」ものから病原性の抗血小板自己抗体を区別するのはこれらの特性であり得る。そのような天然に存在する血小板結合抗体は、本明細書の他のところに開示するものと対照的に、Denomme et al. (1992, Brit. J. Haematol. 81: 99-106)、Denomme et al. (1994, J. Autoimmun. 7: 521-535)およびEscher et al. (1998, Brit. J. Haematol. 102: 820-828)に記述されているように、ほとんどいつもIgMであり、多反応性であることが多く、それらの可変領域の体細胞突然変異をほとんどもしくは全く有さず、またはこれらの特徴の組み合わせを示す。これらの違いは、Shlomchik et al. (1987, Nature 328: 805-811)およびKunicki et al. (1991, J. Autoimmun. 4: 415-431)に記述されているような自己免疫のマウスモデルにおいて良性の自己抗体から病原性のものを区別するために用いられるものと同様である。良性の抗血小板自己抗体を生産するB細胞は、自己寛容を失い、アイソタイプをスイッチし、それらの可変領域遺伝子を体細胞的に突然変異させ、そして病原性自己抗体を分泌するように進むクローンであるかどうかは不明である。実際、Stewart et al. (1997, J. Immunol. 159: 1728-1738)におけるようなマウスリウマチ因子に提示されているように、競合的寛容の機序によって病原性自己抗体の生産を防止するように通常機能するのは、天然の非病原性抗血小板自己抗体のこのクローン的に関係のないプールであり得る。

VH遺伝子拘束の臨床的および治療的意味あい

慢性ITPの現在の処置は、比較的非特異的な免疫介入を特徴とする。VH3-30重鎖遺伝子への血小板自己抗体の拘束が、追加の免疫レパートリーの研究により確認される場合、この拘束の利用は、免疫療法のさらに標的を絞った形態の設計を容易にすることができる。例えば、SpAは、ある種のVH3によりコードされるIg、特にVH3-30の遺伝子産物に特異的である、そのよく特性化されたFc結合ドメインと異なる、B細胞超抗原部位を有することが既知である(Silverman, 1998, Semin. Immunol. 10: 43-55; およびGraille et al. 2000, Proc. Natl. Acad. Sci. USA 97: 5399-5404)。この活性と一致して、本明細書の他のところに開示するデータは、血小板上でのITP患者AおよびBファージディスプレイライブラリーのパニングが、血小板およびmod-SpA結合物の両方の同時濃縮をもたらしたことを示す(図7)。マウスでの研究において、アポトーシス細胞死によるVH3-30ホモログの的を絞った欠失は、組み換えmod-SpA超抗原のインビボ投与で起こり(例えば、Silverman et al., 2000, J. Exp. Med. 192: 87-98; およびGoodyear et al., 2001, Arthritis Rheum. 44: S296)、少量のmod-SpAの注入が、ITPにおける血小板自己抗体の生産を同様にダウンレギュレーションする可能性があることを示唆する。これに関して、そして記述されているような(Sasso e

t al., 2000, Arthritis Rheum. 43:1344) 体外免疫吸収処置中のSpA-シリカカラムからの200 μ gまでのSpAの離脱を示す最近の研究を考慮に入れると、長期の寛解は注入したSpAの結果であり、そしてカラム自体による抗体の除去の結果ではない可能性がある。マウス(Crowley et al., 1990, Mol. Immunol. 27:87-94; およびShokri et al., 1991, J. Immunol. 146:936-940) もしくはヒト(Fischer et al., 1999, Brit. J. Haematol. 105:626-640) 由来の抗イデオタイプ抗体のような、このもしくは他のVH3-30を標的とする試薬の治療効果を試験する将来の研究は、免疫レパートリー組成を調節する新規な方法を提供し得る。さらに、血小板自己抗体の遺伝的原因の迅速な同定のための試薬の開発は、個々の患者におけるそのような新規な分子治療法への反応性を予測するのに役立つことができる。

10

【実施例2】

【0341】

ヒトGPIIb/IIIa特異的血小板自己抗体(H44L4)のペプチドインヒビター

本明細書の他のところに開示する「H44L4」と称するヒト抗GPIIb/IIIaモノクローナル抗血小板自己抗体が結合する血小板糖タンパク質(GP)IIb/IIIa上のエプトープを特定するためにペプチドファージディスプレイを用いた。ペプチドファージディスプレイ技術を用いて得ることができるもののような、小分子「ペプチド模倣物」は、GPIIb/IIIa上のどこにH44L4が結合するかを位置づけるのに役立つだけでなく、インビボでそのような血小板自己抗体の結合を阻害することができる注入可能な薬剤の開発のためのリードとして役立つことができる立体配座エプトープの構造を推測することができる。

20

【0342】

2つの異なる市販されているペプチドディスプレイライブラリー(New England Biolabs, Beverly, MAから市販されている)を用いた。これらのライブラリー、すなわち、「12mer」線状ペプチドライブラリーおよび「システイン-7mer-システイン」(C7C)制約ペプチドライブラリーをH44L4が標的である実験の組に用いた。パニングプロトコルに役立つように、最初に、抗体H44L4をReader et al., 2002 FASEB J., 16:2000-2002に記述されているようにPIGGベクター(Scrripps Institute)を用いてFabフラグメントとしての(本明細書の他のところにすでにそして本明細書にその全部が引用することにより組み込まれるRoark et al., 2002, Blood 100:1388-1398に記述されている抗体ファージディスプレイ実験から単離されるような)その現在の形態から全長IgGに転化した。

30

【0343】

パニング実験は、ディスプレイライブラリー(New England Biolabs)と一緒に提供される製造業者の説明書に従って行った。簡潔に言えば、H44L4をペプチドライブラリーの一つと溶液中でインキュベーションし、次に、結合したファージを有する抗体をプロテインAが結合した磁気ビーズを用いて捕獲した。洗浄段階の後に、結合したファージを酸で溶出し、そして増殖のために新しいエシェリキア・コリ培養物に導入した。2回目のパニングは、抗体および結合したファージをプロテインGが結合した磁気ビーズで捕獲したことを除いて同様に行った。交互のプロテインAおよびプロテインGの目的は、プロテインAもしくはGのいずれかに特異的なファージディスプレイペプチドの捕獲を防ぐためであった。従って、3回目のパニングはプロテインA捕獲で；4回目はプロテインGで行った。

40

【0344】

12mer線状ライブラリーおよびC7C制約ライブラリーの両方から、図8に示すELISAスキームを用いてH44L4に結合するが(図9)、いくつもの他のコントロー

50

ル抗体（例えば、抗赤血球 R h 抗体）には結合しない数組の関連するペプチドが得られた。抗血小板自己抗体と結合した同定されるペプチドのアミノ酸配列を図 9 A に記載する。さらに、これらのペプチドをコードする核酸のヌクレオチド配列を図 9 B に記載する。

【0345】

次に、これらのペプチドが、G P I I b / I I I a への自己抗体 H 4 4 L 4 の結合を実際に阻害するかどうかを評価した。12mer ペプチドのうち2個（P 4 - 12 および P 4 - 7）および制約7mer ペプチドのうち2個（P 3 - 4 および P 4 - 2 a）、並びに陰性コントロールとして使用した結合しない12mer ライブラリーおよび制約7mer ライブラリーペプチドのいくつか（P 0 1 および P 0 1 - 1）を調べた。本明細書に開示するデータは、P 4 - 12、P 4 - 7、P 3 - 4 および P 4 - 2 a が、E L I S A により精製された G P I I b / I I I a への自己抗 G P I I b / I I I a の結合を特異的に阻害したが、コントロールペプチドはそうしなかったことを示し（図 11）、ここで、図 10 は、用いる E L I S A アッセイの設計を示す。本明細書に開示するデータはさらに、I T P 自己抗体により標的とされることが多い別の一般的な血小板自己抗原である G P I b / I X への検出可能な結合がなかったように G P I I b / I I I a への H 4 4 L 4 の特異性を示す（図 11）。

10

【0346】

フローサイトメトリーにより評価するような、無傷血小板への H 4 4 L 4 の結合を同様に阻害するこれらのペプチドの能力もまた評価した。本明細書に開示するデータは、H 4 4 L 4 が任意のペプチドのない場合に（図 12、曲線 2）もしくは関係のないペプチド P 0 1 - 12 の存在下で（図 12、曲線 3）血小板に強く結合するが、少量のファージディスプレイペプチド P 4 - 12 が存在する場合に有意に少なく結合した（図 12、曲線 4）ことを示す。

20

【0347】

いかなる特定の理論によっても拘束されることを所望せずに、これらの阻害ペプチドの意義および潜在的有用性は2重である。第一に、それらが他の I T P 患者の血清における抗 G P I I b / I I I a 自己抗体を阻害する場合、該ペプチドは、インビボで自己抗体結合を阻害することができる薬剤の開発のための潜在的リードであり、従って、I T P の潜在的処置として役立つ。

【0348】

本明細書の他の所を開示するデータ、すなわち、エピトープマッピング研究（下記）は、H 4 4 L 4 が G P I I b / I I I a 上のどこに結合するかおよび血小板へのその結合がそれらの機能を阻害するようであることの点においてそれがかなりユニークな抗 G P I I b / I I I a 抗体であることを示唆する。これらのデータは、H 4 4 L 4 を F a b フラグメントとして（すなわち、脾臓マクロファージと相互作用することができるその F c ドメインなしに）用いて、H 4 4 L 4 が、ReoProTM（インフリキシマブ；アブシキマブ；Centocor Corp.）のようなしかしこれに限定されるものではない先行技術製品と異なり、完全にヒトでありそして他の潜在的副作用のない治療的に有用な血小板アンタゴニスト薬として役立つことができる新規な治療様式を示唆する。さらに、本明細書に開示するデータは、本明細書に開示するペプチドのさらに別の潜在的有用性は、血小板機能が回復される必要がある場合に H 4 4 L 4 への「対抗手段」としてであることを示す。すなわち、ペプチドの投与、それにより G P I I b / I I I a と H 4 4 L 4 との結合を阻害することは、血小板凝集を阻害する H 4 4 L 4 の能力を阻害する。これは、血小板凝集の阻害が所望されるが、抗体および/もしくはその効果が動物から取り除かれる前に阻害の取り消しが所望される場合に使用する新規な治療法を提供する。

30

40

【実施例 3】

【0349】

エピトープマッピング研究

H 4 4 L 4 が血小板 G P I I b / I I I a 分子（G P I I b / I I I a、インテグリン分子は、I I b₃とも呼ばれる）上のどこに結合するかを評価するために、I I b

50

3 もしくは I I b - v 3 キメラ（ここで、I I b のセグメント（アミノ酸 1 ~ 4 5 9、1 ~ 2 2 3、2 2 3 ~ 4 5 9 もしくはアミノ酸 4 4 7 ~ 1 0 0 9 のいずれか）を v (v 3 もまたインテグリンファミリーのメンバーであり、そして「ピトロネクチン受容体」として知られている)のその部分に置換した)のいずれかを発現する一組のチャイニーズハムスター卵巣 (C H O) 細胞と H 4 4 L 4 をインキュベーションした。これらのエピトープマッピングアッセイおよびキメラは、M c M i l l a n e t a l . (2 0 0 0 , B r i t . J . H a e m a t o l . 1 1 8 : 1 1 3 2 - 1 1 3 6) により以前に記述された。それらの研究において、M c M i l l a n e t a l . は、ポリクローナル患者血清もしくは血小板溶出液を試験した (H 4 4 L 4 は、これまでに同定された血小板に対する最初のヒトモノクローナル自己抗体である)。M c M i l l a n e t a l . は、患者由来のポリクローナル抗体物質のほとんどすべてが、結合するために I I b の N 末端部分を必要としたことを示唆する。 10

【 0 3 5 0 】

本明細書に開示するエピトープマッピング研究の目的のために、示すアミノ酸残基は、G e n B a n k 受託番号 P 0 8 5 1 4 に開示されているような I I b (インテグリンアルファ - I I b 前駆体、血小板膜糖タンパク質 I I b、G P a l p h a I I b、G P I I b および C D 4 1 抗原とも呼ばれる；配列番号：1 5 3) のアミノ酸配列に基づく。

【 0 3 5 1 】

驚くべきことに、H 4 4 L 4 は、I I b のこの N 末端部分を発現するキメラのいずれにも結合せず；代わりに、H 4 4 L 4 は、結合するために I I b のアミノ酸 4 4 7 ~ 1 0 0 9 を必要とした (図 1 3、陰影のない曲線は、H 4 4 L 4 をトランスフェクションしていない C H O 細胞に対して行った陰性コントロールを表すことを特に示す)。本明細書に開示するデータはまた、R e o P r o^{T M} が結合するピトロネクチン受容体 (v 3) に H 4 4 L 4 が結合しなかったという新規な結果も示す。R e o P r o はまた、H 4 4 L 4 と明らかに異なり、フィブリノーゲン結合領域における I I b の N 末端部分に結合することも知られている。従って、H 4 4 L 4 は、これまでの研究に基づいて驚くべき方法で、G P I I b / I I I a と結合する新規な抗体である。 20

【 実施例 4 】

【 0 3 5 2 】

血小板機能への H 4 4 L 4 の効果 30

I T P 患者において見られる出血は、一般に、血小板の量的欠乏のせいであり、すなわち、抗血小板自己抗体は患者の血小板に結合し、そしてそれらを脾臓マクロファージによる食作用によって取り除かせる。しかしながら、起こり得る出血のいくらかは質的欠乏のためであり得る、すなわち、血小板への血小板自己抗体の結合はそれらの機能を妨げることができ、そして該抗体が脾臓における血小板除去および破壊も誘導するかどうかに影響を及ぼすことができるとも考えられている。

【 0 3 5 3 】

本明細書に初めて示されるように、そのような I T P 関連抗体をクローン化できることは、血小板機能へのそれらの効果の免疫生物学を研究するための材料の尽きない供給源を提供するだけでなく、薬剤 R e o P r o^{T M} の適応のような、望ましくない血小板凝固を防ぐために用いることができる潜在的に臨床で有用な薬剤も提供する。抗体 (薬剤) を F a b フラグメントとして発現することにより (R e o P r o のような)、脾臓マクロファージへの抗体で被覆された血小板の F c 依存性結合を防ぎ、それにより血小板数を残しておき、一方、血小板機能阻害を維持することができる。H 4 4 L 4 と R e p P r o^{T M} との間の結合特性の明らかな違いを考えれば (インテグリンアルファ - I I b 前駆体、血小板膜糖タンパク質 I I b、G P a l p h a I I b、G P I I b および C D 4 1 抗原とも呼ばれる G e n b a n k 受託番号 P 0 8 5 1 4 に記述されているアミノ酸配列 (配列番号：1 5 3) に基づいて、R e o P r o^{T M} は残基 1 ~ 4 5 9 内の G P I I b / I I I a のリガンド結合領域に結合し、一方、H 4 4 L 4 は約 4 4 7 ~ 約 1 0 0 9 の残基が分子に存在することを必要とすることを示すエピトープマッピング結果を参照)、H 4 4 L 4 が血 40 50

血小板機能を阻害した場合、それは著しく異なる方法で、すなわち、活性化 GPIIb/IIIa の N 末端部分へのフィブリノーゲン結合に関して直接競合することによってではなく、そのようにすることができる。

【0354】

H44L4 が血小板機能を阻害するかどうかを評価するために、血小板凝集分析研究を Born (1962, Nature 194: 927-929) の方法に従って行った。簡潔に言えば、新鮮な多血小板血漿を H44L4 と、E1M2 (関係のないヒト抗赤血球 Rh(D) モノクローナル抗体) と、もしくは抗体なしで (コントロール) 混合し、そして血漿を 37 で 5 分間インキュベーションした (最終抗体濃度、50 µg/ml)。血小板懸濁液を血小板凝集計のキュベットに置き、そして血小板凝集を誘導するために ADP を 5 µM の最終濃度になるように加えた。

10

【0355】

本明細書に開示するデータは、H44L4 が検出可能な血小板凝集を完全に阻害し、一方、関係のないヒトモノクローナル抗体は効果がなかったことを示す (図 14)。さらに、血小板には ¹⁴C - セロトニンが前負荷されていたので、細胞内血小板顆粒からのセロトニン放出の大きさを測定することができた。本明細書に開示するデータ (例えば図 14) は、H44L4 が、細胞内貯蔵からの、血小板活性化の顕著な特徴である、セロトニンの放出を完全に阻害したことを示す。

【実施例 5】

【0356】

H44L4 によるフィブリノーゲン結合の阻害
血小板活性化の際に、GPIIb/IIIa (I₁b₃ と呼ばれる) はフィブリノーゲンの結合の低親和性状態から高親和性状態になる。フィブリノーゲンの結合は、次に、血小板凝集を媒介する。このプロセスを妨げることは、血小板アンタゴニストを開発するために用いられる方法であり、例えば、ヒト化マウスモノクローナル抗体 ReoproTM は、GPIIb/IIIa への結合に関してフィブリノーゲンと競合することによりこれを行う。この競合は、その可変領域にフィブリノーゲンの重要な RGD 配列を有する抗体により促進される。

20

【0357】

いかなる特定の理論によっても拘束されることを所望せずに、H44L4 が血小板機能を阻害しそして結合にフィブリノーゲン結合領域から遠く離れた GPIIb の部分を必要とするようであることは、H44L4 が通常血小板アンタゴニストと異なる方法で血小板へのフィブリノーゲン結合を阻害できることを示唆する。血小板機能への H44L4 の効果がフィブリノーゲン結合の阻害をもたらすことを確かめるために、ADP で刺激した血小板および ¹²⁵I - フィブリノーゲンと様々な濃度の H44L4 を利用する用量応答曲線を Bennett et al. (1983, Proc. Natl. Acad. Sci. USA 80: 2417-2421) に以前に記述された方法を用いて作製した。簡潔に言えば、ゲル濾過した血小板 (7.35 x 10⁷ 個の細胞) を ¹²⁵I - フィブリノーゲン、CaCl₂ および ADP (最終濃度、それぞれ、109 µg/ml、0.5 mM および 10 µM) の存在下で様々な濃度の H44L4 と 37 で 3 分間インキュベーションした。次に、結合したフィブリノーゲンを遊離のものから分離するために血小板懸濁液を油界面を通して遠心分離し、そして細胞ペレットにおける ¹²⁵I を計数することにより血小板に結合したフィブリノーゲンの量を測定した。本明細書に開示するデータは、試験する H44L4 の最低濃度 (6.4 µg/ml) で、フィブリノーゲン結合が、H44L4 のない場合に得られるコントロール量の 5.4% のみに減少されたことを示す (図 15)。12 µg/ml 以上の濃度で、フィブリノーゲン結合は完全に除かれた (図 15)。

30

40

【0358】

従って、本明細書に開示するデータは、H44L4 が ReoproTM および他の同様の血小板アンタゴニストと異なる方法でフィブリノーゲン結合および血小板活性化を阻害

50

できることを示す。いかなる特定の理論によっても拘束されることを所望せずに、H44L4はGPIIb/IIIaに結合しそして該分子が下流の活性化事象に必要とされる構造変化を受けるのを妨げることによりその効果を媒介する可能性がある。例えば、Takagi et al. (2002, Cell 110: 599-611) および Beglova et al. (2002, Nature Struct. Biol. 9: 282-287) のような、インテグリン分子の最近提示されたモデルが、インテグリンは、それらの非活性化状態で、「大腿部」および「ふくらはぎ」ドメインの間の「ひざ」と呼ばれる領域において曲げられていることを示唆することを考えれば、この可能性は非常に重要である。活性化の際に、インテグリンは飛び出しナイフのように開き、それらのN近接領域における高親和性リガンド結合部位を露出させるかもしくは誘導することができる。H44L4は結合にアミノ酸447~1009(大腿部/ひざ/ふくらはぎドメインにおよぶGPIIbの領域)を必要とすることを考えれば、H44L4は、不活性化状態を安定させるかもしくはそうでなければ活性化に必要な「飛び出しナイフ」の開きを阻害し得る。

10

【0359】

本明細書に引用するありとあらゆる特許、特許出願および公開の開示は、それらの全部が引用することにより本明細書に組み込まれる。

【0360】

本発明は特定の態様に関して開示されているが、本発明の真に精神および範囲からそれずに本発明の他の態様およびバリエーションが当業者により考案され得ることは明らかである。添付の請求項には、全てのそのような態様および同等のバリエーションを包含されると解釈されるものとする。

20

【図面の簡単な説明】

【0361】

本発明を説明する目的のために、本発明のある種の態様を図面に表す。しかしながら、本発明は、図面に表す態様の正確な配置および手段に限定されない。

【図1】血小板自己抗体の遺伝子組成を説明するマトリックスを示す。ITPにかかっている患者およびコントロール患者からクローン化しそしてシーケンスした抗体により使用される、横軸はユニークな重鎖(H01~H98)を表し、そして縦軸はユニークなおよび軽鎖(L01~L124)を表す。重鎖-軽鎖組み合わせの交点の文字は、ITP患者Aもしくは患者Bまたはコントロール患者Cから単離された血小板反応性(黒色ボックス)もしくは血小板非反応性(白色ボックス)抗体の組成を示す。陽性クローンには、重鎖(H)および軽鎖(L)表示を示す。重鎖(左から右へ)および軽鎖(上から下へ)の順序は、アミノ酸類似性に基づくマルチプルアライメントを用いて決定し、そして次に推定のIg可変領域生殖細胞系遺伝子および生殖細胞系遺伝子ファミリーにより分類した。患者AおよびBレパートリーの両方における血小板結合抗体をコードするためのVH3-30生殖細胞系遺伝子の顕著な圧倒的に多い使用に注目せよ(グリッドの真ん中に向かう四角に囲った領域)。

30

【図2】図2A~2Dを含んでなる図2は、クローン的に関連する血小板自己抗体重鎖アミノ酸配列のアライメントおよびそれらの推定個体発生樹を示す。HおよびL命名法は、図1と同じである。図2Aは、ボックスに囲む各患者ライブラリー(クローンAおよびクローンB)における増殖させた重鎖クローンを含んでなる関連配列のグループを示す。クローンAでは、推定の中間体重鎖配列もまた示す(1、2および3個の星印)。生殖細胞系V_Hとのヌクレオチドの違いの数を各配列の右側に集計する。Dセグメントは既知のD遺伝子と乏しい相同性を示したので、これらの領域において突然変異を評点しなかった。置換突然変異は文字により、同一性は「・」として、そして挿入はCDR3長の変動に起因する間隔を維持するために-および+として示す。Siegel et al. (1997, J. Immunol. Methods 206: 73-85)におけるようなライブラリー構築に使用する5'V領域プライマー由来の配列は、>として記す。CDR領域名称は、Kabata et al. (1991, U.S. Dept. of Health

40

50

and Human Services, National Institutes of Health; NIH Publication number 91-3242)の方式に従い;付番および超可変ループ名称は、Chothia et al. (1992, J. Mol. Biol. 227-799-817)の方式に従う。図2Bは、各患者におけるヌクレオチドデータの分析を示す図であり、そしてV_H3-30、D1-26およびJ_H4b遺伝子セグメントの共通のV_HDJ_H再編成を共有する体細胞的に突然変異した重鎖の別個の組を示す。丸は、単離されそしてシーケンスされたクローンを表し(図1および2A);ひし形(ITP患者Aのみの)は推定の中間体を表す。患者のクローンの各メンバーで、その生殖細胞系V_H遺伝子からのヌクレオチド突然変異の数を丸括弧に入れて示し、そして置換(R)もしくはサイレント突然変異(S)の得られる数を角括弧に入れて示す。各患者クローンの個体発生樹で、水平方向の距離は、図の制約内で提示される生殖細胞系起源からの突然変異の程度を表す。図2Cは、各患者ライブラリー(クローンAおよびクローンB)における抗血小板自己抗体軽鎖クローンの1組の整列アミノ酸配列を示し;図の説明文は上記の図2Aに記載するとおりである。図2Dは、患者ライブラリー(クローンB)における抗血小板自己抗体軽鎖クローンの1組の整列アミノ酸配列を示し;図の説明文は上記の図2Aに記載するとおりである。

【図3】図3Aおよび3Bを含んでなる図3は、ELISAおよびフローサイトメトリーによる血小板自己抗体特異性を示す。図3Aは、ITP患者A抗体H44L4のELISA結果を示し、これは、固定化したGPIIb/IIIaへのその結合(しかし、GPIIb/IXもしくはGPIa/IIIaには結合しない)のために血小板GPIIb/IIIaに特異的であると決定された。図3Bは、H44L4が野生型血小板に結合するが、グラントマン血小板無力症にかかっている3人の患者からのGPIIb/IIIa欠損血小板には結合しない(3つの実施例のうち一つをフローサイトグラムに示す)ことを示すフローサイトメトリー結果を示す。同じ元のITP患者Aライブラリーから単離された抗血液型B抗体、抗体H68L120(Chang et al., 2001, Transfusion 41:6-12)は、示すような陰性コントロールとして用いた。

【図4】免疫沈降を用いる血小板自己抗体特異性の決定を示す図である。ビオチニル化した血小板を組み換えFabとのインキュベーションの後に可溶化し、そして抗原-Fab複合体をプロテインLデキストランビーズ上で捕獲した。免疫沈降した物質を非還元(左)もしくは還元(右)条件下でドデシル硫酸ナトリウム-ポリアクリルアミドゲル電気泳動により分離し、ニトロセルロースに移し、そして酵素標識したアビジン-ビオチン複合体を用いて検出した。この図に示すのは、ITP患者A由来の抗体H44L4およびH46L16での結果である。約150kD(非還元)および約50kDと25kD(還元)の相対分子量を有するポリペプチドバンドの存在は、血小板ラベリング処置の間にビオチニル化されそしてプロテインLにより共沈殿された血小板に結合した自己IgGを表すことに留意すべしである。

【図5】図5Aおよび5Bを含んでなる図5は、血小板自己抗体重鎖H44と組み合わせられるランダムに選ばれた軽鎖の血小板結合を示すデータを示す。GPIIb/IIIa特異的H44L4の重鎖を元の選択されていないITP患者Aライブラリーから得られる10⁶より多い軽鎖のライブラリーと再び組み合わせ、そして101個の再選択したクローンをフローサイトメトリーにより血小板結合に関してスクリーニングした。図5Aは、単一の取り出された陽性の再選択クローン(H44L125と称する)の遺伝子組成を説明するマトリックスを示し、それは243の平均蛍光値を示した。比較のために、20個(100個のうち)のランダムに選択した陰性クローン(H44L126~H44L145と称する)および元のH44L4抗体を表にした。陰影をつけたボックスの中の数は、平均蛍光強度を意味する。単一の陽性血小板結合クローンは、元のL4軽鎖(012/02)と同じIg軽鎖遺伝子に由来する軽鎖を含んでなるが、他の012/02によりコードされる軽鎖(例えばL125~L128)は、H44と組み合わせた場合に結合を与えなかったことに留意すべきである。図5Bは、血小板結合を再構成した軽鎖L125が、位置95の全アミノ酸残基(ボールド体領域)の喪失を特徴とする独特のVJ連結部のため

に元の L 4 軽鎖にクローン的に関連し得ることを示す再選択実験において取り出される 0 1 2 / 0 2 によりコードされる軽鎖のコホートの配列分析を示す。

【図 6】図 6 A および 6 B を含んでなる図 6 は、血小板自己抗体クローン間の軽鎖の交換を示すデータを示す。3 個の血小板結合クローン (H 4 4 L 4、H 4 7 L 6 4 および H 3 6 L 7 6) の重鎖および軽鎖を相互に置き換えて 9 つの可能な組み合わせ (6 つの新規のそして 3 つの再構成した原型) を作製した。図 6 A は、3 つのインデックス抗体の蛍光強度を比較するフローサイトグラムを示す。図 6 B は、再構成した元の重鎖 - 軽鎖の組み合わせのみが血小板結合を与えたことを示すマトリックスを示す。ボックス中の番号は、平均蛍光強度を意味する。

【図 7】図 7 A および 7 B を含んでなる図 7 は、修飾した (mod)、すなわち、ヨード 10 化した、スタヒロコッカスプロテイン A (SpA) への血小板で選択した Fab の結合を示す。元の選択していない ITP 患者 A および患者 B Fab / フェージディスプレイライブラリー (それぞれ、パネル A および B) からそして各回の血小板パニング後のライブラリーから得られるポリクローナル Fab 調製物をフローサイトメトリーにより血小板結合に関して (丸、軸の右側のセット) そして ELISA により mod - SpA への結合に関して (四角、軸の左側のセット) 評価した。

【図 8】ペプチドフェージディスプレイ技術を用いて得ることができるもののようなペプチド模倣物の H 4 4 L 4 への結合を試験するために使用する ELISA スキームの略図である。

【図 9】図 9 A および 9 B を含んでなる図 9 は、ヒト GPIIb / IIIa への血小板自己抗体 H 4 4 L 4 結合のペプチド模倣物インヒビター (すなわち、ペプチドインヒビターは抗体に結合し、それが GPIIb / IIIa に結合するのを妨げる) のペプチド配列比較を示す。図 9 A は、以下のペプチドインヒビター：P 4 - 1 2 (配列番号：1 1 1)；P 3 - 4 (配列番号：1 1 2)；P 4 - 7 (配列番号：1 1 3)；P 4 - 2 a (配列番号：1 1 4)；P 7 3 - 1 1 (配列番号：1 1 6)；P 1 2 3 - 1 0 (配列番号：1 1 8)；P 7 4 - 4 (配列番号：1 2 0)；P 7 3 - 1 0 (配列番号：1 2 2)；P 7 4 - 3 (配列番号：1 2 4)；P 7 4 - 9 (配列番号：1 2 6)；P 7 4 - 5 (配列番号：1 2 8)；P 7 3 - 9 (配列番号：1 3 0)；P 1 2 4 - 8 (配列番号：1 3 2)；P 1 2 3 - 1 1 (配列番号：1 3 4)；P 1 2 4 - 1 (配列番号：1 3 6)；P 7 3 - 2 (配列番号：1 3 8)；P 7 3 - 6 (配列番号：1 4 0)；P 1 2 4 - 1 1 (配列番号：1 4 2)；P 1 2 4 - 2 (配列番号：1 4 4)；P 7 3 - 7 (配列番号：1 4 6)；P 7 4 - 1 a (配列番号：1 4 8)；P 1 2 3 - 8 (配列番号：1 5 0)；P 7 4 - 8 (配列番号：1 5 2) のアミノ酸配列を示す。図 9 B は、以下のペプチドインヒビター：P 4 - 1 2 (配列番号：1 0 7)；P 3 - 4 (配列番号：1 0 8)；P 4 - 7 (配列番号：1 0 9)；P 4 - 2 a (配列番号：1 1 0)；P 7 3 - 1 1 (配列番号：1 1 5)；P 1 2 3 - 1 0 (配列番号：1 1 7)；P 7 4 - 4 (配列番号：1 1 9)；P 7 3 - 1 0 (配列番号：1 2 1)；P 7 4 - 3 (配列番号：1 2 3)；P 7 4 - 9 (配列番号：1 2 5)；P 7 4 - 5 (配列番号：1 2 7)；P 7 3 - 9 (配列番号：1 2 9)；P 1 2 4 - 8 (配列番号：1 3 1)；P 1 2 3 - 1 1 (配列番号：1 3 3)；P 1 2 4 - 1 (配列番号：1 3 5)；P 7 3 - 2 (配列番号：1 3 7)；P 7 3 - 6 (配列番号：1 3 9)；P 1 2 4 - 1 1 (配列番号：1 4 1)；P 1 2 4 - 2 (配列番号：1 4 3)；P 7 3 - 7 (配列番号：1 4 5)；P 7 4 - 1 a (配列番号：1 4 7)；P 1 2 3 - 8 (配列番号：1 4 9)；P 7 4 - 8 (配列番号：1 5 1) のヌクレオチド配列を示す。

【図 10】精製された GPIIb / IIIa に H 4 4 L 4 が結合するのを阻害するペプチド模倣物の活性を評価するために使用する ELISA スキームの略図を示す。

【図 11】ペプチド模倣物による GPIIb / IIIa への抗 GPIIb / IIIa 結合の阻害を示すグラフを示す。

【図 12】フローサイトメトリーにより評価した場合のペプチド模倣物による無傷血小板への H 4 4 L 4 の結合の阻害を示すグラフを示す。

【図 13】図 13 A ~ 13 F を含んでなる図 13 は、フローサイトメトリーにより評価し 50

た場合の、血小板 GPIIb/IIIa への H44L4 の結合のエピトープマッピングを示すフローサイトグラムを示す。IIIb₃ もしくは (IIIb-v)₃ キメラ (ここで、IIIb のセグメント (GenBank 受託番号 P08514; 配列番号: 153 に記載される アミノ酸配列に基づいて、本明細書に示す各パネルに示すような アミノ酸 1~459、1~223、223~459 もしくは 447~1009 のいずれか) を v₃ (v₃、ピトロネクチン受容体とも呼ばれる別のインテグリン) のその部分と置換した) のいずれかを発現する一組のチャイニーズハムスター卵巣 (CHO) 細胞と H44L4 をインキュベーションした。これらの実験は、McMillan et al. (2002, Brit J of Haematol, 118: 1132-1136) により記述されている細胞系および方法を用いて行い、ここで、陰影を付けたおよび陰影を付けていないヒストグラムは、それぞれ、トランスフェクションしたもしくはトランスフェクションしていない CHO 細胞とのインキュベーションを表す。該データは、H44L4 が IIIb の N 末端部分を含んでなるキメラを発現する細胞系のいずれにも結合しなかったが、結合するために IIIb のアミノ酸 447~1009 を必要としたことを示す。さらに、該データは、H44L4 が、ReoPro^{T M} (インフリキシマブ)、キメラヒト/マウス抗 IIIb₃ が同様に結合するインテグリン、ピトロネクチン受容体 (v₃) に結合しなかったことを示す。

【図 14】血小板機能への H44L4 の効果を示すグラフを示す。示すデータは、H44L4 が ADP により刺激された血小板凝集を阻害し、一方、関係のないヒトモノクローナル抗体は効果がなかったことを示す。さらに、H44L4 は、細胞内貯蔵からの、血小板活性化の顕著な特徴である、セロトニンの放出を阻害した。

【図 15】ADP で刺激された血小板および I-フィブリノーゲンと様々な濃度の H44L4 を利用する用量応答曲線を示す。試験する H44L4 の最低濃度で、フィブリノーゲン結合は、H44L4 のない場合に得られるコントロール量の 5.4% のみに減少された。12 μg/ml 以上の濃度で、検出可能なフィブリノーゲン結合は完全に除かれた。

【図 16】図 16 A は、重鎖 H4 (配列番号: 1) のヌクレオチド配列を示す。図 16 B は、重鎖 H10 (配列番号: 2) のヌクレオチド配列を示す。図 16 C は、重鎖 H29 (配列番号: 3) のヌクレオチド配列を示す。図 16 D は、重鎖 H36 (配列番号: 4) のヌクレオチド配列を示す。図 16 E は、重鎖 H37 (配列番号: 5) のヌクレオチド配列を示す。図 16 F は、重鎖 H38 (配列番号: 6) のヌクレオチド配列を示す。図 16 G は、重鎖 H39 (配列番号: 7) のヌクレオチド配列を示す。図 16 H は、重鎖 H40 (配列番号: 8) のヌクレオチド配列を示す。図 16 I は、重鎖 H41 (配列番号: 9) のヌクレオチド配列を示す。図 16 J は、重鎖 H42 (配列番号: 10) のヌクレオチド配列を示す。図 16 K は、重鎖 H44 (配列番号: 11) のヌクレオチド配列を示す。図 16 L は、重鎖 H45 (配列番号: 12) のヌクレオチド配列を示す。図 16 M は、重鎖 H46 (配列番号: 13) のヌクレオチド配列を示す。図 16 N は、重鎖 H47 (配列番号: 14) のヌクレオチド配列を示す。図 16 O は、重鎖 H48 (配列番号: 15) のヌクレオチド配列を示す。図 16 P は、重鎖 H83 (配列番号: 16) のヌクレオチド配列を示す。

【図 17】図 17 A は、軽鎖 L4 (配列番号: 17) のヌクレオチド配列を示す。図 17 B は、軽鎖 L16 (配列番号: 18) のヌクレオチド配列を示す。図 17 C は、軽鎖 L24 (配列番号: 19) のヌクレオチド配列を示す。図 17 D は、軽鎖 L34 (配列番号: 20) のヌクレオチド配列を示す。図 17 E は、軽鎖 L35 (配列番号: 21) のヌクレオチド配列を示す。図 17 F は、軽鎖 L36 (配列番号: 22) のヌクレオチド配列を示す。図 17 G は、軽鎖 L37 (配列番号: 23) のヌクレオチド配列を示す。図 17 H は、軽鎖 L38 (配列番号: 24) のヌクレオチド配列を示す。図 17 I は、軽鎖 L39 (配列番号: 25) のヌクレオチド配列を示す。図 17 J は、軽鎖 L40 (配列番号: 26) のヌクレオチド配列を示す。図 17 K は、軽鎖 L41 (配列番号: 27) のヌクレオチド配列を示す。図 17 L は、軽鎖 L42 (配列番号: 28) のヌクレオチド配列を示す。

10

20

30

40

50

図17Mは、軽鎖L43(配列番号:29)のヌクレオチド配列を示す。図17Nは、軽鎖L44(配列番号:30)のヌクレオチド配列を示す。図17Oは、軽鎖L45(配列番号:31)のヌクレオチド配列を示す。図17Pは、軽鎖L46(配列番号:32)のヌクレオチド配列を示す。図17Qは、軽鎖L47(配列番号:33)のヌクレオチド配列を示す。図17Rは、軽鎖L48(配列番号:34)のヌクレオチド配列を示す。図17Sは、軽鎖L49(配列番号:35)のヌクレオチド配列を示す。図17Tは、軽鎖L50(配列番号:36)のヌクレオチド配列を示す。図17Uは、軽鎖L51(配列番号:37)のヌクレオチド配列を示す。図17Vは、軽鎖L52(配列番号:38)のヌクレオチド配列を示す。図17Wは、軽鎖L53(配列番号:39)のヌクレオチド配列を示す。図17Xは、軽鎖L54(配列番号:40)のヌクレオチド配列を示す。図17Yは、軽鎖L55(配列番号:41)のヌクレオチド配列を示す。図17Zは、軽鎖L61(配列番号:42)のヌクレオチド配列を示す。図17AAは、軽鎖L63(配列番号:43)のヌクレオチド配列を示す。図17BBは、軽鎖L64(配列番号:44)のヌクレオチド配列を示す。図17CCは、軽鎖L72(配列番号:45)のヌクレオチド配列を示す。図17DDは、軽鎖L74(配列番号:46)のヌクレオチド配列を示す。図17EEは、軽鎖L75(配列番号:47)のヌクレオチド配列を示す。図17FFは、軽鎖L76(配列番号:48)のヌクレオチド配列を示す。図17GGは、軽鎖L125(配列番号:49)のヌクレオチド配列を示す。

10

【図18】図18Aは、軽鎖L92(配列番号:50)のヌクレオチド配列を示す。図18Bは、軽鎖L104(配列番号:51)のヌクレオチド配列を示す。図18Cは、軽鎖L106(配列番号:52)のヌクレオチド配列を示す。図18Dは、軽鎖L122(配列番号:53)のヌクレオチド配列を示す。

20

【図19】図19Aは、重鎖H4(配列番号:54)のアミノ酸配列を示す。図19Bは、重鎖H10(配列番号:55)のアミノ酸配列を示す。図19Cは、重鎖H29(配列番号:56)のアミノ酸配列を示す。図19Dは、重鎖H36(配列番号:57)のアミノ酸配列を示す。図19Eは、重鎖H37(配列番号:58)のアミノ酸配列を示す。図19Fは、重鎖H38(配列番号:59)のアミノ酸配列を示す。図19Gは、重鎖H39(配列番号:60)のアミノ酸配列を示す。図19Hは、重鎖H40(配列番号:61)のアミノ酸配列を示す。図19Iは、重鎖H41(配列番号:62)のアミノ酸配列を示す。図19Jは、重鎖H42(配列番号:63)のアミノ酸配列を示す。図19Kは、重鎖H44(配列番号:64)のアミノ酸配列を示す。図19Lは、重鎖H45(配列番号:65)のアミノ酸配列を示す。図19Mは、重鎖H46(配列番号:66)のアミノ酸配列を示す。図19Nは、重鎖H47(配列番号:67)のアミノ酸配列を示す。図19Oは、重鎖H48(配列番号:68)のアミノ酸配列を示す。図19Pは、重鎖H83(配列番号:69)のアミノ酸配列を示す。

30

【図20】図20Aは、軽鎖L4(配列番号:70)のアミノ酸配列を示す。図20Bは、軽鎖L16(配列番号:71)のアミノ酸配列を示す。図20Cは、軽鎖L24(配列番号:72)のアミノ酸配列を示す。図20Dは、軽鎖L34(配列番号:73)のアミノ酸配列を示す。図20Eは、軽鎖L35(配列番号:74)のアミノ酸配列を示す。図20Fは、軽鎖L36(配列番号:75)のアミノ酸配列を示す。図20Gは、軽鎖L37(配列番号:76)のアミノ酸配列を示す。図20Hは、軽鎖L38(配列番号:77)のアミノ酸配列を示す。図20Iは、軽鎖L39(配列番号:78)のアミノ酸配列を示す。図20Jは、軽鎖L40(配列番号:79)のアミノ酸配列を示す。図20Kは、軽鎖L41(配列番号:80)のアミノ酸配列を示す。図20Lは、軽鎖L42(配列番号:81)のアミノ酸配列を示す。図20Mは、軽鎖L43(配列番号:82)のアミノ酸配列を示す。図20Nは、軽鎖L44(配列番号:83)のアミノ酸配列を示す。図20Oは、軽鎖L45(配列番号:84)のアミノ酸配列を示す。図20Pは、軽鎖L46(配列番号:85)のアミノ酸配列を示す。図20Qは、軽鎖L47(配列番号:86)のアミノ酸配列を示す。図20Rは、軽鎖L48(配列番号:87)のアミノ酸配列を示す。図20Sは、軽鎖L49(配列番号:88)のアミノ酸配列を示す。図20Tは、軽

40

50

鎖 L 5 0 (配列番号 : 8 9) のアミノ酸配列を示す。図 2 0 U は、軽鎖 L 5 1 (配列番号 : 9 0) のアミノ酸配列を示す。図 2 0 V は、軽鎖 L 5 2 (配列番号 : 9 1) のアミノ酸配列を示す。図 2 0 W は、軽鎖 L 5 3 (配列番号 : 9 2) のアミノ酸配列を示す。図 2 0 X は、軽鎖 L 5 4 (配列番号 : 9 3) のアミノ酸配列を示す。図 2 0 Y は、軽鎖 L 5 5 (配列番号 : 9 4) のアミノ酸配列を示す。図 2 0 Z は、軽鎖 L 6 1 (配列番号 : 9 5) のアミノ酸配列を示す。図 2 0 A A は、軽鎖 L 6 3 (配列番号 : 9 6) のアミノ酸配列を示す。図 2 0 B B は、軽鎖 L 6 4 (配列番号 : 9 7) のアミノ酸配列を示す。図 2 0 C C は、軽鎖 L 7 2 (配列番号 : 9 8) のアミノ酸配列を示す。図 2 0 D D は、軽鎖 L 7 4 (配列番号 : 9 9) のアミノ酸配列を示す。図 2 0 E E は、軽鎖 L 7 5 (配列番号 : 1 0 0) のアミノ酸配列を示す。図 2 0 F F は、軽鎖 L 7 6 (配列番号 : 1 0 1) のアミノ酸配列を示す。図 2 0 G G は、軽鎖 L 1 2 5 (配列番号 : 1 0 2) のアミノ酸配列を示す。

10

【図 2 1】図 2 1 A は、軽鎖 L 9 2 (配列番号 : 1 0 3) のアミノ酸配列を示す。図 2 1 B は、軽鎖 L 1 0 4 (配列番号 : 1 0 4) のアミノ酸配列を示す。図 2 1 C は、軽鎖 L 1 0 6 (配列番号 : 1 0 5) のアミノ酸配列を示す。図 2 1 D は、軽鎖 L 1 2 2 (配列番号 : 1 0 6) のアミノ酸配列を示す。

【配列表】

SEQUENCE LISTING

<110> Siegel, Donald L.

<120> COMPOSITIONS, METHODS AND KITS RELATING TO ANTI-PLATELET
AUTOANTIBODIES AND INHIBITORS THEREOF

<130> 053893-5050WO

<150> 60/394,356

<151> 2003-07-03

<150> 60/411,694

<151> 2003-09-18

<160> 153

<170> PatentIn version 3.2

<210> 1

<211> 366

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<220>

<221> misc_feature

<222> (74)..(74)

<223> n i s a , c , g , o r t

<400> 1

cagggtgcagc tgggtgcagtc tggggctgag gtgaagaagc ctggggcctc agtgagggtc 60
tcctgtaagg cttntggata caagttcacc ggctcotata tacactgggt gcgacaggcc 120
cctggacaag ggcttgagtg gatgggccgg atcaacccta acaatgggtg cacgaactat 180
gcgagatct ttcaggacag ggtcaccatg accagggaca cgtccatcac cacggcctac 240
atggagttga gcagcctgag atcggacgac acggccgtat attactgtgc gagagatatg 300
atagtcgaca ctttcgcggt cggttgtgac tcctggggcc agggaaacccc ggtcaccgtc 360
tcctca 366

<210> 2

<211> 354

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 2

cagggtgcagc tgggtgcagtc aggggctgag gtgaagaagc ctggggcctc agtgaaggtt 60
tcctgcaagg catctggata cagcttcagc aattactata tgcaactgggt gcgacaggcc 120
cctggagaag ggcttgagtg gatgggaata atcaacccta aaggtggtac cacaagctac 180
gcacagaagt tccagggcag agtcacgatt gccgoggaca agttcacgaa ctcggcctac 240
atggagccga gcagcctgag atatgaggac acggccgtgt atttttgtgc gagagctaag 300
ttttcatggt cgcctgatat ctggggccaa gggacagtgg tcaccgtctc ttca 354

10

20

30

40

<210> 3
 <211> 369
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 3
 gaggtgcagc tgggtggagtc tgggggaggc ctgggtcaagc ctgggggggtc cctgagactc 60
 tcctgtgcag cctctggatt caccttcagt agctatagca tgaactgggt ccgccaggct 120
 ccagggaagg ggctggagtg ggtctcatcc attagtagta gtagtagtta catatactac 180
 gcagactcag tgaagggccg attcaccatc tccagagaca acgccaagaa ctcaactgtat 240
 ctgcaaatga acagcctgag agccgaggac acggctgtgt attactgtgc gagagaccac 300
 cctaattact atgatagtag tggctctctt gactactggg gccagggaac cctggtcacc 360
 gtctcctca 369

10

<210> 4
 <211> 351
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 4
 caggtgcagc tgggtggagtc tgggggaggc gtgggtccagc ctgggaggtc cctgagactc 60
 tcctgtgcag cctctggatt caccttcagt agctatgcta tgcactgggt ccgccaggct 120
 ccaggcaagg ggctggagtg ggtggcagtt atatcatatg atggaagtaa taaatactac 180
 gcagactccg tgaagggccg attcaccatc tccagagaca attccaagaa cacgctgtat 240
 ctgcaaatga acagcctgag acctgaggac acggctgtgt attactgtgc gagagggtggg 300
 gtagcagctt ttgactactg gggccagggg accctgggtca ccgtctcctc a 351

20

<210> 5
 <211> 351
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 5
 caggtgcagc tgggtggagtc tgggggaggc gtgggtccagc ctgggaggtc cctgagactc 60
 tcctgtgcag cctctggatt caccttcagt aactatgcta tgcactgggt ccgccaggct 120
 ccaggcaagg ggctggagtg ggtggcagtt atatcatatg atggaagtaa taaatactac 180
 gcagactccg tgaagggccg attcaccatc tccagagaca attccaagaa cacgctgtat 240
 ctgcaaatga acagcctgag acctgaggac acggctgtgt attactgtgc gagagggtggg 300
 gtagcagctt ttgactactg gggccagggg accctgggtca ccgtctcctc a 351

30

<210> 6
 <211> 351
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

40

<400> 6
 caggtgcagc tgggtggagtc tgggggaggc gtggtccagc ctgggaggtc cctgagactc 60
 tcctgtgcag cctctggatt caccttcagt aactatgcta tgcaactgggt cggccaggct 120
 ccaggcaagg ggctggagtg ggtggcagtt atatcatatg atggaagtaa taaatactac 180
 gcagactccg tgaagggccg attcaccatc tccagagaca attccaagaa cacgctgtat 240
 ctgcaaatga acagcctgag acctgaggac acggctgtgt attactgtgc gagaggtggg 300
 gtaggagctt ttgactactg gggccaggga accctgggtca cegtctcctc a 351

<210> 7
 <211> 351
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

10

<400> 7
 caggtgcagc tgggtggagtc tgggggaggc gtggtccagc ctgggaggtc cctgagactc 60
 tcctgtgcag cctctggatt caccttcagt aactatgcta tgcaactgggt cggccaggct 120
 ccaggcaagg ggctggagtg ggtggcagtt atatcatatg atggaagtaa taaatactac 180
 gcagactccg tgaagggccg attcaccatc tccagagaca attccaagaa cacgctgtat 240
 ctgcaaatga acagtctgag acctgaggac acggctgtgt attactgtgc gagaggtggg 300
 gtagcagctt ttgactactg gggccaggga accctgggtca cegtctcctc a 351

<210> 8
 <211> 351
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

20

<400> 8
 caggtgcagc tgggtggagtc tgggggaggc gtggtccagc ctgggaggtc cctgagactc 60
 tcctgtgcag cctctacatt caccttcagt aactatgcta tgcaactgggt cggccaggct 120
 ccaggcaagg ggctggagtg ggtggcagtt atatcatatg atggaagtaa taaatactac 180
 gcagactccg tgaagggccg attcaccatc tccagagaca attccaagaa cacgctgtat 240
 ctgcaaatga acagcctgag acctgaggac acggctgtgt attactgtgc gagaggtggg 300
 gtagcggctt ttgactactg gggccaggga accctgggtca cegtctcctc a 351

<210> 9
 <211> 351
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

30

<400> 9
 caggtgcagc tgggtggagtc tgggggaggc gtggtccagc ctgggaggtc cctgagactc 60
 tcctgtgcag cctctggatc caccttcagt tactatgcta tgcaactgggt cggccaggct 120
 ccaggcaagg ggctggagtg ggtggcagtt atatcatatg atggaagtaa taaatactac 180

40

gcagactccg tgaagggccg attcaccatc tccagagaca attccaagaa cacgctgtat 240
 ctgcaaatga acagcctgag acctgaggac acggctgtgt attactgtgc gagaggtggg 300
 gtagcagctt ttgactactg gggtcaggga accctggtca ccgtctcctc a 351

<210> 10
 <211> 351
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 10
 caggtgcagc tggtaggagc tgggggagcc atggtccagc ctgggaggtc cctgagactc 60
 tcctgtgagg cctctggatt cccttcagc aactatgcta tgcactgggt ccgccaggct 120
 ccaggcaagg ggtggagtg ggtggcagtt atatcatatg atggaagtaa taaatactac 180
 gcagactccg tgaagggccg attcaccatc tccagagaca attccaagaa cacgctgtat 240
 ctgcaaatga acagcctgag acctgaggac acggctgtgt attactgtgc gagaggtggg 300
 gtagcagctt ttgactactg gggccaggga accctggtca ccgtctcctc a 351

<210> 11
 <211> 336
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 11
 caggtgcagc tggtaggagc tgggggagcc gtggtccagc ctgggaggtc cctgagactc 60
 tcctgtgagc cctctggatt caccttcagc tactatgcta tggctgggt ccgccaggct 120
 ccaggcaagg ggttagagtg ggtggcagtt atatcaaatg atggtaggaa taaatactac 180
 gcagactccg tgaagggccg attcaccatc tccagagaca acgccaagaa cacgctctat 240
 ttgcaaatga acagctctgag agtcgaggac acggctgtgt attactgtgc aaggttgggc 300
 tactggggcc cgggaaccct ggtaaccgtc tctca 336

<210> 12
 <211> 345
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 12
 caggtgcagc tggtaggagc tgggggagcc gtggtccagc ctggaaggtc cctgagactc 60
 tcctgtgagc cctctggatt caccttcagc aactttaata tgcactgggt ccgccaggct 120
 ccaggcaagg ggtggagtg ggtggcactt atatcatatg atggaagtag taaatactat 180
 acagactccg tgaagggccg attcaccatc tccagagaca attccaagaa cacgctgtat 240
 ctgcaaatga acagcctgag acctgaggac acggctgtat attactgtat ggtagtggga 300
 gcctttgact actggggcca ggaaccctg gtaaccgtct cctca 345

10

20

30

<210> 13
 <211> 345
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 13
 caggtgcagc tggtaggagtc tgggggagge gtggtccagc ctgggaggtc cctgagactc 60
 tcctgtgcag cctctggatt caccttcagt aactttaata tgcaactgggt ccgccaggct 120
 ccaggcaagg ggcctggagt ggtggcacta atatcatatg atggaagtaa taaaaattat 180
 gcagactccg tgaagggccg attcaccatc tccagagaca actccaagaa cacgctgttt 240
 ctgcaaatga acagcctgag agctgaggac acggctgtgt attattgtat ggtagtgga 300
 gcctttgact actggggcca ggtaccctg gtcaccgtct cctca 345

10

<210> 14
 <211> 345
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 14
 caggtgcagc tggtaggagtc tgggggagge gtggtccagc ctgggaggtc cctgagactc 60
 tcctgtgcaa cctctggatt caccttcagt aactttaata tgcaactgggt ccgccaggct 120
 ccaggcaagg ggcctggagt ggtggcacta atatcatatg atggaagtaa taaaaactat 180
 gcaaaactccg tgaagggccg attcaccatc tccagagaca actccaagaa cacgctgttt 240
 ctgcaaatga acagcctgag agtgaagac acggctgtat attattgtat ggtagtgga 300
 gcctttgact actggggcca ggtaccctg gtcaccgtct cctca 345

20

<210> 15
 <211> 345
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 15
 caggtgcagc tggtaggagtc tgggggagge gtggtccagc ctgggaggtc cctgagactc 60
 tcctgtgcag cctctggatt caccatcagt aattatcaca tcaactgggt ccgccaggct 120
 ccaggcaagg ggcctggagt ggtggcattt atatcatatg atggaagtaa taaatactat 180
 gcagactccg tgaagggccg attcaccatc tccagagaca attccaagaa cacgttgttt 240
 ctgcaaatga acagcctgac aactgaggac acggctgtgt attactgtgc gatagtgga 300
 ccctttgact accggggcca ggaaccctg gtcaccgtct cttca 345

30

<210> 16
 <211> 357
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 16
 caggtgcagc tgcaggagtc gggcccagga ctggtgaagc ctccggagac cctgtccctc 60

40

acotgcaactg tctctgggtg ctccatcagt agttactact ggagctggat ccggcagccc 120
 ccaggggaag gactggagta cattgggtat atctattaca gtgggagcac cgactacaac 180
 ccctccctca agagtogagt caccatatca gtagacacgt ccgagaacca gttctccctg 240
 aagctgagct ctgtgaccgc cgcagacaag gccgtctatt actgtgogag aagcccacct 300
 gttattcggc ccgctatgga cgtctggggc caagggacca cggtcaccgt ctctca 357

<210> 17
 <211> 318
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 17
 gacatccaga tgaccagtc tccatcctcc ctgtctgtat ctgtaggaga cagagtcacc 60
 atcacttgcc gggcaagtca gaccattact atgtatttaa attggtatca gcagaaacca 120
 gggaaagccc ctaagctcct gatctatgct ggatccagtt tgccaagtgg agtcccacca 180
 aggttcagtg gcagtggatc tgggacagat ttcacactca ccatcagcag tctgcaacct 240
 gaagattttg caacttacta ctgtcaacag agttacagta cctcacttt cggcggaggg 300
 accaagggtg agatgaaa 318

<210> 18
 <211> 321
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 18
 gacatccaga tgaccagtc tccatcctcc ctgtctgcat ctgtaggaga cagagtcacc 60
 atcacttgcc gggcagtc tggcattagc agttatttag cctggtatca gcagaaacca 120
 gggaaagttc ctaaacctcct gatctatgct gcattccactt tgcaatcagg ggtcccatct 180
 cggttcagtg gcagtggatc tgggacagat ttcactctca ccatcagcag cctgcagcct 240
 gaagatgttg caacttatta ctgtcaaaag tataacagtg cccccctcac tttcggcgga 300
 gggaccaagg tgagatcaa a 321

<210> 19
 <211> 321
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 19
 gacatccagt tgaccagtc tccaaccttc ctgtctgcat ctgtagggga cagagtcacc 60
 atcacttgcc gggccagtc tggcattagt cgttatttag cctggtatca gcaaaaacca 120
 gggaaagccc ctaagctcct gatctatgct gcattccactt tgcaaaagtgg ggtcccatca 180
 aggttcagcg gcagtggatc tgggacagac ttcactctca cattcagcag cctgcagcct 240

10

20

30

gaagattttg caacttatta ctgtcaacag cttaatagtt a¹¹ccdg¹²ttca¹³ t¹⁴ttcggc¹⁵gga¹⁶ 300

gggaccacgg tggagatcaa a 321

<210> 20
<211> 336
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<400> 20
gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtca cccttggaga gccggcctcc 60
atctcctgca ggtctagtca gagcctcctg tataagtaatg gatacaacta tttggattgg 120
taoctgcaga agccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc taatcgggcc 180
tccgggggcc ctgacaggtt cagtggcagt ggatcaggca cagat¹¹ttac actgaaaatc 240
agcagagtgg aggctgagga t¹²gttggg¹³tt tattactgca tgcaaggtac a¹⁴actgg¹⁵cct 300
tggacgttgc gccaa¹⁶gggac caag¹⁷tg¹⁸gaa at¹⁹caaa 336

<210> 21
<211> 336
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<400> 21
gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtca cccttggaga gccggcctcc 60
atctcctgca ggtctagtca gagcctcctg catagtaatg gatacaacta tttggattgg 120
taoctgcaga agccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc taatcgggcc 180
tccgggggcc ctgacaggtt cagtggcagt ggatcaggca cagat¹¹ttac actgaaaatc 240
agcagagtgg aggctgagga t¹²gttggg¹³tt tattactgca tgcaagctct a¹⁴caaa¹⁵ctccg 300
agcacttttg gccag¹⁶gggac caag¹⁷ct¹⁸ggag at¹⁹caaa 336

<210> 22
<211> 336
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<400> 22
gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtca cccttggaga gccggcctcc 60
atctcctgca ggtctagtca gagcctcctg catagtaatg gatacaacta tttggattgg 120
taoctgcaga agccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc taatcgggcc 180
tccgggggcc ctgacaggtt cagtggcagt ggatcaggca cagat¹¹ttac actgaaaatc 240
agcagagtgg aggctgagga t¹²gttggg¹³tt tattactgca tgcaagctct a¹⁴caaa¹⁵ctcc 300
tacacttttg gccag¹⁶gggac caag¹⁷ct¹⁸ggag at¹⁹caaa 336

<210> 23
<211> 336
<212> DNA

10

20

30

40

<213> Homo sapiens

<400> 23
 gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgta cccctggaga gccggcctcc 60
 atctcctgca ggtctagtca gagcctcctg cataggaatg gatacaacta tttggattgg 120
 tacctgcaga gccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc taatcgggcc 180
 tccggggtcc ctgacagggt cagtggcagt ggatcaggca cagattttac actgaaaatc 240
 agcagagtgg aggctgagga tgttggggtt tattactgca tgcaagctct gcagactccg 300
 tacactttcg gccaggggac caagctgcag atcaaaa 336

10

<210> 24
 <211> 336
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 24
 gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgta cccctggaga gccggcctcc 60
 atctcctgca ggtctagtca gagcctcctg catagtaatg gatacaacta ttttagattgg 120
 tacctgcaga gccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc taatcgggcc 180
 tccggggtcc ctgacagggt cagtggcagt ggatcaggca cagattttac actgaacatc 240
 agcagagtgg aggctgacga tgttggggtt tattactgca tgcaagctct acaaaacccg 300
 tacacttttg gccaggggac caagcttyag atcaaaa 336

20

<210> 25
 <211> 336
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 25
 gatattgtga tgactcagtc tccaccctcc ctgcccgta cccctggaga gccggcctcc 60
 atctcctgca ggtctagtca gagcctcctg cataactaatg gatacaacta tttggattgg 120
 tacctgcaga gccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc taatcgggcc 180
 tccggggtcc ctgacagggt cagtggcagt ggatcaggca cagattttac actgacaatc 240
 agtagagtgg aggctgagga tgttggggtt ttttactgca tgcaagctct agaacctccg 300
 tacacttttg gccaggggac caagctggag atcaaaa 336

30

<210> 26
 <211> 336
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 26
 gatattgtga tgactcagtc tccactctcg ctgtccgta gtccctggaga gccggcctcc 60
 atctcctgca ggtctagtca gagcctccta gattetaatg gacacaactt tttggattgg 120

40

tacctgcaga agccagggca gtctccacaa ctctaatat ~~ttgtgggtc taatgggccc~~ 27
 ttgggtgtcc ctgacagggt cactggcagt gggacaggca cagatTTTtac actgaaaatc 240
 agcagagtgg agcctgagga tgttggggtt tactactgca tgcaaggtct gcaagctcct 300
 atcaacttttg gccaggggac caagctggac atcaaa 336

<210> 27
 <211> 336
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 27
 gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtca cccctggaga gccggcctcc 60
 atctcctgca ggtctagtca gagcctcctg catcgtaatg gacacaacta tttggattgg 120
 tacctgcaga agccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc taatcgggccc 180
 tccggggtcc ctgacagggt cagtggcagt ggatcaggca cagatTTTtac actgaaaatc 240
 agcagagtgg agcctgagga tgttggcgtt tattactgca tgcaagctct acaaaactcct 300
 ttcacttttg gccctgggac caaagtggat atcaaa 336

<210> 28
 <211> 336
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 28
 gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtca cccctggaga gccggcctcc 60
 atctcctgca ggtctagtca gagcctcctg catagtgatg gatacaacta tttggattgg 120
 tacctgcaga agccagggca gtctccacat ctctgatct atttgggttc taatcgggccc 180
 tccggggtcc ctgacagggt cagtggcagt ggatcaggca cagatTTTtac actgaaaatc 240
 agcagagtgg agcctgagga tgttggggtt tattactgca tgcaagctct acaaacgcca 300
 ttcacttttg gccctgggac caaagtggat atcaaa 336

<210> 29
 <211> 336
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 29
 gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtca cccctggaga gccggcctcc 60
 atctcctgca ggtctagtca gagcctcctg catagtaatg gatacaacta tttggattgg 120
 tacctgcaga agccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc taatcgggccc 180
 tccggggtcc ctgacagggt cagtggcagt ggatcaggca cagatTTTtac actgaaaatc 240
 agcagagtgg agcctgagga tgttggggtt tattactgca tgcaagctct acaaagtcct 300
 cccacttttg gcggagggac caagtgagg atcaaa 336

10

20

30

40

<210> 30
 <211> 336
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 30
 gatattgtga tgactcagtc tccagtctcc ctggccgtca cccctggaga gccggcctcc 60
 atctcctgca ggtctagtc gagcctcctg catagtaatg gatacaacta tttggattgg 120
 tacctgcaga agccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc tactcgggcc 180
 tccggggtcc ctgacagggt cagtggcagt ggatcaggca cagattttac actgaaaatc 240
 aacagagtgg aggctgagga tgttggggta tattactgca tgcaagctct acaatctcct 300
 ttcactttcg gcggagggac caaggtggag atcaaa 336

10

<210> 31
 <211> 336
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 31
 gatattgtga tgactcagtc tccagtctcc ctggccgtca cccctggaga gccggcctcc 60
 atctcctgca ggtctagtc gagcctcctg catagtaatg gatacaacta tctggattgg 120
 tacctgcaga agccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc tactcgggcc 180
 tccggggtcc ctgacagggt cagtggcagt ggatcaggca cagattttac actgaaaatc 240
 aacagagtgg aggctgagga tgttggggty tattactgca tgcaagctct acaatctcct 300
 ttcactttcg gcggagggac caaggtgcag atcaaa 336

20

<210> 32
 <211> 336
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 32
 gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtca cccctggaga gccggcctcc 60
 atctcctgca ggtctagtc gagcctcctg cacagtaatg gaaaoaatta tttggattgg 120
 tacctgcaga agccagggca gtctccacag ctctgatct acttgggttc taatcgggcc 180
 tccggggtcc ctgacagggt cagtggcagt ggatcaggca cggattttac actgaaaatc 240
 agcagagtgg agcctgagga tgttggactt tattactgca tgcaagctct acaaactcog 300
 ctcactttcg gcggagggag caaggtggag atcaaa 336

30

<210> 33
 <211> 336
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 33

gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtea ~~ccctggaga gccggcctcc~~ 60
atctcctgca ggtctagtea ggcctcctg catagtaatg gatacaacta tttggattgg 120
tacctgcaga agccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc taatcgggcc 180
tccggggtcc ctgacagggt cagtggcagt gtatcaggca cagattttac actgaaaatc 240
agcagagtgg aggctgagga tgttggggtt tattactgca tgcaagctct acaaactcog 300
atcaccttcg gcccaaggac acgactggag attaaa 336

<210> 34
<211> 336
<212> DNA
<213> Homo sapiens

10

<400> 34
gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtea ccctggaga gccggcctcc 60
atctcctgca ggtctagtea ggcctcctg catagtaatg gatacaacta tttggattgg 120
tacctgcaga ggccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc taatcgggcc 180
tccggggtcc ctgacagggt cagtggcagt ggatcaggca cagattttac actgaaaatc 240
agcagagtgg aggctgagga tgttggggtt tattactgca tgcaagctct acaaactcct 300
cccaccttcg gcccaaggac acgactggag attaaa 336

<210> 35
<211> 339
<212> DNA
<213> Homo sapiens

20

<400> 35
gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtea ccctggaga gccggcctcc 60
atctcctgca ggtctagtea ggcctcctg catagtaatg gatacaacta tttggattgg 120
tacctgcaga agccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc taatcgggcc 180
tccggggtcc ctgacagggt cagtggcagt ggatcaggca cagattttac actggaaatc 240
agcagagtgg aggctgagga tgttggggtt tattactgca tgcaagctct acaaactcct 300
ccggtcacct tggccaagg gacacgactg gagattaaa 339

<210> 36
<211> 339
<212> DNA
<213> Homo sapiens

30

<400> 36
gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtea ccctggaga gccggcctcc 60
atctcctgca ggtctagtea ggcctcctg catagtaatg gatacaacta tttggattgg 120
tacctgcaga agccagggca gtctccacaa ctctgatct atttgggttc taatcgggcc 180
tccggggtcc ctgacagggt cagtggcagt ggatcaggca cagattttac actgaaaatc 240

40

agcagagtgg aggctgagga tgttggggtt tattactgca tgcaagctct acaaactccg 300
 ccggtcacct tcggccaagg gacacgactg gagattaaa 339

<210> 37
 <211> 336
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 37
 gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtca cccctggaga gccggcctcc 60
 atctcctgca ggtctagtca gagcctcctg catactaag gatacaacta tttggattgg 120
 tacctgcaga agccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc tcatcgggcc 180
 tccggggtcc ctgacaggtt cagtggcagt ggatcaggca cagattttac actgaaaac 240
 agcagagtgg aggctgagga tgttggggtt tattactgca tgcaagctct acaaactccg 300
 atcaccttcg gccaaaggac acgactggaa attaaa 336

10

<210> 38
 <211> 336
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 38
 gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtca cccctggaga gccggcctcc 60
 atctcctgca ggtctggtca gagcctcctg catagtaat gatacaacta tttggattgg 120
 tacctgcaga agccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc taatcgggcc 180
 tccggggtcc ctgacaggtt cagtggcagt ggatcaggcg cagattttac actgaaaac 240
 agcagagtgg aggctgagga tgttggggtt tattactgca tgcaagctct acaaactccg 300
 atcaccttcg gccaaaggac acgactggag attgaa 336

20

<210> 39
 <211> 336
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 39
 gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtca cccctggaga gccggcctcc 60
 atctcctgca ggtccagtca gagcctcctc catactaag gatacaacta tttggattgg 120
 tatgtgcaga agccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc taatcgggcc 180
 tccggggtcc ctgacaggtt cagtggcagt ggatcaggca cagattttac actgaaaac 240
 agcagagtgg aggctgagga tgttggggtt tattactgca tgcaagctct acaaactttg 300
 atcaccttcg gccaaaggac acgactggag attaaa 336

30

<210> 40
 <211> 336
 <212> DNA

40

<213> Homo sapiens

<400> 40

gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtca cccctggaga gccggcctcc 60
 atctcctgca ggtctagtca gagcctcctg cacagtaatg gatacaacta tttggattgg 120
 tacctgcaga agccagggca gtctccacag ctctgatct atttgggttc taatcgggcc 180
 tccggggctc ctgacagggt cagtggcagt ggatcaggca cagattttac actgaagatc 240
 agcagagtgg aggtgaaga tattggggtt tattactgca tgcaagcgca agactctccg 300
 gtcaccttcg gccaaaggac acggctagac attaac 336

10

<210> 41

<211> 336

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 41

gatattgtga tgactcagtc tccactctcc ctgcccgtca cccctggaga gccggcctcc 60
 atctcctgta ggtctaataca gagcgtcctg catagtaatg gacggcacta tttggattgg 120
 tatttgcaaga agccagggca gtctccacag ctctgatct acatggtttt taatcgggcc 180
 tccggggctc ctgacagggt cagtggcagt ggatcaggca cagattttac actgaaaatc 240
 agcagagtgg agtctgagga tgtaggggtt tattactgca tgcaagctca acaaactccg 300
 gtcaccttcg gccaaaggac acgactggac attaag 336

20

<210> 42

<211> 324

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 42

gaaattgtgt tgacacagtc tccaggcacc ctgtctttgt ctccagggga aagagccacc 60
 ctctcctgca gggccagtca gagtgttggc agcagctact tagcctggta ccagcagaaa 120
 cctggccagg ctcccaggct cctcatctat ggtgtatcca gcagggccac tggcatocca 180
 gacaggttca gtggcagtgg gtctgggaca gacttcactc tcaccatcag caggctggag 240
 cctgaagatt ttgcagtgta ttactgtcag cagtatggtg gctcacctct cactttcggc 300
 ggagggacca cggctggagat caaa 324

30

<210> 43

<211> 324

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 43

gaaattgtgt tgacgcagtc tccaggcacc ctgtctttgt ctccagggga aagagccacc 60
 ctctcctgca gggccagtca gagtgttggc aacaactact tagcctggta ccagcagaga 120

40

<210> 47
 <211> 321
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 47
 gaaattgtgt tgacacagtc tccagccacc ctgtcgttgt ctccagggga aagagccacc 60
 ctctcctgca gggccagtca gagggttagg agcttcttag cctggtagca acagaagcct 120
 ggcagagctc ccaggctcct cttttatgat acatccaaga ggcccactgg catcccagac 180
 aggttcagtg gcagtggttc tgggacagac ttcactctca ccatcagcag cctagaacct 240
 gaagattttg cagtggtatta ctgtcagcag cgtagcagct ggccgctcac tttcggcggg 300
 gggaccacgg tggagatcaa a 321

10

<210> 48
 <211> 324
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 48
 gaaattgtgt tgacacagtc tccagccacc ctgtctttgt ctccagggga aagagccacc 60
 ctctcctgca gggccagtca gagggttagc agctacttag cctggtagca acagaaacct 120
 ggcagagctc ccaggctcct catctatgat gcatccaaca gggccactgg catcccagcc 180
 aggttcagtg gcagtggttc tgggacagac ttcactctca ccatcagcag cctagagcct 240
 gaagattttg cagtttatta ctgtcagcag cgtagcaact ggccctccgat caccttcggc 300
 caagggacac gactggagat taaa 324

20

<210> 49
 <211> 318
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 49
 gacatccaga tgaccagtc tccatccttc ctgtctgcat ctgtaggaga cagagtcacc 60
 atctcttgcc gggcaagtca gaggattgac agctatataa attggtatca gcagaaacca 120
 gggaaagccc ctaagctcct gatctatgct gcatccagtt tgcaacgtgg ggtcccatca 180
 aggttcagtg gcagtggttc tgggacagat ttcactctca ccatcagcag tctacaacct 240
 gaagattttg caacttacta ctgtcaacag acttacagca ccctcacttt cggcggaggg 300
 accaaggtgg agatcaaa 318

30

<210> 50
 <211> 330
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 50
 cagtctgccc tgactcagcc tgcctcogtg tctgggtctc ctggacagtc gatcaccatc 60
 tctctgactg gaaccagcag tgacgttggg gggtataagt atgtctcctg gtaccaacag 120
 caccagggca aagcccccaa actcataatt tatgatgtca ccaatcggcc ctcaggggtt 180
 tctaagcgtt tctctggtc caagtctggc aacacggcct cctgaccat ctctgggctc 240
 caggctgagg acgaggctga ttattactgc agttcatata caagcaggag cactcccgctc 300
 ttcggcggag ggaccaaggt gaccgtccta 330

<210> 51
 <211> 324
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

10

<400> 51
 tcttctgagc tgactcagga cctgtgtgtg tctgtggcct tgggacagac agtcaggatc 60
 acatgccaag gagacagcct cagaagctat tatgcaagct ggtaccagca gaagccagga 120
 caggccctctg tacttgtcat ctatggtaaa aactaccggc cctcagggat cccagaccga 180
 ttctctggct ccagctcagg aaacacagct tccttgacca tcaactggggc tcaggcggaa 240
 gatgaggctg actattactg taactccggg gacagcagtg gtaaccattg ggtgttcggc 300
 ggagggacca agctgaccgt ccta 324

20

<210> 52
 <211> 330
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 52
 cagcttgtgc tgactcaatc gccccctgcc tctgcctccc tgggagcctc ggtcaagctc 60
 acctgcactc tgagcagtg gacacagcag tacgccatcg catggcatca gcaacagcca 120
 gagaagggcc ctcggtactt gatgaacctt aatagtgtg gcagccacag caagggggac 180
 ggggtccctg atcgcttctc aggetccagc totggggctg agcgctacct caccatctcc 240
 agcctccagt ctgaggatga ggctgactat tactgtcagt cttgggacac tggcgagggtg 300
 ttcggcgggg ggaccaagtt gaccgtcctg 330

30

<210> 53
 <211> 327
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 53
 caggctgtgg tgactcagga gccctcactg actgtgtccc caggaggac agtcactctc 60
 acctgtgact ccagcaactg agctgtcacc agtggtcatt atccctactg gctccagcag 120
 aagcctggcc aagccccag gacactcatt tatgatacac ataacaaca ctctggaca 180

40

cctggccggt tctcaggctc cctccttggg ggcaaagctg cctcagcctccttccggggggc
 cagcctgagg atgaggctga gtattactgc tcgtctcgt atagtctgt ttgggtgttc 300
 ggcggagga ccaagctgac cgtccta 327

<210> 54
 <211> 122
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (25)..(25)
 <223> Xaa can be any naturally occurring amino acid

10

<400> 54
 Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ala
 1 5 10 15
 Ser Val Arg Val Ser Cys Lys Ala Xaa Gly Tyr Lys Phe Thr Gly Ser
 20 25 30
 Tyr Ile His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met
 35 40 45
 Gly Arg Ile Asn Pro Asn Asn Gly Val Thr Asn Tyr Ala Gln Ile Phe
 50 55 60
 Gln Asp Arg Val Thr Met Thr Arg Asp Thr Ser Ile Thr Thr Ala Tyr
 65 70 75 80
 Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Asp Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95
 Ala Arg Asp Met Ile Val Asp Thr Phe Ala Val Gly Cys Asp Ser Trp
 100 105 110
 Gly Gln Gly Thr Pro Val Thr Val Ser Ser
 115 120

20

<210> 55
 <211> 118
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

30

<400> 55
 Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Ala
 1 5 10 15
 Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Ser Phe Ser Asn Tyr
 20 25 30
 Tyr Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Glu Gly Leu Glu Trp Met
 35 40 45
 Gly Ile Ile Asn Pro Lys Gly Gly Thr Thr Ser Tyr Ala Gln Lys Phe
 50 55 60
 Gln Gly Arg Val Thr Ile Ala Ala Asp Lys Phe Thr Asn Ser Ala Tyr
 65 70 75 80

40

Met Glu Pro Ser Ser Leu Arg Tyr Glu Asp Thr Ala Val Tyr Phe Cys
 85 90 95

Ala Arg Ala Lys Phe Ser Trp Ser Pro Asp Ile Trp Gly Gln Gly Thr
 100 105 110

Val Val Thr Val Ser Ser
 115

<210> 56
 <211> 123
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 56
 Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Lys Pro Gly Gly
 1 5 10 15

10

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr
 20 25 30

Ser Met Asn Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
 35 40 45

Ser Ser Ile Ser Ser Ser Ser Ser Tyr Ile Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
 50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ala Lys Asn Ser Leu Tyr
 65 70 75 80

20

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95

Ala Arg Asp His Pro Asn Tyr Tyr Asp Ser Ser Gly Leu Phe Asp Tyr
 100 105 110

Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
 115 120

<210> 57
 <211> 117
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 57
 Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Val Val Gln Pro Gly Arg
 1 5 10 15

30

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr
 20 25 30

Ala Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
 35 40 45

Ala Val Ile Ser Tyr Asp Gly Ser Asn Lys Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
 50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
 65 70 75 80

40

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Pro Glu Asp Thr¹ Ala Val¹ Tyr¹ Tyr¹ Cys¹ ...
 85 90 95

Ala Arg Gly Gly Val Ala Ala Phe Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Leu
 100 105 110

Val Thr Val Ser Ser
 115

<210> 58
 <211> 117
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 58
 Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Val Val Gln Pro Gly Arg
 1 5 10 15

10

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Asn Tyr
 20 25 30

Ala Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
 35 40 45

Ala Val Ile Ser Tyr Asp Gly Ser Asn Lys Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
 50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
 65 70 75 80

20

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Pro Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95

Ala Arg Gly Gly Val Ala Ala Phe Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Leu
 100 105 110

Val Thr Val Ser Ser
 115

<210> 59
 <211> 117
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 59
 Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Val Val Gln Pro Gly Arg
 1 5 10 15

30

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Asn Tyr
 20 25 30

Ala Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
 35 40 45

Ala Val Ile Ser Tyr Asp Gly Ser Asn Lys Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
 50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
 65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Pro Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95

Ala Arg Gly Gly Val Gly Ala Phe Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Leu
 100 105 110

Val Thr Val Ser Ser
 115

<210> 60
 <211> 115
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

10

<400> 60
 Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Val Val Gln Pro Gly Arg
 1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Asn Tyr
 20 25 30

Ala Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
 35 40 45

Ala Val Ile Ser Tyr Asp Gly Ser Asn Lys Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
 50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
 65 70 75 80

20

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Pro Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95

Ala Arg Gly Gly Val Ala Ala Phe Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Leu
 100 105 110

Val Thr Val
 115

<210> 61
 <211> 117
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 61
 Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Val Val Gln Pro Gly Arg
 1 5 10 15

30

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Thr Phe Thr Phe Ser Asn Tyr
 20 25 30

Ala Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
 35 40 45

Ala Val Ile Ser Tyr Asp Gly Ser Asn Lys Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
 50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
 65 70 75 80

40

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Pro Glu Asp Thr^h Ala Val Tyr^h Tyr^h Cys^h 85 90 95

Ala Arg Gly Gly Val Ala Ala Phe Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Leu
100 105 110

Val Thr Val Ser Ser
115

<210> 62
<211> 117
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 62
Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Val Val Gln Pro Gly Arg
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Ser Thr Phe Ser Tyr Tyr
20 25 30

Ala Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
35 40 45

Ala Val Ile Ser Tyr Asp Gly Ser Asn Lys Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Pro Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

Ala Arg Gly Gly Val Ala Ala Phe Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Leu
100 105 110

Val Thr Val Ser Ser
115

<210> 63
<211> 117
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 63
Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Ala Met Val Gln Pro Gly Arg
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Pro Phe Ser Asn Tyr
20 25 30

Ala Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
35 40 45

Ala Val Ile Ser Tyr Asp Gly Ser Asn Lys Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
65 70 75 80

10

20

30

40

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Pro Glu Asp Thr Ala Val Tyr Cys
85 90 95

Ala Arg Gly Gly Val Ala Ala Phe Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Leu
100 105 110

Val Thr Val Ser Ser
115

<210> 64
<211> 112
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 64
Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Val Val Gln Pro Gly Arg
1 5 10 15

10

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Tyr Tyr
20 25 30

Ala Met Val Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
35 40 45

Ala Val Ile Ser Asn Asp Gly Arg Asn Lys Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ala Lys Asn Thr Leu Tyr
65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Val Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

20

Ala Arg Leu Gly Tyr Trp Gly Pro Gly Thr Leu Val Thr Val Ser Ser
100 105 110

<210> 65
<211> 115
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 65
Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Val Val Gln Pro Gly Arg
1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Asn Phe
20 25 30

30

Asn Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
35 40 45

Ala Leu Ile Ser Tyr Asp Gly Ser Ser Lys Tyr Tyr Thr Asp Ser Val
50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Pro Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
85 90 95

Met Val Val Gly Ala Phe Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr
 100 105 110

Val Ser Ser
 115

<210> 66
 <211> 115
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 66
 Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Val Val Gln Pro Gly Arg
 1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Phe Ser Asn Phe
 20 25 30

Asn Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
 35 40 45

Ala Leu Ile Ser Tyr Asp Gly Ser Asn Lys Asn Tyr Ala Asp Ser Val
 50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Phe
 65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95

Met Val Val Gly Ala Phe Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr
 100 105 110

Val Ser Ser
 115

<210> 67
 <211> 115
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 67
 Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Val Val Gln Pro Gly Arg
 1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Thr Ser Gly Phe Thr Phe Ser Asn Phe
 20 25 30

Asn Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
 35 40 45

Ala Leu Ile Ser Tyr Asp Gly Ser Asn Lys Asn Tyr Ala Asn Ser Val
 50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Phe
 65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Val Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95

10

20

30

Met Val Val Gly Ala Phe Asp Tyr Trp Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr
 100 105 110

Val Ser Ser
 115

<210> 68
 <211> 115
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 68
 Gln Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Val Val Gln Pro Gly Arg
 1 5 10 15

Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Ala Ser Gly Phe Thr Ile Ser Asn Tyr
 20 25 30

His Ile His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
 35 40 45

Ala Phe Ile Ser Tyr Asp Gly Ser Asn Lys Tyr Tyr Ala Asp Ser Val
 50 55 60

Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ser Lys Asn Thr Leu Phe
 65 70 75 80

Leu Gln Met Asn Ser Leu Thr Thr Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
 85 90 95

Ala Ile Val Gly Pro Phe Asp Tyr Arg Gly Gln Gly Thr Leu Val Thr
 100 105 110

Val Ser Ser
 115

<210> 69
 <211> 119
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 69
 Gln Val Gln Leu Gln Glu Ser Gly Pro Gly Leu Val Lys Pro Ser Glu
 1 5 10 15

Thr Leu Ser Leu Thr Cys Thr Val Ser Gly Gly Ser Ile Ser Ser Tyr
 20 25 30

Tyr Trp Ser Trp Ile Arg Gln Pro Pro Gly Lys Gly Leu Glu Tyr Ile
 35 40 45

Gly Tyr Ile Tyr Tyr Ser Gly Ser Thr Asp Tyr Asn Pro Ser Leu Lys
 50 55 60

Ser Arg Val Thr Ile Ser Val Asp Thr Ser Glu Asn Gln Phe Ser Leu
 65 70 75 80

Lys Leu Ser Ser Val Thr Ala Ala Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala
 85 90 95

10

20

30

Arg Ser Pro Pro Val Ile Arg Pro Ala Met Asp Val Trp Gly Gln Gly
 100 105 110

Thr Thr Val Thr Val Ser Ser
 115

<210> 70
 <211> 106
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 70
 Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Val Ser Val Gly
 1 5 10 15

10

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Thr Ile Thr Met Tyr
 20 25 30

Leu Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
 35 40 45

Tyr Ala Gly Ser Ser Leu Pro Ser Gly Val Pro Pro Arg Phe Ser Gly
 50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
 65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Ser Tyr Ser Thr Leu Thr
 85 90 95

20

Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Met Lys
 100 105

<210> 71
 <211> 107
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 71
 Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Ser Leu Ser Ala Ser Val Gly
 1 5 10 15

Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Gly Ile Ser Ser Tyr
 20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Val Pro Lys Leu Leu Ile
 35 40 45

30

Tyr Ala Ala Ser Thr Leu Gln Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
 50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
 65 70 75 80

Glu Asp Val Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Lys Tyr Asn Ser Ala Pro Leu
 85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
 100 105

40

<210> 72
 <211> 107
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 72
 Asp Ile Gln Leu Thr Gln Ser Pro Thr Phe Leu Ser Ala Ser Val Gly
 1 5 10 15
 Asp Arg Val Thr Ile Thr Cys Arg Ala Ser Gln Gly Ile Ser Arg Tyr
 20 25 30
 Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
 35 40 45
 Tyr Ala Ala Ser Thr Leu Gln Ser Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
 50 55 60
 Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Phe Ser Ser Leu Gln Pro
 65 70 75 80
 Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Leu Asn Ser Tyr Pro Phe
 85 90 95
 Thr Phe Gly Gly Gly Thr Thr Val Glu Ile Lys
 100 105

10

<210> 73
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

20

<400> 73
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15
 Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu Tyr Ser
 20 25 30
 Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
 35 40 45
 Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60
 Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
 65 70 75 80
 Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Gly
 85 90 95
 Thr His Trp Pro Trp Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
 100 105 110

30

<210> 74
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 74

40

Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15
 Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Ser
 20 25 30
 Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
 35 40 45
 Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60
 Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
 65 70 75 80
 Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
 85 90 95
 Leu Gln Thr Pro Ser Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
 100 105 110

10

<210> 75
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 75
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15
 Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Ser
 20 25 30
 Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
 35 40 45
 Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60
 Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
 65 70 75 80
 Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
 85 90 95
 Leu Gln Thr Pro Tyr Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
 100 105 110

20

30

<210> 76
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 76
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15
 Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Arg
 20 25 30

40

Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Arg Pro Gly Gln Ser
 35 40 45
 Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60
 Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
 65 70 75 80
 Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
 85 90 95
 Leu Gln Thr Pro Tyr Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Leu Gln Ile Lys
 100 105 110

10

<210> 77
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 77
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15
 Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Ser
 20 25 30
 Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
 35 40 45
 Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60
 Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Asn Ile
 65 70 75 80
 Ser Arg Val Glu Ala Asp Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
 85 90 95
 Leu Gln Thr Pro Tyr Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
 100 105 110

20

<210> 78
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 78
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Pro Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15
 Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Thr
 20 25 30
 Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
 35 40 45
 Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60

30

Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile
 65 70 75 80

Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Phe Tyr Cys Met Gln Ala
 85 90 95

Leu Glu Pro Pro Tyr Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Leu Glu Ile Lys
 100 105 110

<210> 79
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 79
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Ser Val Ser Pro Gly
 1 5 10 15

Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu Asp Ser
 20 25 30

Asn Gly His Asn Phe Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
 35 40 45

Pro Gln Leu Leu Ile Phe Val Gly Ser Tyr Arg Ala Leu Gly Val Pro
 50 55 60

Asp Arg Phe Thr Gly Ser Gly Thr Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
 65 70 75 80

Ser Arg Val Glu Pro Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Gly
 85 90 95

Leu Gln Ala Pro Ile Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Leu Asp Ile Lys
 100 105 110

<210> 80
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 80
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15

Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Arg
 20 25 30

Asn Gly His Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
 35 40 45

Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60

Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
 65 70 75 80

Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
 85 90 95

10

20

30

Leu Gln Thr Pro Phe Thr Phe Gly Pro Gly Thr Lys Val Asp Thr Lys
 100 105 110

<210> 81
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 81
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15

Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Ser
 20 25 30

Asp Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
 35 40 45

Pro His Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60

Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
 65 70 75 80

Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
 85 90 95

Leu Gln Thr Pro Phe Thr Phe Gly Pro Gly Thr Lys Val Asp Ile Lys
 100 105 110

<210> 82
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 82
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15

Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Ser
 20 25 30

Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
 35 40 45

Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60

Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
 65 70 75 80

Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
 85 90 95

Leu Gln Ser Pro Pro Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
 100 105 110

<210> 83
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

10

20

30

40

<400> 83
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Val Ser Leu Ala Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15
 Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Ser
 20 25 30
 Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
 35 40 45
 Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Thr Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60
 Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
 65 70 75 80
 Asn Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
 85 90 95
 Leu Gln Ser Pro Phe Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
 100 105 110

10

<210> 84
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 84
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Val Ser Leu Ala Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15
 Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Ser
 20 25 30
 Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
 35 40 45
 Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Thr Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60
 Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
 65 70 75 80
 Asn Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
 85 90 95
 Leu Gln Ser Pro Phe Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Gln Ile Lys
 100 105 110

20

30

<210> 85
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 85
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15
 Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Ser
 20 25 30

40

Asn Gly Asn Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
 35 40 45
 Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Ala Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60
 Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
 65 70 75 80
 Ser Arg Val Glu Pro Glu Asp Val Gly Leu Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
 85 90 95
 Leu Gln Thr Pro Leu Thr Phe Gly Gly Gly Ser Lys Val Glu Ile Lys
 100 105 110

10

<210> 86
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 86
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15
 Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Ser
 20 25 30
 Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
 35 40 45
 Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60
 Asp Arg Phe Ser Gly Ser Val Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
 65 70 75 80
 Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
 85 90 95
 Leu Gln Thr Pro Ile Thr Phe Gly Gln Gly Thr Arg Leu Glu Ile Lys
 100 105 110

20

<210> 87
 <211> 112
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

30

<400> 87
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15
 Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Ser
 20 25 30
 Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Arg Pro Gly Gln Ser
 35 40 45
 Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60

Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
65 70 75 80

Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
85 90 95

Leu Gln Thr Pro Pro Thr Phe Gly Gln Gly Thr Arg Leu Glu Ile Lys
100 105 110

<210> 88
<211> 113
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 88
Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
1 5 10 15

10

Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Ser
20 25 30

Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
35 40 45

Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
50 55 60

Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Glu Ile
65 70 75 80

Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
85 90 95

20

Leu Gln Thr Pro Pro Val Thr Phe Gly Gln Gly Thr Arg Leu Glu Ile
100 105 110

Lys
<210> 89
<211> 113
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 89
Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
1 5 10 15

30

Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Ser
20 25 30

Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
35 40 45

Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
50 55 60

Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
65 70 75 80

Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
85 90 95

40

Leu Gln Thr Arg Pro Val Thr Phe Gly Gln Gly Thr Arg Leu Gln Ile
100 105 110

Lys

<210> 90
<211> 112
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 90
Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
1 5 10 15

10

Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Thr
20 25 30

Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
35 40 45

Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser His Arg Ala Ser Gly Val Pro
50 55 60

Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
65 70 75 80

Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
85 90 95

Leu Gln Thr Pro Ile Thr Phe Gly Gln Gly Thr Arg Leu Glu Ile Lys
100 105 110

20

<210> 91
<211> 112
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 91
Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
1 5 10 15

Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Gly Gln Ser Leu Leu His Ser
20 25 30

30

Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
35 40 45

Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
50 55 60

Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Ala Asp Phe Thr Leu Lys Ile
65 70 75 80

Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
85 90 95

Leu Gln Thr Pro Ile Thr Phe Gly Gln Gly Thr Arg Leu Glu Ile Glu
100 105 110

<210> 92
<211> 112

40

<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 92
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15
 Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Thr
 20 25 30
 Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Val Gln Lys Pro Gly Gln Ser
 35 40 45
 Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60
 Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
 65 70 75 80
 Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
 85 90 95
 Leu Gln Thr Leu Ile Thr Phe Gly Gln Gly Thr Arg Leu Glu Ile Lys
 100 105 110

10

<210> 93
<211> 112
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 93
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15
 Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Ser Gln Ser Leu Leu His Ser
 20 25 30
 Asn Gly Tyr Asn Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
 35 40 45
 Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Leu Gly Ser Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
 50 55 60
 Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
 65 70 75 80
 Ser Arg Val Glu Ala Glu Asp Ile Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
 85 90 95
 Gln Asp Ser Pro Val Thr Phe Gly Gln Gly Thr Arg Leu Asp Ile Asn
 100 105 110

20

30

<210> 94
<211> 112
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 94
 Asp Ile Val Met Thr Gln Ser Pro Leu Ser Leu Pro Val Thr Pro Gly
 1 5 10 15

40

Glu Pro Ala Ser Ile Ser Cys Arg Ser Asn Gln Ser Val Leu Thr Ser
20 25 30

Asn Gly Arg His Tyr Leu Asp Trp Tyr Leu Gln Lys Pro Gly Gln Ser
35 40 45

Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Met Val Phe Asn Arg Ala Ser Gly Val Pro
50 55 60

Asp Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Lys Ile
65 70 75 80

Ser Arg Val Glu Ser Glu Asp Val Gly Val Tyr Tyr Cys Met Gln Ala
85 90 95

Gln Gln Thr Pro Val Thr Phe Gly Gln Gly Thr Arg Leu Asp Ile Lys
100 105 110

<210> 95
<211> 108
<212> PRT
<213> Homo sapiens

10

<400> 95
Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Gly Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Gly Ser Ser
20 25 30

Tyr Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu
35 40 45

Ile Tyr Gly Val Ser Ser Arg Ala Thr Gly Ile Pro Asp Arg Phe Ser
50 55 60

Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Arg Leu Glu
65 70 75 80

Pro Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr Gly Gly Ser Pro
85 90 95

Leu Thr Phe Gly Gly Gly Thr Thr Val Glu Ile Lys
100 105

<210> 96
<211> 108
<212> PRT
<213> Homo sapiens

20

<400> 96
Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Gly Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Gly Asn Asn
20 25 30

Tyr Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Arg Pro Gly Arg Ala Pro Arg Leu Val
35 40 45

30

40

Met Tyr Asp Pro Ser Ser Arg Ala Thr Gly Ile Pro Asp Arg Phe Ser
50 55 60

Gly Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Arg Leu Glu
65 70 75 80

Pro Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr Gly Asn Ser Pro
85 90 95

Pro Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

<210> 97
<211> 107
<212> PRT
<213> Homo sapiens

10

<400> 97
Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Asp Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Asp Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Asn Tyr
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Ala Gly Arg Ala Pro Ser Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Gly Thr Ser Arg Arg Ala Thr Asp Ile Pro Asp Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Arg Leu Glu Pro
65 70 75 80

20

Glu Asp Ser Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Tyr Gly Ser Ala Ser Leu
85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

<210> 98
<211> 107
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 98
Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Val Ser Pro Gly
1 5 10 15

30

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Tyr
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Asp Ala Ser Asn Arg Ala Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Glu Pro
65 70 75 80

40

Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Arg Ser Asn Trp Pro Leu
85 90 95

Thr Phe Gly Gln Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

<210> 99
<211> 106
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 99
Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Tyr
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Asp Ala Ser Asn Arg Ala Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Glu Pro
65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Arg Ser Asn Trp Pro Thr
85 90 95

Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
100 105

<210> 100
<211> 107
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 100
Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
1 5 10 15

Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Arg Ser Phe
20 25 30

Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
35 40 45

Tyr Asp Thr Ser Lys Arg Pro Thr Gly Ile Pro Asp Arg Phe Ser Gly
50 55 60

Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Glu Pro
65 70 75 80

Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Arg Ser Ser Trp Pro Leu
85 90 95

Thr Phe Gly Gly Gly Thr Thr Val Glu Ile Lys
100 105

10

20

30

<210> 101
 <211> 108
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 101
 Glu Ile Val Leu Thr Gln Ser Pro Ala Thr Leu Ser Leu Ser Pro Gly
 1 5 10 15
 Glu Arg Ala Thr Leu Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Val Ser Ser Tyr
 20 25 30
 Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Leu Leu Ile
 35 40 45
 Tyr Asp Ala Ser Asn Arg Ala Thr Gly Ile Pro Ala Arg Phe Ser Gly
 50 55 60
 Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Glu Pro
 65 70 75 80
 Glu Asp Phe Ala Val Tyr Tyr Cys Gln Gln Arg Ser Asn Trp Pro Pro
 85 90 95
 Ile Thr Phe Gly Gln Gly Thr Arg Leu Glu Ile Lys
 100 105

10

<210> 102
 <211> 106
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

20

<400> 102
 Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ser Phe Leu Ser Ala Ser Val Gly
 1 5 10 15
 Asp Arg Val Thr Ile Ser Cys Arg Ala Ser Gln Ser Ile Asp Ser Tyr
 20 25 30
 Ile Asn Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu Leu Ile
 35 40 45
 Tyr Ala Ala Ser Ser Leu Gln Arg Gly Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly
 50 55 60
 Ser Gly Ser Gly Thr Asp Phe Thr Leu Thr Ile Ser Ser Leu Gln Pro
 65 70 75 80
 Glu Asp Phe Ala Thr Tyr Tyr Cys Gln Gln Thr Tyr Ser Thr Leu Thr
 85 90 95
 Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Glu Ile Lys
 100 105

30

<210> 103
 <211> 110
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 103

Gln Ser Ala Leu Thr Gln Pro Ala Ser Val Ser Gly Ser Pro Gly Gln
 1 5 10 15
 Ser Ile Thr Ile Ser Cys Thr Gly Thr Ser Ser Asp Val Gly Gly Tyr
 20 25 30
 Lys Tyr Val Ser Trp Tyr Gln Gln His Pro Gly Lys Ala Pro Lys Leu
 35 40 45
 Ile Ile Tyr Asp Val Thr Asn Arg Pro Ser Gly Val Ser Lys Arg Phe
 50 55 60
 Ser Gly Ser Lys Ser Gly Asn Thr Ala Ser Leu Thr Ile Ser Gly Leu
 65 70 75 80
 Gln Ala Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Ser Ser Tyr Thr Ser Arg
 85 90 95
 Ser Thr Pro Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Val Thr Val Leu
 100 105 110

10

<210> 104
 <211> 108
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 104
 Ser Ser Glu Leu Thr Gln Asp Pro Ala Val Ser Val Ala Leu Gly Gln
 1 5 10 15
 Thr Val Arg Ile Thr Cys Gln Gly Asp Ser Leu Arg Ser Tyr Tyr Ala
 20 25 30
 Ser Trp Tyr Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Val Leu Val Ile Tyr
 35 40 45
 Gly Lys Asn Tyr Arg Pro Ser Gly Ile Pro Asp Arg Phe Ser Gly Ser
 50 55 60
 Ser Ser Gly Asn Thr Ala Ser Leu Thr Ile Thr Gly Ala Gln Ala Glu
 65 70 75 80
 Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Asn Ser Arg Asp Ser Ser Gly Asn His
 85 90 95

20

Trp Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu
 100 105

30

<210> 105
 <211> 110
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 105
 Gln Leu Val Leu Thr Gln Ser Pro Pro Ala Ser Ala Ser Leu Gly Ala
 1 5 10 15
 Ser Val Lys Leu Thr Cys Thr Leu Ser Ser Gly His Ser Ser Tyr Ala
 20 25 30

40

Ile Ala Trp His Gln Gln Gln Pro Glu Lys Gly^H Pro^H Arg^H Tyr^H Leu^H Met^H
 35 40 45
 Asn Leu Asn Ser Asp Gly Ser His Ser Lys Gly Asp Gly Val Pro Asp
 50 55 60
 Arg Phe Ser Gly Ser Ser Ser Gly Ala Glu Arg Tyr Leu Thr Ile Ser
 65 70 75 80
 Ser Leu Gln Ser Glu Asp Glu Ala Asp Tyr Tyr Cys Gln Ser Trp Asp
 85 90 95
 Thr Gly Glu Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu
 100 105 110

10

<210> 106
 <211> 109
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 106
 Gln Ala Val Val Thr Gln Glu Pro Ser Leu Thr Val Ser Pro Gly Gly
 1 5 10 15
 Thr Val Thr Leu Thr Cys Asp Ser Ser Thr Gly Ala Val Thr Ser Gly
 20 25 30
 His Tyr Pro Tyr Trp Leu Gln Gln Lys Pro Gly Gln Ala Pro Arg Thr
 35 40 45
 Leu Ile Tyr Asp Thr His Asn Lys His Ser Trp Thr Pro Gly Arg Phe
 50 55 60
 Ser Gly Ser Leu Leu Gly Gly Lys Ala Ala Leu Thr Leu Ser Gly Ala
 65 70 75 80
 Gln Pro Glu Asp Glu Ala Glu Tyr Tyr Cys Ser Leu Ser Tyr Ser Ala
 85 90 95
 Val Trp Val Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Thr Val Leu
 100 105

20

<210> 107
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

30

<400> 107
 gatctgcggc tgaatagtct tattgtgccg tggagt 36

<210> 108
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 108
 tgtcctagtc tggcgcacgc ttggtgc 27

<210> 109
 <211> 36
 <212> DNA

40

<213> Homo sapiens
 <400> 109
 ttctctctga atacgattat tcatagtgcg gtttat 36
 <210> 110
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens
 <400> 110
 tgtattgttc ctgggtttt tcattgc 27
 <210> 111 10
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens
 <400> 111
 Asp Leu Arg Leu Asn Ser Leu Ile Val Pro Trp Ser
 1 5 10
 <210> 112
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens
 <400> 112 20
 Cys Pro Ser Leu Ala His Arg Trp Cys
 1 5
 <210> 113
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens
 <400> 113
 Phe Pro Leu Asn Thr Ile Ile His Ser Ala Val Tyr
 1 5 10
 <210> 114
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens
 <400> 114 30
 Cys Ile Val Pro Trp Phe Phe His Cys
 1 5
 <210> 115
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens
 <400> 115
 tgtctgggttc cgtggatggt tcattgc 27
 <210> 116
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens 40

<400> 116
 Cys Leu Val Pro Trp Met Phe His Cys
 1 5

<210> 117
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 117
 tggctctttgc atactcttgg tctgcctttt gttttt 36

<210> 118
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens 10

<400> 118
 Trp Ser Leu His Thr Leu Gly Leu Pro Phe Val Phe
 1 5 10

<210> 119
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 119
 tgtgtggtgc cgtgggtttt tcattgc 27

<210> 120
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens 20

<400> 120
 Cys Val Val Pro Trp Phe Phe His Cys
 1 5

<210> 121
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 121
 tgtactcatt ggtggcgtcc ggcttgc 27

<210> 122
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens 30

<400> 122
 Cys Thr His Trp Trp Arg Pro Ala Cys
 1 5

<210> 123
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 123 40

tgtctgattc cgtgqatggt taattgc

27

<210> 124
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 124
 Cys Leu Ile Pro Trp Met Phe Asn Cys
 1 5

<210> 125
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

10

<400> 125
 tgtacgtggc tgccttatcc gtattgc

27

<210> 126
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 126
 Cys Thr Trp Leu Pro Tyr Pro Tyr Cys
 1 5

<210> 127
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

20

<400> 127
 tgtgttacgt cgaagccgca taagtgc

27

<210> 128
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 128
 Cys Val Thr Ser Lys Pro His Thr Cys
 1 5

<210> 129
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

30

<400> 129
 tgtattattc cgtttatggt tcaagtgc

27

<210> 130
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 130
 Cys Ile Ile Pro Phe Met Phe Gln Cys
 1 5

40

<210> 131
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

 <400> 131
 aagcatagta tgccgattaa tgctattctt cctcct 36

 <210> 132
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

 <400> 132
 Lys His Ser Met Pro Ile Asn Ala Ile Leu Pro Pro 10
 1 5 10

 <210> 133
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

 <400> 133
 cttccgtttg atacgattat taagccctgg cctgtg 36

 <210> 134
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

 <400> 134
 Leu Pro Phe Asp Thr Ile Ile Lys Pro Trp Pro Val 20
 1 5 10

 <210> 135
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

 <400> 135
 attgatgtgt ggtggcttag tacgtagggt gttccg 36

 <210> 136
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens 30

 <400> 136
 Ile Asp Val Trp Trp Leu Ser Thr Gln Gly Val Pro
 1 5 10

 <210> 137
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

 <400> 137
 tgtattgtgg agcatttttt tcattgc 27

 <210> 138
 <211> 9
 40

<212> PRT
 <213> Homo sapiens

 <400> 138
 Cys Ile Val Glu His Phe Phe His Cys
 1 5

 <210> 139
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

 <400> 139
 tgtgagactt ggtggcggct ttcgtgc 27 10

 <210> 140
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

 <400> 140
 Cys Glu Thr Trp Trp Arg Leu Ser Cys
 1 5

 <210> 141
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

 <400> 141
 ttgccgttta atactttgat tgttcctggg cggact 36 20

 <210> 142
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

 <400> 142
 Leu Pro Phe Asn Thr Leu Ile Val Pro Gly Arg Thr
 1 5 10

 <210> 143
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

 <400> 143
 ttccgctta tgagtctgat taatccgtgg cgtacg 36 30

 <210> 144
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

 <400> 144
 Phe Pro Leu Met Ser Leu Ile Asn Pro Trp Arg Thr
 1 5 10

 <210> 145
 <211> 27
 <212> DNA 40

<213> Homo sapiens
 <400> 145
 tgtcagcata agctgccttc taattgc 27
 <210> 146
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens
 <400> 146
 Cys Gln His Lys Leu Pro Ser Asn Cys
 1 5
 <210> 147 10
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens
 <400> 147 27
 tgtgtgggttc agtggatggt tcagtgc
 <210> 148
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens
 <400> 148 20
 Cys Val Val Gln Trp Met Phe Gln Cys
 1 5
 <210> 149
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens
 <400> 149 36
 tttctgccga tttctacgct gattactcgg tctggt
 <210> 150
 <211> 12
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens
 <400> 150 30
 Phe Leu Pro Ile Ser Thr Leu Ile Thr Pro Ser Gly
 1 5 10
 <210> 151
 <211> 27
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens
 <400> 151 27
 tgtgttggtg cgtggatggt tcagtgc
 <210> 152
 <211> 9
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens 40

<400> 152
 Cys Val Val Ser Trp Met Phe Gln Cys
 1 5

<210> 153
 <211> 1039
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 153
 Met Ala Arg Ala Leu Cys Pro Leu Gln Ala Leu Trp Leu Leu Glu Trp
 1 5 10 15

Val Leu Leu Leu Leu Gly Pro Cys Ala Ala Pro Pro Ala Trp Ala Leu
 20 25 30 10

Asn Leu Asp Pro Val Gln Leu Thr Phe Tyr Ala Gly Pro Asn Gly Ser
 35 40 45

Gln Phe Gly Phe Ser Leu Asp Phe His Lys Asp Ser His Gly Arg Val
 50 55 60

Ala Ile Val Val Gly Ala Pro Arg Thr Leu Gly Pro Ser Gln Glu Glu
 65 70 75 80

Thr Gly Gly Val Phe Leu Cys Pro Trp Arg Ala Glu Gly Gly Gln Cys
 85 90 95

Pro Ser Leu Leu Phe Asp Leu Arg Asp Glu Thr Arg Asn Val Gly Ser
 100 105 110 20

Gln Thr Leu Gln Thr Phe Lys Ala Arg Gln Gly Leu Gly Ala Ser Val
 115 120 125

Val Ser Trp Ser Asp Val Ile Val Ala Cys Ala Pro Trp Gln His Trp
 130 135 140

Asn Val Leu Glu Lys Thr Glu Glu Ala Glu Lys Thr Pro Val Gly Ser
 145 150 155 160

Cys Phe Leu Ala Gln Pro Glu Ser Gly Arg Arg Ala Glu Tyr Ser Pro
 165 170 175

Cys Arg Gly Asn Thr Leu Ser Arg Ile Tyr Val Glu Asn Asp Phe Ser
 180 185 190 30

Trp Asp Lys Arg Tyr Cys Glu Ala Gly Phe Ser Ser Val Val Thr Gln
 195 200 205

Ala Gly Glu Leu Val Leu Gly Ala Pro Gly Gly Tyr Tyr Phe Leu Gly
 210 215 220

Leu Leu Ala Gln Ala Pro Val Ala Asp Ile Phe Ser Ser Tyr Arg Pro
 225 230 235 240

Gly Ile Leu Leu Trp His Val Ser Ser Gln Ser Leu Ser Phe Asp Ser
 245 250 255

Ser Asn Pro Glu Tyr Phe Asp Gly Tyr Trp Gly Tyr Ser Val Ala Val
 260 265 270 40

10

20

30

40

Gly Glu Phe Asp Gly Asp Leu Asn Thr Thr Glu Tyr Val Val Gly Ala
 275 280 285

Pro Thr Trp Ser Trp Thr Leu Gly Ala Val Glu Ile Leu Asp Ser Tyr
 290 295 300

Tyr Gln Arg Leu His Arg Leu Arg Ala Glu Gln Met Ala Ser Tyr Phe
 305 310 315 320

Gly His Ser Val Ala Val Thr Asp Val Asn Gly Asp Gly Arg His Asp
 325 330 335

Leu Leu Val Gly Ala Pro Leu Tyr Met Glu Ser Arg Ala Asp Arg Lys
 340 345 350

Leu Ala Glu Val Gly Arg Val Tyr Leu Phe Leu Gln Pro Arg Gly Pro
 355 360 365

His Ala Leu Gly Ala Pro Ser Leu Leu Leu Thr Gly Thr Gln Leu Tyr
 370 375 380

Gly Arg Phe Gly Ser Ala Ile Ala Pro Leu Gly Asp Leu Asp Arg Asp
 385 390 395 400

Gly Tyr Asn Asp Ile Ala Val Ala Ala Pro Tyr Gly Gly Pro Ser Gly
 405 410 415

Arg Gly Gln Val Leu Val Phe Leu Gly Gln Ser Glu Gly Leu Arg Ser
 420 425 430

Arg Pro Ser Gln Val Leu Asp Ser Pro Phe Pro Thr Gly Ser Ala Phe
 435 440 445

Gly Phe Ser Leu Arg Gly Ala Val Asp Ile Asp Asp Asn Gly Tyr Pro
 450 455 460

Asp Leu Ile Val Gly Ala Tyr Gly Ala Asn Gln Val Ala Val Tyr Arg
 465 470 475 480

Ala Gln Pro Val Val Lys Ala Ser Val Gln Leu Leu Val Gln Asp Ser
 485 490 495

Leu Asn Pro Ala Val Lys Ser Cys Val Leu Pro Gln Thr Lys Thr Pro
 500 505 510

Val Ser Cys Phe Asn Ile Gln Met Cys Val Gly Ala Thr Gly His Asn
 515 520 525

Ile Pro Gln Lys Leu Ser Leu Asn Ala Glu Leu Gln Leu Asp Arg Gln
 530 535 540

Lys Pro Arg Gln Gly Arg Arg Val Leu Leu Leu Gly Ser Gln Gln Ala
 545 550 555 560

Gly Thr Thr Leu Asn Leu Asp Leu Gly Gly Lys His Ser Pro Ile Cys
 565 570 575

His Thr Thr Met Ala Phe Leu Arg Asp Glu Ala Asp Phe Arg Asp Lys
 580 585 590

10

20

30

40

Leu Ser Pro Ile Val Leu Ser Leu Asn Val Ser Leu Pro PPS THF GLU
 595 600 605
 Ala Gly Met Ala Pro Ala Val Val Leu His Gly Asp Thr His Val Gln
 610 615 620
 Glu Gln Thr Arg Ile Val Leu Asp Cys Gly Glu Asp Asp Val Cys Val
 625 630 635 640
 Pro Gln Leu Gln Leu Thr Ala Ser Val Thr Gly Ser Pro Leu Leu Val
 645 650 655
 Gly Ala Asp Asn Val Leu Glu Leu Gln Met Asp Ala Ala Asn Glu Gly
 660 665 670
 Glu Gly Ala Tyr Glu Ala Glu Leu Ala Val His Leu Pro Gln Gly Ala
 675 680 685
 His Tyr Met Arg Ala Leu Ser Asn Val Glu Gly Phe Glu Arg Leu Ile
 690 695 700
 Cys Asn Gln Lys Lys Glu Asn Glu Thr Arg Val Val Leu Cys Glu Leu
 705 710 715 720
 Gly Asn Pro Met Lys Lys Asn Ala Gln Ile Gly Ile Ala Met Leu Val
 725 730 735
 Ser Val Gly Asn Leu Glu Glu Ala Gly Glu Ser Val Ser Phe Gln Leu
 740 745 750
 Gln Ile Arg Ser Lys Asn Ser Gln Asn Pro Asn Ser Lys Ile Val Leu
 755 760 765
 Leu Asp Val Pro Val Arg Ala Glu Ala Gln Val Glu Leu Arg Gly Asn
 770 775 780
 Ser Phe Pro Ala Ser Leu Val Val Ala Ala Glu Glu Gly Glu Arg Glu
 785 790 795 800
 Gln Asn Ser Leu Asp Ser Trp Gly Pro Lys Val Glu His Thr Tyr Glu
 805 810 815
 Leu His Asn Asn Gly Pro Gly Thr Val Asn Gly Leu His Leu Ser Ile
 820 825 830
 His Leu Pro Gly Gln Ser Gln Pro Ser Asp Leu Leu Tyr Ile Leu Asp
 835 840 845
 Ile Gln Pro Gln Gly Gly Leu Gln Cys Phe Pro Gln Pro Pro Val Asn
 850 855 860
 Pro Leu Lys Val Asp Trp Gly Leu Pro Ile Pro Ser Pro Ser Pro Ile
 865 870 875 880
 His Pro Ala His His Lys Arg Asp Arg Arg Gln Ile Phe Leu Pro Glu
 885 890 895
 Pro Glu Gln Pro Ser Arg Leu Gln Asp Pro Val Leu Val Ser Cys Asp
 900 905 910

10

20

30

Ser Ala Pro Cys Thr Val Val Gln Cys Asp Leu^a Gln^b Glu^c Met^d Ala^e Arg^f
 915 920 925

Gly Gln Arg Ala Met Val Thr Val Leu Ala Phe Leu Trp Leu Pro Ser
 930 935 940

Leu Tyr Gln Arg Pro Leu Asp Gln Phe Val Leu Gln Ser His Ala Trp
 945 950 955 960

Phe Asn Val Ser Ser Leu Pro Tyr Ala Val Pro Pro Leu Ser Leu Pro
 965 970 975

Arg Gly Glu Ala Gln Val Trp Thr Gln Leu Leu Arg Ala Leu Glu Glu
 980 985 990

Arg Ala Ile Pro Ile Trp Trp Val Leu Val Gly Val Leu Gly Gly Leu
 995 1000 1005

Leu Leu Leu Thr Ile Leu Val Leu Ala Met Trp Lys Val Gly Phe
 1010 1015 1020

Phe Lys Arg Asn Arg Pro Pro Leu Glu Glu Asp Asp Glu Glu Gly
 1025 1030 1035

Glu

10

【 1 】

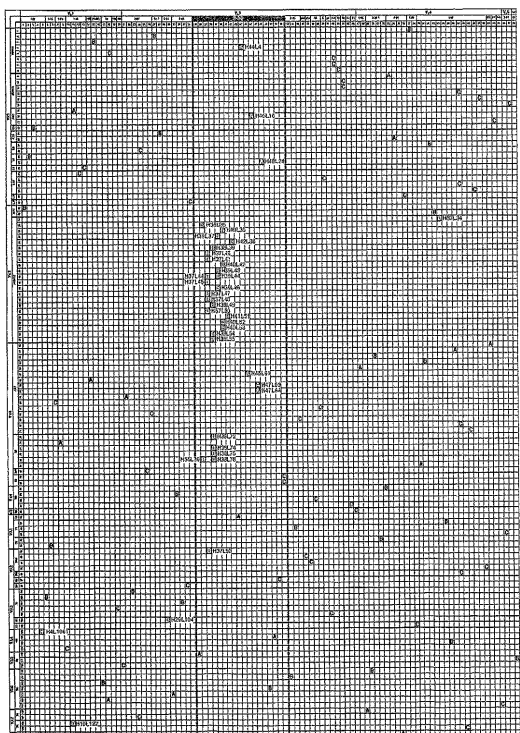


FIG. 1

P4-12	D	L	R	I	N	S	L	I	V	P	N	S	
P124-2	F	F	L	N	S	L	I	N	F	W	R	F	
F3-4	C	P	S	L	A	H	R	W	C				
P124-11	L	P	F	N	E	L	I	V	F	G	R	T	
P123-11	L	P	F	D	E	L	I	K	F	F	P	V	
P123-8	F	L	P	E	S	E	L	I	T	E	S	G	
P4-7	F	P	E	N	T	E	L	I	H	S	A	V	Y
P4-1	I	D	V	W	K	S	T	Q	G	V	F		
P124-1	W	S	H	E	C	L	P	F	F	V	F		
P123-10													
P74-9													
P73-10													
P73-6													
P74-5													
P124-8	K	H	S	M	P	N	E	L	I	P	S		
P73-7													
P4-2a													
P74-4													
P73-2													
P73-11													
P74-3													
P74-1a													
P74-8													
P73-9													

FIG. 9A

P4-12: GATCTGCGGCTGAATAGTCTTATTGTGCCGTGGAGT
P124-2: TTCCCGCTTATGAGTCTGATTAATCCGTGGCGTACG
P3-4: TGTCTAGTCTGGCGCATCGTTGGTGC
P124-11: TTGCCGTTAATACTTTGATTGTTCTGGCGGACT
P123-11: CTTCCGTTTGATACGATTATAAGCCCTGGCCTGTG
P123-8: TTCTGCCGATTCTACGCTGATTACTCCGCTGGT
P4-7: TTCTCTGAATACGATTATTATAGTGGCGTTTAT
P124-1: ATTGATGTGTGGTGGCTTAGTACGTAGGGTGTCCG
P123-10: TGGTCTTTGACATACTCTGGTCTGCCTTTTGTTTT
P74-9: TGTACGTGGCTGCCTATCCGTATTGC
P73-10: TGTACTCATTGGTGGCTCCGGCTTGC
P73-6: TGTGAGACTTGGTGGCGGCTTTCGTGC
P74-5: TGTGTTACGTGAAGCCGCATACGTGC
P124-8: AAGCATAGTATGCCGATTAATGCTATTCTTCTCCT
P73-7: TGTGAGCATAAGCTGCCTTCTAATTGC
P4-2a: TGTATTGTTCTGGTTTTTTTCATTGC
P74-4: TGTGTGGTGGCGGTGTTTTTTCATTGC
P73-2: TGTATTGTTGGAGCATTTTTTTCATTGC
P73-11: TGTCTGGTTCGGTGGATGTTTTCATTGC
P74-3: TGTCTGATTCCGTGGATGTTAATTGC
P74-1a: TGTGTGGTTCAAGTGGATGTTTTCAGTGC
P74-8: TGTGTGTGTGCTGGATGTTTTCAGTGC
P73-9: TGTATTATTCCGTTTATGTTTTCAGTGC

FIG. 9B

CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGTCCC
TGAGACTCTCCTGTGACGCTCTGGATTACCTTCAGTAGCTATGCTATGCAC
TGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTGGCAGTTATATCAT
ATGATGGAAGTAATAAATACTACCGAGACTCCGTGAAGGGCCGATTACCCAT
CTCCAGAGACAATTCCAAGAACAACGCTGTATCTGCAAAATGAACAGCCTGAGA
CCTGAGGACACGGCTGTGATTACTGTGCGAGAGGTGGGTAGCAGCTTTTG
ACTACTGGGGCCAGGGAACCTTGGTACCGTCTCCTCA

FIG. 16A

CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGTCCC
TGAGACTCTCCTGTGACGCTCTGGATTACCTTCAGTAGCTATGCTATGCAC
TGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTGGCAGTTATATCAT
ATAAGGTGGTACCACAAGCTACGCACAGAAAGTTCCAGGGCAGATCACCAT
TGGCCGGACAAGTTACGAACTCCGCTCATGTGAGCCGAGCAGCCTGAGA
TATGAGGACACGGCTGTATTTTGTGCGAGAGCTAAGTTTTCATGTGCGC
TGATATCTGGGGCAAGGGACAGTGGTACCGTCTCCTCA

FIG. 16B

GAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGTCCC
TGAGACTCTCCTGTGACGCTCTGGATTACCTTCAGTAGCTATGCTATGCAC
TGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTGGCAGTTATATCAT
GTAGTAGTAGTACATATACTACGCAGACTCAGTGAAGGGCCGATTACCCAT
CTCCAGAGACAATTCCAAGAACAACGCTGTATCTGCAAAATGAACAGCCTGAGA
GCCGAGGACACGGCTGTGATTACTGTGCGAGAGACCCCTAATTACTATG
ATAGTAGTGGTCTTTGACTACTGGGGCCAGGGAACCTTGGTACCGTCTCCTCA

FIG. 16C

CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGTCCC
TGAGACTCTCCTGTGACGCTCTGGATTACCTTCAGTAGCTATGCTATGCAC
TGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTGGCAGTTATATCAT
ATGATGGAAGTAATAAATACTACCGAGACTCCGTGAAGGGCCGATTACCCAT
CTCCAGAGACAATTCCAAGAACAACGCTGTATCTGCAAAATGAACAGCCTGAGA
CCTGAGGACACGGCTGTGATTACTGTGCGAGAGGTGGGTAGCAGCTTTTG
ACTACTGGGGCCAGGGAACCTTGGTACCGTCTCCTCA

FIG. 16D

CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGTCCC
TGAGACTCTCCTGTGACGCTCTGGATTACCTTCAGTAGCTATGCTATGCAC
TGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTGGCAGTTATATCAT
ATGATGGAAGTAATAAATACTACCGAGACTCCGTGAAGGGCCGATTACCCAT
CTCCAGAGACAATTCCAAGAACAACGCTGTATCTGCAAAATGAACAGCTGAGA
CCTGAGGACACGGCTGTGATTACTGTGCGAGAGGTGGGTAGCAGCTTTTG
ACTACTGGGGCCAGGGAACCTTGGTACCGTCTCCTCA

FIG. 16G

CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGTCCC
TGAGACTCTCCTGTGACGCTCTGGATTACCTTCAGTAGCTATGCTATGCAC
TGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTGGCAGTTATATCAT
ATGATGGAAGTAATAAATACTACCGAGACTCCGTGAAGGGCCGATTACCCAT
CTCCAGAGACAATTCCAAGAACAACGCTGTATCTGCAAAATGAACAGCCTGAGA
CCTGAGGACACGGCTGTGATTACTGTGCGAGAGGTGGGTAGCAGCTTTTG
ACTACTGGGGCCAGGGAACCTTGGTACCGTCTCCTCA

FIG. 16E

CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGTCCC
TGAGACTCTCCTGTGACGCTCTGGATTACCTTCAGTAGCTATGCTATGCAC
TGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTGGCAGTTATATCAT
ATGATGGAAGTAATAAATACTACCGAGACTCCGTGAAGGGCCGATTACCCAT
CTCCAGAGACAATTCCAAGAACAACGCTGTATCTGCAAAATGAACAGCCTGAGA
CCTGAGGACACGGCTGTGATTACTGTGCGAGAGGTGGGTAGCAGCTTTTG
ACTACTGGGGCCAGGGAACCTTGGTACCGTCTCCTCA

FIG. 16H

CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGTCCC
TGAGACTCTCCTGTGACGCTCTGGATTACCTTCAGTAGCTATGCTATGCAC
TGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTGGCAGTTATATCAT
ATGATGGAAGTAATAAATACTACCGAGACTCCGTGAAGGGCCGATTACCCAT
CTCCAGAGACAATTCCAAGAACAACGCTGTATCTGCAAAATGAACAGCCTGAGA
CCTGAGGACACGGCTGTGATTACTGTGCGAGAGGTGGGTAGCAGCTTTTG
ACTACTGGGGCCAGGGAACCTTGGTACCGTCTCCTCA

FIG. 16F

CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGGCGTGGTCCAGCCTGGGAGTCCC
TGAGACTCTCCTGTGACGCTCTGGATTACCTTCAGTAGCTATGCTATGCAC
TGGTCCGCCAGGCTCCAGGCAAGGGGCTGGAGTGGGTGGCAGTTATATCAT
ATGATGGAAGTAATAAATACTACCGAGACTCCGTGAAGGGCCGATTACCCAT
CTCCAGAGACAATTCCAAGAACAACGCTGTATCTGCAAAATGAACAGCCTGAGA
CCTGAGGACACGGCTGTGATTACTGTGCGAGAGGTGGGTAGCAGCTTTTG
ACTACTGGGGCCAGGGAACCTTGGTACCGTCTCCTCA

FIG. 16I

CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGCCATGGTCCAGCCTGGGAGGTCCC
TGAGACTCTCCTGTGGGCTCTGGATTCCTTCACTAACTATGCTATGCAAC
TGGGTCCCGCAGGCTCCAGGCAAGGGCTGGAGTGGGCGCAATATATCAT
ATGATGGAAAGTAAATAACTACCGCAACTCCGTGAAGGGCGATTACCAT
CTCCAGAGACAATCCAAAGAACCGCTGTATCTGCAAAATGAACAGCTGAGA
CCTGAGGACACGGCTGTATTAATCTGTGGAGAGGTGGGTAGCAGCTTTTG
ACTACTGGGCCAGGGAACCTGGTACCCTGCTCCTCA

FIG. 16J

CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGCCGTGGTCCAGCCTGGGAGGTCCC
TGAGACTCTCCTGTGGGCTCTGGATTCCTTCACTAACTATGCTATGCAAC
TGGGTCCCGCAGGCTCCAGGCAAGGGCTGGAGTGGGCGCAATATATCAT
ATGATGGAAAGTAAATAAAATATGAGCAGCTCCGTGAAGGGCGATTACCAT
CTCCAGAGACAATCCAAAGAACCGCTGTATCTGCAAAATGAACAGCTGAGA
GCTGAGGACACGGCTGTATTAATGATGATGGTGGGAGCCTTTGACTACTG
GGGCCAGGTAACCTGGTACCCTGCTCCTCA

FIG. 16M

CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGCCGTGGTCCAGCCTGGGAGGTCCC
TGAGACTCTCCTGTGGGCTCTGGATTCCTTCACTAACTATGCTATGCAAC
TGGGTCCCGCAGGCTCCAGGCAAGGGCTGGAGTGGGCGCAATATATCAT
TGAATGGTGAAGTAAATAACTACCGCAACTCCGTGAAGGGCGATTACCATC
TCCAGAGACAACGGCAAGAACCGCTGTATTTGCAAAATGAACAGCTGTGAGG
TCGAGGACACGGCTGTATTAATCTGTGCAAGGTGGGCTACTGGGCCCGGG
AACCTGGTACCCTGCTCCTCA

FIG. 16K

CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGCCGTGGTCCAGCCTGGGAGGTCCC
TGAGACTCTCCTGTGGGCTCTGGATTCCTTCACTAACTATGCTATGCAAC
TGGGTCCCGCAGGCTCCAGGCAAGGGCTGGAGTGGGCGCAATATATCAT
ATGATGGAAAGTAAATAAAACTATGCAAACTCCGTGAAGGGCGATTACCAT
CTCCAGAGACAATCCAAAGAACCGCTGTATTTGCAAAATGAACAGCTGAGA
GTTGAAGACACGGCTGTATTAATGATGATGGTGGGAGCCTTTGACTACTG
GGGCCAGGTAACCTGGTACCCTGCTCCTCA

FIG. 16N

CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGCCGTGGTCCAGCCTGGGAGGTCCC
TGAGACTCTCCTGTGGGCTCTGGATTCCTTCACTAACTATGCTATGCAAC
TGGGTCCCGCAGGCTCCAGGCAAGGGCTGGAGTGGGCGCAATATATCAT
ATGATGGAAAGTAAATAACTACCGCAACTCCGTGAAGGGCGATTACCATC
CTCCAGAGACAATCCAAAGAACCGCTGTATCTGCAAAATGAACAGCTGAGA
CCTGAGGACACGGCTGTATTAATGATGATGGTGGGAGCCTTTGACTACTG
GGGCCAGGTAACCTGGTACCCTGCTCCTCA

FIG. 16L

CAGGTGCAGCTGGTGGAGTCTGGGGGAGCCGTGGTCCAGCCTGGGAGGTCCC
TGAGACTCTCCTGTGGGCTCTGGATTCCTTCACTAACTATGCTATGCAAC
TGGGTCCCGCAGGCTCCAGGCAAGGGCTGGAGTGGGCGCAATATATCAT
ATGATGGAAAGTAAATAAACTATGCAAACTCCGTGAAGGGCGATTACCAT
CTCCAGAGACAATCCAAAGAACCGCTGTATTTGCAAAATGAACAGCTGAGA
ACTGAGGACACGGCTGTATTAATGATGATGGTGGGAGCCTTTGACTACTG
GGGCCAGGTAACCTGGTACCCTGCTCCTCA

FIG. 16O

CAGGTGCAGCTGCAGGAGTCCGGCCAGGACTGGTGAAGCCTTCGGAGACC
TGCCCTCACTGCACTGTCTGTGGTGGCTCCATCAGTATGTTACTACTGGAGC
TGGATCCGGCAGCCCGCAGGCAAGGGCTGGAGTGGGCGCAATATATCAT
ACAGTGGGAGCAGCCGACTACAAACCTCCCTCAAGAGTCCGATCAGTATG
AGTAGACACGTTCCGAGAACCGTCTTCTGCAAACTCCGTGAAGGGCGATTACCAT
CTCCAGAGACAATCCAAAGAACCGCTGTATTTGCAAAATGAACAGCTGAGA
ACTGAGGACACGGCTGTATTAATGATGATGGTGGGAGCCTTTGACTACTG
GGGCCAGGTAACCTGGTACCCTGCTCCTCA

FIG. 16P

GACATCCAGATGACCCAGTCTCCATCTCCCTGTCTGTATCTGTAGGAGACAG
AGTCAACATCACTTGGCCGGCAAGTCAAGCCATTAATGATTTAAATGGT
ATCAGCAGAAACAGGGAAGCCCTAAGCTCCTGATCTATGCTGGATCCAG
TTTGCCAAAGTGGAGTCCACCAAGGTTCAAGTGGCAGTGGATCTGGGACAGAT
TTCACACTCACCATCAGCAGTCTGCAAACTGAAGATTITGCAACTTACTACTG
TCAACAGAGTTACAGTACCCTCACTTTGGCCGAGGGACCAAGTGGAGATG
AAA

FIG. 17A

GATATTGTGATGACTCAGTCTCCACTCTCCCTGCCCGTCAACCCTGGAGAGCC
GGCCTCCATCTCCTGCAGGCTTAGTCAGAGCCTCCTGTATAGTAAATGGATACA
ACTATTTGGATTGGTACCTGCAGAAAGCCAGGGCTGGAGTGGGCGCAATATATCAT
TATTTGGGTTCTAATCGGGCTCCGGGCTCCGTGACAGGTTCAAGTGGCAGTGG
ATCAGGCACAGATTTTACACTGAAAATCAGCAGAGTGGAGGCTGAGGATGTT
GGGTTTATTACTGCATGCAAGGTACACTGGCCTGGAGCTTTGGCCAAAG
GGCCAAGGTGGAATCAAA

FIG. 17D

GACATCCAGATGACCCAGTCTCCATCTCCCTGTCTGCATCTGTAGGAGACAG
AGTCAACATCACTTGGCCGGGCAAGTCAAGCCATTAATGATTTAAATGGT
ATCAGCAGAAACAGGGAAGCCCTAAGCTCCTGATCTATGCTGCATCCACT
TTGCAATCAGGGTCCCATCTCGGTTCAAGTGGCAGTGGATCTGGGACAGATTT
CACTCTCACCATCAGCAGCTGACGCTGAAGATGTTGCAACTTATTACTGTC
AAAAGTATAACAGTGGCCCTCACTTTGGCCGAGGGACCAAGTGGAGATG
CAAA

FIG. 17B

GATATTGTGATGACTCAGTCTCCACTCTCCCTGCCCGTCAACCCTGGAGAGCC
GGCCTCCATCTCCTGCAGGCTTAGTCAGAGCCTCCTGTATAGTAAATGGATACA
ACTATTTGGATTGGTACCTGCAGAAAGCCAGGGCTGGAGTGGGCGCAATATATCAT
TATTTGGGTTCTAATCGGGCTCCGGGCTCCGTGACAGGTTCAAGTGGCAGTGG
ATCAGGCACAGATTTTACACTGAAAATCAGCAGAGTGGAGGCTGAGGATGTT
GGGTTTATTACTGCATGCAAGGTACACTGGCCTGGAGCTTTGGCCAAAG
GGCCAAGGTGGAATCAAA

FIG. 17E

GACATCCAGTGGACCCAGTCTCCAACTCTCTGTGATCTGTAGGGGACAG
AGTCAACATCACTTGGCCGGGCAAGTCAAGCCATTAATGATTTAAATGGT
ATCAGCAAAAACAGGGAAGCCCTAAGCTCCTGATCTATGCTGCATCCACT
TTGCAAAAGTGGGTTCCCATCAAGGTTCAAGGCGCAGTGGATCTGGGACAGAT
TCACTCTCACATTCAGCAGCTGACGCTGAAGATTITGCAACTTATTACTGTC
TCAACAGCTTAATAGTTACCGTTCACTTTGGCCGAGGGACCAAGTGGAG
ATCAAA

FIG. 17C

GATATTGTGATGACTCAGTCTCCACTCTCCCTGCCCGTCAACCCTGGAGAGCC
GGCCTCCATCTCCTGCAGGCTTAGTCAGAGCCTCCTGTATAGTAAATGGATACA
ACTATTTGGATTGGTACCTGCAGAAAGCCAGGGCTGGAGTGGGCGCAATATATCAT
TATTTGGGTTCTAATCGGGCTCCGGGCTCCGTGACAGGTTCAAGTGGCAGTGG
ATCAGGCACAGATTTTACACTGAAAATCAGCAGAGTGGAGGCTGAGGATGTT
GGGTTTATTACTGCATGCAAGGTACACTGGCCTGGAGCTTTGGCCAAAG
GGCCAAGGTGGAATCAAA

FIG. 17F

GATATTGTGATGACTCAGTCTCCACTCTCCCTGCCCGTCACCCCTGGAGAGCC
GGCTCCATCTCCTGCAGGTTAGTCAGAGCCTCTGCATAGTAATGGATACA
ACTATTGGATTGGTACCTGCAGAAAGCCAGGGCAGTCTCCACAGCTCCTGATC
TATTTGGGTTCTAATCGGGCTCCGGGGTCCCTGACAGGTTCACTGGCAGTGG
ATCAGGCCACAGATTTTACACTGAAAATCAGCAGAGTGGAGGCTGAGGATGTT
GGGGTTTATTACTGCATGCAAGCTTACAAACTCTCCGGTCACTTCGGCCA
AGGGACACGACTGGAGATTA

FIG. 17S

GATATTGTGATGACTCAGTCTCCACTCTCCCTGCCCGTCACCCCTGGAGAGCC
GGCTCCATCTCCTGCAGGTTAGTCAGAGCCTCTGCATAGTAATGGATACA
ACTATTGGATTGGTACCTGCAGAAAGCCAGGGCAGTCTCCACAGCTCCTGATC
TATTTGGGTTCTAATCGGGCTCCGGGGTCCCTGACAGGTTCACTGGCAGTGG
ATCAGGCCACAGATTTTACACTGAAAATCAGCAGAGTGGAGGCTGAGGATGTT
GGGGTTTATTACTGCATGCAAGCTTACAAACTCTCCGGTCACTTCGGCCAAGG
GACACGACTGGAGATTAA

FIG. 17V

GATATTGTGATGACTCAGTCTCCACTCTCCCTGCCCGTCACCCCTGGAGAGCC
GGCTCCATCTCCTGCAGGTTAGTCAGAGCCTCTGCATAGTAATGGATACA
ACTATTGGATTGGTACCTGCAGAAAGCCAGGGCAGTCTCCACAACTCCTGATC
TATTTGGGTTCTAATCGGGCTCCGGGGTCCCTGACAGGTTCACTGGCAGTGG
ATCAGGCCACAGATTTTACACTGAAAATCAGCAGAGTGGAGGCTGAGGATGTT
GGGGTTTATTACTGCATGCAAGCTTACAAACTCTCCGGTCACTTCGGCCA
AGGGACACGACTGGAGATTA

FIG. 17T

GATATTGTGATGACTCAGTCTCCACTCTCCCTGCCCGTCACCCCTGGAGAGCC
GGCTCCATCTCCTGCAGGTTAGTCAGAGCCTCTGCATAGTAATGGATACA
ACTATTGGATTGGTACCTGCAGAAAGCCAGGGCAGTCTCCACAGCTCCTGATC
TATTTGGGTTCTAATCGGGCTCCGGGGTCCCTGACAGGTTCACTGGCAGTGG
ATCAGGCCACAGATTTTACACTGAAAATCAGCAGAGTGGAGGCTGAGGATGTT
GGGGTTTATTACTGCATGCAAGCTTACAAACTCTCCGGTCACTTCGGCCAAGG
GACACGACTGGAGATTAA

FIG. 17W

GATATTGTGATGACTCAGTCTCCACTCTCCCTGCCCGTCACCCCTGGAGAGCC
GGCTCCATCTCCTGCAGGTTAGTCAGAGCCTCTGCATAGTAATGGATACA
ACTATTGGATTGGTACCTGCAGAAAGCCAGGGCAGTCTCCACAGCTCCTGATC
TATTTGGGTTCTAATCGGGCTCCGGGGTCCCTGACAGGTTCACTGGCAGTGG
ATCAGGCCACAGATTTTACACTGAAAATCAGCAGAGTGGAGGCTGAGGATGTT
GGGGTTTATTACTGCATGCAAGCTTACAAACTCTCCGGTCACTTCGGCCAAGG
GACACGACTGGAAATTA

FIG. 17U

GATATTGTGATGACTCAGTCTCCACTCTCCCTGCCCGTCACCCCTGGAGAGCC
GGCTCCATCTCCTGCAGGTTAGTCAGAGCCTCTGCATAGTAATGGATACA
ACTATTGGATTGGTACCTGCAGAAAGCCAGGGCAGTCTCCACAGCTCCTGATC
TATTTGGGTTCTAATCGGGCTCCGGGGTCCCTGACAGGTTCACTGGCAGTGG
ATCAGGCCACAGATTTTACACTGAAAATCAGCAGAGTGGAGGCTGAGGATGTT
GGGGTTTATTACTGCATGCAAGCTTACAAACTCTCCGGTCACTTCGGCCAAGG
GACACGGCTAGACATTA

FIG. 17X

GATATTGTGATGACTCAGTCTCCACTCTCCCTGCCCGTCACCCCTGGAGAGCC
GGCTCCATCTCCTGCAGGTTAGTCAGAGCCTCTGCATAGTAATGGAGCCG
ACTATTGGATTGGTACCTGCAGAAAGCCAGGGCAGTCTCCACAGCTCCTGATC
TACATGGTTTTAAATCGGGCTCCGGGGTCCCTGACAGGTTCACTGGCAGTGG
ATCAGGCCACAGATTTTACACTGAAAATCAGCAGAGTGGAGTCTGAGGATGTA
GGGGTTTATTACTGCATGCAAGCTTACAAACTCTCCGGTCACTTCGGCCAAGG
GACACGACTGGACATTA

FIG. 17Y

GAAATTGTGTTGACACAGTCTCCAGGCACCCCTGTCTTGTCTCCAGGGAAAG
AGCCACCCCTCTCCTGCAGGGCCAGTCAGAGTGTGGCAGCAGCTACTTAGCCT
GGTACCAGCAGAACTGGCCAGGCTCCAGGCTCCTCATCTATGTTGATATCC
AGCAGGGCCACTGGCATCCAGCAGGTTCACTGGCAGTGGGCTGGGACAG
ACTCACTCTCACCATCAGCAGGCTGGAGCTGAAGATTTGCACTGTATTACT
TGTCAGCAGTATGGTGGCTCACTCTCACTTTCCGGCGGAGGACCAAGGTGG
AGATCAAA

FIG. 17B

GAAATTGTGTTGACACAGTCTCCAGGCACCCCTGTCTTGTCTCCAGGGAAAG
AGCCACCCCTCTCCTGCAGGGCCAGTCAGAGTGTGGCAGCAGCTACTTAGCCT
GGTACCAGCAGAACTGGCCAGGCTCCAGGCTCCTCATCTATGTTGATATCC
AGCAGGGCCACTGGCATCCAGCAGGTTCACTGGCAGTGGGCTGGGACAG
ACTCACTCTCACCATCAGCAGGCTGGAGCTGAAGATTTGCACTGTATTACT
TGTCAGCAGTATGGTGGCTCACTCTCACTTTCCGGCGGAGGACCAAGGTGG
AGATCAAA

FIG. 17Z

GAAATTGTGTTGACACAGTCTCCAGGCACCCCTGTCTTGTCTCCAGGGAAAG
AGCCACCCCTCTCCTGCAGGGCCAGTCAGAGTGTGGCAGCAGCTACTTAGCCT
GGTACCAGCAGAACTGGCCAGGCTCCAGGCTCCTCATCTATGTTGATATCC
AGCAGGGCCACTGGCATCCAGCAGGTTCACTGGCAGTGGGCTGGGACAG
ACTCACTCTCACCATCAGCAGGCTGGAGCTGAAGATTTGCACTGTATTACT
TGTCAGCAGTATGGTGGCTCACTCTCACTTTCCGGCGGAGGACCAAGGTGG
AGATCAAA

FIG. 17C

GAAATTGTGTTGACACAGTCTCCAGGCACCCCTGTCTTGTCTCCAGGGAAAG
AGCCACCCCTCTCCTGCAGGGCCAGTCAGAGTGTGGCAGCAGCTACTTAGCCT
GGTACCAGCAGAGACTGGCCAGGCTCCAGGCTCCTCATCTATGTTGATATCC
CAGCAGGGCCACTGGCATCCAGCAGGTTCACTGGCAGTGGGCTGGGACAG
GACTTCACTCTCACCATCAGCAGGCTGGAGCTGAAGATTTGCGGTTTATTAT
CTGTCAGCAGTATGGTAACTCACTCCACTTTCCGGCGGAGGACCAAGGTGG
GAGATCAAA

FIG. 17AA

GAAATTGTGTTGACACAGTCTCCAGGCACCCCTGTCTTGTCTCCAGGGAAAG
AGCCACCCCTCTCCTGCAGGGCCAGTCAGAGTGTGGCAGCAGCTACTTAGCCT
GGTACCAGCAGAACTGGCCAGGCTCCAGGCTCCTCATCTATGTTGATATCC
CAGGGCCACTGGCATCCAGCAGGTTCACTGGCAGTGGGCTGGGACAG
TCACTCTCACCATCAGCAGGCTGGAGCTGAAGATTTGCACTGTATTACTG
TCAGCAGGTAGCAACTGGCCACTTTCCGGCGGAGGACCAAGGTGGAGT
AAA

FIG. 17DD

GAAATTGTGTGACACAGTCTCCAGCCACCCTGTGCTTCCAGGGGAAAAG
AGCCACCCTCTCTGAGGGCCAGTCAAGTGTAGGAGCTTCTTAGCCTGGT
ACCAACAGAAAGCTGGCCAGCTCCAGGCTCCTATTATGATACATCCAA
GAGGCCACTGGCACTCCAGACAGGTTCAAGTGGCAGTGGTCTGGGACAGAC
TTCACCTCACCATCAGCAGCTAGAACCCTGAAGATTTTGCAGTGTATTACTG
TCAGCAGGTAGCAGCTGGCCCTCACTTTCGGCGGAGGGACCAAGTGGGAG
ATCAAA

FIG. 17EE

CAGTCTGCCTGACTCAGCCTGCCTCCGCTGGTCTCTGGACAGTCGAT
CACCATCTCCTGCACTGGAAACCAGCAGTGAACCTTGGTGTATAAGTATGCT
CCTGGTACCAACAGCACCCAGGCAAGCCCAAGCCCAACTATAAATTATGATGT
CACCATGGCCCTCAGGGGTTCTAAGGCTCTCTGGCTCAAAGTCTGGCA
ACAAGGCTCCTGACCATCTCTGGGCTCCAGGCTGAGGACAGGCTGATTAT
TACTGCAATTCATATACAGCAGGAGCACTCCCTCTTCGGCGGAGGGACCA
AGGTGACCGTCTTA

FIG. 18A

GAAATTGTGTGACACAGTCTCCAGCCACCCTGTCTTCCAGGGGAAAAG
AGCCACCCTCTCTGAGGGCCAGTCAAGTGTAGGAGCTTCTTAGCCTGGT
ACCAACAGAAACCTGGCCAGGCTCCAGGCTCCTATCTATGATGATCCAA
CAGGGCCACTGGCATCCAGCCAGTTCAGTGGCAGTGGTCTGGGACAGAC
TTCACCTCACCATCAGCAGCTAGAGCCTGAAGATTTTGCAGTGTATTACTG
TCAGCAGGTAGCAACTGGCCCTCAGTCACTTTCGGCAAGGACAGCAGCTG
GAGATTA

FIG. 17FF

TCTTCTGAGCTGACTCAGGACCTGCTGTGCTGTGGCTTGGGACAGACGT
CAGGATCACATGCCAAGGAGACAGCCTCAGAAGCTATTATGAAAGCTGGTAC
CAGCAGAAAGCCAGGACAGCCCTGTACTTGTATCTATGGTAAAACTACC
GGCCCTCAGGATCCAGCAGCAGTCTCTGGCTCCAGCTCAGGAAACACAGC
TTCTTGCACCATCACTGGGGCTCAGGGGGAAGATGAGGCTGACTATTACTGTA
ACTCCGGGACAGCAGTGGTAAACATTGGTGTTCGGCGGAGGGACCAAGCT
GACCGTCTTA

FIG. 18B

GACATCCAGATGACCCAGTCTCCATCCTTCTGTGCTGATCTGTAGGAGACAG
AGTCACCATCTCTTGGCCGCAAGTCAAGACATTGACAGCTATATAAATTGGT
ATCAGCAGAAACCAGGGAAGCCCTAAGCTCCTGATCTATGCTGATCCAG
TTTGCAACGTGGGTCCCATCAAGGTTCAAGTGGCAGTGGATCTGGGACAGAT
TTCACCTCACCATCAGCAGTCTCAAACTGAAGATTTTGCAGTGTATTACTG
TCAACAGACTTACAGCACCTCACTTTCGGCGGAGGGACCAAGTGGAGATC
AAA

FIG. 17GG

CAGCTTGTGCTGACTCAATCGCCCTGCTGCTCCCTGGGACCTCGGT
CAAGCTCACCTGCACTCTGAGCAGTGGCCACAGCAGTTACCCATCGCATGG
CATCAGCAACAGCCAGAGAGAGCCCTGGTACTTGTATGAACTTAAATGATG
ATGGCAGCACAGCAAGGGGGAAGGGGCTGCTGCTTCTCAGGCTCCAG
CTCTGGGCTGAGGCTACTCAACATCTCCAGCCTCAGGCTGAGGATGAGG
CTGACTTACTGTCACTTGGGACACTGGCAGGTTGTTCGGCGGAGGGAC
CAAGTTGACCGTCTG

FIG. 18C

QVQLVQSGAEVKKPGASVRVSKAXGYKFTGSYIHVWRQAPGQGLEWMGRINP
NNGVTINYAQIFQDRVTMTTRDTSITTAAYMELSSLRSDDTAVYYCARDMIVDTFAV
GCDSWGQGLVTVSS

FIG. 19A

CAGGCTGTGGTACTCAGGAGCCCTCACTGACTGTGTCCCGAGGGGACAG
TCACTCTCACTGTGACTCCAGCACTGGAGCTGTCAACAGTGGTCAATATCC
TACTGGCTCCAGCAGAGCCCTGGCAAGCCCAAGGACACTCAATTAAGATA
CAGATAACAAGCACTCTGGACACTGGCCGGTCTCAGGCTCCCTCTGGG
GGCAAAGCTGCCCTGACCCCTTCGGGTGGCCAGCCTGAGGATGAGGCTGAGT
ATTACTCTCGCTCTGTATAGTCTGTTGGGTGTTCCGGCGGAGGGACCAAG
CTGACCGTCTTA

FIG. 18D

QVQLVQSGAEVKKPGASVKVSKASGYSFSSNYMHVWRQAPGEGLEWMIINP
KGGTTSYAQKFGQGRVITAAADKFTNSAYMEPSLSRVEDTAVYFCARAKPFSWSPDI
WQQTIVTVSS

FIG. 19B

QVQLVESGGGVVQPGRSRLRSLCAASGFTFSNYAMHWVWRQAPGKLEWVAVISY
DGSNKYYADSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNSLRPEDTAVYYCARGGVAAFDY
WQGTILTVSS

FIG. 19E

EVQLVESGGGLVQPGGSLRLSCAASGFTFSYSMNWVRQAPGKLEWVSISSSS
SYIYADSVKGRFTISRDNKNSLYLQMNSLRRAEDTAVYYCARDHPNYDSSGL
FDYWQGTILTVSS

FIG. 19C

QVQLVESGGGVVQPGRSRLRSLCAASGFTFSNYAMHWVWRQAPGKLEWVAVISY
DGSNKYYADSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNSLRPEDTAVYYCARGGVAAFDY
WQGTILTVSS

FIG. 19F

QVQLVESGGGVVQPGRSRLRSLCAASGFTFSNYAMHWVWRQAPGKLEWVAVISY
DGSNKYYADSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNSLRPEDTAVYYCARGGVAAFDY
WQGTILTVSS

FIG. 19D

QVQLVESGGGVVQPGRSRLRSLCAASGFTFSNYAMHWVWRQAPGKLEWVAVISY
DGSNKYYADSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNSLRPEDTAVYYCARGGVAAFDY
WQGTILTVSS

FIG. 19G

QVQLVESGGGVVQPGRSRLRSLCAASGFTFSNYAMHWVWRQAPGKLEWVAVISY
DGSNKYYADSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNSLRPEDTAVYYCARGGVAAFDY
WQGTILTVSS

FIG. 19H

QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGTFSSYYAMHWVRQAPGKGLEWVAVISY
DGSNKYYADSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNSLRPEDTAVYYCARGGVAAPDY
WGQGLVTVSS

FIG. 19I

QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGTFSSNFMHWVRQAPGKGLEWVALISY
DGSNKNYADSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNSLRRAEDTAVYYCMVVGAFDYWG
QGLTVTVSS

FIG. 19M

QVQLVESGGAMVQPGRSLRLSCAASGTFSSYYAMHWVRQAPGKGLEWVAVISY
DGSNKYYADSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNSLRPEDTAVYYCARGGVAAPDY
WGQGLVTVSS

FIG. 19J

QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGTFSSNFMHWVRQAPGKGLEWVALISY
DGSNKNYADSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNSLRVEDTAVYYCMVVGAFDYWG
QGLTVTVSS

FIG. 19N

QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGTFSSYYAMVWVRQAPGKGLEWVAVISN
DGSNKYYADSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNSLRVEDTAVYYCARLGYWGP
LTVSS

FIG. 19K

QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGTFSSNFMHWVRQAPGKGLEWVAISYD
GSKNYADSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNSLTTEDTAVYYCAIVGPEYRGGQ
GLTVTVSS

FIG. 19O

QVQLVESGGGVVQPGRSLRLSCAASGTFSSNFMHWVRQAPGKGLEWVALISY
DGSNKYYTDSVKGRFTISRDNKNTLYLQMNSLRPEDTAVYYCMVVGAFDYWG
QGLTVTVSS

FIG. 19L

QVQLQESGPGLVKPKSETLSLTCTVSGGSSISSYYWSWIRQPPGKLEYIGYIYSSGS
TDYNPSLKSRVTISVDTSNQLKLSVTAADTAVYYCARSPVIRPAMDVWVG
GTTVTVSS

FIG. 19P

DIQMTQSPSSLSVSGDRVTITCRASQITMYLNWYQKPKGKAPKLLIYAGSSLP
GVPPRFSGSGSDFTLTISLQPEDVATYYCQYNSAPLTFGGGTVEIK

FIG. 20A

DIVMTQSPSLPVTGEPASISCRSSQSLHNSNGYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
SNRASGVDRFSGSGSDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTPYTFGQGTLEI
K

FIG. 20E

DIQMTQSPSSLSASVSGDRVTITCRASQISSYLAWYQKPKGKAPKLLIYAATLQ
GVPPRFSGSGSDFTLTISLQPEDVATYYCQYNSAPLTFGGGTVEIK

FIG. 20B

DIVMTQSPSLPVTGEPASISCRSSQSLHNSNGYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
SNRASGVDRFSGSGSDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTPYTFGQGTLEI
K

FIG. 20F

DIQMTQSPITFLSASVSGDRVTITCRASQISRYLAWYQKPKGKAPKLLIYAATLQ
GVPPRFSGSGSDFTLTISLQPEDVATYYCQYNSAPLTFGGGTVEIK

FIG. 20C

DIVMTQSPSLPVTGEPASISCRSSQSLHNSNGYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
SNRASGVDRFSGSGSDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTPYTFGQGTLEI
K

FIG. 20G

DIVMTQSPSLPVTGEPASISCRSSQSLHNSNGYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
SNRASGVDRFSGSGSDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTPYTFGQGTLEI
EIK

FIG. 20D

DIVMTQSPSLPVTGEPASISCRSSQSLHNSNGYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
SNRASGVDRFSGSGSDFTLNISRVEAEDVGVYYCMQALQTPYTFGQGTLEI
K

FIG. 20H

DIVMTQSPPLSPVTPGEPASISCRSSQSLHTNGYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
SNRASGVDRFSGSGGTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALEPPTFGQGTKLEIK

FIG. 20I

DIVMTQSPPLSPVTPGEPASISCRSSQSLHNSGNYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
SNRASGVDRFSGSGGTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQSPPTFGGKVEIK

FIG. 20M

DIVMTQSPPLSVSPGEPASISCRSSQSLDSNGHNFLDWYLQKPGQSPQLLIFVGS
YRALGVDRFTGSGTDFTLKISRVEPEDVGVYYCMQGLQAPITFGQGTKLDIK

FIG. 20J

DIVMTQSPVSLAVTPGEPASISCRSSQSLHNSGNYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
STRASGVDRFSGSGGTDFTLKINRVEAEDVGVYYCMQALQSPPTFGGKVEIK

FIG. 20N

DIVMTQSPPLSLPVTGEPASISCRSSQSLHRNGHNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
SNRASGVDRFSGSGGTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTPPTFGGKVDIK

FIG. 20K

DIVMTQSPVSLAVTPGEPASISCRSSQSLHNSGNYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
KSTRASGVDRFSGSGGTDFTLKINRVEAEDVGVYYCMQALQSPPTFGGKVKQIK

FIG. 20O

DIVMTQSPPLSPVTPGEPASISCRSSQSLHSDGNYNYLDWYLQKPGQSPHLLIYLG
SNRASGVDRFSGSGGTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTPPTFGGKVDIK

FIG. 20L

DIVMTQSPPLSPVTPGEPASISCRSSQSLHNSGNNYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLA
SNRASGVDRFSGSGGTDFTLKISRVEPEDVGLYYCMQALQTPPTFGGSKVEIK

FIG. 20P

DIVMTQSPPLSPVTPGEPASISCRSSQSLHNSGNYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
SNRASGVDRFSGSVSGTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTPPTFGQTRLEIK

FIG. 20Q

DIVMTQSPPLSPVTPGEPASISCRSSQSLHTNGYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
SHRASGVDRFSGSGGTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTPPTFGQTRLEIK

FIG. 20U

DIVMTQSPPLSPVTPGEPASISCRSSQSLHNSGNYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
SNRASGVDRFSGSGGTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTPPTFGQTRLEIK

FIG. 20R

DIVMTQSPPLSPVTPGEPASISCRSQSLHNSGNYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
SNRASGVDRFSGSGGADFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTPPTFGQTRLEIK

FIG. 20V

DIVMTQSPPLSPVTPGEPASISCRSSQSLHNSGNYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
SNRASGVDRFSGSGGTDFTLEISRVEAEDVGVYYCMQALQTPPTFGQTRLEIK

FIG. 20S

DIVMTQSPPLSPVTPGEPASISCRSSQSLHTNGYNYLDWYVQKPGQSPQLLIYLG
SNRASGVDRFSGSGGTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTLITFGQTRLEIK

FIG. 20W

DIVMTQSPPLSPVTPGEPASISCRSSQSLHNSGNYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
SNRASGVDRFSGSGGTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQALQTRPPTFGQTRLEIK

FIG. 20T

DIVMTQSPPLSPVTPGEPASISCRSSQSLHNSGNYNYLDWYLQKPGQSPQLLIYLG
SNRASGVDRFSGSGGTDFTLKISRVEAEDVGVYYCMQAQDSPTFGQTRLEIN

FIG. 20X

DIVMTQSPFLSPVTPGEPASISCRSNQSVLHNGRHYLDWYLQKPGQSPQLLIYM
YFNRASGVDRFSGSGSGTDFLTLSRLEPEDFAVYYCQYGSPLTFGGGTVKVEIK

FIG. 20Y

EIVLTQSPATLSVSPGERATLSCRASQSVSSYLAWYQKPGQAPRLLIYDASNRAT
GIPARFSGSGSGTDFLTLSRLEPEDFAVYYCQQRSNWPLTFGGGTVKVEIK

FIG. 20CC

EIVLTQSPGTLSPGERATLSCRASQSVSSYLAWYQKPGQAPRLLIYGVSSRA
TGIPDRFSGSGSGTDFLTLSRLEPEDFAVYYCQYGSPLTFGGGTVKVEIK

FIG. 20Z

EIVLTQSPATLSVSPGERATLSCRASQSVSSYLAWYQKPGQAPRLLIYDASNRAT
GIPARFSGSGSGTDFLTLSRLEPEDFAVYYCQQRSNWPLTFGGGTVKVEIK

FIG. 20DD

EIVLTQSPGTLSPGERATLSCRASQSVGNLYAWYQQRPGRAPRLVMDPSSR
ATGIPDRFSGSGSGTDFLTLSRLEPEDFAVYYCQYGSPLTFGGGTVKVEIK

FIG. 20AA

EIVLTQSPATLSVSPGERATLSCRASQSVRSFLAWYQKPGQAPRLLIYDTSKRPT
GIPDRFSGSGSGTDFLTLSRLEPEDFAVYYCQQRSNWPLTFGGGTVKVEIK

FIG. 20EE

EIVLTQSPDTLSLSPGDRATLSCRASQSVSNLYAWYQKAGRAPSLIYDTSRRAT
DIPDRFSGSGSGTDFLTLSRLEPEDFAVYYCQYGSPLTFGGGTVKVEIK

FIG. 20BB

EIVLTQSPATLSVSPGERATLSCRASQSVSSYLAWYQKPGQAPRLLIYDASNRAT
GIPARFSGSGSGTDFLTLSRLEPEDFAVYYCQQRSNWPLTFGGGTVKVEIK

FIG. 20FF

DIQMTQSPFLSASVGDRTVSCRASQSIDSYINWYQKPGKAPKLLIYAASSLQR
GVPSRFSGSGSGTDFLTLSRLEPEDFAVYYCQYGSPLTFGGGTVKVEIK

FIG. 20GG

QSALTQPAVSVSGSPGQSIITISCTGTSDDVGGYKYVSWYQHPGKAPKLLIYDVTNR
PSGVSKRFGSGKSGNTASLTISGLQAEDEADYYCQYGSPLTFGGGTVKVEIK

FIG. 21A

SSELTQDPAVSVALGQTVRITCQGDLSRYYASWYQKPGQAPVLIYKKNYRP
SGIPDRFSGSSGNTASLTITGAQAEDEADYYCQYGSPLTFGGGTVKVEIK

FIG. 21B

QLVLTQSPASASLGAVKLTCTLSSGHSSYAIAWHQQPEKGPRYLMNLSNDSGS
HSKGDGVDRFSGSSGAERYLTISLQSEDEADYYCQYGSPLTFGGGTVKVEIK

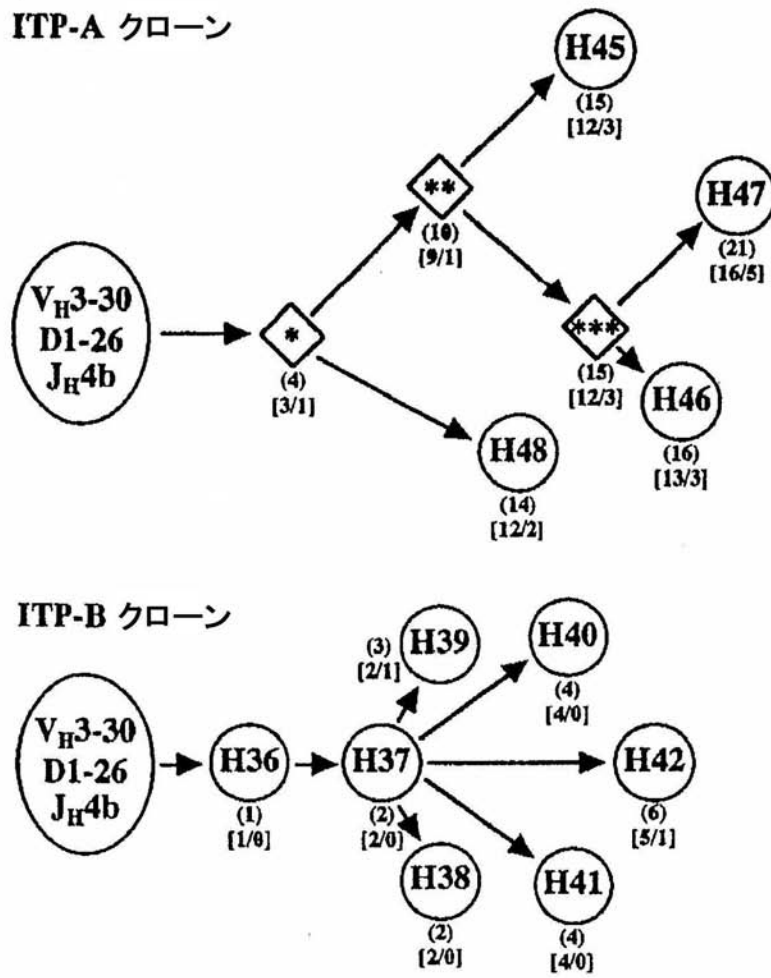
FIG. 21C

QAVVTQEPFLTVSPGGTVTLTCDSSGAVTSGHYPYWLQKPGQAPRLLIYDTH
NKHSWTPGRFSGSLGKAALITLGAQPEDEAEBYCSLSYSAVWVFGGGTVKVEIK

FIG. 21D

【 図 2 B 】

FIG. 2B



【 図 3 A - B 】

FIG. 3A

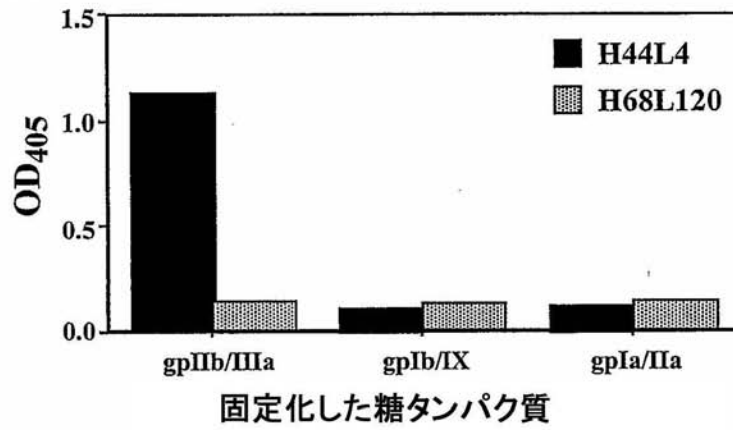
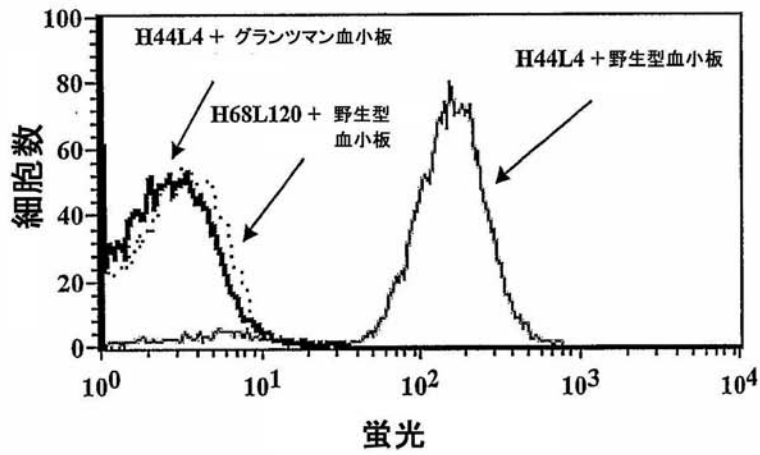


FIG.3B



【 図 4 】

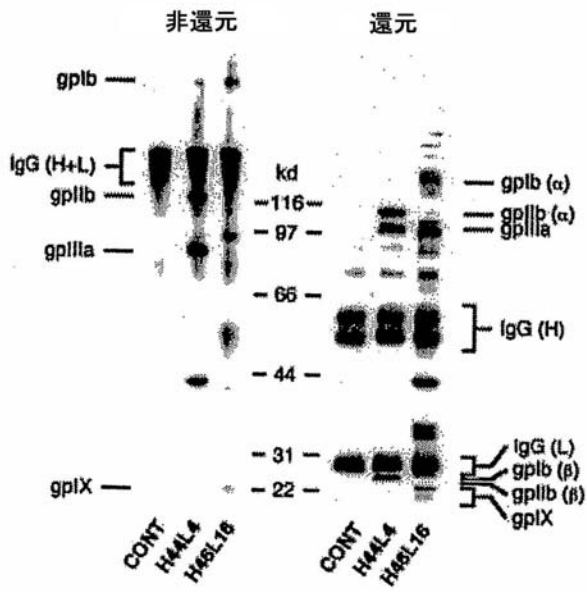


FIG. 4

【 図 6 A - B 】

FIG. 6A

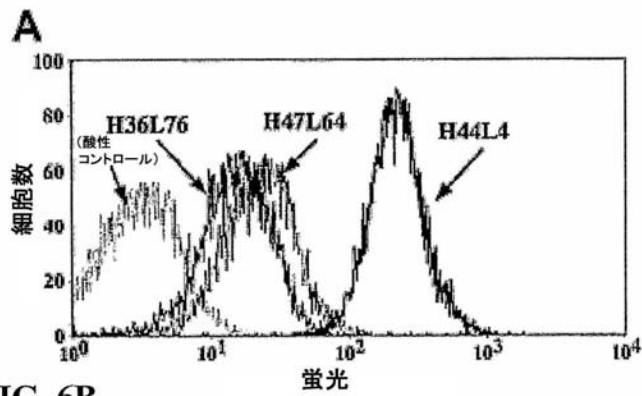


FIG. 6B

B

ファミリー		V _H 3			
		3-30			
生殖細胞系遺伝子		H36	H47	H44	
V _k 3	L6	L76	18	4	4
	A27	L64	6	29	4
V _k 1	O2/O12	L4	5	7	244

【 図 7 A - B 】

FIG. 7A

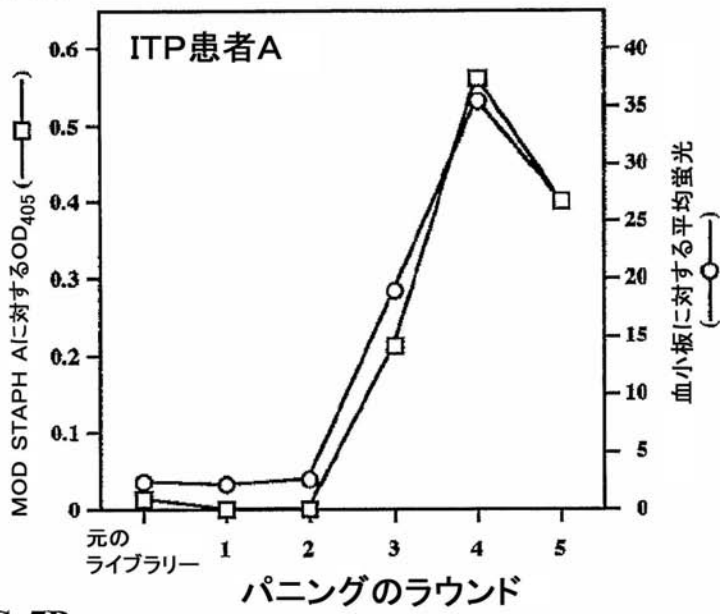
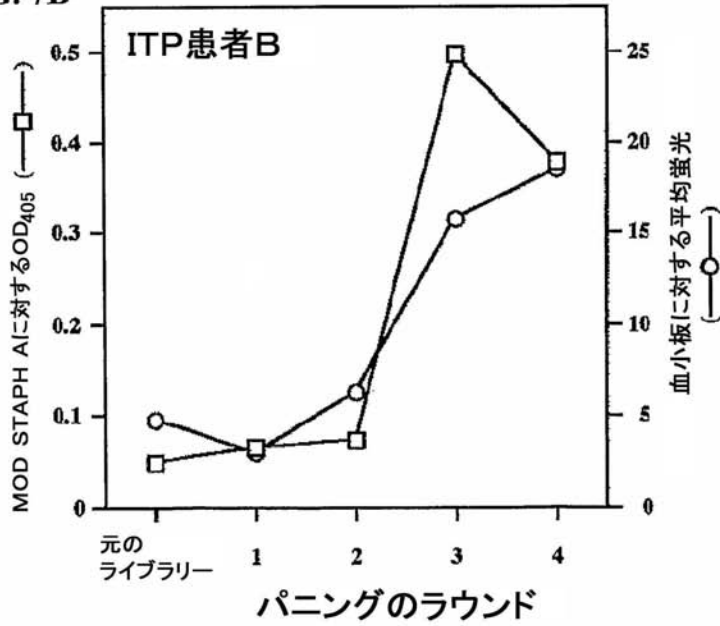


FIG. 7B



【 図 8 】



FIG. 8

【 図 1 0 】

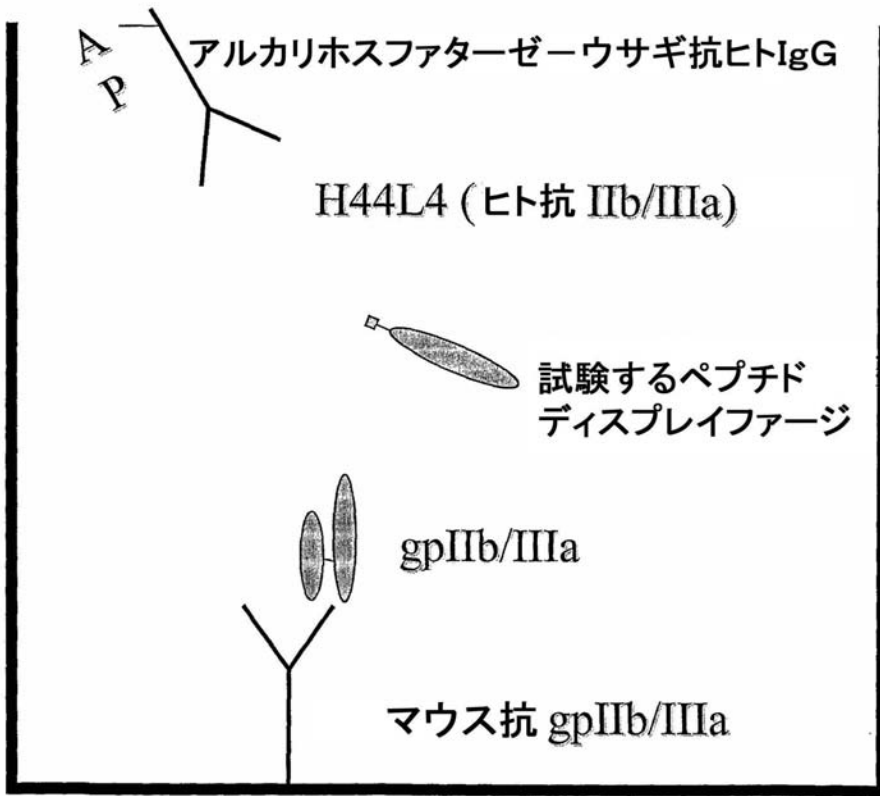
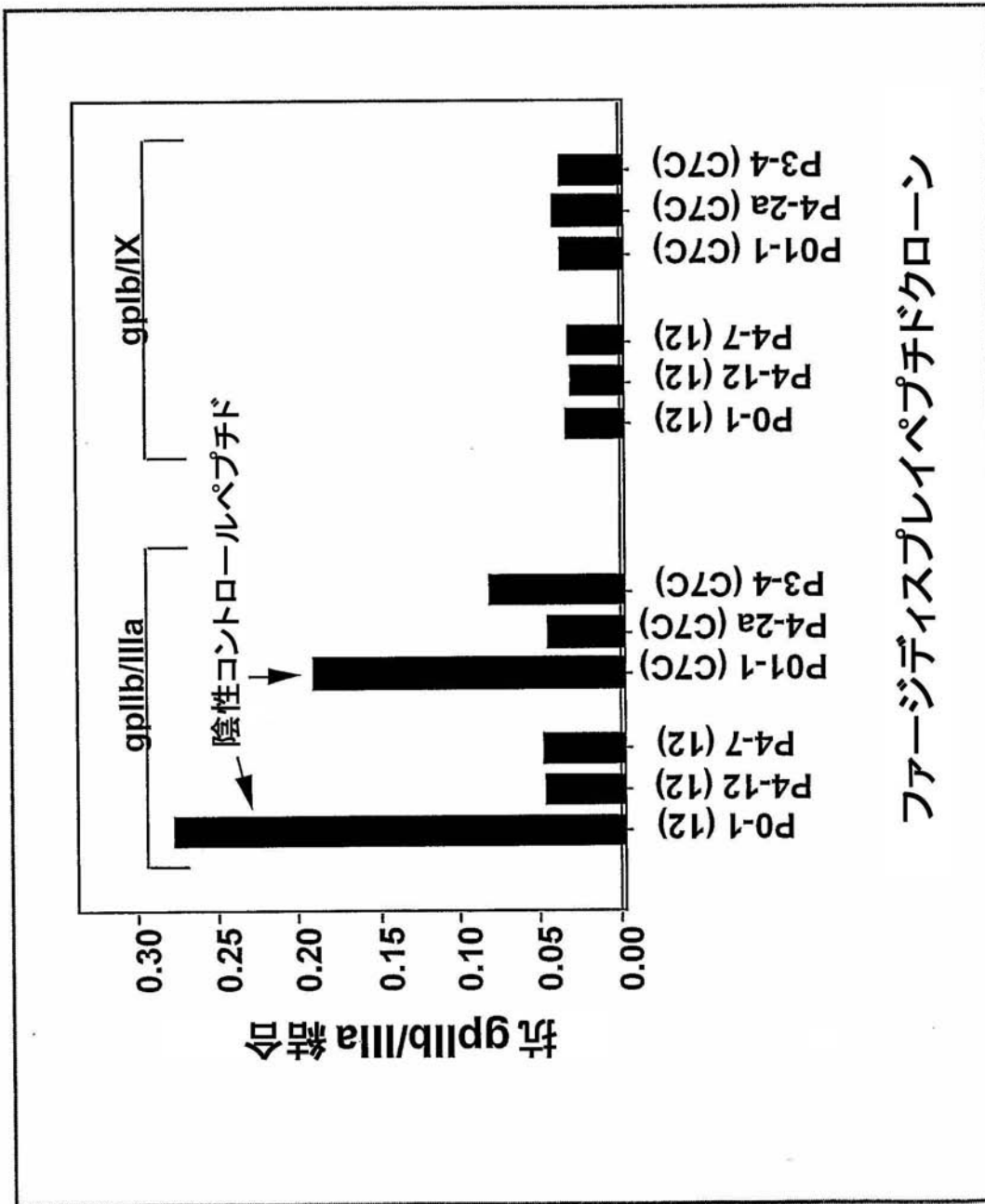


FIG. 10

【 図 1 1 】



フアージディスプレイペプチドクローン

FIG. 11

【 図 1 2 】

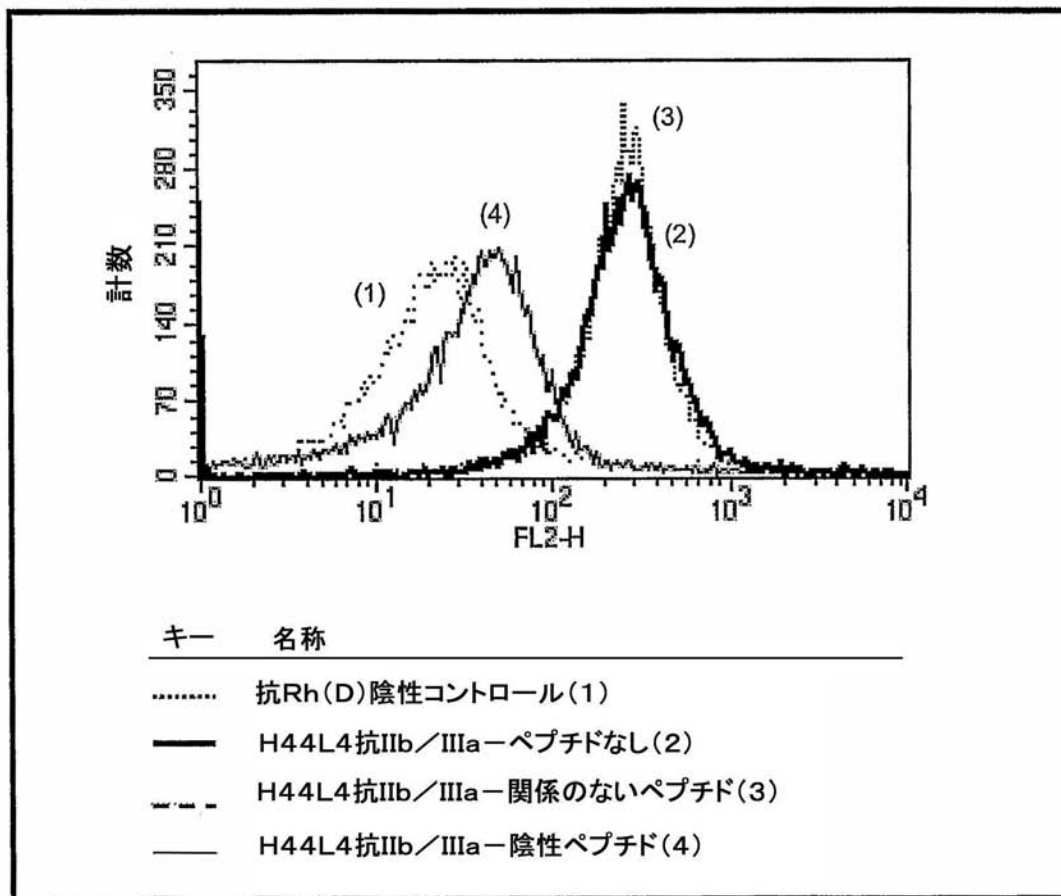
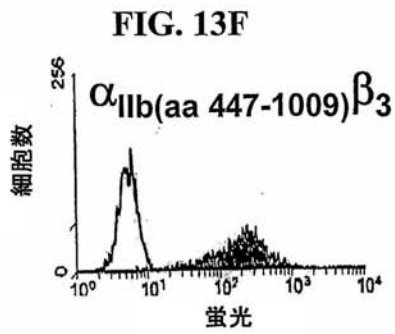
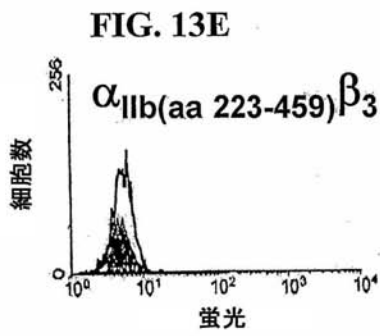
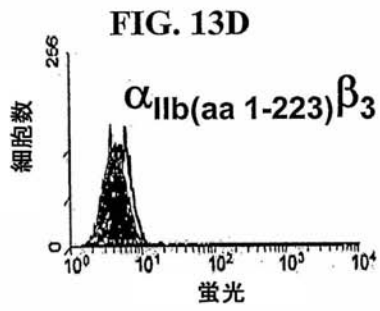
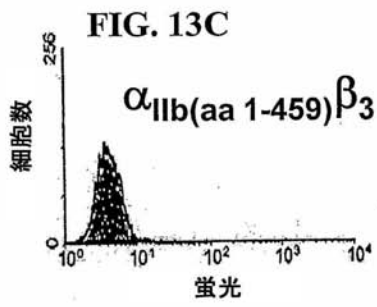
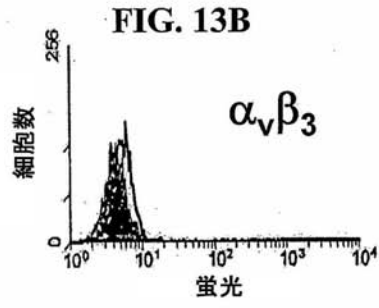
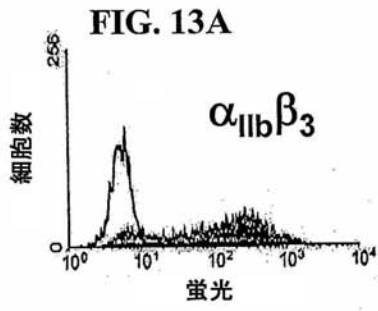


FIG. 12

【 図 1 3 A - F 】



【 図 1 4 】

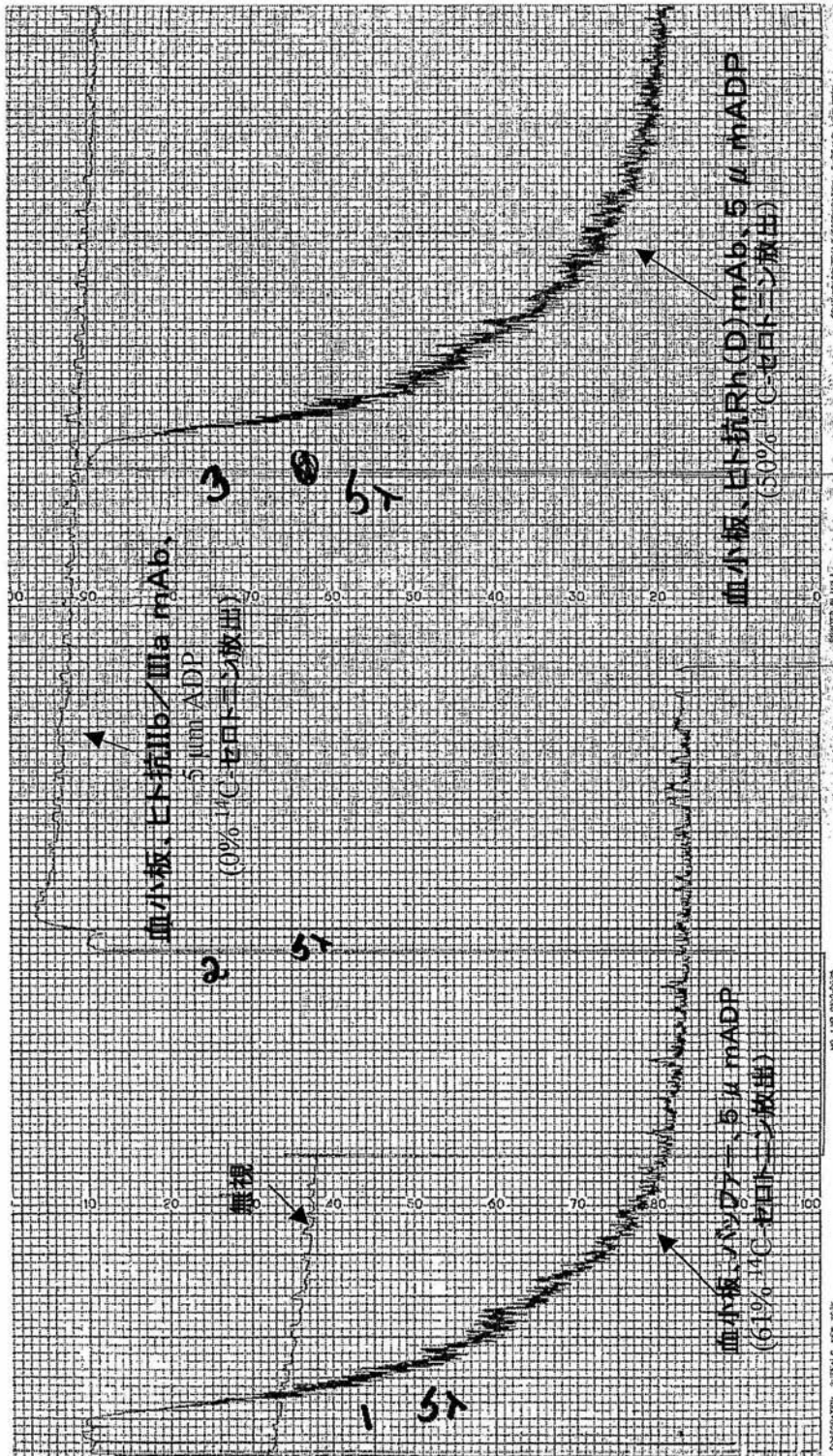


FIG. 14

【 図 15 】

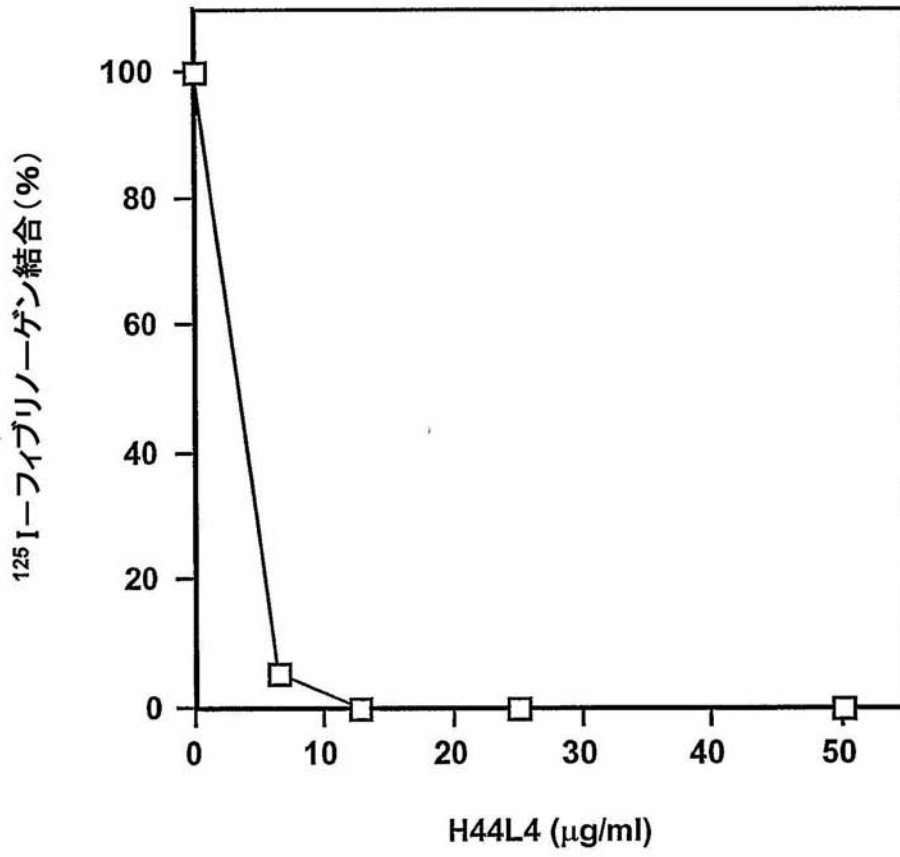


FIG. 15

【 国際調査報告 】

INTERNATIONAL SEARCH REPORT		International application No. PCT/US03/21304										
A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER IPC(7) : A61K 39/395; 38/00; C07K 2/00, 16/28; C12N 15/13 US CL : 424/142.1, 143.1; 514/2; 530/300, 388.22; 536/23.53 According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC												
B. FIELDS SEARCHED Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols) U.S. : 424/142.1, 143.1; 514/2; 530/300, 388.22; 536/23.53 Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used) Please See Continuation Sheet												
C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT												
Category *	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.										
Y	JACOBIN et al. Human IgG Monoclonal Anti-alpha1beta3-Binding Fragments Derived From Immunized Donors Using Phage Display. The Journal of Immunology, 2002, Vol. 168, pages 2035-2045, see entire document.	1-61										
Y	US 5,885,793 A (GRIFFITHS et al.) 23 March 1999 (23.03.1999), see entire document.	1-61										
<input type="checkbox"/> Further documents are listed in the continuation of Box C. <input type="checkbox"/> See patent family annex.												
* Special categories of cited documents: <table border="0"> <tr> <td>"A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance.</td> <td>"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention</td> </tr> <tr> <td>"B" earlier application or patent published on or after the international filing date</td> <td>"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone</td> </tr> <tr> <td>"L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)</td> <td>"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art</td> </tr> <tr> <td>"O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means</td> <td>"Z" document member of the same patent family</td> </tr> <tr> <td>"P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed</td> <td></td> </tr> </table>			"A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance.	"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention	"B" earlier application or patent published on or after the international filing date	"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone	"L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)	"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art	"O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means	"Z" document member of the same patent family	"P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed	
"A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance.	"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention											
"B" earlier application or patent published on or after the international filing date	"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone											
"L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)	"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art											
"O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means	"Z" document member of the same patent family											
"P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed												
Date of the actual completion of the international search 17 March 2004 (17.03.2004)		Date of mailing of the international search report 09 APR 2004										
Name and mailing address of the ISA/US Mail Stop PCT, Attn: ISA/US Commissioner for Patents P.O. Box 1450 Alexandria, Virginia 22313-1450 Facsimile No. (703) 872-9306		Authorized officer Ron Schwadron, Ph.D. <i>J.D.R. for</i> Telephone No. 572-272-1600										

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

PCT/US03/21304

Continuation of B. FIELDS SEARCHED Item 3:

WEST 2.1, MEDICINE/BIOTECH (compendium databases on DIALOG) search terms: inventor names, phage, display, autoantibod?, platelet?, gp?

フロントページの続き

(51) Int.Cl.		F I	テーマコード(参考)
C 0 7 K 16/46 (2006.01)		A 6 1 K 45/00	4 C 0 8 5
C 1 2 P 21/08 (2006.01)		A 6 1 P 7/02	4 H 0 4 5
C 1 2 Q 1/70 (2006.01)		A 6 1 P 7/04	
G 0 1 N 33/15 (2006.01)		C 0 7 K 16/46	
G 0 1 N 33/50 (2006.01)		C 1 2 P 21/08	
G 0 1 N 33/53 (2006.01)		C 1 2 Q 1/70	
A 6 1 K 38/00 (2006.01)		G 0 1 N 33/15	Z
		G 0 1 N 33/50	Z
		G 0 1 N 33/53	N
		A 6 1 K 37/02	

(81) 指定国 AP(GH, GM, KE, LS, MW, MZ, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), EA(AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), EP(AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HU, IE, IT, LU, MC, NL, PT, RO, SE, SI, SK, TR), OA(BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG), AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, DZ, EC, EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, M W, MX, MZ, NO, NZ, OM, PH, PL, PT, RO, RU, SC, SD, SE, SG, SK, SL, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, YU, ZA, ZM, ZW

Fターム(参考) 4B024 AA01 AA11 BA44 BA61 CA02 DA06 DA20 EA03 GA04 GA11
 GA14 HA08 HA11
 4B063 QA01 QA18 QA19 QQ03 QQ10 QQ79 QQ96 QR48 QR72 QR77
 QR79 QR80 QS03 QS28 QS34 QS36 QS38 QS39 QX01
 4B064 AG27 CA19 CC24 DA01 DA13
 4C084 AA02 AA19 BA01 BA08 BA23 MA02 NA05 NA14 ZA54
 4C085 AA13 AA14 AA21 BB50 CC22 CC23 EE01 EE03
 4H045 AA11 AA20 AA30 BA09 CA40 DA76 EA20 EA50 FA74

专利名称(译)	与抗血小板自身抗体及其抑制剂有关的组合物，方法和试剂盒		
公开(公告)号	JP2006500008A	公开(公告)日	2006-01-05
申请号	JP2004520006	申请日	2003-07-03
[标]申请(专利权)人(译)	宾夕法尼亚大学		
申请(专利权)人(译)	受托人易用性的宇宙DF宾夕法尼亚		
[标]发明人	シーゲルドナルドエル		
发明人	シーゲル, ドナルド・エル		
IPC分类号	C12N15/09 A61K39/395 A61K45/00 A61P7/02 A61P7/04 C07K16/46 C12P21/08 C12Q1/70 G01N33/15 G01N33/50 G01N33/53 A61K38/00 C07K16/00 C07K16/28 C07K16/42 C12N15/13 G01N33/567 G01N33/68 G01N33/86		
CPC分类号	G01N33/86 A61K2039/505 C07K16/005 C07K16/28 C07K16/2848 C07K2317/21 C07K2317/55 C07K2317/56 C07K2317/76 G01N33/6854 G01N2500/02 Y10S424/80 Y10S424/801 Y10S424/809 Y10S530/866 Y10S530/867		
FI分类号	C12N15/00.ZNA.A A61K39/395.C A61K39/395.D A61K39/395.L A61K39/395.N A61K45/00 A61P7/02 A61P7/04 C07K16/46 C12P21/08 C12Q1/70 G01N33/15.Z G01N33/50.Z G01N33/53.N A61K37/02		
F-TERM分类号	2G045/AA34 2G045/AA35 2G045/DA13 2G045/DA36 2G045/FB02 2G045/FB03 4B024/AA01 4B024/AA11 4B024/BA44 4B024/BA61 4B024/CA02 4B024/DA06 4B024/DA20 4B024/EA03 4B024/GA04 4B024/GA11 4B024/GA14 4B024/HA08 4B024/HA11 4B063/QA01 4B063/QA18 4B063/QA19 4B063/QQ03 4B063/QQ10 4B063/QQ79 4B063/QQ96 4B063/QR48 4B063/QR72 4B063/QR77 4B063/QR79 4B063/QR80 4B063/QS03 4B063/QS28 4B063/QS34 4B063/QS36 4B063/QS38 4B063/QS39 4B063/QX01 4B064/AG27 4B064/CA19 4B064/CC24 4B064/DA01 4B064/DA13 4C084/AA02 4C084/AA19 4C084/BA01 4C084/BA08 4C084/BA23 4C084/MA02 4C084/NA05 4C084/NA14 4C084/ZA54 4C085/AA13 4C085/AA14 4C085/AA21 4C085/BB50 4C085/CC22 4C085/CC23 4C085/EE01 4C085/EE03 4H045/AA11 4H045/AA20 4H045/AA30 4H045/BA09 4H045/CA40 4H045/DA76 4H045/EA20 4H045/EA50 4H045/FA74		
优先权	60/394352 2002-07-03 US 60/411694 2002-09-18 US		
其他公开文献	JP4660189B2		
外部链接	Espacenet		

摘要(译)

本发明涉及鉴定和产生抗血小板自身抗体的新方法。更优选地，本发明涉及人单克隆抗血小板自身抗体的鉴定和生产。此外，本发明涉及产生和鉴定与血小板或血小板组分结合的抗血小板自身抗体抑制剂的方法。此外，本发明涉及治疗由抗血小板自身抗体介导的疾病，病症或病症的方法，所述抗血小板自身抗体特异性结合血小板或其组分，例如但不限于特发性血小板减少性紫癜，一种治疗或缓解症状的方法。

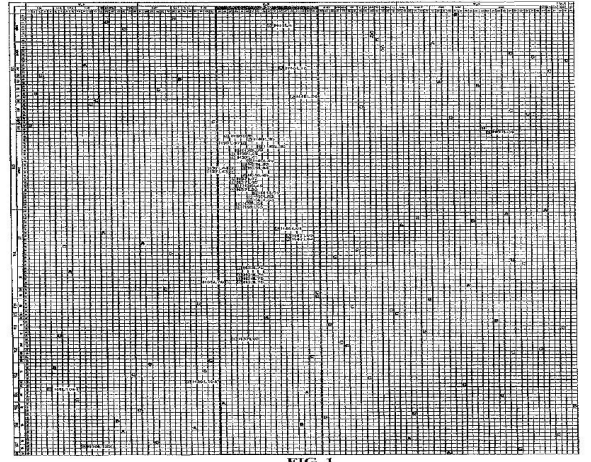


FIG. 1