

(19) 日本国特許庁(JP)

## (12) 公表特許公報(A)

(11) 特許出願公表番号

特表2010-504102  
(P2010-504102A)

(43) 公表日 平成22年2月12日(2010.2.12)

(51) Int.Cl.	F 1	テーマコード (参考)
<b>C 12 N 15/09</b> (2006.01)	C 12 N 15/00	A 2 G 04 5
<b>C 12 Q 1/02</b> (2006.01)	C 12 Q 1/02	A 4 B 02 4
<b>C 12 Q 1/68</b> (2006.01)	C 12 Q 1/68	A 4 B 06 3
<b>A 61 P 1/18</b> (2006.01)	A 61 P 1/18	A 4 C 08 4
<b>A 61 P 29/00</b> (2006.01)	A 61 P 29/00	A 4 C 08 6

審査請求 未請求 予備審査請求 未請求 (全 146 頁) 最終頁に続く

(21) 出願番号	特願2009-529373 (P2009-529373)	(71) 出願人	509078609 アシュラジョン インコーポレイテッド アメリカ合衆国 テキサス州 オースティン ウッドワード ストリート 2150 スイート 100
(86) (22) 出願日	平成19年9月19日 (2007.9.19)	(74) 代理人	100102978 弁理士 清水 初志
(85) 翻訳文提出日	平成21年5月12日 (2009.5.12)	(74) 代理人	100119507 弁理士 刑部 俊
(86) 國際出願番号	PCT/US2007/078936	(74) 代理人	100128048 弁理士 新見 浩一
(87) 國際公開番号	W02008/036765	(74) 代理人	100129506 弁理士 小林 智彦
(87) 國際公開日	平成20年3月27日 (2008.3.27)	(74) 代理人	100130845 弁理士 渡邊 伸一
(31) 優先権主張番号	60/826,173		
(32) 優先日	平成18年9月19日 (2006.9.19)		
(33) 優先権主張国	米国(US)		

最終頁に続く

(54) 【発明の名称】 脾臓疾患で差別的に発現されるマイクロRNAおよびその使用

## (57) 【要約】

本発明は、脾臓疾患などの特定の状態のmiRNAプロファイルを同定するため、および患者の状態の評価において該プロファイルを使用するための方法および組成物に関する。

**【特許請求の範囲】****【請求項1】**

患者に由来する試料における1種または複数種のmiRNAの発現プロファイルを測定する段階を含む、患者の状態を診断する方法であって、患者に由来する試料における発現プロファイルと正常試料の発現プロファイルの差が病理学的状態の指標であり、miRNAが  
hsa-let-7a, hsa-let-7b, hsa-let-7c, hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-  
7g, hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-101, hsa-miR-103, hsa-miR-106a, hsa-miR-  
106b, hsa-miR-107, hsa-miR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-  
miR-130b, hsa-miR-134, hsa-miR-140, hsa-miR-141, hsa-miR-143, hsa-miR-145,  
hsa-miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-150, hsa-miR-154, hsa-miR-  
155, hsa-miR-15b, hsa-miR-17-5p, hsa-miR-18a, hsa-miR-181b, hsa-miR-182, hsa-  
miR-186, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-  
19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-  
miR-21, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-221, hsa-  
miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-224, hsa-miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-25, hsa-  
miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27a, hsa-miR-27b, hsa-miR-28, hsa-miR-29a, hsa-  
miR-29b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-  
30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-31, hsa-miR-331, hsa-  
miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-375, hsa-miR-376a,  
hsa-miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-429, hsa-miR-93, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-  
miR-98, hsa-miR-99a, hsa-miR-99b, hsa-miR-452, hsa-miR-494, hsa-miR-497, miR-  
205, またはambi-miR-7105

である、方法。

**【請求項2】**

miRNAが  
miR-205, miR-  
29c, miR-216, miR-217, miR-375, miR-143, miR-145, miR-146a, miR-148a, miR-  
196b, miR-93, miR-96, miR-31, miR-210, miR-148b, miR-196a, miR-141, miR-18a,  
miR-203, miR-150, miR-155, miR-130b, miR-221, miR-222, miR-223, またはmiR-224

の1つまたは複数である、請求項1記載の方法。

**【請求項3】**

miRNAが、miR-196a、miR-217、またはmiR-196aとmiR-217の両方である、請求項2記載の  
方法。

**【請求項4】**

miRNAが

10

20

30

40

hsa-let-7a, hsa-let-7b, hsa-  
let-7c, hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-  
101, hsa-miR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-  
miR-141, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b,  
hsa-miR-150, hsa-miR-18a, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-199a hsa-miR-  
199a-AS, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c,  
hsa-miR-203, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-222,  
hsa-miR-223, hsa-miR-24, hsa-miR-25, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27b,  
hsa-miR-28, hsa-miR-29a, hsa-miR-29b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-  
30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p,  
hsa-miR-31, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-376a,  
hsa-miR-429, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-miR-98, hsa-miR-99a, hsa-miR-497, ま  
たはambi-miR-7105

10

であり、1種または複数種のmiRNAの発現の差が膵炎の指標である、請求項1記載の方法。

20

【請求項5】

患者試料中の1種または複数種のmiRNAの発現の上昇が膵炎の指標であり、miRNAが  
hsa-  
let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-143, hsa-  
miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-150, hsa-miR-18a, hsa-miR-199a, hsa-miR-199a-  
AS, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-24, hsa-miR-  
31, hsa-miR-99a, またはhsa-miR-497

30

である、請求項1記載の方法。

【請求項6】

患者試料中の1種または複数種のmiRNAの発現の低下が膵炎の指標であり、miRNAが  
hsa-

let-7a, hsa-let-7b, hsa-let-7c, hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-miR-  
101, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-141, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-  
miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b,  
hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-25, hsa-miR-26a,  
hsa-miR-26b, hsa-miR-27b, hsa-miR-28, hsa-miR-29a, hsa-miR-29b, hsa-miR-29c,  
hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-  
miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374,  
hsa-miR-376a, hsa-miR-429, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-miR-98, または  
ambi-miR-7105

40

である、請求項1記載の方法。

【請求項7】

1種または複数種のmiRNAの発現の差が膵臓癌の指標であり、miRNAが

hsa-let-7a, hsa-let-

7b, hsa-let-7c, hsa-let-7d, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-101, hsa-miR-103, hsa-miR-106b, hsa-miR-107, hsa-iR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-134, hsa-miR-140, hsa-miR-141, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-150, hsa-miR-154, hsa-miR-155, hsa-miR-18a, hsa-miR-181b, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-21, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-221, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-224, hsa-miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27a, hsa-miR-27b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-31, hsa-miR-331, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-375, hsa-miR-376a, hsa-miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-429, hsa-miR-93, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-miR-99b, hsa-miR-452, hsa-miR-494, hsa-miR-497, miR-205, またはambi-miR-7105

10

20

30

である、請求項1記載の方法。

【請求項8】

1種または複数種のmiRNAの発現の上昇が膵臓癌の指標であり、miRNAが  
hsa-let-7i, hsa-miR-

100, hsa-miR-103, hsa-miR-106b, hsa-miR-107, hsa-miR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-140, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-150, hsa-miR-155, hsa-miR-18a, hsa-miR-181b, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-203, hsa-miR-21, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-221, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-224, hsa-miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-27a, hsa-miR-31, hsa-miR-331, hsa-miR-93, hsa-miR-99b, hsa-miR-452, hsa-miR-497, またはambi-miR-7105

40

である、請求項1記載の方法。

【請求項9】

1種または複数種のmiRNAの発現の低下が膵臓癌の指標であり、miRNAが

hsa-let-7a, hsa-let-

7b, hsa-let-7c, hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-miR-101, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-134, hsa-miR-141, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-154, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-375, hsa-miR-376a, hsa-miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-429, hsa-miR-95, hsa-miR-96, または hsa-miR-494

である、請求項1記載の方法。

【請求項 1 0】

腎炎が、

hsa-let-7b, hsa-let-7e, hsa-miR-103,

hsa-miR-106a, hsa-miR-106b, hsa-miR-107, hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-141, hsa-miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-154, hsa-miR-155, hsa-miR-15b, hsa-miR-17-5p, hsa-miR-18a, hsa-miR-181b, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-203, hsa-miR-21, hsa-miR-210, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-221, hsa-miR-222, hsa-miR-224, hsa-miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-25, hsa-miR-27a, hsa-miR-28, hsa-miR-29a, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-331, hsa-miR-368, hsa-miR-375, hsa-miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-93, hsa-miR-452, hsa-miR-494, hsa-miR-497, または ambi-miR-7105

の1つまたは複数の発現の差によって、腎臓癌と区別される、請求項1記載の方法。

【請求項 1 1】

発現レベルが腎臓の疾患状態と相關する、1種または複数種のmRNAの発現プロファイルを測定する段階をさらに含む、請求項1記載の方法。

【請求項 1 2】

測定されるmRNAが、癌胎児性抗原関連細胞接着分子6のmRNA、サバイビンのmRNA、ムチン4のmRNA、およびウロキナーゼプラスミノーゲンアクチベーター受容体のmRNAからなる群より選択される、請求項11記載の方法。

【請求項 1 3】

1種または複数種のmRNAの発現プロファイルを測定する段階が、定量的逆転写PCR (qRT-PCR) による、請求項11記載の方法。

【請求項 1 4】

試料が、組織、血液、血清、血漿、または腎液の試料である、請求項1記載の方法。

【請求項 1 5】

試料が、新鮮であるか、凍結されているか、固定されているか、または包埋されている、請求項14記載の方法。

【請求項 1 6】

患者に由来する試料および正常試料が腎臓試料である、請求項1記載の方法。

【請求項 1 7】

10

20

30

40

50

病理学的状態が非癌性状態である、請求項1記載の方法。

【請求項 1 8】

非癌性状態が慢性膵炎である、請求項17記載の方法。

【請求項 1 9】

病理学的状態が癌性状態である、請求項1記載の方法。

【請求項 2 0】

病理学的状態が膵臓癌である、請求項19記載の方法。

【請求項 2 1】

膵臓癌が膵管腺癌 (PDAC) である、請求項20記載の方法。

【請求項 2 2】

患者から試料を得る段階をさらに含む、請求項1記載の方法。

【請求項 2 3】

試料由来のmiRNAを標識する段階をさらに含む、請求項22記載の方法。

【請求項 2 4】

標識したmiRNAを1種または複数種のmiRNAプローブにハイブリダイズさせる段階をさらに含む、請求項23記載の方法。

【請求項 2 5】

miRNAプローブが支持体に結合されている、請求項24記載の方法。

【請求項 2 6】

支持体が、ガラス、プラスチック、金属、またはラテックスである、請求項25記載の方法。

【請求項 2 7】

支持体が平面状である、請求項26記載の方法。

【請求項 2 8】

支持体がビーズである、請求項26記載の方法。

【請求項 2 9】

miRNAの発現が、増幅アッセイ法またはハイブリダイゼーションアッセイ法によって判定される、請求項1記載の方法。

【請求項 3 0】

増幅アッセイ法が定量的増幅アッセイ法である、請求項29記載の方法。

【請求項 3 1】

定量的増幅アッセイ法が定量的RT-PCRである、請求項30記載の方法。

【請求項 3 2】

ハイブリダイゼーションアッセイ法が、アレイハイブリダイゼーションアッセイ法または溶液ハイブリダイゼーションアッセイ法である、請求項29記載の方法。

【請求項 3 3】

診断する段階が、病理学的状態についてスクリーニングする段階、病理学的状態の予後を評価する段階、病理学的状態の病期を決定する段階、または処置に対する病理学的状態の反応を評価する段階である、請求項1記載の方法。

【請求項 3 4】

miRNAの配列を含む1種または複数種の核酸を膵臓細胞に接触させることによって、膵臓状態を処置する方法であって、内因性のmiRNAの発現が膵臓細胞で調節され、miRNAの配列が、

10

20

30

40

hsa-let-7a, hsa-let-7b, hsa-let-7c,  
hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-101,  
hsa-miR-103, hsa-miR-106a, hsa-miR-106b, hsa-miR-107, hsa-iR-10a, hsa-miR-  
125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-134, hsa-miR-140, hsa-  
miR-141, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b,  
hsa-miR-150, hsa-miR-154, hsa-miR-155, hsa-miR-15b, hsa-miR-17-5p, hsa-miR-  
18a, hsa-miR-181b, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-  
miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-  
200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-21, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-  
miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-221, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-224, hsa-  
miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-25, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27a, hsa-  
miR-27b, hsa-miR-28, hsa-miR-29a, hsa-miR-29b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p,  
hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-  
miR-30e-5p, hsa-miR-31, hsa-miR-331, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368,  
hsa-miR-374, hsa-miR-375, hsa-miR-376a, hsa-miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-429,  
hsa-miR-93, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-miR-98, hsa-miR-99a, hsa-miR-99b, hsa-  
miR-452, hsa-miR-494, hsa-miR-497, miR-205, またはambi-miR-7105

10

20

30

40

の1つまたは複数と少なくとも85%同一である、方法。

【請求項35】

miRNA配列が、修飾された核酸配列を含む、請求項34記載の方法。

【請求項36】

臍臓細胞が臍臓癌細胞である、請求項34記載の方法。

【請求項37】

第2の処置を実施する段階をさらに含む、請求項34記載の方法。

【請求項38】

第2の処置が、化学療法、放射線療法、手術、または免疫療法である、請求項37記載の方法。

【請求項39】

miRNAが核酸ベクターから転写される、請求項34記載の方法。

【請求項40】

ベクターがプラスミドベクターである、請求項39記載の方法。

【請求項41】

ベクターがウイルスベクターである、請求項39記載の方法。

【請求項42】

hsa-let-7a, hsa-let-7b, hsa-let-7c, hsa-let-7d, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-101, hsa-miR-103, hsa-miR-106b, hsa-miR-107, hsa-iR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-134, hsa-miR-140, hsa-miR-141, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-150, hsa-miR-154, hsa-miR-155, hsa-miR-18a, hsa-miR-181b, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-21, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-221, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-224, hsa-miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27a, hsa-miR-27b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-31, hsa-miR-331, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-375, hsa-miR-376a, hsa-miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-429, hsa-miR-93, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-miR-99b, hsa-miR-452, hsa-miR-494, hsa-miR-497, miR-205, または ambi-miR-7105

10 に対して少なくとも80%の核酸配列同一性を有する核酸セグメントを有する、有効量の1種または複数種の合成miRNA分子またはmiRNA阻害因子を対象に投与する段階を含む、対象の膀胱腺癌を処置する方法。

【請求項 4 3】

対象に、

(a)

hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-103, hsa-miR-106b, hsa-miR-107, hsa-miR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-140, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-150, hsa-miR-155, hsa-miR-18a, hsa-miR-181b, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-203, hsa-miR-21, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-221, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-224, hsa-miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-27a, hsa-miR-31, hsa-miR-331, hsa-miR-93, hsa-miR-99b, hsa-miR-452, hsa-miR-497, もしくは ambi-miR-7105

30 に対して少なくとも80%の核酸配列同一性を有する核酸セグメントを有する1種もしくは複数種のmiRNA阻害因子；および/または

(b)

40

30

10

20

hsa-let-7a, hsa-let-7b, hsa-let-7c,  
hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-miR-101, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-134, hsa-miR-141, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-154, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-375, hsa-miR-376a, hsa-miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-429, hsa-miR-95, hsa-miR-96, もしくは hsa-miR-494

10

に対して少なくとも 80% の核酸配列同一性を有する核酸セグメントを有する 1 種もしくは複数種の miRNA

が投与される、請求項 42 記載の方法。

20

【請求項 44】

hsa-let-7a, hsa-let-7b, hsa-let-7c, hsa-let-7d,  
hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-101, hsa-miR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-141, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-150, hsa-miR-18a, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-199a hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-24, hsa-miR-25, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27b, hsa-miR-28, hsa-miR-29a, hsa-miR-29b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-31, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-376a, hsa-miR-429, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-miR-98, hsa-miR-99a, hsa-miR-497, または ambi-miR-7105

30

に対して少なくとも 80% の核酸配列同一性を有する核酸セグメントを含む、有効量の 1 種または複数種の合成 miRNA 分子または miRNA 阻害因子を対象に投与する段階を含む、対象の慢性膵炎を処置する方法。

40

【請求項 45】

対象に、

(a)

hsa-let-7i, hsa-miR-100,  
hsa-iR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-143, hsa-miR-145,  
hsa-miR-146a, hsa-miR-150, hsa-miR-18a, hsa-miR-199a, hsa-miR-  
199a-AS, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-  
miR-24, hsa-miR-31, hsa-miR-99a, もしくは hsa-miR-497

に対して少なくとも80%の核酸配列同一性を有する核酸セグメントを有する1種もしくは  
複数種のmiRNA阻害因子；および/または

10

(b)  
hsa-let-7a, hsa-let-7b, hsa-let-7c,

hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-miR-101, hsa-miR-  
130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-141, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-  
miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a,  
hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-216, hsa-miR-  
217, hsa-miR-25, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27b, hsa-miR-  
28, hsa-miR-29a, hsa-miR-29b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-  
miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-  
3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-  
miR-374, hsa-miR-376a, hsa-miR-429, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-  
miR-98, もしくは ambi-miR-7105

20

に対して少なくとも80%の核酸配列同一性を有する核酸セグメントを有する1種もしくは  
複数種のmiRNA

30

が投与される、請求項44記載の方法。

【請求項46】

適切な容器手段中に、

hsa-let-7a, hsa-let-7b, hsa-let-7c,  
 hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-101,  
 hsa-miR-103, hsa-miR-106a, hsa-miR-106b, hsa-miR-107, hsa-iR-10a, hsa-miR-125a,  
 hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-134, hsa-miR-140, hsa-  
 miR-141, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b,  
 hsa-miR-150, hsa-miR-154, hsa-miR-155, hsa-miR-15b, hsa-miR-17-5p, hsa-miR-  
 18a, hsa-miR-181b, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-  
 miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-  
 200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-21, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-  
 miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-221, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-224, hsa-  
 miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-25, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27a, hsa-  
 miR-27b, hsa-miR-28, hsa-miR-29a, hsa-miR-29b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p,  
 hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-  
 miR-30e-5p, hsa-miR-31, hsa-miR-331, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368,  
 hsa-miR-374, hsa-miR-375, hsa-miR-376a, hsa-miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-429,  
 hsa-miR-93, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-miR-98, hsa-miR-99a, hsa-miR-99b, hsa-  
 miR-452, hsa-miR-494, hsa-miR-497, miR-205, またはambi-miR-7105

の1つまたは複数を含む、2種類または2種類以上のmiRNAハイブリダイゼーション用試薬または増幅用試薬を含む、試料についてmiRNAプロファイルを評価することによる病理学的試料の解析用のキット。

【請求項 4 7】

試料中のmiRNAを標識するための試薬をさらに含む、請求項46記載のキット。

【請求項 4 8】

標識用試薬が、少なくとも1種類のアミン修飾されたヌクレオチド、ポリ(A)ポリメラーゼ、およびポリ(A)ポリメラーゼ緩衝液を含む、請求項47記載のキット。

【請求項 4 9】

標識用試薬がアミン反応性色素を含む、請求項48記載のキット。

【請求項 5 0】

miRNAハイブリダイゼーション用試薬がハイブリダイゼーション用プローブを含む、請求項46記載のキット。

【請求項 5 1】

miRNA増幅用試薬が増幅用プライマーを含む、請求項46記載のキット。

【発明の詳細な説明】

【技術分野】

【0 0 0 1】

本出願は、参照により全体が本明細書に組み入れられる、2006年9月19日に出願された「MicroRNAs differentially expressed in pancreatic diseases and uses thereof」と題する米国仮特許出願第60/826,173号の優先権を主張する。

【0 0 0 2】

1. 発明の分野

本発明は一般に分子生物学の分野に関する。より具体的には本発明は、マイクロRNA(mRNA)分子を含む方法および組成物に関する。本発明のある局面は、膵臓癌の診断、処置

10

20

30

40

50

、および予後予測におけるmiRNAの応用を含む。

【背景技術】

【0003】

II. 背景

2001年に複数のグループがクローニング法を使用して、線虫 (*C. elegans*)、ショウジョウバエ (*Drosophila*)、ならびにヒトから多数の「マイクロRNA」(miRNA)を単離および同定した (Lagos-Quintana et al., 2001; Lau et al., 2001; Lee and Ambros, 2001)。内因性のsiRNAを有しないようである数百種類のmiRNAが、植物および動物（ヒトを含む）で同定されている。したがって、siRNAに似ているものの、miRNAは異なる。

【0004】

これまで同定されたmiRNAは、長さが約21～22ヌクレオチドであり、非タンパク質コード遺伝子から転写される、より長い前駆体から生じる。これについては、Carrington et al. (2003) の総説を参照されたい。前駆体は、自己相補的な領域内で自然に折りたたまれる構造を形成し；次に、動物ではヌクレアーゼであるダイサーまたは植物ではDCL1によるプロセシングを受ける。miRNA分子は、標的との正確または不正確な塩基対合によって翻訳を妨げる。

【0005】

多くのmiRNAが多様な生物体で保存されており、miRNAが生物体の寿命を通じて不可欠な生物学的過程に関与することが示唆されている (Esquela-Kerscher and Slack, 2006)。特にmiRNAは、細胞の成長ならびに細胞および組織の分化；癌の発生に関連する細胞過程の調節に関連づけられている。例えば、*lin-4*および*let-7*はいずれも、線虫の発生中の1つの幼虫段階から別の段階への移行を調節している (Ambros, 2001)。miR-14およびbantamは、おそらくアポトーシスに関与する遺伝子の発現を調節することで細胞死を調節するショウジョウバエのmiRNAである (Brennecke et al., 2003, Xu et al., 2003)。

【0006】

miRNAに関する研究は、このような分子が真核生物の遺伝子発現の調節に果たす広い役割を研究者が理解し始めるのに伴って増えている。特に、最近の複数の研究では、数多くのmiRNAの発現レベルがさまざまな癌と関連することが報告されている (Esquela-Kerscher and Slack, 2006の総説)。2種類のmiRNAの発現の低下はヒトの慢性リンパ性白血病と強く相関し、miRNAと癌が関連する可能性を示唆している (Calin et al., 2002)。多数のヒト癌における多数のmiRNAの発現パターンを評価して、数多くの癌のタイプのほぼ全てのmiRNAが差次的に発現されることを観察した研究者もいる (Lu et al., 2005)。このような研究の大半では、miRNAと癌は間接的な証拠によってのみ関連づけられている。対照的に、miRNAが癌の発生に直接的に寄与する可能性があるという、より直接的な証拠を示しているのは1つの研究だけである。He et al. (2005) は、マウスで6種類のmiRNAを強制的に過剰発現させることによって、B細胞リンパ腫が有意に増えることを明らかにしている。

【0007】

膵臓癌は、特に診断および処置の困難な疾患である。米国では年に約33,000人が膵臓の腺癌であると診断されており、年に約32,000人が膵臓癌によって死亡している (Jemal et al., 2006)。膵臓癌は、米国における癌による死因の第4位であり、5年生存率（約4%）は全ての癌のなかで最低である (Jemal et al., 2006)。

【0008】

現在、膵臓癌の有効な診断法および/または治療法は存在しない (Monti et al., 2004)。化学療法と放射線療法の併用は患者を延命可能であるが；手術による膵臓の一部または全体の除去のみが、膵臓癌の可能性のある治癒につながっている。この通常は難治性の疾患に対処するためには、他の診断法および治療的介入が求められている。

【0009】

慢性膵炎と膵臓癌を区別することは極めて困難な場合がある。症状は非特異的な場合が多く、黄疸、体重減少、および痛み (bruising) に限られる。慢性膵炎（非癌性状態）の

10

20

30

40

50

多くの患者が、大半が導管上皮 (ductal epithelium) の腺癌 (Freelove and Walling, 2006)、すなわち膵管腺癌 (PDAC) である膵臓癌の患者と同じ症状を示す。特定のタンパク質の血清レベルは、膵臓の腺癌を示唆する場合があるが診断には至らず；また血清腫瘍マーカーCA 19-9は、膵臓癌の診断の確定に役立つ場合はあるものの、患者のスクリーニングツールとしては無効である (Freelove and Walling, 2006)。膵臓全般の状態を評価可能で、かつ特に慢性膵炎と膵臓腺癌を識別可能な他の診断アッセイ法が求められている。

【発明の概要】

【0010】

本発明は、正常な膵臓、非癌性の疾患膵臓、および膵臓癌 (例えば膵管腺癌 (PDAC)) を含むがこれらに限定されないさまざまな状態の疾患組織、正常組織、癌性組織、および/または異常な組織で差次的に発現されるかまたは誤調節されるmiRNAを同定することで、当技術分野におけるこれらの問題を克服する。さらに本発明は、患者由来の試料中の特定のmiRNAのレベル (上昇または低下) の決定に基づく、膵臓癌および慢性膵炎を含むがこれらに限定されない疾患組織、正常組織、癌性組織、および/または異常な組織を診断する方法について記載する。本発明は、生物学的試料中のmiRNAの発現または発現の欠損 (誤調節) による影響を受けると発明者らが想定する遺伝子についても記載する。試料は、PDACまたは慢性膵炎を有するか、またはこれらを有することが疑われる患者、または一方もしくは他方の状態を有することが疑われる患者を含むがこれらに限定されない患者から得られ、および/または解析される。これらの遺伝子およびその調節経路は、miRNAによるその発現の調節による治療的介入の標的となる。

10

20

30

40

【0011】

「miRNA」という語句は、その一般的な意味および単純な意味で使用され、真核生物に見られるRNAによる遺伝子調節に関するマイクロRNA分子を意味する。これについては例えば、参照により本明細書に組み入れられる、Carrington et al., 2003を参照されたい。この語句を用いて、前駆体からプロセシングを受けた1本鎖RNA分子を意味する。個々のmiRNAは、さまざまな生物体で同定されて配列が決定されており、かつ命名されている。本発明に関連するmiRNAおよびその配列の名称を本明細書に記載する。方法および組成物は、本出願に記載するmiRNAに制限されるべきではなく、本発明を必ずしも制限しない例として提供される。

【0012】

本発明の「合成核酸」は、核酸が天然の核酸の化学的構造または配列を有さないことを意味すると理解されたい。したがって、「合成miRNA」という語句は、細胞中で、または生理学的な条件で、天然のmiRNAと同様に機能する「合成核酸」を意味すると理解される。

【0013】

本発明の多くの態様は、合成miRNAまたは合成核酸に関与するが、本発明のいくつかの態様では、核酸分子は「合成」である必要はない。ある態様では、本発明の方法および組成物で使用される非合成のmiRNAは、天然のmiRNA前駆体または成熟miRNAの全体の配列および構造を有する場合がある。例えば、本発明の方法および組成物に使用される非合成miRNAは、1つまたは複数の修飾ヌクレオチドまたはヌクレオチド類似体を有さない場合がある。これらの態様では非合成miRNAは、組換え的に作製される場合もあれば組換え的に作製されない場合もある。特定の態様では、本発明の方法および/または組成物における核酸は、特に合成miRNAであり、非合成miRNA (すなわち「合成」であると認定されるmiRNAではない) ではないが；他の態様では本発明は特に非合成miRNAを含み、合成miRNAを含まない。合成miRNAの使用に関して説明された任意の態様は、非合成miRNAにあてはまり、逆もまた可能である。

【0014】

「天然の」という語句は、ヒトによる任意の介入なく生物体に見出されるものを意味し；天然の野生型または変異型の分子を意味する場合があると理解される。いくつかの態様

50

では、合成miRNA分子は、天然のmiRNA分子の配列を有さない。他の態様では、合成miRNA分子は、天然のmiRNA分子の配列を有する場合があるが、特に部分的には正確な配列とは関連性のない分子の化学的構造（非配列化学的構造）は、そのような配列を有する天然のmiRNA分子の化学的構造とは異なる。場合によっては、合成miRNAは、天然のmiRNA中には見出されない配列と非配列の化学的構造の両方を有する。さらに合成分子の配列は、どのmiRNAが有効に提供されるかまたは阻害されるかを明らかにし；内因性のmiRNAは、「対応するmiRNA」と呼ばれる。本発明で使用可能な対応するmiRNA配列は、SEQ ID NO:1～350のこのような配列、および他の任意のmiRNA配列、miRNA前駆体配列、またはこれらに相補的な任意の配列の、全体または一部を含むがこれらに限定されない。いくつかの態様では、配列は、ともに使用可能な特定のmiRNA（もしくは一群のmiRNA）を標的とする、以下の表1に記載した配列の全体もしくは一部であるか、または同配列に由来するか、または同配列を含む。

10

#### 【0015】

いくつかの態様では、細胞が特定のmiRNAを内因的に発現するか否か、または特定の条件下または特定の疾患状態にある場合にこのような発現が影響を受けるか否かを知ることが、有用な場合がある。したがって、本発明のいくつかの態様では、本方法は、細胞または細胞を含む試料を、1種または複数種のmiRNAの存在に関して検討する段階を含む。したがって、いくつかの態様では、本方法は、試料のmiRNAプロファイルを作成する段階を含む。「miRNAプロファイル」という語句は、試料中の複数のmiRNA（例えば表1の1種または複数種のmiRNA）の発現パターンに関する一連のデータを意味し；miRNAプロファイルは、一連のmiRNAを使用して、例えば当業者に周知の核酸の増幅法またはハイブリダイゼーション法で得られる場合があることが想定される。

20

#### 【0016】

本発明のいくつかの態様では、miRNAプロファイルは、以下を含む段階によって作成される：(a) 試料中のmiRNAを標識すること；(b) miRNAをいくつかのプローブにハイブリダイズさせる、またはいくつかのmiRNAを増幅すること、および(c) プローブに対するmiRNAのハイブリダイゼーションを判定する、またはmiRNAの増幅産物を検出すること；ここでmiRNAプロファイルが作成される。これについては、いずれも参照により本明細書に組み入れられる、米国仮特許出願第60/575,743号および米国仮特許出願第60/649,584号、ならびに米国特許出願第11/141,707号を参照されたい。

30

#### 【0017】

本発明の方法は、miRNAの発現プロファイルを元に患者を診断する段階を含む。ある態様では、細胞中の特定のmiRNAまたは一群のmiRNAの発現レベルの上昇または低下は、正常細胞中のmiRNAまたは一群のmiRNAの発現レベルと比較して疾患状態と相關する。この相關によって、評価されかつ正常細胞の発現レベルに対して比較される生物学的試料中のmiRNAの発現レベルが測定される場合、診断法の実施が可能となる。本出願で論じられる任意のまたは一群のmiRNAを評価することにより、患者、特に膵炎または膵臓癌などの特定の疾患または状態を有することが疑われる患者の、miRNAプロファイルが作成可能なことが特に想定される。患者から作成されるmiRNAプロファイルは、特定の疾患または状態に関する情報を提供するmiRNAプロファイルの1つとなる。多くの任意の態様では、miRNAプロファイルは、miRNAのハイブリダイゼーションまたは増幅（例えばアレイハイブリダイゼーションまたはRT-PCR）によって作成される。ある局面では、miRNAのプロファイルは、血清のタンパク質プロファイル、例えばCA19-9の検出などの他の診断検査とともに使用可能である。

40

#### 【0018】

本発明の態様には、患者に由来する試料中の1種または複数種のmiRNAの発現プロファイルを測定する段階を含む、患者の状態の診断法および/または評価法が含まれる。患者に由来する試料の発現プロファイルと、正常試料すなわち非病原性試料に由来する発現プロファイルなどの標準的な発現プロファイルとの差は、病的な疾患または癌性状態を意味する。対応するmiRNAのセグメントを含むか、または同定するmiRNAまたはプローブセットは

50

、以下の表1に列挙するmiRNAまたはプローブの  
1, 2, 3, 4,

5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29,  
30, 35, 40, 45, 50, 55, 60, 65, 70, 75, 80, 85, 90, 95, 100, 125, 150, 175, 200, 250,  
300, 350,

または任意の整数もしくはこれらの間から導かれる範囲の全てまたは一部を含むことができる。

【0019】

ある局面では、患者の状態を診断する方法は、患者に由来する試料中の1種または複数種のmiRNAの発現プロファイルを測定する段階を含み、患者に由来する試料の発現プロファイルと正常試料の発現プロファイルの差は病理学的状態を意味し；miRNAは、  
hsa-let-7a, hsa-let-7b, hsa-let-7c,

hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-101,  
hsa-miR-103, hsa-miR-106a, hsa-miR-106b, hsa-miR-107, hsa-miR-10a, hsa-miR-  
125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-134, hsa-miR-140, hsa-  
miR-141, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b,  
hsa-miR-150, hsa-miR-154, hsa-miR-155, hsa-miR-15b, hsa-miR-17-5p, hsa-miR-  
18a, hsa-miR-181b, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-  
miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-  
200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-21, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-  
miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-221, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-224, hsa-  
miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-25, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27a, hsa-  
miR-27b, hsa-miR-28, hsa-miR-29a, hsa-miR-29b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p,  
hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-  
miR-30e-5p, hsa-miR-31, hsa-miR-331, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368,  
hsa-miR-374, hsa-miR-375, hsa-miR-376a, hsa-miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-429,  
hsa-miR-93, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-miR-98, hsa-miR-99a, hsa-miR-99b, hsa-  
miR-452, hsa-miR-494, hsa-miR-497, miR-205, またはambi-miR-7105

の1つまたは複数である。

【0020】

さらなる局面では、miRNAは、  
miR-205, miR-29c, miR-216,  
miR-217, miR-375, miR-143, miR-145, miR-146a, miR-148a, miR-196b, miR-93,  
miR-96, miR-31, miR-210, miR-148b, miR-196a, miR-141, miR-18a, miR-203, miR-  
150, miR-155, miR-130b, miR-221, miR-222, miR-223, またはmiR-224

の1つまたは複数である。

【0021】

本発明のなおさらなる局面では、miRNAは、miR-196a、miR-217、またはmiR-196aとmiR-

10

20

30

40

50

217の両方である。

【 0 0 2 2 】

本発明の態様は、1種または複数種のmiRNAの発現の差が膵炎を意味する方法を含み、miRNAは、

hsa-let-7a, hsa-let-7b, hsa-let-7c, hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-101, hsa-miR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-141, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-150, hsa-miR-18a, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-199a hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-24, hsa-miR-25, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27b, hsa-miR-28, hsa-miR-29a, hsa-miR-29b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-31, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-376a, hsa-miR-429, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-miR-98, hsa-miR-99a, hsa-miR-497, またはambi-miR-7105

の1つまたは複数である。

【 0 0 2 3 】

ある局面では、患者試料中の1種または複数種のmiRNAの発現の上昇は膵炎を意味し、miRNAは、

hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-150, hsa-miR-18a, hsa-miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-24, hsa-miR-31, hsa-miR-99a, またはhsa-miR-497

の1つまたは複数である。

【 0 0 2 4 】

さらなる局面では、患者試料中の1種または複数種のmiRNAの発現の低下は膵炎を意味し、miRNAは、

hsa-let-7a,  
hsa-let-7b, hsa-let-7c, hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-miR-101, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-141, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-25, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27b, hsa-miR-28, hsa-miR-29a, hsa-miR-29b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-376a, hsa-miR-429, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-miR-98, またはambi-miR-7105

の1つまたは複数である。

10

20

30

40

50

## 【 0 0 2 5 】

なおさらなる局面では、1種または複数種のmiRNAの発現の差は膵臓癌を意味し、miRNAは、

hsa-let-7a, hsa-

let-7b, hsa-let-7c, hsa-let-7d, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-101, hsa-miR-103, hsa-miR-106b, hsa-miR-107, hsa-iR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-134, hsa-miR-140, hsa-miR-141, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-150, hsa-miR-154, hsa-miR-155, hsa-miR-18a, hsa-miR-181b, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-21, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-221, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-224, hsa-miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27a, hsa-miR-27b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-31, hsa-miR-331, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-375, hsa-miR-376a, hsa-miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-429, hsa-miR-93, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-miR-99b, hsa-miR-452, hsa-miR-494, hsa-miR-497, miR-205, またはambi-miR-7105

の1つまたは複数である。

## 【 0 0 2 6 】

ある局面では、1種または複数種のmiRNAの発現の上昇は膵臓癌を意味し、miRNAは、  
hsa-let-7i, hsa-

miR-100, hsa-miR-103, hsa-miR-106b, hsa-miR-107, hsa-miR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-140, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-150, hsa-miR-155, hsa-miR-18a, hsa-miR-181b, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-203, hsa-miR-21, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-221, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-224, hsa-miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-27a, hsa-miR-31, hsa-miR-331, hsa-miR-93, hsa-miR-99b, hsa-miR-452, hsa-miR-497, またはambi-miR-7105

の1つまたは複数である。

## 【 0 0 2 7 】

さらなる局面では、1種または複数種のmiRNAの発現の低下は膵臓癌を意味し、miRNAは、

hsa-let-7a, hsa-

let-7b, hsa-let-7c, hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-miR-101, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-134, hsa-miR-141, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-154, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-375, hsa-miR-376a, hsa-miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-429, hsa-miR-95, hsa-miR-96, または hsa-miR-494

の1つまたは複数である。

【 0 0 2 8 】

なお別の局面では、脾炎は、

hsa-let-7b, hsa-let-7e, hsa-miR-103, hsa-miR-106a, hsa-miR-106b, hsa-miR-107, hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-141, hsa-miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-154, hsa-miR-155, hsa-miR-15b, hsa-miR-17-5p, hsa-miR-18a, hsa-miR-181b, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-203, hsa-miR-21, hsa-miR-210, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-221, hsa-miR-222, hsa-miR-224, hsa-miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-25, hsa-miR-27a, hsa-miR-28, hsa-miR-29a, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-331, hsa-miR-368, hsa-miR-375, hsa-miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-93, hsa-miR-452, hsa-miR-494, hsa-miR-497, または ambi-miR-7105

の1つまたは複数の発現の差によって脾臓癌と区別される。

【 0 0 2 9 】

試料は、疾患もしくは病理学的状態を有するか、または有することが疑われる患者から採取することができる。ある局面では試料は、組織（例えば生検、特に穿刺生検）試料、血液試料、血清試料、血漿試料、または脾液試料の場合があるが、これらに限定されない。試料は、新鮮な試料、凍結した試料、固定した試料（例えばホルマリン固定した試料）、または包埋した試料（例えばパラフィン包埋した試料）であり得る。特定の局面では、試料は脾臓試料であってよい。

【 0 0 3 0 】

本発明の方法で、病理学的状態を診断または評価することができる。ある局面において状態は、脾炎または慢性脾炎などの非癌性状態である。他の局面において状態は、脾臓癌および特に脾管腺癌（PDAC）などの癌性状態である。

【 0 0 3 1 】

本方法は、以下を含む1つもしくは複数の段階をさらに含むことができる：（a）患者から試料を得る段階、（b）試料から核酸を単離する段階、（c）試料から単離された核酸を標識する段階、および（d）標識された核酸を1種または複数種のプローブとハイブリダイズさせる段階。本発明の核酸は、表1の1種または複数種のmiRNA配列の配列または相補的配列を有する少なくとも1つのセグメントを含む1種または複数種の核酸を含む。ある局面では、核酸は、表1に列挙した1種または複数種のmiRNAを同定する。本発明の核酸は典型

10

20

30

40

50

的に、支持体に結合される。このような支持体は当業者に周知であり、ガラス、プラスチック、金属、またはラテックスを含むがこれらに限定されない。本発明の特定の局面では、支持体は平面状か、またはビーズの形状、または他の幾何学的形状もしくは配置を取ることができる。

【0032】

本発明のある態様は、変形形態が当業者に周知の増幅アッセイ法またはハイブリダイゼーションアッセイ法で、1種または複数種のmiRNAの発現を判定する段階を含む。ある局面では、増幅アッセイ法は、定量的RT-PCRまたは他の手法などの定量的増幅アッセイ法の場合がある。さらに別の局面では、ハイブリダイゼーションアッセイ法は、アレイハイブリダイゼーションアッセイ法または溶液ハイブリダイゼーションアッセイ法を含むことができる。

10

【0033】

本発明の局面で、患者の状態を診断または評価することができる。例えば、本方法を用いて、病理学的状態のスクリーニング、病理学的状態の予後の評価、病理学的状態の病期の決定、または処置に対する病理学的状態の反応の評価を実施することができる。

【0034】

本発明の態様は、細胞に導入した場合、内因性のmiRNAの活性を示すかまたは内因性のmiRNAを阻害する核酸に関する。ある局面では、核酸は合成miRNAまたは非合成miRNAである。配列特異的なmiRNA阻害因子を使用して、細胞内の1種または複数種の内因性のmiRNAの活性を、内因性のmiRNAによる調節を受ける遺伝子および関連経路と同様に、連続的にまたは組み合わせて阻害することができる。

20

【0035】

本発明は、いくつかの態様において、細胞内でmiRNAとしてまたはmiRNA阻害因子として機能する短い核酸分子に関する。「短い」という語句は、1本のポリヌクレオチドの長さが、全ての整数または間にある範囲を含む25、50、100、もしくは150ヌクレオチド、またはこれ未満であることを意味する。

【0036】

核酸分子は典型的に合成的である。「合成」という語句は、核酸分子が単離されており、かつ配列（配列全体）および/または化学的構造が、内因性の前駆体miRNA分子もしくはmiRNA分子などの天然の核酸分子と同一ではないことを意味する。いくつかの態様では、本発明の核酸は、天然の核酸の配列と同一な配列の全体を有さないが、このような分子は、天然の配列の全体または一部を含むことができる。しかしながら、細胞に投与された合成核酸は後に、その構造または配列が、成熟miRNAの配列などの非合成または天然の核酸と同じとなるように、細胞内で修飾または変更され得ることが想定される。例えば合成核酸は、前駆体miRNAの配列とは異なる配列を有する場合があるが、そのような配列は細胞内に入ると、内因性のプロセシングを受けるmiRNAと同じように変化する場合がある。「単離された」という語句は、単離される核酸の集団が、少なくとも約90%相同であり、かつ他のポリヌクレオチド分子に対して少なくとも約95%、96%、97%、98%、99%、または100%相同となり得るように、本発明の核酸分子が、（配列もしくは構造に関して）異なりかつ望ましくない核酸分子から、最初に分離されることを意味する。本発明の多くの態様では、核酸は、インビトロで合成して細胞内の内因性の核酸から分離することによって、単離される。しかしながら、単離された核酸は後に、あわせて混合またはプールしてもよいことが理解されよう。

30

【0037】

ある局面では、本発明の合成miRNAは、RNAまたはRNA類似体である。miRNA阻害因子は、DNAもしくはRNA、またはこれらの類似体であってよい。本発明のmiRNAおよびmiRNA阻害因子は、集合的に「合成核酸」と呼ばれる。

【0038】

いくつかの態様では、合成miRNAは17～130残基の長さを有する。本発明は、任意の整数もしくはこれらの間の任意の範囲を含む、以下の長さもしくはそれ以上の、少なくとも以

40

50

下の長さもしくはそれ以上の、または最長で以下の長さもしくはそれ以上の、合成miRNA分子に関する。

15, 16, 17, 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29,

30, 31, 32, 33, 34, 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 44, 45, 46, 47, 48, 49, 50, 51, 52,

53, 54, 55, 56, 57, 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64, 65, 66, 67, 68, 69, 70, 71, 72, 73, 74, 75,

76, 77, 78, 79, 80, 81, 82, 83, 84, 85, 86, 87, 88, 89, 90, 91, 92, 93, 94, 95, 96, 97, 98,

99, 100, 101, 102, 103, 104, 105, 106, 107, 108, 109, 110, 111, 112, 113, 114, 115,

116, 117, 118, 119, 120, 121, 122, 123, 124, 125, 126, 127, 128, 129, 130, 140, 145,

150, 160, 170, 180, 190, 200

10

【0039】

ある態様では、合成miRNAは、(a)配列が5' 3'の方向で成熟miRNA配列の全体または一部と同一な「miRNA領域」と、(b)配列が5' 3'の方向でmiRNA配列と60% ~ 100%相補的な「相補領域」とを有する。ある態様では、これらの合成miRNAも上記の手順で単離される。「miRNA領域」という語句は、成熟した天然のmiRNA配列の配列全体と、少なくとも75%、80%、85%、90%、95%、または100%（間に含まれる全ての整数を含む）が同一な合成miRNA上の領域を意味する。ある態様では、miRNA領域は天然のmiRNAの配列と、90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98%、99%、99.1%、99.2%、99.3%、99.4%、99.5%、99.6%、99.7%、99.8%、99.9%、もしくは100%が同一であるか、または少なくとも90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98%、99%、99.1%、99.2%、99.3%、99.4%、99.5%、99.6%、99.7%、99.8%、99.9%、もしくは100%が同一である。

20

【0040】

「相補領域」という語句は、miRNA領域が同一である成熟した天然のmiRNA配列と60%相補的であるか、または少なくとも60%相補的である合成miRNAの領域を意味する。相補領域は、

60, 61, 62, 63, 64, 65, 66, 67, 68, 69, 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77, 78, 79, 80,

30

81, 82, 83, 84, 85, 86, 87, 88, 89, 90, 91, 92, 93, 94, 95, 96, 97, 98, 99, 99.1, 99.2,

99.3, 99.4, 99.5, 99.6, 99.7, 99.8, 99.9 もしくは100%

、またはこれらから導かれる任意の範囲と相補的であるか、または少なくとも相補的である。1本のポリヌクレオチド配列には、miRNA領域と相補領域との化学的な結合の結果としてヘアピンループ構造が存在する。他の態様では、相補領域はmiRNA領域とは異なる核酸分子上に存在し、この場合、相補領域は相補鎖上に存在し、miRNA領域は活性鎖上に存在する。

【0041】

本発明の他の態様では、合成核酸はmiRNA阻害因子である。miRNA阻害因子は約17 ~ 25ヌクレオチドの長さであり、かつ成熟miRNAの5' 3'配列に対して少なくとも90%が相補的な5' 3'配列を含む。ある態様では、miRNA阻害因子分子は、17、18、19、20、21、22、23、24、もしくは25ヌクレオチドか、またはこれらの間の任意の範囲の長さである。さらにmiRNA阻害因子は、成熟miRNA、特に成熟した天然のmiRNAの5' 3'配列に対して、以下またはこれらの間の任意の範囲の割合が相補的かまたは少なくとも相補的な配列(5' 3')を有する：90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98%、99%、99.1%、99.2%、99.3%、99.4%、99.5%、99.6%、99.7%、99.8%、99.9%、または100%。miRNAに対するプローブ配列を表1に示す。当業者であれば、miRNA阻害因子に対する配列として、成熟miRNAの配列に相補的なプローブ配列の一部を使用することができるであろう。

表1は、miRNAの成熟配列を示す。さらに、核酸配列の一部を、成熟miRNAの配列に対して9

40

50

0%の相補性を保持するように改変することができる。

【0042】

本発明のいくつかの態様では、合成miRNAは、1種または複数種の設計エレメントを含む。このような設計エレメントは、以下を含むがこれらに限定されない：(i)相補領域の5'端におけるヌクレオチドのリン酸またはヒドロキシルの置換基；(ii)相補領域の先頭または末端の1～6残基中の1か所もしくは複数の糖修飾；または(iii)相補領域の3'端の末端の1～5残基中の1つもしくは複数のヌクレオチドと、miRNA領域の対応するヌクレオチド間の非相補性。

【0043】

ある態様では、合成miRNAは、その相補領域の5'端に、リン酸基および/またはヒドロキシル基が別の化学基と置換されたヌクレオチドを有する（「置換設計」と呼ばれる）。場合によっては、リン酸基が置換される一方で、他方ではヒドロキシル基が置換される。特定の態様では、置換基は、ビオチン、アミン基、低級アルキルアミン基、アセチル基、2'0-Me（2'酸素-メチル）、DMTO（酸素が付加した4,4'-ジメトキシトリチル）、フルオレセイン、チオール、またはアクリジンであるが、他の置換基が当業者に周知であり、同様に使用することができる。この設計エレメントは、miRNA阻害因子についても使用することができる。

10

【0044】

他の態様は、相補領域の先頭または末端の1～6残基中に1か所もしくは複数の糖修飾を有する合成miRNAに関する（「糖置換設計」と呼ばれる）。場合によっては、1か所もしくは複数の糖修飾が、相補領域の先頭の1残基、2残基、3残基、4残基、5残基、6残基、もしくはこれ以上の残基、またはこれらの間の任意の範囲中に存在する。場合によっては、1か所もしくは複数か所の糖修飾は、相補領域の末端の1残基、2残基、3残基、4残基、5残基、6残基、もしくはこれ以上の残基、またはこれらの間の任意の範囲が糖修飾を有する。「先頭」および「末端」という語句は、領域の5'端から3'端への残基の順序に関する理解されたい。特定の態様では、糖修飾は2'0-Me修飾である。さらなる態様では、1か所もしくは複数か所の糖修飾が、相補領域の先頭もしくは末端の2～4残基中、または相補領域の先頭または末端の4～6残基中に存在する。この設計エレメントは、miRNA阻害因子についても使用することができる。したがって、miRNA阻害因子は、上記のように、この設計エレメントおよび/または置換基を5'端のヌクレオチド上に有することができる。

20

【0045】

本発明の他の態様では、相補領域の3'端の末端の1～5残基中の1つもしくは複数のヌクレオチドが、miRNA領域の対応するヌクレオチドに対して相補的ではない（「非相補的」）合成miRNAが存在する（「非相補的設計」と呼ばれる）。非相補性は、相補的なmiRNAの末端の1残基、2残基、3残基、4残基、および/または5残基中に存在する場合がある。ある態様では、相補領域中の少なくとも2ヌクレオチドとの間に非相補性が存在する。

30

【0046】

本発明の合成miRNAは、置換設計、糖修飾設計、または非相補的設計の1つもしくは複数を有することが想定される。場合によっては、合成RNA分子はこれらの2つを適所に有し、別の場合は、これらの分子は3つ全ての設計を適所に有する。

40

【0047】

miRNA領域および相補領域は、同じポリヌクレオチド上または別のポリヌクレオチド上に存在してもよい。これらが同じポリヌクレオチド上または同じポリヌクレオチド中に含まれる場合は、miRNA分子は1本のポリヌクレオチドであると見なされることになる。異なる領域が別のポリヌクレオチド上に存在する態様では、合成miRNAは2本のポリヌクレオチドを含むと見なされることになる。

【0048】

RNA分子が1本のポリヌクレオチドの場合は、miRNA領域と相補領域の間にリンクー領域が存在する。いくつかの態様では、1本のポリヌクレオチドは、miRNA領域と相補領域の結合の結果としてヘアピンループ構造を形成可能である。リンクーはヘアピンループを含む

50

。いくつかの態様では、リンカー領域は、以下の長さ、少なくとも以下の長さ、もしくは最長で以下の長さ、またはこれらの間の任意の範囲の長さであることが想定される：2、3、4、5、6、7、8、9、10、11、12、13、14、15、16、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、または40残基。ある態様では、リンカーは3～30残基（3および30を含む）の長さである。

#### 【0049】

miRNAおよび相補領域を有することに加えて、領域の5'端または3'端のいずれかに隣接する配列が存在する場合もある。いくつかの態様では、以下の長さもしくは少なくとも以下の長さ、またはこれらの間の任意の範囲のヌクレオチドが、これらの領域の片側または両側に隣接する：1、2、3、4、5、6、7、8、9、10ヌクレオチド、もしくはこれ以上。

10

#### 【0050】

本発明の方法は、miRNA阻害因子を細胞に導入することを含む細胞内の1種または複数種のmiRNAの活性を低下させるかまたは除去する段階、または細胞内の1種もしくは複数種のmiRNAの活性を提供もしくは促進する段階を含む。本発明は、特異的な合成miRNA分子または合成miRNA阻害因子分子などの特定の核酸を細胞に提供することによって、特定の細胞の特徴を誘導することにも関する。しかしながら、本発明の方法では、miRNA分子またはmiRNA阻害因子は合成的である必要はない。これらは、天然のmiRNAと同一の配列を有してもよく、または任意の設計修飾を有さなくてもよい。ある態様では、miRNA分子および/またはmiRNA阻害因子は、上述したように合成的である。

#### 【0051】

細胞に提供される特定の核酸分子は、細胞内の特定のmiRNAに対応すると理解され、したがって細胞内のmiRNAは、「対応するmiRNA」と呼ばれる。指定のmiRNA分子が細胞中に導入される状況では、対応するmiRNAは、誘導されるmiRNAであると理解されることになる。しかしながら、細胞中に導入されたmiRNA分子は、成熟miRNAではなく、適切な生理学的な状態で成熟miRNAとなることが可能なことが想定される。特定の対応するmiRNAがmiRNA阻害因子によって阻害される場合は、特定のmiRNAは、標的化miRNAと呼ばれることになる。多数の対応するmiRNAが関与してもよいことが想定される。特定の態様では、複数のmiRNA分子が細胞中に導入される。さらに他の態様では、複数のmiRNA阻害因子が細胞中に導入される。さらに、miRNA分子とmiRNA阻害因子の組み合わせを細胞中に導入してもよい。

20

#### 【0052】

本方法は、そのような細胞の特徴の誘導を必要とする細胞または患者を同定する段階を含む。また、細胞または生物体に提供される合成核酸の量が、特定の細胞の特徴の誘導など、望ましい目的を達成するのに必要な量を意味する「有効量」であることが理解されるであろう。

30

#### 【0053】

本発明のある態様は、細胞内の成熟miRNAに対応する核酸分子を、所望の生理学的な結果を達成するのに有効な量で細胞に提供または導入する段階を含む。

#### 【0054】

さらに本方法は、合成miRNA分子または非合成miRNA分子を提供する段階を含むことができる。これらの態様では、本方法は、1種のみもしくは複数種の合成miRNA分子、または1種のみもしくは複数種の非合成miRNA分子の提供に制限されてもよくまたはされなくてもよいことが想定される。したがって、ある態様では、本方法は、合成miRNA分子と非合成miRNA分子の両方を提供する段階を含むことができる。この状況では、細胞または細胞群は、特定のmiRNA分子に対応する合成miRNA分子、および異なるmiRNA分子に対応する非合成miRNA分子が提供される可能性が極めて高い。さらに、マーカッシュ群の表現を使用するmiRNAのリストで表現される任意の方法は、マーカッシュ群の表現およびその代わりに離接的な項目（disjunctive article）（すなわち、または）なしに表現されてもよく、その逆もあり得る。

40

#### 【0055】

いくつかの態様では、有効量の（i）miRNA阻害因子分子、または（ii）miRNA配列に対

50

応する合成miRNA分子もしくは非合成miRNA分子を細胞中に導入するか、または細胞に提供する段階を含む、細胞の細胞増殖を低下させるまたは阻害する方法が存在する。ある態様では、本方法は、表1の1種または複数種の成熟miRNAの5' 3'配列に少なくとも90%相補的な5' 3'配列を有するmiRNA阻害因子分子(i)の有効量を細胞に導入する段階を含む。

【0056】

本発明のある態様は、膵臓状態を処置する方法を含む。1つの局面では、本方法は、1種または複数種の核酸、合成miRNA、またはmiRNA配列の全体または一部を有する少なくとも1種類の核酸セグメントを含むmiRNAを、膵臓細胞に接触させる段階を含む。セグメントは、5、6、7、8、9、10、11、12、13、14、15、16、17、18、19、20、21、22、23、24、25、30ヌクレオチド、もしくはこれ以上、またはこれらの間の全ての整数を含むヌクレオチドまたはヌクレオチド類似体であってよい。本発明の局面は、膵臓細胞などの標的細胞内のmiRNAまたはmRNAの調節を含む。

10

【0057】

典型的には、内因性の遺伝子、miRNA、またはmRNAは細胞内で調節される。特定の態様では、核酸配列は、核酸配列中の少なくとも70%、75%、80%、85%、90%、95%、または100%が、表1に列挙した1種または複数種のmiRNAの配列と同一な、少なくとも1つのセグメントを含む。内因性の遺伝子、miRNA、またはmRNAの発現またはプロセシングの調節は、細胞内の転写、輸送、および/または翻訳を含むプロセシングなど、mRNAのプロセシングの調節を介する場合がある。調節は、細胞、組織、または器官内のmiRNA活性の阻害または増強によって実行されてもよい。このようなプロセシングは、コードされた産物の発現またはmRNAの安定性に影響を及ぼす可能性がある。さらに他の態様では、核酸配列は、修飾された核酸配列を含むことができる。

20

【0058】

特定の態様では、膵臓細胞は、膵管腺癌細胞などの膵臓癌細胞である。本発明の本方法は、化学療法、放射線療法、手術、または免疫療法などの第2の処置を実施する段階をさらに含むことができる。核酸は、プラスミドベクターまたはウイルスベクターなどの核酸ベクターから転写され得る。

20

【0059】

膵臓状態を処置する方法は、miRNA配列を含む1種または複数種の核酸を膵臓細胞に接触させる段階、または投与する段階を含み、内因性のmiRNAの発現は膵臓細胞内で調節され、miRNA配列は少なくとも、

30

hsa-let-7a, hsa-let-7b, hsa-let-7c, hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g,  
hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-101, hsa-miR-103, hsa-miR-106a, hsa-miR-106b,  
hsa-miR-107, hsa-iR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-miR-  
130b, hsa-miR-134, hsa-miR-140, hsa-miR-141, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-  
miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-150, hsa-miR-154, hsa-miR-155,  
hsa-miR-15b, hsa-miR-17-5p, hsa-miR-18a, hsa-miR-181b, hsa-miR-182, hsa-miR-  
186, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-19a,  
hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-  
21, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-221, hsa-miR-  
222, hsa-miR-223, hsa-miR-224, hsa-miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-25, hsa-miR-  
26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27a, hsa-miR-27b, hsa-miR-28, hsa-miR-29a, hsa-miR-  
29b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c,  
hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-31, hsa-miR-331, hsa-miR-  
335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-375, hsa-miR-376a, hsa-  
miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-429, hsa-miR-93, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-  
miR-98, hsa-miR-99a, hsa-miR-99b, hsa-miR-452, hsa-miR-494, hsa-miR-497, miR-  
205, または ambi-miR-7105

の1つまたは複数と70%、75%、80%、85%、またはそれ以上が同一である。

【0060】

ある局面では、1種または複数種のmiRNA配列は、修飾された核酸塩基または核酸配列を含むかまたは包含してもよい。

【0061】

他の局面では、膵臓細胞は膵臓癌細胞である。

【0062】

本方法は、第2の処置を実施する段階をさらに含むことができる。第2の処置は、化学療法、放射線療法、手術、または免疫療法の場合があるが、これらに限定されない。

【0063】

なおさらなる局面では、1種または複数種のmiRNAは、プラスミドまたはウイルスベクターなどの核酸ベクターから転写される。

【0064】

本発明の態様は、

10

20

30

hsa-let-7a, hsa-let-

7b, hsa-let-7c, hsa-let-7d, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-101, hsa-miR-103, hsa-miR-106b, hsa-miR-107, hsa-iR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-134, hsa-miR-140, hsa-miR-141, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-150, hsa-miR-154, hsa-miR-155, hsa-miR-18a, hsa-miR-181b, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-21, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-221, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-224, hsa-miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27a, hsa-miR-27b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-31, hsa-miR-331, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-375, hsa-miR-376a, hsa-miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-429, hsa-miR-93, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-miR-99b, hsa-miR-452, hsa-miR-494, hsa-miR-497, miR-205, もしくはambi-miR-7105

に対して少なくとも80%の核酸配列同一性を有する核酸セグメントを有する、有効量の1種または複数種の合成miRNA分子または阻害因子を、対象に投与する段階を含む、対象の膵管腺癌を処置する方法を含む。

【0065】

ある局面では、対象には以下が投与される：

hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-103, hsa-miR-106b, hsa-miR-107, hsa-miR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-140, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-150, hsa-miR-155, hsa-miR-18a, hsa-miR-181b, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-203, hsa-miR-21, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-221, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-224, hsa-miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-27a, hsa-miR-31, hsa-miR-331, hsa-miR-93, hsa-miR-99b, hsa-miR-452, hsa-miR-497, もしくはambi-miR-7105

に対して少なくとも80%の核酸配列同一性を有する核酸セグメントを有する1種または複数種のmiRNA阻害因子；および/または

10

20

30

40

hsa-let-7a,

hsa-let-7b, hsa-let-7c, hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-miR-101, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-134, hsa-miR-141, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-154, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-375, hsa-miR-376a, hsa-miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-429, hsa-miR-95, hsa-miR-96, もしくは hsa-miR-494

と少なくとも80%の核酸配列同一性を有する核酸セグメントを有する1種または複数種のmiRNA。

【0066】

他の局面では、対象の慢性膵炎を処置する方法は、

hsa-let-7a, hsa-let-7b, hsa-let-7c, hsa-let-

7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-101, hsa-miR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-141, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-150, hsa-miR-18a, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-199a hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-24, hsa-miR-25, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27b, hsa-miR-28, hsa-miR-29a, hsa-miR-29b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-31, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-376a, hsa-miR-429, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-miR-98, hsa-miR-99a, hsa-miR-497, もしくは ambimicroRNA-7105

と少なくとも80%の核酸配列同一性を有する核酸セグメントを含む、有効量の1種または複数種の合成miRNA分子またはmiRNA阻害因子を、対象に投与する段階を含む。

【0067】

なおさらなる局面では、対象には、

hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-150, hsa-miR-18a, hsa-miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-24, hsa-miR-31, hsa-miR-99a, もしくは hsa-miR-497

に対して少なくとも80%の核酸配列の同一性を有する核酸セグメントを有する1種または複数種のmiRNA阻害因子；および/または

10

20

30

40

hsa-let-7a,

hsa-let-7b, hsa-let-7c, hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-miR-101, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-141, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-25, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27b, hsa-miR-28, hsa-miR-29a, hsa-miR-29b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-376a, hsa-miR-429, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-miR-98, もしくはambi-miR-7105

に対して少なくとも80%の核酸配列の同一性を有する核酸セグメントを有する1種または複数種のmiRNAが、投与される。

#### 【 0 0 6 8 】

合成核酸を対象または患者に、特に治療的応用のために、当業者に周知の投与様式を用いて投与することができる。患者はヒトか、またはmiRNAを有する他の任意の哺乳動物もしくは動物であることが特に想定される。

#### 【 0 0 6 9 】

本発明の方法では、一旦細胞内に入ると対応するmiRNAとして機能する核酸分子を、細胞もしくは生物体に投与することによって、細胞または生物体（患者を含む）など他の生物学的物質が、miRNA分子、または特定のmiRNAに対応するmiRNA分子を提供できることが理解されよう。細胞に提供される分子の形状は、細胞内ではmiRNAとして作用する形状ではなくてもよい。したがって、いくつかの態様では、生物学的物質は、細胞のmiRNAプロセシング装置に接近するとプロセシングを受けて成熟および活性miRNAとなるように、合成miRNAまたは非合成miRNAを提供できることが想定される。ある態様では、生物学的物質に提供されるmiRNA分子は成熟miRNA分子ではなく、miRNAプロセシング装置に接近するとプロセシングを受けて成熟miRNAとなり得る核酸分子であることが特に想定される。miRNAに関して「非合成」という語句は、miRNAが本明細書で定義されるような「合成」ではないことを意味する。さらに、合成miRNAの使用に関する本発明の態様では、対応する非合成miRNAの使用も本発明の局面であると見なされることが想定され、逆もまた可能である。

#### 【 0 0 7 0 】

他の態様では、本方法は、有効量の（i）miRNA阻害因子分子、または（ii）miRNA配列に対応する合成もしくは非合成のmiRNA分子を、細胞内に導入するまたは細胞に提供することを含む、細胞の生存能を低下させる段階を含む。アポトーシスを誘導する方法は、癌の処置を含むがこれに限定されないいくつかの治療的応用を有する。

#### 【 0 0 7 1 】

本発明は、疾患もしくは状態を処置するための、または疾患の処置もしくは状態の治療薬を調製するための、miRNA組成物の使用にも関する。1、2、3、4、5、6、7、8、9、10、11、12、13、14、15、16、17、18、19、20、21、22、23、24、25、26、27、28、29、30、31、32、33、34、35、36、37、38、39、もしくは40種、またはそれ以上（またはこれらの間の任意の範囲）のmiRNAを、これらの態様に使用可能なことが想定される。ある態様では、本方法は、特に癌の処置もしくは予防用の1種もしくは複数種のmiRNA阻害因子、および/またはこれらの任意のmiRNAに対応するmiRNA分子を含む。癌は、悪性の癌、腫瘍、転移性の癌、切除不能な癌、化学療法および/または放射線療法に耐性を示す癌、ならびに末期癌を含むが、これらに限定されない。

#### 【 0 0 7 2 】

miRNAの一般的な記載が、特に明記した部分を除いて、その遺伝子ファミリーの任意の

10

20

30

40

50

成員（数字によって区別される）を意味するように、簡単な表記法が使用されることが理解されるであろう。当業者であれば、「遺伝子ファミリー」が、同じmiRNAのコード配列を有する一群の遺伝子を意味することを理解する。典型的には、遺伝子ファミリーの成員は、イニシャル表示に続く数字によって同定される。例えば、miR-16-1およびmiR-16-2は、miR-16遺伝子ファミリーの成員であり、ならびに「miR-7」は、miR-7-1、miR-7-2、およびmiR-7-3を意味する。さらに、特に明記した部分を除いて、簡便な表記法は関連するmiRNA（文字で区別される）を意味する。したがって、「let-7」は例えば、let-7a-1、let-7-a-2、let-7b、let-7c、let-7d、let-7e、let-7f-1、およびlet-7f-2を意味する。このような簡便な表記法以外の表記法が使用される場合もある。

【0073】

10

薬剤を「提供する」という語句は、患者に薬剤を「投与する」ことを含むように使用されることが理解されるであろう。

【0074】

ある態様では、本方法は、miRNAを標的化して細胞内または生物体内で調節する段階も含む。「miRNAを標的化して調節する」という語句は、選択したmiRNAを調節するように、本発明の核酸を使用することを意味する。いくつかの態様では、標的化されたmiRNAを細胞または生物体に効率的に提供する、標的化されたmiRNAに対応する合成または非合成のmiRNAによって、調節が達成される（正の調節）。他の態様では、細胞または生物体において標的化されるmiRNAを有効に阻害するmiRNA阻害因子によって、調節が達成される（負の調節）。

20

【0075】

いくつかの態様では、標的化されて調節されるmiRNAは、疾患、状態、または経路に影響を及ぼすmiRNAである。ある態様では、標的化したmiRNAの負の調節によって処置を提供できることから、miRNAは標的化される。他の態様では、標的化したmiRNAの正の調節によって処置を提供できることから、miRNAは標的化される。

【0076】

30

本発明のある方法では、標的化されるmiRNAの調節に関連する処理を必要とするか、または本明細書で説明された生理学的もしくは生物学的な結果（特定の細胞経路に関する結果、または細胞の生存能の低下のような結果など）を必要とする細胞、組織、器官、または生物体（集合的に「生物学的物質」）に、選択されたmiRNA調節因子を投与する他の段階が存在する。したがって、本発明のいくつかの方法では、miRNA調節因子によって提供され得る処置を必要とする患者を同定する段階が存在する。有効量のmiRNA調節因子がいくつかの態様で投与可能ことが想定される。特定の態様では、生物学的物質に与えられる治療的有効性がある。ここで「治療的有効性」とは、疾患もしくは状態と関連する1つもしくは複数の状態もしくは症状の改善、または疾患に関する予後、期間、もしくは状態の改善を意味する。治療的有効性は、痛みの緩和、罹患率の低下、症状の緩和を含むが、これらに限定されないことが想定される。例えば癌に関しては、治療的有効性は、腫瘍の成長の阻害、転移の予防、転移数の減少、癌細胞の増殖の阻害、癌細胞の細胞死の誘導、癌細胞近傍の血管形成の阻害、癌細胞のアポトーシスの誘導、痛みの軽減、再発リスクの低下、癌細胞の化学療法もしくは放射線療法に対する感受性の誘導、寿命の延長、および/または癌に直接的もしくは間接的に関連する死の遅延であり得ることが想定される。

40

【0077】

さらにmiRNA組成物は、処置の一環として、従来の処置または予防用薬剤とともに患者に提供してもよいことが想定される。さらに、処置に関して説明された任意の方法は、予防的に、特に潜在的に処置の必要があるか、または処置が必要な状態もしくは疾患のリスクがあると同定された患者に対して実施され得ることが想定される。

【0078】

50

加えて本発明の方法は、miRNAに対応する1種または複数種の核酸および治療薬の使用に関する。核酸は、薬剤の作用もしくは有効性を高めること、任意の副作用もしくは毒性を軽減すること、その生物学的利用能を変更すること、および/または必要な投与量もしく

は頻度を低減することが可能である。ある態様では、治療薬は癌の治療薬である。したがって、いくつかの態様では、癌の治療薬と、癌の治療薬の有効性を改善するか、または非癌細胞を保護する少なくとも1種類の有効量のmiRNA分子とを患者に投与する段階を含む、患者の癌を処置する方法が存在する。癌の処置は、化学療法と放射線による処置の両方を使用する、さまざまな併用療法も含む。併用化学療法は例えば、ベバシズマブ、シスプラチン(CDDP)、カルボプラチン、EGFR阻害剤(ゲフィチニブおよびセツキシマブ)、プロカルバジン、メクロレタミン、シクロホスファミド、カンプトセシン、COX-2阻害剤(例えばセレコクシブ)、イホスファミド、メルファラン、クロランブシル、ブルファン、ニトロソ尿素、ダクチノマイシン、ダウノルビシン、ドキソルビシン(アドリアマイシン)、ブレオマイシン、プリカマイシン、マイトマイシン、エトポシド(VP16)、タモキシフェン、ラロキシフェン、エストロゲン受容体結合剤、タキソール、タキソテール、ゲムシタビン、ナベルビン、ファルネシル-タンパク質トランスフェラーゼ阻害剤、トランスクロラチナ(transplatin)、5-フルオロウラシル、ビンクリスチン、ビンプラスチン、およびメトトレキセート、または上記の任意の類似体もしくは誘導体の変種を含むが、これらに限定されない。

10

#### 【0079】

代替的あるいは追加的に、本発明の方法におけるmiRNA分子は、非癌細胞を癌治療薬から保護し、かつmiR-16、miR-24、miR-30a-3p、miR-125b、miR-152、miR-194、miR-197、miR-214、およびmiR-331からなる群より選択される。

20

#### 【0080】

一般にmiRNAの阻害因子は、成熟miRNAに対応する核酸分子を与える場合と比較して逆の作用が達成されるように与えることができる。同様に、miRNAの阻害因子を与える場合と比較して逆の作用を達成するために、成熟miRNAに対応する核酸分子を与えることができる。例えば、増殖を亢進するために、細胞増殖を亢進するmiRNA分子を細胞に提供することができる、または細胞増殖を低下させるために、このような分子の阻害因子を細胞に提供することができる。本発明は、本明細書に開示するさまざまなmiRNA分子およびmiRNA阻害因子によって観察されるさまざまな生理学的な作用の文脈においてこれらの態様を想定している。これらは、以下の生理学的作用を含むが、これらに限定されない：細胞増殖の増大および低下、アポトーシスの増加または減少、形質転換率の上昇、細胞生存能の上昇または低下、ERKの活性化、hTertの活性化/誘導または阻害、例えばStat3の刺激の阻害、生細胞数の減少または増加、ならびに細胞周期の特定の相における細胞数の減少または増加。本発明の方法は一般に、1種または複数種の異なるmiRNA分子に対応する1種または複数種の異なる核酸分子を提供する段階または導入する段階を含むことが想定されている。以下の数の、少なくとも以下の数の、もしくは最大で以下の数、またはこれらの間の任意の範囲の数の異なる核酸分子を、提供または導入してもよいことが想定される：

30

1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26,  
27, 28, 29, 30, 31, 32, 33, 34, 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 44, 45, 46, 47, 48, 49,  
50, 51, 52, 53, 54, 55, 56, 57, 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64, 65, 66, 67, 68, 69, 70, 71, 72,  
73, 74, 75, 76, 77, 78, 79, 80, 81, 82, 83, 84, 85, 86, 87, 88, 89, 90, 91, 92, 93, 94, 95,  
96, 97, 98, 99, 100,

40

これは、細胞中に提供または導入できる異なるmiRNA分子の数にも当てはまる。

#### 【0081】

本発明は、本発明の組成物または本発明の方法を実施するための組成物を含むキットにも関する。いくつかの態様では、キットを使用して、1種または複数種のmiRNA分子を評価することができる。ある態様では、キットは、

1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8,

9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31,

32, 33, 34, 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 44, 45, 46, 47, 48, 49, 50

もしくはこれ以上、またはこれらから導かれる任意の範囲および組み合わせのmiRNAプローブ、合成miRNA分子、もしくはmiRNA阻害因子を含むか、少なくとも含むか、または最大で含む。いくつかの態様では、細胞内のmiRNAの活性を評価するためのキットが存在する。

【0082】

キットは、チューブ、ボトル、バイアル、シリング、または他の適切な容器手段など、個別に包装可能かまたは容器内に配置可能な成分を含むことができる。

【0083】

個々の成分は、濃縮された量でキット内に提供してもよく；いくつかの態様で、成分は、他の成分とともに溶液中に存在する場合と同じ濃度で個別に提供される。成分の濃度は、1×、2×、5×、10×、もしくは20×、またはこれ以上として提供してもよい。

【0084】

処置、予後予測、または診断的応用のためのmiRNAプローブ、合成miRNA、非合成、および/またはmiRNA阻害因子を使用するキットは、本発明の一部として含まれる。本明細書に記載する分子など、生物学的活性に影響することが報告されている任意のmiRNAに対応する任意のこのような分子が、特に想定される。

【0085】

ある局面では、陰性および/または陽性の対照の合成miRNAおよび/またはmiRNA阻害因子が、いくつかのキット態様に含まれる。対照分子を用いて、トランスフェクション効率および/またはトランスフェクションによって誘導される細胞の変化に対する対照を検証することができる。

【0086】

本明細書に記載する任意の方法または組成物は、本明細書に記載する他の任意の方法または組成物に関して実行でき、かつ異なる態様を組み合わせてもよいことが想定される。合成miRNAが、生理学的な環境で成熟miRNAになることを可能とする適切な条件に曝露される範囲で、miRNA分子またはmiRNAに関して本明細書で説明する任意の方法および組成物が、合成miRNAに関しても実施してもよいことが特に想定される。当初出願した請求項は、出願した任意の請求項または出願した請求項の組み合わせに複数從属する請求項をカバーすることが想定されている。

【0087】

指定の特定のmiRNAを含む本発明の任意の態様は、配列が指定のmiRNAの成熟配列と少なくとも80%、81%、82%、83%、84%、85%、86%、87%、88%、89%、90%、91%、92%、93%、94%、95%、96%、97%、98%、99%同一なmiRNAを含む態様をカバーすることも想定される。

【0088】

本発明の態様は、適切な容器手段中に、2種類もしくは2種類以上のmiRNAプローブを含む、試料のmiRNAプロファイルの評価による病理学的試料の解析用のキットを含み、miRNAプローブは、

10

20

30

40

hsa-let-7a, hsa-let-7b, hsa-let-7c, hsa-let-7d, hsa-let-7e, hsa-let-7f, hsa-let-7g, hsa-let-7i, hsa-miR-100, hsa-miR-101, hsa-miR-103, hsa-miR-106a, hsa-miR-106b, hsa-miR-107, hsa-iR-10a, hsa-miR-125a, hsa-miR-125b, hsa-miR-130a, hsa-miR-130b, hsa-miR-134, hsa-miR-140, hsa-miR-141, hsa-miR-143, hsa-miR-145, hsa-miR-146a, hsa-miR-148a, hsa-miR-148b, hsa-miR-150, hsa-miR-154, hsa-miR-155, hsa-miR-15b, hsa-miR-17-5p, hsa-miR-18, hsa-miR-181b, hsa-miR-182, hsa-miR-186, hsa-miR-196a, hsa-miR-196b, hsa-miR-199a, hsa-miR-199a-AS, hsa-miR-19a, hsa-miR-19b, hsa-miR-200a, hsa-miR-200b, hsa-miR-200c, hsa-miR-203, hsa-miR-21, hsa-miR-210, hsa-miR-214, hsa-miR-216, hsa-miR-217, hsa-miR-221, hsa-miR-222, hsa-miR-223, hsa-miR-224, hsa-miR-23a, hsa-miR-24, hsa-miR-25, hsa-miR-26a, hsa-miR-26b, hsa-miR-27a, hsa-miR-27b, hsa-miR-28, hsa-miR-29a, hsa-miR-29b, hsa-miR-29c, hsa-miR-30a-3p, hsa-miR-30a-5p, hsa-miR-30b, hsa-miR-30c, hsa-miR-30d, hsa-miR-30e-3p, hsa-miR-30e-5p, hsa-miR-31, hsa-miR-331, hsa-miR-335, hsa-miR-365, hsa-miR-368, hsa-miR-374, hsa-miR-375, hsa-miR-376a, hsa-miR-377, hsa-miR-379, hsa-miR-429, hsa-miR-93, hsa-miR-95, hsa-miR-96, hsa-miR-98, hsa-miR-99a, hsa-miR-99b, hsa-miR-452, hsa-miR-494, hsa-miR-497 または ambi-miR-7105

の1つまたは複数を検出する。キットは、試料中のmiRNAを標識するための試薬をさらに含むことができる。キットは、少なくとも1種類のアミン修飾ヌクレオチド、ポリ(A)ポリメラーゼ、およびポリ(A)ポリメラーゼ緩衝液を含む標識用試薬を含んでもよい。標識用試薬は、アミン反応性色素を含むことができる。

【 0 0 8 9 】

30

(表1) 腺臓試料の評価用のmiRNAプローブのリスト

プローブ配列	SEQ ID NO:	miRNA	miR塩基情報
UGAGGUAGUAGGUUGUUAUAGUU	SEQ ID NO:1	hsa-let-7a	>hsa-let-7a MIMAT0000062
UGAGGUAGUAGGUUGUGUGGUU	SEQ ID NO:2	hsa-let-7b	>hsa-let-7b MIMAT0000063
UGAGGUAGUAGGUUGUAUGGUU	SEQ ID NO:3	hsa-let-7c	>hsa-let-7c MIMAT0000064
AGAGGUAGUAGGUUGCAUAGU	SEQ ID NO:4	hsa-let-7d	>hsa-let-7d MIMAT0000065
UGAGGUAGGAGGUUGUUAUAGU	SEQ ID NO:5	hsa-let-7e	>hsa-let-7e MIMAT0000066
UGAGGUAGUAGAUUGUUAUAGU	SEQ ID NO:6	hsa-let-7f	>hsa-let-7f MIMAT0000067
UGAGGUAGUAGUUUGUACAGU	SEQ ID NO:7	hsa-let-7g	>hsa-let-7g MIMAT0000414
UGAGGUAGUAGUUUGUGCUGU	SEQ ID NO:8	hsa-let-7i	>hsa-let-7i MIMAT0000415
UGGAAUGUAAAGAAGUAUGUA	SEQ ID NO:9	hsa-miR-1	>hsa-miR-1 MIMAT0000416
AACCGUAGAUCCGAACUUGUG	SEQ ID NO:10	hsa-miR-100	>hsa-miR-100 MIMAT0000098
UACAGUACUGUGUAACUGAAG	SEQ ID NO:11	hsa-miR-101	>hsa-miR-101 MIMAT0000099
AGCAGCAUUGUACAGGGCUAUGA	SEQ ID NO:12	hsa-miR-103	>hsa-miR-103 MIMAT0000101
UCAAAUGCUCAGACUCCUGU	SEQ ID NO:13	hsa-miR-105	>hsa-miR-105 MIMAT0000102
AAAAGUGCUUACAGUGCAGGUAGC	SEQ ID NO:14	hsa-miR-106a	>hsa-miR-106a MIMAT0000103
UAAAGUGCUGACAGUGCAGAU	SEQ ID NO:15	hsa-miR-106b	>hsa-miR-106b MIMAT0000680
AGCAGCAUUGUACAGGGCUAUCA	SEQ ID NO:16	hsa-miR-107	>hsa-miR-107 MIMAT0000104
UACCCUGUAGAUCCGAAUUUGUG	SEQ ID NO:17	hsa-miR-10a	>hsa-miR-10a MIMAT0000253
UACCCUGUAGAACCGAAUUUGU	SEQ ID NO:18	hsa-miR-10b	>hsa-miR-10b MIMAT0000254
UGGAGUGUGACAAUGGUGUUUGU	SEQ ID NO:19	hsa-miR-122a	>hsa-miR-122a MIMAT0000421
UUAAGGCACGCCGGUGAAUGCCA	SEQ ID NO:20	hsa-miR-124a	>hsa-miR-124a MIMAT0000422
UCCCUGAGACCCUUUAACCUGUG	SEQ ID NO:21	hsa-miR-125a	>hsa-miR-125a MIMAT0000443
UCCCUGAGACCCUAACUUGUGA	SEQ ID NO:22	hsa-miR-125b	>hsa-miR-125b MIMAT0000423
UCGUACCGUGAGUAUAAAUGC	SEQ ID NO:23	hsa-miR-126	>hsa-miR-126 MIMAT0000445
CAUUUUACUUUGGUACGCG	SEQ ID NO:24	hsa-miR-126-AS	>hsa-miR-126* MIMAT0000444
UCGGAUCCGUCUGAGCUUGGCU	SEQ ID NO:25	hsa-miR-127	>hsa-miR-127 MIMAT0000446

10

20

30

40

UCACAGUGAACCGGUCUCUUUU	SEQ ID NO:26	hsa-miR-128a	>hsa-miR-128a MIMAT0000424
CUUUUUGCGGUCUGGGCUUGC	SEQ ID NO:27	hsa-miR-129	>hsa-miR-129 MIMAT0000242
CAGUGCAAUGUAAAAGGGCAU	SEQ ID NO:28	hsa-miR-130a	>hsa-miR-130a MIMAT0000425
CAGUGCAAUGAUGAAAGGGCAU	SEQ ID NO:29	hsa-miR-130b	>hsa-miR-130b MIMAT0000691
UAACAGUCUACAGCCAUGGUCG	SEQ ID NO:30	hsa-miR-132	>hsa-miR-132 MIMAT0000426
UUGGUCCCCUUCUCAACCAGCUGU	SEQ ID NO:31	hsa-miR-133a	>hsa-miR-133a MIMAT0000427
UGUGACUGGUUGACCAGAGGG	SEQ ID NO:32	hsa-miR-134	>hsa-miR-134 MIMAT0000447
UAUGGCUUUUUAUCCUAUGUGA	SEQ ID NO:33	hsa-miR-135a	>hsa-miR-135a MIMAT0000428
UAUGGCUUUUCAUCCUAUGUG	SEQ ID NO:34	hsa-miR-135b	>hsa-miR-135b MIMAT0000758
ACUCCAUUUGUUUUGAUGAUGGA	SEQ ID NO:35	hsa-miR-136	>hsa-miR-136 MIMAT0000448
UAUUGCUUUAGAAUACGCGUAG	SEQ ID NO:36	hsa-miR-137	>hsa-miR-137 MIMAT0000429
AGCUGGUGUUGUGAAUC	SEQ ID NO:37	hsa-miR-138	>hsa-miR-138 MIMAT0000430
UCUACAGUGCACGUGUCU	SEQ ID NO:38	hsa-miR-139	>hsa-miR-139 MIMAT0000250
AGUGGUUUUACCCUAUGGUAG	SEQ ID NO:39	hsa-miR-140	>hsa-miR-140 MIMAT0000431
UAACACUGUCUGGUAAAAGAUGG	SEQ ID NO:40	hsa-miR-141	>hsa-miR-141 MIMAT0000432
UGUAGUGUUUCCUACUUUAUGGA	SEQ ID NO:41	hsa-miR-142-3p	>hsa-miR-142-3p MIMAT0000434
CAUAAAGUAGAAAGCACUAC	SEQ ID NO:42	hsa-miR-142-5p	>hsa-miR-142-5p MIMAT0000433
UGAGAUGAAGCACUGUAGCUCA	SEQ ID NO:43	hsa-miR-143	>hsa-miR-143 MIMAT0000435
UACAGUAUAGAUGAUGUACUAG	SEQ ID NO:44	hsa-miR-144	>hsa-miR-144 MIMAT0000436
GUCCAGUUUUCCCAGGAAUCCUU	SEQ ID NO:45	hsa-miR-145	>hsa-miR-145 MIMAT0000437
UGAGAACUGAAUCCUAGGGUU	SEQ ID NO:46	hsa-miR-146a	>hsa-miR-146a MIMAT0000449
GUGUGUGGAAUGCUCUCUGC	SEQ ID NO:47	hsa-miR-147	>hsa-miR-147 MIMAT0000251
UCAGUGCACUACAGAACUUUGU	SEQ ID NO:48	hsa-miR-148a	>hsa-miR-148a MIMAT0000243
UCAGUGCAUCACAGAACUUUGU	SEQ ID NO:49	hsa-miR-148b	>hsa-miR-148b MIMAT0000759
UCUGGCUCCGUGUCUUCACUCC	SEQ ID NO:50	hsa-miR-149	>hsa-miR-149 MIMAT0000450
UCUCCCAACCCUUGUACCAGUG	SEQ ID NO:51	hsa-miR-150	>hsa-miR-150 MIMAT0000451
ACUAGACUGAAGCUCCUUGAGG	SEQ ID NO:52	hsa-miR-151	>hsa-miR-151 MIMAT0000757
UCAGUGCAUGACAGAACUUGGG	SEQ ID NO:53	hsa-miR-152	>hsa-miR-152 MIMAT0000438
UUGCAUAGUCACAAAAGUGA	SEQ ID NO:54	hsa-miR-153	>hsa-miR-153 MIMAT0000439
UAGGUUAUCCGUGUUGCCUUCG	SEQ ID NO:55	hsa-miR-154	>hsa-miR-154 MIMAT0000452
UUAAUGCUAAUCGUGAUAGGGG	SEQ ID NO:56	hsa-miR-155	>hsa-miR-155 MIMAT0000646

10

20

30

40

UAGCAGCACAUAAUGGUUUGUG	SEQ ID NO:57	hsa-miR-15a	>hsa-miR-15a MIMAT0000068
UAGCAGCACAUCAUGGUUUACA	SEQ ID NO:58	hsa-miR-15b	>hsa-miR-15b MIMAT0000417
UAGCAGCACGUAAAUAUUGGCG	SEQ ID NO:59	hsa-miR-16	>hsa-miR-16 MIMAT0000069
ACUGCAGUGAAGGCACUUGU	SEQ ID NO:60	hsa-miR-17-3p	>hsa-miR-17-3p MIMAT0000071
CAAAGUGCUUACAGUGCAGGUAGU	SEQ ID NO:61	hsa-miR-17-5p	>hsa-miR-17-5p MIMAT0000070
UAAGGUGCAUCUAGUGCAGAUA	SEQ ID NO:62	hsa-miR-18a	>hsa-miR-18a MIMAT0000072
AAACAUUCAACGCUGUCGGUGAGU	SEQ ID NO:63	hsa-miR-181a	>hsa-miR-181a MIMAT0000256
AAACAUUCAUUGCUGUCGGUGGG	SEQ ID NO:64	hsa-miR-181b	>hsa-miR-181b MIMAT0000257
AAACAUUCAACCUGUCGGUGAGU	SEQ ID NO:65	hsa-miR-181c	>hsa-miR-181c MIMAT0000258
UUUGGCAAUGGUAGAACUCACA	SEQ ID NO:66	hsa-miR-182	>hsa-miR-182 MIMAT0000259
UGGUUCUAGACUUGCCAACUA	SEQ ID NO:67	hsa-miR-182-AS	>hsa-miR-182* MIMAT0000260
UAUGGCACUGGUAGAAUUCACUG	SEQ ID NO:68	hsa-miR-183	>hsa-miR-183 MIMAT0000261
UGGACGGAGAACUGUAAGGGU	SEQ ID NO:69	hsa-miR-184	>hsa-miR-184 MIMAT0000454
UGGAGAGAAAGGCAGUUC	SEQ ID NO:70	hsa-miR-185	>hsa-miR-185 MIMAT0000455
CAAAGAAUUCUCCUUUUGGCCUU	SEQ ID NO:71	hsa-miR-186	>hsa-miR-186 MIMAT0000456
UCGUGUCUUGUGUUGGCAGCCG	SEQ ID NO:72	hsa-miR-187	>hsa-miR-187 MIMAT0000262
CAUCCCUUGCAUGGUGGGAGGGU	SEQ ID NO:73	hsa-miR-188	>hsa-miR-188 MIMAT0000457
GUGCCUACUGAGCUGAUACAGU	SEQ ID NO:74	hsa-miR-189	>hsa-miR-189 MIMAT0000079
UGAUUAUGUUGAUAAUUAUAGGU	SEQ ID NO:75	hsa-miR-190	>hsa-miR-190 MIMAT0000458
CAACGGAAUCCCAAAAGCAGCU	SEQ ID NO:76	hsa-miR-191	>hsa-miR-191 MIMAT0000440
CUGACCUALGAAUUGACAGCC	SEQ ID NO:77	hsa-miR-192	>hsa-miR-192 MIMAT0000222
AACUGGCCUACAAAGUCCAG	SEQ ID NO:78	hsa-miR-193a	>hsa-miR-193a MIMAT0000459
UGUAACAGCAACUCCAUGUGGA	SEQ ID NO:79	hsa-miR-194	>hsa-miR-194 MIMAT0000460
UAGCAGCACAGAAAUAUUGGC	SEQ ID NO:80	hsa-miR-195	>hsa-miR-195 MIMAT0000461
UAGGUAGUUUCAUGUUGUUGG	SEQ ID NO:81	hsa-miR-196a	>hsa-miR-196a MIMAT0000226
UAGGUAGUUUCCUGUUGUUGG	SEQ ID NO:82	hsa-miR-196b	>hsa-miR-196b MIMAT0001080
UUCACCACCUUCUCCACCCAGC	SEQ ID NO:83	hsa-miR-197	>hsa-miR-197 MIMAT0000227
GGUCCAGAGGGAGAUAGG	SEQ ID NO:84	hsa-miR-198	>hsa-miR-198 MIMAT0000228
CCCAAGUUCAGACUACCUGUUC	SEQ ID NO:85	hsa-miR-199a	>hsa-miR-199a MIMAT0000231
UACAGUAGUCUGCACAUUGGUU	SEQ ID NO:86	hsa-miR-199a-AS	>hsa-miR-199a* MIMAT0000232
CCCAAGUUUUAGACUAUCUGUUC	SEQ ID NO:87	hsa-miR-199b	>hsa-miR-199b MIMAT0000263
UGUGCAAAUCUAUGCAAAACUGA	SEQ ID NO:88	hsa-miR-19a	>hsa-miR-19a MIMAT0000073

10

20

30

40

UGUGCAAAUCCAUGCAAAACUGA	SEQ ID NO:89	hsa-miR-19b	>hsa-miR-19b MIMAT0000074
UAAAGUGCUUAUAGUGCAGGUAG	SEQ ID NO:90	hsa-miR-20a	>hsa-miR-20a MIMAT0000075
UAACACUGUCUGGUACGAUGU	SEQ ID NO:91	hsa-miR-200a	>hsa-miR-200a MIMAT0000682
UAAUACUGCCUGGUAAUGAUGAC	SEQ ID NO:92	hsa-miR-200b	>hsa-miR-200b MIMAT0000318
UAAUACUGCCGGUAAUGAUGG	SEQ ID NO:93	hsa-miR-200c	>hsa-miR-200c MIMAT0000617
GUGAAAGUUUAGGACCACUAG	SEQ ID NO:94	hsa-miR-203	>hsa-miR-203 MIMAT0000264
UCCCCUUUGUCAUCCUAUGCCU	SEQ ID NO:95	hsa-miR-204	>hsa-miR-204 MIMAT0000265
UCCUCAUUCACCGGAGUCUG	SEQ ID NO:96	hsa-miR-205	>hsa-miR-205 MIMAT0000266
UGGAAUGUAAGGAAGUGUGUGG	SEQ ID NO:97	hsa-miR-206	>hsa-miR-206 MIMAT0000462
AUAAGACGAGCAAAAGCUUGU	SEQ ID NO:98	hsa-miR-208	>hsa-miR-208 MIMAT0000241
UAGCUUAUCAGACUGAUGUUGA	SEQ ID NO:99	hsa-miR-21	>hsa-miR-21 MIMAT0000076
CUGUGCGUGUGACAGCGGCUGA	SEQ ID NO:100	hsa-miR-210	>hsa-miR-210 MIMAT0000267
UUCCCCUUUGUCAUCCUUCGCCU	SEQ ID NO:101	hsa-miR-211	>hsa-miR-211 MIMAT0000268
UAACAGUCUCCAGUCACGGCC	SEQ ID NO:102	hsa-miR-212	>hsa-miR-212 MIMAT0000269
ACCAUCGACCGUUGAUUGUACC	SEQ ID NO:103	hsa-miR-213	>hsa-miR-181a* MIMAT0000270
ACAGCAGGCACAGACAGGCAG	SEQ ID NO:104	hsa-miR-214	>hsa-miR-214 MIMAT0000271
AUGACCUAUGAAUUGACAGAC	SEQ ID NO:105	hsa-miR-215	>hsa-miR-215 MIMAT0000272
UAAUCUCAGCUGGCAACUGUG	SEQ ID NO:106:	hsa-miR-216	>hsa-miR-216 MIMAT0000273
UACUGCAUCAGGAACUGAUUGGAU	SEQ ID NO:107	hsa-miR-217	>hsa-miR-217 MIMAT0000274
UUGUGCUUGAUCUAACCAUGU	SEQ ID NO:108	hsa-miR-218	>hsa-miR-218 MIMAT0000275
UGAUUGUCCAAACGCAAUUCU	SEQ ID NO:109	hsa-miR-219	>hsa-miR-219 MIMAT0000276
AAGCUGCCAGUUGAAGAACUGU	SEQ ID NO:110	hsa-miR-22	>hsa-miR-22 MIMAT0000077
CCACACCGUAUCUGACACUUU	SEQ ID NO:111	hsa-miR-220	>hsa-miR-220 MIMAT0000277
AGCUACAUUGUCUGCUGGGUUUC	SEQ ID NO:112	hsa-miR-221	>hsa-miR-221 MIMAT0000278
AGCUACAUUCUGGUACUGGGUCUC	SEQ ID NO:113	hsa-miR-222	>hsa-miR-222 MIMAT0000279
UGUCAGUUUGUCAAUAACCCC	SEQ ID NO:114	hsa-miR-223	>hsa-miR-223 MIMAT0000280
CAAGUCACUAGUGGUUCCGUUUA	SEQ ID NO:115	hsa-miR-224	>hsa-miR-224 MIMAT0000281
AUCACAUUGCAGGGAUUUC	SEQ ID NO:116	hsa-miR-23a	>hsa-miR-23a MIMAT0000078
AUCACAUUGCAGGGAUUACC	SEQ ID NO:117	hsa-miR-23b	>hsa-miR-23b MIMAT0000418
UGGCUCAGUUCAGCAGGAACAG	SEQ ID NO:118	hsa-miR-24	>hsa-miR-24 MIMAT0000080
CAUUGCACUUGUCUCGGUCUGA	SEQ ID NO:119	hsa-miR-25	>hsa-miR-25 MIMAT0000081
UUCAAGUAAUCCAGGAUAGGC	SEQ ID NO:120	hsa-miR-26a	>hsa-miR-26a MIMAT0000082

10

20

30

40

UUCAAGUAUUUCAGGAUAGGUU	SEQ ID NO:121	hsa-miR-26b	>hsa-miR-26b MIMAT0000083
UUCACAGUGGCUAAGUUCCGC	SEQ ID NO:122	hsa-miR-27a	>hsa-miR-27a MIMAT0000084
UUCACAGUGGCUAAGUUCUGC	SEQ ID NO:123	hsa-miR-27b	>hsa-miR-27b MIMAT0000419
AAGGAGCUCACAGUCUAUUGAG	SEQ ID NO:124	hsa-miR-28	>hsa-miR-28 MIMAT0000085
AGGGCCCCCUCAAUCCUGU	SEQ ID NO:125	hsa-miR-296	>hsa-miR-296 MIMAT0000690
UGGUUUACCGUCCCACAUACAU	SEQ ID NO:126	hsa-miR-299-5p	>hsa-miR-299-5p MIMAT0002890
UAGCACCAUCUGAAAUCGGUU	SEQ ID NO:127	hsa-miR-29a	>hsa-miR-29a MIMAT0000086
UAGCACCAUUUGAAAUCAGGUU	SEQ ID NO:128	hsa-miR-29b	>hsa-miR-29b MIMAT0000100
UAGCACCAUUUGAAAUCGGU	SEQ ID NO:129	hsa-miR-29c	>hsa-miR-29c MIMAT0000681
CAGUGCAAUAGUAUUGUCAAAGC	SEQ ID NO:130	hsa-miR-301	>hsa-miR-301 MIMAT0000688
UAAGUGCUUCCAUGUUUUGUGA	SEQ ID NO:131	hsa-miR-302a	>hsa-miR-302a MIMAT0000684
UAAGUGCUUCCAUGUUUAGUAG	SEQ ID NO:132	hsa-miR-302b	>hsa-miR-302b MIMAT0000715
ACUUUAACAUGGAAGUGCUUUCU	SEQ ID NO:133	hsa-miR-302b-AS	>hsa-miR-302b* MIMAT0000714
UAAGUGCUUCCAUGUUUCAGUGG	SEQ ID NO:134	hsa-miR-302c	>hsa-miR-302c MIMAT0000717
UUUAACAUGGGGUACCUGCUG	SEQ ID NO:135	hsa-miR-302c-AS	>hsa-miR-302c* MIMAT0000716
UAAGUGCUUCCAUGUUUGAGUGU	SEQ ID NO:136	hsa-miR-302d	>hsa-miR-302d MIMAT0000718
CUUCAGUCGGAUGUUUGCAGC	SEQ ID NO:137	hsa-miR-30a-3p	>hsa-miR-30a-3p MIMAT0000088
UGUAAACAUCCUCGACUGGAAG	SEQ ID NO:138	hsa-miR-30a-5p	>hsa-miR-30a-5p MIMAT0000087
UGUAAACAUCCUACACUCAGCU	SEQ ID NO:139	hsa-miR-30b	>hsa-miR-30b MIMAT0000420
UGUAAACAUCCUACACUCUCAGC	SEQ ID NO:140	hsa-miR-30c	>hsa-miR-30c MIMAT0000244
UGUAAACAUCCCCGACUGGAAG	SEQ ID NO:141	hsa-miR-30d	>hsa-miR-30d MIMAT0000245
CUUCAGUCGGAUGUUUACAGC	SEQ ID NO:142	hsa-miR-30e-3p	>hsa-miR-30e-3p MIMAT0000693
UGUAAACAUCCUUGACUGGA	SEQ ID NO:143	hsa-miR-30e-5p	>hsa-miR-30e-5p MIMAT0000692
GGCAAGAUGCUGGCAUAGCUG	SEQ ID NO:144	hsa-miR-31	>hsa-miR-31 MIMAT0000089
UAUUGCACAUUACUAAGUUGC	SEQ ID NO:145	hsa-miR-32	>hsa-miR-32 MIMAT0000090
AAAAGCUGGGUUGAGAGGGCGAA	SEQ ID NO:146	hsa-miR-320	>hsa-miR-320 MIMAT0000510
GCACAUUACACGGUCGACCUCU	SEQ ID NO:147	hsa-miR-323	>hsa-miR-323 MIMAT0000755
CCACUGCCCCAGGUGCUGCUGG	SEQ ID NO:148	hsa-miR-324-3p	>hsa-miR-324-3p MIMAT0000762
CGCAUCCCCUAGGGCAUUGGUGU	SEQ ID NO:149	hsa-miR-324-5p	>hsa-miR-324-5p MIMAT0000761
CCUAGUAGGUGUCCAGUAAGUGU	SEQ ID NO:150	hsa-miR-325	>hsa-miR-325 MIMAT0000771
CCUCUGGGCCCUUCCUCCAG	SEQ ID NO:151	hsa-miR-326	>hsa-miR-326 MIMAT0000756
CUGGCCUCUCUGCCCCUCCGU	SEQ ID NO:152	hsa-miR-328	>hsa-miR-328 MIMAT0000752

10

20

30

40

GUGCAUUGUAGUUGCAUUG	SEQ ID NO:153	hsa-miR-33	>hsa-miR-33 MIMAT0000091
GCAAAGCACACGGCCUGCAGAGA	SEQ ID NO:154	hsa-miR-330	>hsa-miR-330 MIMAT0000751
GCCCCUGGGCCUAUCCUAGAA	SEQ ID NO:155	hsa-miR-331	>hsa-miR-331 MIMAT0000760
UCAAGAGCAAAUACGAAAAAUGU	SEQ ID NO:156	hsa-miR-335	>hsa-miR-335 MIMAT0000765
UCCAGCUCCUAUAUGAUGCCUUU	SEQ ID NO:157	hsa-miR-337	>hsa-miR-337 MIMAT0000754
UCCAGCAUCAGUGAUUUUGUUGA	SEQ ID NO:158	hsa-miR-338	>hsa-miR-338 MIMAT0000763
UCCCUGUCCUCCAGGAGCUA	SEQ ID NO:159	hsa-miR-339	>hsa-miR-339 MIMAT0000764
UCCGUCUCAGUUACUUUAUAGCC	SEQ ID NO:160-	hsa-miR-340	>hsa-miR-340 MIMAT0000750
UCUCACACAGAAAUCGCACCCGUC	SEQ ID NO:161	hsa-miR-342	>hsa-miR-342 MIMAT0000753
UGCUGACUCCUAGGUCCAGGGC	SEQ ID NO:162	hsa-miR-345	>hsa-miR-345 MIMAT0000772
UGUCUGCCCGCAUGCCUGGCCUCU	SEQ ID NO:163	hsa-miR-346	>hsa-miR-346 MIMAT0000773
UGGCAGUGUCUUAGCUGGUUGUU	SEQ ID NO:164	hsa-miR-34a	>hsa-miR-34a MIMAT0000255
UAGGCAGUGUCAUUAGCUGAUUG	SEQ ID NO:165	hsa-miR-34b	>hsa-miR-34b MIMAT0000685
AGGCAGUGUAGUUAGCUGAUUGC	SEQ ID NO:166	hsa-miR-34c	>hsa-miR-34c MIMAT0000686
UUAUCAGAAUCUCCAGGGGUAC	SEQ ID NO:167	hsa-miR-361	>hsa-miR-361 MIMAT0000703
UAAUGCCCCUAAAAAUCCUUAU	SEQ ID NO:168	hsa-miR-365	>hsa-miR-365 MIMAT0000710
AAUUGCACUUUAGCAAUGGUGA	SEQ ID NO:169	hsa-miR-367	>hsa-miR-367 MIMAT0000719
ACAUAGAGGAAAUUCCACGUUU	SEQ ID NO:170	hsa-miR-368	>hsa-miR-368 MIMAT0000720
AAUAAUACAUGGUUGAUCUUU	SEQ ID NO:171	hsa-miR-369-3p	>hsa-miR-369-3p MIMAT0000721
GCCUGCUGGGUGGAACCUUG	SEQ ID NO:172	hsa-miR-370	>hsa-miR-370 MIMAT0000722
GUGCCGCCAUCUUUUGAGUGU	SEQ ID NO:173	hsa-miR-371	>hsa-miR-371 MIMAT0000723
AAAGUGCUGCGACAUUUGAGCGU	SEQ ID NO:174	hsa-miR-372	>hsa-miR-372 MIMAT0000724
GAAGUGCUUCGAUUUUGGGGUGU	SEQ ID NO:175	hsa-miR-373	>hsa-miR-373 MIMAT0000726
ACUAAAUGGGGCGCUUUC	SEQ ID NO:176	hsa-miR-373-AS	>hsa-miR-373* MIMAT0000725
UUUAUAUACAACCUGAUAGUG	SEQ ID NO:177	hsa-miR-374	>hsa-miR-374 MIMAT0000727
UUUGUUCGUUCGGCUCGCGUGA	SEQ ID NO:178	hsa-miR-375	>hsa-miR-375 MIMAT0000728
AUCAUAGAGGAAAUUCCACGU	SEQ ID NO:179	hsa-miR-376a	>hsa-miR-376a MIMAT0000729
AUCACACAAAGGCAACUUUUGU	SEQ ID NO:180	hsa-miR-377	>hsa-miR-377 MIMAT0000730
CUCCUGACUCCAGGUCCUGUGU	SEQ ID NO:181	hsa-miR-378	>hsa-miR-378 MIMAT0000731
UGGUAGACUAUGGAACGUA	SEQ ID NO:182	hsa-miR-379	>hsa-miR-379 MIMAT0000733
UAUGUAAUAGGUCCACAUUU	SEQ ID NO:183	hsa-miR-380-3p	>hsa-miR-380-3p MIMAT0000735
UGGUUGACCAUAGAACAGCGC	SEQ ID NO:184	hsa-miR-380-5p	>hsa-miR-380-5p MIMAT0000734

10

20

30

40

UAUACAAGGGCAAGCUCUCUGU	SEQ ID NO:185	hsa-miR-381	>hsa-miR-381 MIMAT0000736
GAAGUUGUUCGUGGUGGAUUCG	SEQ ID NO:186	hsa-miR-382	>hsa-miR-382 MIMAT0000737
AGAUCAGAAGGUGAUUGUGGCCU	SEQ ID NO:187	hsa-miR-383	>hsa-miR-383 MIMAT0000738
AUUCUAGAAAUUGUUCAUA	SEQ ID NO:188	hsa-miR-384	>hsa-miR-384 MIMAT0001075
CUGGACUUAGGGUCAGAAGGCC	SEQ ID NO:189	hsa-miR-422a	>hsa-miR-422a MIMAT0001339
CUGGACUUGGAGUCAGAAGGCC	SEQ ID NO:190	hsa-miR-422b	>hsa-miR-422b MIMAT0000732
AGCUCGGUCUGAGGCCUCAG	SEQ ID NO:191	hsa-miR-423	>hsa-miR-423 MIMAT0001340
CAGCAGCAAUCAUGUUUUGAA	SEQ ID NO:192	hsa-miR-424	>hsa-miR-424 MIMAT0001341
AUCGGAAUGUCGUGGUCCGCC	SEQ ID NO:193	hsa-miR-425	>hsa-miR-425-3p MIMAT0001343
UAUAUCUGUCUGGUAAAACCGU	SEQ ID NO:194	hsa-miR-429	>hsa-miR-429 MIMAT0001536
UUGCAUAUGUAGGAUGGUCCAU	SEQ ID NO:195	hsa-miR-448	>hsa-miR-448 MIMAT0001532
UGGCAGUGUAUUGUUAGCUGGU	SEQ ID NO:196	hsa-miR-449	>hsa-miR-449 MIMAT0001541
UUUUGCGAUGUGUUCGUUAUA	SEQ ID NO:197	hsa-miR-450	>hsa-miR-450 MIMAT0001545
UGGAAGACUAGUGAUUUUGUUG	SEQ ID NO:198	hsa-miR-7	>hsa-miR-7 MIMAT0000252
UCUUUGGUUAUCUAGCUGUAUGA	SEQ ID NO:199	hsa-miR-9	>hsa-miR-9 MIMAT0000441
AAAAGCUAGAUACCGAAAGU	SEQ ID NO:200	hsa-miR-9-AS	>hsa-miR-9* MIMAT0000442
UAUUGCACUUGUCCGGCCUG	SEQ ID NO:201	hsa-miR-92	>hsa-miR-92 MIMAT0000092
AAAGUGCUGUUCGUGCAGGUAG	SEQ ID NO:202	hsa-miR-93	>hsa-miR-93 MIMAT0000093
UUCAACGGGUAUUUAUUGAGCA	SEQ ID NO:203	hsa-miR-95	>hsa-miR-95 MIMAT0000094
UUUGGCACUAGCACAUUUUGC	SEQ ID NO:204	hsa-miR-96	>hsa-miR-96 MIMAT0000095
UGAGGUAGUAAGUUGUAUUGUU	SEQ ID NO:205	hsa-miR-98	>hsa-miR-98 MIMAT0000096
AACCGUAGAUCCGAUCUUGUG	SEQ ID NO:206	hsa-miR-99a	>hsa-miR-99a MIMAT0000097
CACCGUAGAACCGACCUUGCG	SEQ ID NO:207	hsa-miR-99b	>hsa-miR-99b MIMAT0000689
CUAUACGACCUGCUGCCUUUCU	SEQ ID NO:208	mmu-let-7d-AS	>mmu-let-7d* MIMAT0000384
UACAGUACUGUGAUAGCUGAAG	SEQ ID NO:209	mmu-miR-101b	>mmu-miR-101b MIMAT0000616
CAAAGUGCUAACAGUGCAGGU	SEQ ID NO:210	mmu-miR-106a	>mmu-miR-106a MIMAT0000385
AAGCCCUUACCCAAAAAGCAU	SEQ ID NO:211	mmu-miR-129-3p	>mmu-miR-129-3p MIMAT0000544
UACCACAGGGUAGAACCGACGGA	SEQ ID NO:212	mmu-miR-140-AS	>mmu-miR-140* MIMAT0000152
CUAGACUGAGGCUCGUUGAGG	SEQ ID NO:213	mmu-miR-151	>mmu-miR-151 MIMAT0000161
UUAAUGCUAAUUGUGAUAGGGG	SEQ ID NO:214	mmu-miR-155	>mmu-miR-155 MIMAT0000165
ACUGCAGUGAGGGCACUUGUA	SEQ ID NO:215	mmu-miR-17-3p	>mmu-miR-17-3p MIMAT0000650
CUGACCUAUGAAUUGACA	SEQ ID NO:216	mmu-miR-192	>mmu-miR-192 MIMAT0000517

10

20

30

40

CCCAGUGUUUAGACUACCUGUUC	SEQ ID NO:217	mmu-miR-199b	>mmu-miR-199b MIMAT0000672
UACUCAGUAAGGCAUUGUUCU	SEQ ID NO:218	mmu-miR-201	>mmu-miR-201 MIMAT0000234
AGAGGUAUAGCGCAUGGGAAGA	SEQ ID NO:219	mmu-miR-202	>mmu-miR-202 MIMAT0000235
GCUUCUCCUGGCUCUCUCCCUC	SEQ ID NO:220	mmu-miR-207	>mmu-miR-207 MIMAT0000240
UUCCUUUGUCAUCCUUUGCCU	SEQ ID NO:221	mmu-miR-211	>mmu-miR-211 MIMAT0000668
AUGACCUAUGAUUUGACAGAC	SEQ ID NO:222	mmu-miR-215	>mmu-miR-215 MIMAT0000904
UACUGCAUCAGGAACUGACUGGAU	SEQ ID NO:223	mmu-miR-217	>mmu-miR-217 MIMAT0000679
CUAAACUAUGGGGGCACUUUUU	SEQ ID NO:224	mmu-miR-290	>mmu-miR-290 MIMAT0000366
AAAGUGCUUCCACUUUGUGUGCC	SEQ ID NO:225	mmu-miR-291-3p	>mmu-miR-291a-3p MIMAT0000368
CAUCAAAGUGGAGGCCUCUCU	SEQ ID NO:226	mmu-miR-291-5p	>mmu-miR-291a-5p MIMAT0000367
AAGUGCCGCCAGGUUUUGAGUGU	SEQ ID NO:227	mmu-miR-292-3p	>mmu-miR-292-3p MIMAT0000370
ACUCAAACUGGGGGCUCUUUUG	SEQ ID NO:228	mmu-miR-292-5p	>mmu-miR-292-5p MIMAT0000369
AGUGCCGCAGAGUUUUGAGUGU	SEQ ID NO:229	mmu-miR-293	>mmu-miR-293 MIMAT0000371
AAAGUGCUUCCCCUUUUGUGUGU	SEQ ID NO:230	mmu-miR-294	>mmu-miR-294 MIMAT0000372
AAAGUGCUACUACUUUUGAGUCU	SEQ ID NO:231	mmu-miR-295	>mmu-miR-295 MIMAT0000373
AUGUAUGUGUGCAUGUGCAUG	SEQ ID NO:232	mmu-miR-297	>mmu-miR-297 MIMAT0000375
GGCAGAGGAGGGCUGUUCUUCC	SEQ ID NO:233	mmu-miR-298	>mmu-miR-298 MIMAT0000376
UAUGCAAGGGCAAGCUCUCUUC	SEQ ID NO:234	mmu-miR-300	>mmu-miR-300 MIMAT0000378
AAACAUGAAGCGCUGCAACA	SEQ ID NO:235	mmu-miR-322	>mmu-miR-322 MIMAT0000549
CAGCAGCAAUCAUGUUUUGGA	SEQ ID NO:236	mmu-miR-424	>mmu-miR-424 MIMAT0000548
CCUAGUAGGUGCUCAGUAAGUGU	SEQ ID NO:237	mmu-miR-325	>mmu-miR-325 MIMAT0000558
AACACACCCAGCUAACCUUUUU	SEQ ID NO:238	mmu-miR-329	>mmu-miR-329 MIMAT0000567
GCAAAGCACAGGCCUGCAGAGA	SEQ ID NO:239	mmu-miR-330	>mmu-miR-330 MIMAT0000569
UUCAGCUCCUAUAUGAUGCCUUU	SEQ ID NO:240	mmu-miR-337	>mmu-miR-337 MIMAT0000578
UCGAUCGGUCGGUCGGUCAGU	SEQ ID NO:241	mmu-miR-341	>mmu-miR-341 MIMAT0000588
UGAUCUAGCCAAGCCUGACUGU	SEQ ID NO:242	mmu-miR-344	>mmu-miR-344 MIMAT0000593
UGCUGACCCUAGUCCAGUGC	SEQ ID NO:243	mmu-miR-345	>mmu-miR-345 MIMAT0000595
UGUCUGCCCCAGUGCCUGCCUCU	SEQ ID NO:244	mmu-miR-346	>mmu-miR-346 MIMAT0000597
UAGGCAGUGUAUUAGCUGAUUG	SEQ ID NO:245	mmu-miR-34b	>mmu-miR-34b MIMAT0000382
UUCACAAAGCCCAUACACUUUCA	SEQ ID NO:246	mmu-miR-350	>mmu-miR-350 MIMAT0000605
UCCUGAGGAGGCCUUUGAGCCUG	SEQ ID NO:247	mmu-miR-351	>mmu-miR-351 MIMAT0000609
AUCGUAGAGGAAAAUCCACGU	SEQ ID NO:248	mmu-miR-376a	>mmu-miR-376a MIMAT0000740

10

20

30

40

AUCAUAGAGGAACAUCCACUUU	SEQ ID NO:249	mmu-miR-376b	>mmu-miR-376b MIMAT0001092
UAUGUAGUAUGGUCCACAUUU	SEQ ID NO:250	mmu-miR-380-3p	>mmu-miR-380-3p MIMAT0000745
AGAUCAGAAGGUGACUGUGGU	SEQ ID NO:251	mmu-miR-383	>mmu-miR-383 MIMAT0000748
AUUCCUAGAAAUUGUUUCACA	SEQ ID NO:252	mmu-miR-384	>mmu-miR-384 MIMAT0001076
GAAUGUUGCUCGGUGAACCCUU	SEQ ID NO:253	mmu-miR-409	>mmu-miR-409 MIMAT0001090
AAUUAACACAGAUGGCCUGU	SEQ ID NO:254	hsa-miR-410	>hsa-miR-410 MIMAT0002171
ACACGGGUCCACUAACCCUCAGU	SEQ ID NO:255	mmu-miR-411	>mmu-miR-411 MIMAT0001093
ACUUCACCUGGUCCACUAGCCGU	SEQ ID NO:256	hsa-miR-412	>hsa-miR-412 MIMAT0002170
UAAUACUGUCUGGUAAUGCCGU	SEQ ID NO:257	mmu-miR-429	>mmu-miR-429 MIMAT0001537
UGGAAGACUUGUGAUUUUGUU	SEQ ID NO:258	mmu-miR-7b	>mmu-miR-7b MIMAT0000678
UCGAGGAGCUCACAGUCUAGUA	SEQ ID NO:259	rno-miR-151-AS	>rno-miR-151* MIMAT0000613
ACUGCAUUACGAGCACUUACA	SEQ ID NO:260	rno-miR-20-AS	>rno-miR-20a* MIMAT0000603
AUGUAUGUGUGCAUGUAUGCAUG	SEQ ID NO:261	rno-miR-297	>rno-miR-297 MIMAT0000899
CCUUGAGGGCAUGAGGGU	SEQ ID NO:262	rno-miR-327	>rno-miR-327 MIMAT0000561
GUGGUGUGCUAGUUACUUUU	SEQ ID NO:263	rno-miR-333	>rno-miR-333 MIMAT0000572
UCACCCUCCAUACUAGUCU	SEQ ID NO:264	rno-miR-336	>rno-miR-336 MIMAT0000576
UCUCCCUCGGUGUGCCAGA	SEQ ID NO:265	rno-miR-343	>rno-miR-343 MIMAT0000591
UGAUCUAGCAAAGCCUGACCGU	SEQ ID NO:266	rno-miR-344	>rno-miR-344 MIMAT0000592
UGUCUGCCUGAGUGCCUGCCUCU	SEQ ID NO:267	rno-miR-346	>rno-miR-346 MIMAT0000596
UGUCCCUCUGGGUCGCCA	SEQ ID NO:268	rno-miR-347	>rno-miR-347 MIMAT0000598
CAGCCCUGCUGCUUAACCUCU	SEQ ID NO:269	rno-miR-349	>rno-miR-349 MIMAT0000599
AGAGUAGUAGGUUGCAUAGUA	SEQ ID NO:270	rno-miR-352	>rno-miR-352 MIMAT0000610
GGCCUCAUAAAUGUUUGUUG	SEQ ID NO:271	rno-miR-421	>rno-miR-421 MIMAT0001320
CAACAAAUCACAGUCUGCCAUA	SEQ ID NO:272	rno-miR-7-AS	>rno-miR-7* MIMAT0000607
AAAAUGGUUCCUUUAGAGGUU	SEQ ID NO:273	hsa-miR-522	>hsa-miR-522 MIMAT0002868
AAAGUGCAUCCUUUAGAGGUU	SEQ ID NO:274	hsa-miR-519b	>hsa-miR-519b MIMAT0002837
AAAGUGCUUCCUUUAGAGGUU	SEQ ID NO:275	hsa-miR-520c	>hsa-miR-520c MIMAT0002846
AAAGUGCCUCCUUUAGAGGUU	SEQ ID NO:276	hsa-miR-519e	>hsa-miR-519e MIMAT0002829
CAAAGUGCCUCCUUUAGAGGUU	SEQ ID NO:277	hsa-miR-519d	>hsa-miR-519d MIMAT0002853
AAAGUGCUUCCUUUAGAGGG	SEQ ID NO:278	hsa-miR-520b	>hsa-miR-520b MIMAT0002843
AAAGUGCAUCUUUUAGAGGAU	SEQ ID NO:279	hsa-miR-519c	>hsa-miR-519c MIMAT0002832
AAAGUGCUUCCUUUAGAGGC	SEQ ID NO:280	hsa-miR-526b-AS	>hsa-miR-526b* MIMAT0002836

10

20

30

40

AAAGUGCUUCCUUUUUGAGGG	SEQ ID NO:281	hsa-miR-520e	>hsa-miR-520e MIMAT0002825
AAAGUGCUUCCUUUGGACUGU	SEQ ID NO:282	hsa-miR-520a	>hsa-miR-520a MIMAT0002834
AAAGUGCUUCUUUGGUGGGUU	SEQ ID NO:283	hsa-miR-520d	>hsa-miR-520d MIMAT0002856
ACAAAGUGCUUCCUUUAGAGGU	SEQ ID NO:284	hsa-miR-520h	>hsa-miR-520h MIMAT0002867
AUCGUGCAUCCUUUAGAGGUU	SEQ ID NO:285	hsa-miR-517a	>hsa-miR-517a MIMAT0002852
AAAGCGCUUCCCUUCAGAGGU	SEQ ID NO:286	hsa-miR-518e	>hsa-miR-518e MIMAT0002861
AACGCACUUCCUUUAGAGGU	SEQ ID NO:287	hsa-miR-521	>hsa-miR-521 MIMAT0002854
AACGCGCUUCCUAUAGAGGG	SEQ ID NO:288	hsa-miR-523	>hsa-miR-523 MIMAT0002840
AAAGCGCUUCUCUUUAGAGGA	SEQ ID NO:289	hsa-miR-518f	>hsa-miR-518f MIMAT0002842
CAAAGCGCUUCUCUUUAGAGUG	SEQ ID NO:290	hsa-miR-518c	>hsa-miR-518c MIMAT0002848
CAAAGCGCUCCCCUUUAGAGGU	SEQ ID NO:291	hsa-miR-518b	>hsa-miR-518b MIMAT0002844
CAAAGCGCUUCCUUUUGGAGC	SEQ ID NO:292	hsa-miR-518d	>hsa-miR-518d MIMAT0002864
GAAGGCGCUUCCUUUAGAGC	SEQ ID NO:293	hsa-miR-525-AS	>hsa-miR-525* MIMAT0002839
GAAGGCGCUUCCUUUUGGAGU	SEQ ID NO:294	hsa-miR-524	>hsa-miR-524 MIMAT0002850
AAAGCGCUUCCUUUGCUGGA	SEQ ID NO:295	hsa-miR-518a	>hsa-miR-518a MIMAT0002863
GAGUGCCUUCUUUGGAGCGU	SEQ ID NO:296	hsa-miR-515-3p	>hsa-miR-515-3p MIMAT0002827
UGCUUCCUUUCAGAGGGU	SEQ ID NO:297	hsa-miR-516-3p	>hsa-miR-516-3p MIMAT0002860
AAGUGCUGUCAUAGCUGAGGU	SEQ ID NO:298	hsa-miR-512-3p	>hsa-miR-512-3p MIMAT0002823
GGAAACCGUUACCAUUACUGAGU	SEQ ID NO:299	ambi-miR-7029	
AGUGGGAACCUUCCAUAGAGGA	SEQ ID NO:300	hsa-miR-491	>hsa-miR-491 MIMAT0002807
UAAGGCACCUUCUGAGUAGA	SEQ ID NO:301	hsa-miR-506	>hsa-miR-506 MIMAT0002878
AUUGACACUUUCUGAGUAG	SEQ ID NO:302	hsa-miR-514	>hsa-miR-514 MIMAT0002883
UGAUUGGUACGUCUGUGGUAGA	SEQ ID NO:303	hsa-miR-509	>hsa-miR-509 MIMAT0002881
UGAUUGUAGCCUUUUGGAGUAGA	SEQ ID NO:304	hsa-miR-508	>hsa-miR-508 MIMAT0002880
UUUUGCACCUUUGGAGUGAA	SEQ ID NO:305	hsa-miR-507	>hsa-miR-507 MIMAT0002879
AACUGGCCUCAAAGUCCCGCUUU	SEQ ID NO:306	hsa-miR-193b	>hsa-miR-193b MIMAT0002819
GCCGAGACUAGAGUCACAUCCUG	SEQ ID NO:307	ambi-miR-7039	
CCCAGAUAAUGGCACUCUCAA	SEQ ID NO:308	hsa-miR-488	>hsa-miR-488 MIMAT0002804
UACUCAGGAGAGUGGCAUCACA	SEQ ID NO:309	hsa-miR-510	>hsa-miR-510 MIMAT0002882
CCUCUAGAUGGAAGCACUGUCU	SEQ ID NO:310	hsa-miR-517-AS	>hsa-miR-517* MIMAT0002851
CUCUAGAGGGAAAGCACUUUCUCU	SEQ ID NO:311	hsa-miR-518f-AS	>hsa-miR-518f* MIMAT0002841
UCUCUGGAGGGAAAGCACUUUCUG	SEQ ID NO:312	hsa-miR-518c-AS	>hsa-miR-518c* MIMAT0002847

10

20

30

40

CUCUAGAGGAAGCGCUUCUGUU	SEQ ID NO:313	hsa-miR-526c	>hsa-miR-526c MIMAT0002831
CUCUUGAGGAAGCACUUUCUGUU	SEQ ID NO:314	hsa-miR-526b	>hsa-miR-526b MIMAT0002835
CUCCAGAGGAAGUACUUUCU	SEQ ID NO:315	hsa-miR-520a-AS	>hsa-miR-520a* MIMAT0002833
CUCCAGAGGAUGCACUUUCU	SEQ ID NO:316	hsa-miR-525	>hsa-miR-525 MIMAT0002838
CUACAAAGGAAGCACUUUCUC	SEQ ID NO:317	hsa-miR-524-AS	>hsa-miR-524* MIMAT0002849
UCUACAAAGGAAGCCUUUCUG	SEQ ID NO:318	hsa-miR-520d-AS	>hsa-miR-520d* MIMAT0002855
CUGCAAAGGAAGCCUUUCU	SEQ ID NO:319	hsa-miR-527	>hsa-miR-527 MIMAT0002862
UUCUCCAAAAGAAAGCACUUUCUG	SEQ ID NO:320	hsa-miR-515-5p	>hsa-miR-515-5p MIMAT0002826
UUCUCCAAAAGGGAGCACUUUC	SEQ ID NO:321	hsa-miR-519e-AS	>hsa-miR-519e* MIMAT0002828
UUUCAAGCCAGGGGGCGUUUUUC	SEQ ID NO:322	hsa-miR-498	>hsa-miR-498 MIMAT0002824
UUCACAGGGAGGUGUCAUUUAU	SEQ ID NO:323	hsa-miR-513	>hsa-miR-513 MIMAT0002877
UGAGGGGCAGAGAGCGAGACUUU	SEQ ID NO:324	ambi-miR-7058	
UGUUUGCAGAGAACUGAGAC	SEQ ID NO:325	hsa-miR-452	>hsa-miR-452 MIMAT0001635
UUGUACAUUGGUAGGCUUUCAUU	SEQ ID NO:326	hsa-miR-493	>hsa-miR-493-5p MIMAT0002813
UCUUGGAGUAGGUCAUUGGGUGG	SEQ ID NO:327	hsa-miR-432	>hsa-miR-432 MIMAT0002814
AAACAAACAUGGUGCACUUCUUU	SEQ ID NO:328	hsa-miR-495	>hsa-miR-495 MIMAT0002817
UGAAACAUACACGGAAACCUCUU	SEQ ID NO:329	hsa-miR-494	>hsa-miR-494 MIMAT0002816
AUUACAUGGCCAACUC	SEQ ID NO:330	hsa-miR-496	>hsa-miR-496 MIMAT0002818
AGGACCUGGGGACAAGAUUCUU	SEQ ID NO:331	hsa-miR-492	>hsa-miR-492 MIMAT0002812
CAACCUGGAGGACUCCAUGCUG	SEQ ID NO:332	hsa-miR-490	>hsa-miR-490 MIMAT0002806
CAGCAGCACACUGUGGUUGU	SEQ ID NO:333	hsa-miR-497	>hsa-miR-497 MIMAT0002820
AAUCCUUGGAACCUAGGUGUGAGU	SEQ ID NO:334	ambi-miR-7076	>hsa-miR-362 MIMAT0000705
AAUCCUUUGUCCUGGGUGAGA	SEQ ID NO:335	hsa-miR-501	>hsa-miR-501 MIMAT0002872
AUCCUUGCUALCUGGGUGCUA	SEQ ID NO:336	hsa-miR-502	>hsa-miR-502 MIMAT0002873
UUUCCUAUGCAUAUACUUCUUU	SEQ ID NO:337	hsa-miR-202-AS	>hsa-miR-202* MIMAT0002810
GCAGUCCAUGGGCAUAUACAC	SEQ ID NO:338	ambi-miR-7083	
CACUCAGCCUUGAGGGCACUUUC	SEQ ID NO:339	hsa-miR-512-5p	>hsa-miR-512-5p MIMAT0002822
AGACCCUGGUCUGCACUCUAU	SEQ ID NO:340	hsa-miR-504	>hsa-miR-504 MIMAT0002875
GUGCUUUUGUCUGCAGUCA	SEQ ID NO:341	hsa-miR-511	>hsa-miR-511 MIMAT0002808
UCAGUCUCAUCUGCAAAGAAG	SEQ ID NO:342	hsa-miR-452-AS	>hsa-miR-452* MIMAT0001636
UAGCAGCGGAAACAGUUCUGCAG	SEQ ID NO:343	hsa-miR-503	>hsa-miR-503 MIMAT0002874
AGAGGCUGGCCGUGAUGAAUUC	SEQ ID NO:344	hsa-miR-485-5p	>hsa-miR-485-5p MIMAT0002175

10

20

30

40

UUAGACUUGCAGUGAUGUUAA	SEQ ID NO:345	hsa-miR-499	>hsa-miR-499 MIMAT0002870
GUCAACACUUGCUGGUUUCUC	SEQ ID NO:346	hsa-miR-505	>hsa-miR-505 MIMAT0002876
AGUGACAUCAUACGGCAGC	SEQ ID NO:347	hsa-miR-489	>hsa-miR-489 MIMAT0002805
CUGGAUGGCUCCUCCAUGUCU	SEQ ID NO:348	hsa-miR-432-AS	>hsa-miR-432* MIMAT0002815
AUGCACCUGGGCAAGGAUUCUG	SEQ ID NO:349	hsa-miR-500	>hsa-miR-500 MIMAT0002871
UCCCCCAGGUGUGAUUCUGAUUU	SEQ ID NO:350	ambi-miR-7105	

10

## 【 0 0 9 0 】

本発明の他の態様について本出願で説明する。本発明の1つの局面について説明する任意の態様は、本発明の他の局面についても当てはまり、逆もまた可能である。実施例セクションにおける態様は、本発明の全ての局面に適用可能な本発明の態様であると理解されたい。

## 【 0 0 9 1 】

「阻害する」、「低下させる」、もしくは「予防」、またはこれらの語句に類する任意の語句は、特許請求の範囲および/または本明細書において使用される場合、所望の結果を達成するための任意の測定可能な低下もしくは完全な阻害を含む。

## 【 0 0 9 2 】

特許請求の範囲および/または本明細書において、「～を含む」という語句とともに使用される「1つの(a)」または「1つの(an)」という語句の使用は、「1つ(one)」を意味してもよいが、「1つまたは複数の(one or more)」、「少なくとも1つの(at least one)」、および「1つまたは1つ以上の(one or more than one)」という意味でも通じる。

20

## 【 0 0 9 3 】

本明細書で説明される任意の態様は、本発明の任意の方法または組成物について実行可能なことが想定され、逆もまた可能である。特定の臓臓障害について説明される任意の態様は、異なる臓臓障害について適用または実行できる。また本発明の組成物およびキットを、本発明の方法を達成するために使用することができる。

30

## 【 0 0 9 4 】

本出願を通じて、「約」という語句は、値が、値の決定に使用される装置または方法に関する標準誤差を含むことを意味するように使用される。

## 【 0 0 9 5 】

特許請求の範囲における「または」という語句の使用は、代替対象のみを意味するか、または代替対象が相互排他的であると明示的に記載する場合を除いて、「および/または」を意味するように使用されるが、本開示は、代替対象のみ、および「および/または」を意味する定義を支持する。

## 【 0 0 9 6 】

本明細書および特許請求の範囲で使用されるように、「含む(comprising)」(および「含む(comprise)」または「含む(comprises)」などの「含む」の任意の語形)、「有する(having)」(および「有する(have)」または「有する(has)」などの「有する」の任意の語形)、「包含する(including)」(および「包含する(includes)」または「包含する(include)」などの「包含する」の任意の語形)、または「含有する(contains)」(および「含有する(contain)」または「含有する(contain)」などの「含有する」の任意の語形)などの語句は、包含的であるかまたは制限がなく、かつ他の記載されていない要素または方法の段階を除外しない。

40

## 【 0 0 9 7 】

本発明の他の目的、特性、および利点は、以下の詳細な説明から明らかになるであろう。しかしながら、本発明の趣旨および範囲内のさまざまな変更および修飾が、この詳細な

50

説明から当業者に明らかになることから、詳細な説明および特定の実施例は、本発明の特定の態様を意味する一方で、説明目的のみで与えられると理解されるべきである。

[図面の説明]

以下の図面は、本明細書の一部を構成し、かつ本発明のある局面をさらに示すために含まれる。これらの1つもしくは複数の図面を、本明細書に記載する特定の態様の詳細な説明と組み合わせて参照することで、本発明はよりよく理解されるであろう。

図1：臍臓組織に由来する全RNAの全体像。24の個別の臍臓組織試料のそれぞれから単離された約1  $\mu$ gの全RNAを、臭化工チジウムで染色した1%変性ホルムアルデヒドアガロースゲルで解析した。

図2：正常臍臓組織で発現されたmiRNomeの解析。38の試料に由来する生のアレイデータの大規模な標準化の後に、5つの正常臍臓組織(N)におけるmiRNAの平均的な発現を、3つの組織標準セット(Ref)におけるmiRNAの平均的な発現と比較した。

図3：正常組織とPDAC組織間の発現されたmiRNomeの比較。生のアレイデータを標準化した後に、5つの正常臍臓組織(N)におけるmiRNAの平均的な発現を、8つのPDAC試料(Ca)におけるmiRNAの平均的な発現と比較した。

図4：4Aおよび4Bは、正常試料(N)、慢性臍炎試料(Ch)、およびPDAC試料(Ca)において差次的に発現されるmiRNAを示す。(図4A)一群の差次的に発現されるmiRNA間の関係を示すベン図。円は、図に示す直接的なペアワイズ比較において差次的に発現されるmiRNAの総数を含む。交差領域は、各比較で共通する差次的に発現されるmiRNAの数に対応する。(図4B)表6に記載の94種類の差次的に発現されるmiRNAを対象とした主成分解析。

図5：正常組織と疾患臍臓組織で差次的に発現される上位20種類のmiRNA。miRNA候補は、3つの主要組織タイプのうち少なくとも2つの間の、 $|h| > 1.6$ 、およびp値 $< 0.0001$ のものが選択された。このグラフは、正常(N)、慢性臍炎(Ch)、PDAC(Ca)の3つの試料タイプにおける示された20種類のmiRNAに対する標準化発現値の平均および標準偏差を示す。

図6：正常(N)試料、慢性臍炎(Ch)試料、PDAC(Ca)試料、および細胞株(CL)試料で差次的に発現されるmiRNAの主成分解析。

図7：PDAC試料および細胞株試料で過剰発現されたmiRNA。5つの正常(N)試料、6つの慢性臍炎(Ch)試料、8つのPDAC(Ca)試料、および6つの細胞株(CL)試料における、個々の標準化されたmiRNAの発現レベルと、および関連するp値。

図8：アレイデータとqRT-PCRデータの比較。プロファイルが既に得られている19の組織試料に加えて、2つの正常(N)試料、2つのPDAC(Ca)試料、および1つの慢性臍炎(Ch)試料に由来する25 ngの全RNAインプットを使用して、リアルタイムRT-PCRを実施した。記載のmiRNAに特異的なプライマーセットによって得られたmiRNAの発現データを、各試料の5S rRNAの発現レベルに対して標準化した(miRNAのCt - 5SのCt)。グラフは、アレイによって決定した(19試料)、またはqRT-PCR法で決定した(24試料)、個々の標準化されたmiRNAの発現レベルをp値とともに示す。

図9：miR-196aおよびmiR-217の発現は、正常組織と疾患臍臓組織に分類される。(図9A)1つの正常試料(N5)、1つのPDAC試料(Ca3)、または1つの慢性臍炎試料(Ch1)に由来する、記載の全RNAインプット量を使用して、miR-196aおよびmiR-217に特異的なプライマーセットによってリアルタイムRT-PCRを実施した。miR-217の発現に対するmiR-196aの発現の比の計算には、生Ct値を直接使用した(すなわち、対数空間におけるmiR-196aのCt - miR-217のCt)。(図9B)記載の24の個々の組織試料を対象に、および25 ngの全RNAインプットを使用した、図9Aと同様の試験。

図10：miR-196aおよびmiR-217の発現を、正常組織と疾患臍臓組織に分類する。20のサブセットの凍結臍臓組織試料(6つのN、6つのCh、および8つのCa、実施例1)を対象に、TaqMan(登録商標) MicroRNA Assays(Applied Biosystems; Foster City, CA, USA)を実施した。qRT-PCR反応には、10 ngのRNAインプットを使用した。RT反応はランダムプライマーを使用して実施し、PCR反応では遺伝子特異的なプライミングを使用した。グラフは、個々の試料中のmiR-196aとmiR-217の間の生Ctの差をp値(ANOVA)とともに示す。

10

20

30

40

50

図11：(図11A)正常臍臓、慢性臍炎、および臍臓腺癌の間で差次的に発現されると文献に報告された4つの遺伝子のqRT-PCRの発現データ。図10と同じ試料セット(20の凍結臍臓組織試料；6つのN、6つのCh、および8つのCa)を、TaqMan(登録商標)Gene Expression Assays(Applied Biosystems)を使用して調べた。qRT-PCR反応を、RT反応についてはランダムプライミングを使用して、およびPCR反応については遺伝子特異的なプライミングを使用して、5ngの全RNAインプットを用いて実施した。各試料に関して、mRNAの発現データを、GAPDHの発現に対して標準化した(mRNA-XのCt - GAPDHのCt)。グラフは、qRT-PCRによって決定した、個々の標準化されたmRNA発現レベルをp値(ANOVA)とともに示す。(図11B)miR-196a、miR-217、およびmRNA遺伝子の発現指標(expression signature)の組み合わせは、正常臍臓、慢性臍炎、および臍臓癌の分離を改善する。これらのグラフは、miR-24(miRNA)またはGAPDH(mRNA)に対して標準化したマーカーに関する個々のCt値の組み合わせによって達成された実験群間の分離をp値(ANOVA)とともに示す。

図12：凍結臍臓組織試料(6つのN、6つのCh、および8つのCa)、ならびに臍臓穿刺吸引物(FNA, n=13)の間の6種類のmiRNAおよび2種類のmRNA遺伝子の発現データの差の比較。10のFNA試料は、病理学的にPDACと報告された(Ca FNA, )。残る3つの試料(FNA)のうち、2つには非確定的な病理学的な報告(FNA-8- およびFNA-13- )がなされ、1つについては内分泌臍臓と一致した(FNA-12, )。リアルタイムRT-PCR反応を実施し、図10および図11と同様に標準化した。

図13：凍結した正常臍臓、慢性臍炎、臍臓癌、臍臓癌のFNA(Ca FNA, )、および他のFNA(FNA、FNA-8- 、FNA-12- およびFNA-13- )の間の、miR-196a、miR-217、およびmRNAの遺伝子発現指標の組み合わせの性能比較。グラフは、miR-24(miRNA)またはGAPDH(mRNA)に対して標準化された個々のmiRNA/mRNA発現指標の組み合わせを使用して達成された実験群間の分離を示す。

#### 【発明を実施するための形態】

#### 【0098】

#### 発明の詳細な説明

本発明は、miRNAの調製および解析、ならびに処置、予後予測、および診断への応用のためのmiRNAの使用に関する組成物ならびに方法、特に臍臓疾患の評価ならびに/または同定に関する方法および組成物に関する。

#### 【0099】

#### I. miRNA分子

マイクロRNA分子(「miRNA」)は一般に、21~22ヌクレオチドの長さであるが、19ヌクレオチド、および最長23ヌクレオチドの長さのものが報告されている。miRNAはそれぞれ、より長い前駆体RNA分子(「前駆体miRNA」)からプロセシングされる。前駆体miRNAは、非タンパク質コード遺伝子から転写される。前駆体miRNAは、動物ではダイサーと呼ばれるリボヌクレアーゼIII様ヌクレアーゼ酵素によって切断されるステム-ループ様または折りたたみ様の構造の形成を可能とする2つの相補領域を有する。プロセシングを受けたmiRNAは、典型的にステムの一部である。

#### 【0100】

プロセシングを受けたmiRNA(「成熟miRNA」とも呼ばれる)は、特定の標的遺伝子をダウンレギュレートする大きな複合体の一部となる。動物のmiRNAの例は、標的と不完全に塩基対合して翻訳を停止させるmiRNAを含む(Olsen et al., 1999; Seggerson et al., 2002)。siRNA分子もダイサーによってプロセシングを受けるが、長い2本鎖のRNA分子に由来する。siRNAは天然では動物細胞中に認められないが、RNA誘導サイレンシング複合体(RISC)を介して、mRNA標的の配列特異的な切断を誘導可能である(Denli et al., 2003)。

#### 【0101】

#### A. 核酸

本発明は、標識可能な、アレイ解析に使用可能な、または特に臍臓の病理学的状態に関連する診断、処置、もしくは予後予測の応用に使用可能なmiRNAに関する。このようなRNA

10

20

30

40

50

は、細胞によって内因的に產生されていてもよく、または化学的もしくは組換え的に合成もしくは作製されていてもよい。このようなRNAは、単離および/または精製することができる。「miRNA」という語句は、特に明記した部分を除いて、その前駆体から切斷された後の、プロセシングを受けたRNAを意味する。表1は、どのSEQ ID NOが成熟配列に対応するかを示す。miRNAの名称はしばしば省略され、hsa-、mmu-、またはrnoという接頭辞をけずに表記され、文脈に応じて個々の分子であると理解される。特に明記した部分を除いて、本出願で言及されるmiRNAは、miR-Xまたはlet-Xと記載されるヒト配列である（Xは数字および/または文字）。

#### 【0102】

ある実験では、「5P」または「3P」の接尾辞によって指定されるmiRNAプローブを使用することができる。「5P」は、成熟miRNAが前駆体の5'端に由来することを意味し、および対応する「3P」は、前駆体の3'端に由来することを意味する（ワールドワイドウェブsanger.ac.ukに記載）。さらに、いくつかの態様では、既知のヒトmiRNAに対応しないmiRNAプローブが使用される。これらの非ヒトmiRNAプローブは本発明の態様で使用可能のこと、または非ヒトmiRNAに相同なヒトmiRNAが存在する可能性があることが想定される。本発明はヒトmiRNAに制限されないものの、ある態様では、ヒト細胞またはヒトの生物学的試料に由来するmiRNAが評価される。他の態様では、任意の哺乳動物細胞、生物学的試料、またはこれらの調製物を使用することができる。

#### 【0103】

本発明のいくつかの態様では、miRNAを含む方法および組成物は、miRNAおよび/または他の核酸に関する場合がある。核酸は、以下の長さ、少なくとも以下の長さ、もしくは最長で以下の長さ、またはこれらの間の任意の範囲の長さのヌクレオチドであってよい：

3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20, 21, 22,

23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31, 32, 33, 34, 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 44, 45,

46, 47, 48, 49, 50, 51, 52, 53, 54, 55, 56, 57, 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64, 65, 66, 67, 68,

69, 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77, 78, 79, 80, 81, 82, 83, 84, 85, 86, 87, 88, 89, 90, 91,

92, 93, 94, 95, 96, 97, 98, 99, 100, 101, 102, 103, 104, 105, 106, 107, 108, 109, 110,

120, 130, 140, 150, 160, 170, 180, 190, 200, 210, 220, 230, 240, 250, 260, 270, 280,

290, 300, 310, 320, 330, 340, 350, 360, 370, 380, 390, 400, 410, 420, 430, 440, 441,

450, 460, 470, 480, 490, 500, 510, 520, 530, 540, 550, 560, 570, 580, 590, 600, 610,

620, 630, 640, 650, 660, 670, 680, 690, 700, 710, 720, 730, 740, 750, 760, 770, 780,

790, 800, 810, 820, 830, 840, 850, 860, 870, 880, 890, 900, 910, 920, 930, 940, 950,

960, 970, 980, 990, もしくは1000

このような長さは、プロセシングを受けたmiRNA、miRNAプローブ、前駆体miRNA、miRNAを含むベクター、対照核酸、ならびに他のプローブおよびプライマーの長さをカバーする。多くの態様では、プロセシングを受けたmiRNA、および追加された任意の隣接領域の長さに依存して、miRNAの長さは19~24ヌクレオチドであり、miRNAプローブの長さは19~35ヌクレオチドである。miRNA前駆体は一般に、ヒトでは62~110ヌクレオチドである。

#### 【0104】

本発明の核酸は、別の核酸と同一または相補的な領域を有する場合がある。相補性または同一性を有する領域は、少なくとも5個の連続した残基の場合があることが想定されるが、領域は、以下の、少なくとも以下の、または最大で以下の個数の連続ヌクレオチドであることが特に想定される：

10

20

30

40

6, 7, 8, 9, 10, 11,  
 12, 13, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20, 21, 22, 23, 24, 25, 26, 27, 28, 29, 30, 31, 32, 33, 34,  
 35, 36, 37, 38, 39, 40, 41, 42, 43, 44, 45, 46, 47, 48, 49, 50, 51, 52, 53, 54, 55, 56, 57,  
 58, 59, 60, 61, 62, 63, 64, 65, 66, 67, 68, 69, 70, 71, 72, 73, 74, 75, 76, 77, 78, 79, 80,  
 81, 82, 83, 84, 85, 86, 87, 88, 89, 90, 91, 92, 93, 94, 95, 96, 97, 98, 99, 100, 110, 120,  
 130, 140, 150, 160, 170, 180, 190, 200, 210, 220, 230, 240, 250, 260, 270, 280, 290,  
 300, 310, 320, 330, 340, 350, 360, 370, 380, 390, 400, 410, 420, 430, 440, 441, 450,  
 460, 470, 480, 490, 500, 510, 520, 530, 540, 550, 560, 570, 580, 590, 600, 610, 620,  
 630, 640, 650, 660, 670, 680, 690, 700, 710, 720, 730, 740, 750, 760, 770, 780, 790,  
 800, 810, 820, 830, 840, 850, 860, 870, 880, 890, 900, 910, 920, 930, 940, 950, 960,  
 970, 980, 990, または1000

10

さらに、前駆体miRNA内の相補性、またはmiRNAプローブとmiRNAもしくはmiRNA遺伝子との間の相補性の長さが、このような長さであることも理解されたい。さらに相補性は、パーセンテージで表現される場合がある。つまり、プローブとその標的間の相補性は、プローブの全長に対して90%またはそれ以上である。いくつかの態様では、相補性は90%、95%、もしくは100%であるか、または少なくとも90%、95%、もしくは100%である。特に、このような長さは、SEQ ID NO:1～SEQ ID NO:350の任意の配列、または本明細書に開示した他の任意の配列中に同定される核酸配列を含む任意の核酸に適用することができる。これらのSEQ ID NOのそれぞれは本明細書で開示されている。miRNAの一般名は、接頭辞にその同定されている供給源を伴って与えられ、例えばヒト配列およびプロセシングされたmiRNA配列に対して「hsa」である。特に明記した部分を除いて、接頭辞のないmiRNAは、ヒトmiRNAを意味すると理解される。本出願で例えばmiR-1-2と表記されるmiRNAは、hsa-miR-1-2を意味すると理解される。さらに、表中の小文字は、小文字でも小文字でなくてもよく；例えばhsa-mir-130bはmiR-130Bとも表記可能である。加えて、「mu」または「mmu」配列を伴うmiRNA配列は、マウスのmiRNAを意味すると理解され、および「rno」配列を伴うmiRNA配列は、ラットのmiRNAを意味する理解される。「miRNAプローブ」という語句は、特定のmiRNA、または構造的に関連するmiRNAを同定可能な核酸プローブを意味する。

20

## 【0105】

miRNAはゲノム配列または遺伝子に由来すると理解されたい。この点に関して、「遺伝子」という語句は、任意のmiRNAに対する前駆体miRNAをコードするゲノム配列を意味するために簡潔さを考慮して用いられる。しかしながら、本発明の態様は、プロモーターまたは他の調節配列などの、発現に関与するmiRNAのゲノム配列を含むことができる。

## 【0106】

「組換え体」という語句が使用される場合があり、これは一般に、インピトロで操作された分子か、またはこのような分子の複製産物もしくは発現産物の分子を意味する。

30

## 【0107】

「核酸」という語句は当技術分野で周知である。本明細書で用いる「核酸」は一般に、DNA、RNA、または核酸塩基を含むこれらの誘導体もしくは類似体の（1本もしくは複数の鎖の）分子を意味する。核酸塩基は例えば、DNA中に存在する天然のプリン塩基もしくはピリミジン塩基（例えばアデニン「A」、グアニン「G」、チミン「T」、もしくはシトシン「C」）か、またはRNA中に存在する天然のプリン塩基もしくはピリミジン塩基（例えばA、G、ウラシル「U」、もしくはC）を含む。「核酸」という語句は、いずれも「核酸」という表記の亜属である「オリゴヌクレオチド」および「ポリヌクレオチド」という語句を含む。

40

## 【0108】

50

「miRNA」という語句は一般に1本鎖分子を意味するが、特定の態様では、本発明で実施される分子は、同じ1本鎖分子の別の領域に対して、または他の核酸に対して、部分的に（鎖の全長に対して10～50%の相補性）、実質的に（鎖の全長に対して50%以上100%未満の相補性）、または完全に相補的な領域または追加的な鎖も含む。したがって核酸は、1本または複数の相補的な鎖または自己相補的な鎖、すなわち特定の配列の「相補物」を含む分子を含むことができる。例えば前駆体miRNAは、最大100%の相補性を有する自己相補的な領域を有する場合がある。本発明のmiRNAプローブまたは核酸は、標的に対して少なくとも以下の割合の相補性を含むことができる、以下の割合で相補的であり得る、または少なくとも以下の割合で相補的であり得る：60%、65%、70%、75%、80%、85%、90%、95%、96%、97%、98%、99%、もしくは100%。

10

## 【0109】

本明細書で用いる「ハイブリダイゼーション」、「ハイブリダイズする」、または「ハイブリダイズ可能な」という語句は、2本鎖もしくは3本鎖の分子、または部分的に2本鎖もしくは3本鎖の性質を有する分子の形成を意味すると理解される。本明細書で用いる「アニールする」という語句は、「ハイブリダイズする」と同義である。「ハイブリダイゼーション」、「ハイブリダイズする」、または「ハイブリダイズ可能な」という語句は、「ストリンジエントな条件」または「高ストリンジエンシー」という語句、および「低ストリンジエンシー」または「低ストリンジエンシー条件」という語句を包含する。

## 【0110】

本明細書で用いる「ストリンジエントな条件」または「高ストリンジエンシー」は、相補的配列を含む1つもしくは複数の核酸鎖間のハイブリダイゼーション、または同核酸鎖内のハイブリダイゼーションは可能とするが、ランダムな配列ハイブリダイゼーションは除く条件である。ストリンジエントな条件は、核酸鎖と標的鎖の間のわずかなミスマッチ（もしあれば）を許容する。このような条件は当業者で周知であり、高い選択性を必要とする応用に好ましい。非制限的な応用は、遺伝子またはこの核酸セグメントなどの核酸の単離、または少なくとも1つの特異的なmRNA転写物もしくはこの核酸セグメントなどの検出を含む。

20

## 【0111】

ストリンジエントな条件は、約42～約70の温度における約0.02M～約0.5MのNaClによって提供されるような、低塩および/または高温の条件を含むことができる。望ましいストリンジエンシーの温度およびイオン強度は、部分的には、特定の核酸の長さ、標的配列の長さおよび核酸塩基の含量、核酸の電荷組成、ならびにハイブリダイゼーション混合物中のホルムアミド、テトラメチルアンモニウムクロライド、または他の溶媒の存在もしくは濃度によって決定されると理解されたい。

30

## 【0112】

ハイブリダイゼーションに関する、これらの範囲、組成、および条件が非制限的な例のみによって言及されること、および特定のハイブリダイゼーション反応の所望のストリンジエンシーがしばしば、1つまたは複数の陽性または陰性の対照との比較によって実験的に決定されることも理解されたい。想定される応用に依存して、標的配列に対する核酸のさまざまな程度の選択性を達成するためには、ハイブリダイゼーションのさまざまな条件を使用することが好ましい。非制限的な例では、ストリンジエントな条件で核酸にハイブリダイズしない関連標的核酸の同定または単離は、低温および/または高イオン強度におけるハイブリダイゼーションによって達成される場合がある。このような条件は、「低ストリンジエンシー」または「低ストリンジエンシー条件」と呼ばれ、低ストリンジエンシーの非制限的な例は、約20～約50の温度範囲で約0.15M～約0.9MのNaClで実施されるハイブリダイゼーションを含む。言うまでもなく、特定の応用に適したものとするために、低ストリンジエンシー条件または高ストリンジエンシー条件をさらに修飾することは、当業者の能力の範囲内にある。

40

## 【0113】

## 1. 核酸塩基

50

本明細書で用いる「核酸塩基」は、例えば少なくとも1つの天然の核酸（すなわちDNAおよびRNA）中に見出される天然の核酸塩基（すなわちA、T、G、C、もしくはU）、ならびにこのような核酸塩基の天然または非天然の誘導体および類似体などの複素環塩基を意味する。核酸塩基は一般に、天然の核酸塩基対合と置換し得る様式で、少なくとも1種類の天然の核酸塩基と1つまたは複数の水素結合（例えばAとT間、GとC間、およびAとU間の水素結合）を形成する（「アニールする」または「ハイブリダイズする」）ことが可能である。

#### 【0114】

「プリン」核酸塩基および/または「ピリミジン」核酸塩基は、天然のプリン核酸塩基および/またはピリミジン核酸塩基を含み、かつ1つまたは複数のアルキル部分、カルボキシアルキル部分、アミノ部分、ヒドロキシル部分、ハロゲン部分（すなわちフルオロ、クロロ、ブロモ、もしくはヨード）、チオール部分、またはアルキルチオール部分と置換されたプリンもしくはピリミジンを含むがこれらに限定されないこれらの誘導体および類似体も含む。好ましいアルキル（例えばアルキル、カルボキシアルキルなどの）部分は、約1個、約2個、約3個、約4個、約5個～約6個の炭素原子を含む。プリンもしくはピリミジンの他の非制限的な例は、デアザプリン、2,6-ジアミノプリン、5-フルオロウラシル、キサンチン、ヒポキサンチン、8-ブロモグアニン、8-クロログアニン、ブロモチミン、8-アミノグアニン、8-ヒドロキシグアニン、8-メチルグアニン、8-チオグアニン、アザグアニン、2-アミノプリン、5-エチルシトシン、5-メチルシトシン、5-ブロモウラシル、5-エチルウラシル、5-ヨードウラシル、5-クロロウラシル、5-プロピルウラシル、チオウラシル、2-メチルアデニン、メチルチオアデニン、N,N-ジメチルアデニン、アザアデニン、8-ブロモアデニン、8-ヒドロキシアデニン、6-ヒドロキシアミノプリン、6-チオプリン、4-(6-アミノヘキシル/シトシン)などを含む。他の例は当業者に周知である。

10

20

30

#### 【0115】

核酸塩基は、本明細書に記載されているか、または当業者に既知の任意の化学的または天然合成法で、ヌクレオシドまたはヌクレオチド中に含めることができる。このような核酸塩基は標識されてもよく、または標識されて核酸塩基を含む分子の一部分であってよい。

#### 【0116】

##### 2. ヌクレオシド

30

本明細書で用いる「ヌクレオシド」は、核酸塩基のリンカー部分に共有結合によって結合された核酸塩基を含む個々の化学的単位を意味する。「核酸塩基のリンカー部分」の非制限的な例は、デオキシリボース、リボース、アラビノース、または5-炭素糖の誘導体もしくは類似体を含むが、これらに限定されない5-炭素原子を含む糖（すなわち「5-炭素糖」）である。5-炭素糖の誘導体もしくは類似体の非制限的な例は、2'-フルオロ-2'-デオキシリボース、または炭素が糖環中の酸素原子と置換された炭素環糖を含む。

40

#### 【0117】

核酸塩基のリンカー部分に対する核酸塩基のさまざまなタイプの共有結合による結合は、当技術分野で既知である。非制限的な例として、プリン（すなわちAもしくはG）または7-デアザプリン核酸塩基を含むヌクレオシドは典型的に、プリンもしくは7-デアザプリンの9位を5-炭素糖の1'位に共有結合的に結合している。別の非制限的な例では、ピリミジン核酸塩基（すなわちC、T、もしくはU）を含むヌクレオシドは典型的に、ピリミジンの1位を5-炭素糖の1'位に共有結合的に結合している（Kornberg and Baker, 1992）。

#### 【0118】

##### 3. ヌクレオチド

40

50

本明細書で用いる「ヌクレオチド」は、「バックボーン部分」をさらに含むヌクレオチドを意味する。バックボーン部分は一般に、ヌクレオチドを、ヌクレオチドを含む別の分子に、または別のヌクレオチドに、共有結合によって結合させて核酸を形成する。天然のヌクレオチド中の「バックボーン部分」は典型的に、5-炭素糖に共有結合によって結合されるリン部分を含む。バックボーン部分の結合は典型的に、5-炭素糖の3'-位または5'-位

のいずれかにおいて生じる。しかしながら、他のタイプの結合は、特にヌクレオチドが天然の5-炭素糖またはリン部分の誘導体もしくは類似体を含む場合には、当技術分野で既知である。

【0119】

4. 核酸類似体

核酸は、核酸塩基の誘導体もしくは類似体の全体、天然の核酸中に存在し得る核酸塩基のリンカー部分および/またはバックボーン部分を含むか、またはこれらから構成される。核酸類似体を有するRNAも本発明の方法で標識され得る。本明細書で用いる「誘導体」は、化学的に修飾されたかまたは改変された、天然の分子を意味し、一方で「模倣体」または「類似体」は、天然の分子もしくは部分に構造的に似ている場合もあれば似ていない場合もあるが類似の機能を有する分子を意味する。本明細書で用いる「部分(moiety)」は一般に、より大きな化学的構造または分子構造の、より小さな化学的成分または分子的成分を意味する。核酸塩基、ヌクレオシド、およびヌクレオチドの類似体または誘導体は当技術分野で周知であり、ならびに文献に記載されている（例えば参照により本明細書に組み入れられるScheit, 1980を参照）。

【0120】

ヌクレオシド、ヌクレオチド、または5-炭素糖および/またはバックボーン部分の誘導体もしくは類似体を含む核酸の他の非制限的な例は、以下に記載する例を含む：dsDNAとの3重らせんを形成するおよび/またはdsDNAの発現を妨げるプリン誘導体を含むオリゴヌクレオチドについて記載している米国特許第5,681,947号；特に蛍光核酸プローブとして使用される、DNAまたはRNA中に存在するヌクレオシドの蛍光類似体を組み入れた核酸について記載している米国特許第5,652,099号および第5,763,167号；高いヌクレアーゼ安定性を保持するピリミジン環上の置換を有するオリゴヌクレオチド類似体について記載している米国特許第5,614,617号；核酸の検出に使用される修飾された5-炭素糖（すなわち修飾型2'-デオキシフラノシル部分）を有するオリゴヌクレオチド類似体について記載された米国特許第5,670,663号、第5,872,232号、および第5,859,221号；ハイブリダイゼーションアッセイ法に使用可能な、4'位で水素以外の置換基と置換された少なくとも1つの5-炭素糖部分を含むオリゴヌクレオチドについて記載している米国特許第5,446,137号；3'-5'のヌクレオチド間結合を有するデオキシリボヌクレオチドと、2'-5'のヌクレオチド間結合を有するリボヌクレオチドの両方を有するオリゴヌクレオチドについて記載している米国特許第5,886,165号；核酸のヌクレアーゼ耐性を高めるために、ヌクレオチド間結合の3'-位の酸素が炭素と置換されている、修飾されたヌクレオチド間結合について記載している米国特許第5,714,606号；ヌクレオチド耐性を高める1つもしくは複数の5'メチレンホスホネートヌクレオチド間結合を含むオリゴヌクレオチドについて記載している米国特許第5,672,697号；高いヌクレアーゼ安定性と、薬剤または検出部分を輸送する能力とを提供するための、薬剤または標識を含むことができる置換基部分の、オリゴヌクレオチドの2'炭素への連結について記載している米国特許第5,466,786号および第5,792,847号；細胞による取り込み、ヌクレアーゼに対する耐性、および標的RNAに対するハイブリダイゼーションを高めるために、隣接する5-炭素糖部分の4'位および3'位を結合させる、2つもしくは3つの炭素バックボーン連結を有するオリゴヌクレオチド類似体について記載している米国特許第5,223,618号；核酸ハイブリダイゼーション用プローブとして有用な少なくとも1つのスルファメートまたはスルファミドのヌクレオチド間結合を含むオリゴヌクレオチドについて記載している米国特許第5,470,967号；ヌクレアーゼ耐性、細胞内への取り込み、およびRNA発現の調節の改善のために使用されるホスホジエステルバックボーン部分を置換する、3個または4個の原子リンカー部分を有するオリゴヌクレオチドについて記載している米国特許第5,378,825号、第5,777,092号、第5,623,070号、第5,610,289号、および第5,602,240号；膜透過性および安定性を高めるためにオリゴヌクレオチドの2'-0位に結合された疎水性担体剤について記載している米国特許第5,858,988号；DNAまたはRNAに対する高いハイブリダイゼーション；ヌクレアーゼに対する高い安定性を有する、5'端においてアントラキノンに結合されたオリゴヌクレオチドについて記載している米国特許

10

20

30

40

50

第5,214,136号；DNAが、ヌクレアーゼ耐性、結合親和性、およびRNase Hを活性化する能力を高めるための2'-デオキシ-エリスロ-ペントフラノシリヌクレオチドを含む、PNA-DNA-PNAのキメラについて記載している米国特許第5,700,922号；ならびにDNA-RNAハイブリッドを形成するためにDNAに連結されたRNAについて記載している米国特許第5,708,154号；ユニバーサル蛍光標識によるヌクレオシド類似体の標識について記載している米国特許第5,728,525号。

## 【0121】

ヌクレオシド類似体および核酸類似体に関する他の記載は、末端標識されるヌクレオシド類似体について記載している米国特許第5,728,525号；米国特許第5,637,683号、第6,251,666号（L-ヌクレオチド置換）、ならびに第5,480,980号（7-デアザ-2'デオキシグアノシンヌクレオチドおよびこの核酸類似体）である。

10

## 【0122】

## 5. 修飾ヌクレオチド

本発明の標識法およびキットは特に、標識の結合用に修飾されかつmiRNA分子中に組み入れることができるヌクレオチドの使用を想定している。このようなヌクレオチドは、蛍光色素を含む色素によって、またはビオチンなどの分子によって標識され得るヌクレオチドを含む。標識されたヌクレオチドは容易に入手可能であり；市販品を入手できるか、または当業者に既知の反応によって合成可能である。

20

## 【0123】

本発明で使用される修飾ヌクレオチドは天然のヌクレオチドではなく、分子上に官能基を有する作製済みのヌクレオチドを意味する。対象となる特定の官能基は以下を含む：アミノ基、スルフヒドリル基、スルホキシル基、アミノスルフヒドリル基、アジド基、エポキシド基、イソチオシアネート基、イソシアネート基、無水物基、モノクロロトリアジン基、ジクロロトリアジン基、モノハロゲン置換ピリジン基もしくはジハロゲン置換ピリジン基、モノ置換ジアジン基もしくはジ置換ジアジン基、マレイミド基、エポキシド基、アジリジン基、ハロゲン化スルホニル基、酸ハロゲン基、ハロゲン化アルキル基、ハロゲン化アリール基、アルキルスルホニル基、N-ヒドロキシスクシニミドエステル基、イミドエステル基、ヒドラジン基、アジドニトロフェニル基、アジド基、3-(2-ピリジルジチオ)-プロピオンアミド基、グリオキサール基、アルデヒド基、ヨードアセチル基、シアノメチルエステル基、p-ニトロフェニルエステル基、o-ニトロフェニルエステル基、ヒドロキシピリジンエステル基、カルボニルイミダゾール基、および他の類似の官能基。いくつかの態様では、官能基はヌクレオチドに直接結合してもよく、または結合基を介してヌクレオチドに結合してもよい。官能基部分および任意のリンカーは、ヌクレオチドがmiRNAに付加されるか、または標識される能力を実質的に損なわない。代表的な結合基は、典型的に炭素原子が約2～18個、通常は約2～8個の炭素含有結合基を含む。この場合、炭素含有結合基は、1つまたは複数のヘテロ原子、例えばS、O、Nなどを含んでも含まなくてもよく、1つまたは複数の不飽和部位を含んでも含まなくてもよい。多くの態様で特に関心が寄せられるのは、アルキル結合基、典型的には炭素原子が1～16個、通常は炭素原子が1～4個の低級アルキル結合基である（結合基は1つまたは複数の不飽和部位を含むことができる）。官能基が付与された標的の作製に関する上記の方法に使用される官能基が付与されたヌクレオチド（またはプライマー）は、既知のプロトコルで作製しもよく、または業者、例えばSigma、Roche、Ambion、Biosearch TechnologiesおよびNENから購入することができる。官能基は、いずれも参照により組み入れられる米国特許第4,404,289号；第4,405,711号；第4,337,063号、および第5,268,486号、ならびに英国特許第1,529,202号に記載された代表的な情報を含む当業者に既知の方法で、作製することができる。

30

## 【0124】

アミン修飾ヌクレオチドが本発明の複数の態様に使用される。アミン修飾ヌクレオチドは、標識の結合用の反応性アミン基を有するヌクレオチドである。任意のリボヌクレオチド（G、A、U、もしくはC）またはデオキシリボヌクレオチド（G、A、T、もしくはC）が、標識もために修飾できることが想定される。例は、以下の修飾型のリボヌクレオチドおよ

40

50

びデオキシリボヌクレオチドを含むが、これらに限定されない：5-（3-アミノアリル）-UTP；8-[（4-アミノ）ブチル]-アミノ-ATPおよび8-[（6-アミノ）ブチル]-アミノ-ATP；N6-（4-アミノ）ブチル-ATP、N6-（6-アミノ）ブチル-ATP、N4-[2,2-オキシ-ビス-（エチルアミン）]-CTP；N6-（6-アミノ）ヘキシル-ATP；8-[（6-アミノ）ヘキシル]-アミノ-ATP；5-プロパルギルアミノ-CTP、5-プロパルギルアミノ-UTP；5-（3-アミノアリル）-dUTP；8-[（4-アミノ）ブチル]-アミノ-dATPおよび8-[（6-アミノ）ブチル]-アミノ-dATP；N6-（4-アミノ）ブチル-dATP、N6-（6-アミノ）ブチル-dATP、N4-[2,2-オキシ-ビス-（エチルアミン）]-dCTP；N6-（6-アミノ）ヘキシル-dATP；8-[（6-アミノ）ヘキシル]-アミノ-dATP；5-プロパルギルアミノ-dCTP、および5-プロパルギルアミノ-dUTP。このようなヌクレオチドは、当業者に既知の方法で作製することができる。さらに、当業者であれば、5-（3-アミノアリル）-UTPに代えて、5-（3-アミノアリル）-CTP、GTP、ATP、dCTP、dGTP、dTTP、またはdUTPなどの同じアミン修飾を有する他のヌクレオチド体を作製することができる。

10

## 【0125】

## B. 核酸の作製

核酸は、例えは化学合成、酵素的產生、または生物学的產生など、当業者に既知の任意の手法で作製することができる。本発明のmiRNAプローブは化学的に合成されることが特に想定される。

20

## 【0126】

本発明のいくつかの態様では、miRNAは生物学的試料から回収または単離される。miRNAは組換え型であってよく、または細胞に対して天然もしくは内因性（細胞のゲノムから作られる）であってもよい。生物学的試料は、miRNAなどの小型RNA分子の回収率を高めるような方法で処理可能なことが想定される。米国特許出願第10/667,126号は、このような方法について記載しており、同出願は参照により詳細に本明細書に組み入れられる。一般に本方法は、細胞をグアニジニウムまたは界面活性剤を含む溶液で溶解する段階を含む。

20

## 【0127】

あるいは核酸合成は、標準的な方法で実施される。これについては例えは、Itakura and Riggs (1980) を参照されたい。加えて、米国特許第4,704,362号、第5,221,619号、および第5,583,013号はそれぞれ、合成核酸を作製するさまざまな方法について記載している。合成核酸（例えは合成オリゴヌクレオチド）の非制限的な例には、参照により本明細書に組み入れられるEP 266,032に記載されているような、ホスホトリエステル、亜リン酸エステル、もしくはホスホラミダイト化学および固相法を使用するインビトロ化学合成により、または、それぞれが参照により本明細書に組み入れられるFroehler et al., 1986 および米国特許第5,705,629号に記載されたデオキシヌクレオシドH-ホスホネート中間体によって作製される核酸が含まれる。本発明の方法では、1種または複数種のオリゴヌクレオチドを使用することができる。オリゴヌクレオチド合成の多種多様な機序は例えは、それぞれが参照により本明細書に組み入れられる米国特許第4,659,774号、第4,816,571号、第5,141,813号、第5,264,566号、第4,959,463号、第5,428,148号、第5,554,744号、第5,574,146号、第5,602,244号に開示されている。

30

## 【0128】

酵素的に產生される核酸の非制限的な例には、PCR（商標）（例えはそれぞれが参照により本明細書に組み入れられる米国特許第4,683,202号および第4,682,195号を参照）などの増幅反応で酵素的に產生されたか、または参照により本明細書に組み入れられる米国特許第5,645,897号に記載されたオリゴヌクレオチドの合成によって作製された核酸が含まれる。生物学的に作製される核酸の非制限的な例は、細胞内で複製される組換えDNAベクターなど、生細胞内で產生される（すなわち複製される）組換え核酸を含む（例えは、参照により本明細書に組み入れられるSambrook et al., 2001を参照）。

40

## 【0129】

オリゴヌクレオチドの合成は当業者に周知である。オリゴヌクレオチド合成の多種多様な機序は例えは、それぞれが参照により本明細書に組み入れられる米国特許第4,659,774

50

号、第4,816,571号、第5,141,813号、第5,264,566号、第4,959,463号、第5,428,148号、第5,554,744号、第5,574,146号、第5,602,244号に開示されている。

#### 【0130】

基本的に化学合成は、ジエステル法、トリエステル法、ポリヌクレオチドホスホリラーゼ法によって、および固相化学法によって、達成可能である。ジエステル法は当初、主に Khorana によって、使用可能な状態に開発された (Khorana, 1979)。その基礎過程は、2つの適切に保護されたデオキシヌクレオチドの連結によるホスホジエステル結合を含むジデオキシヌクレオチドの形成である。

#### 【0131】

ジエステル法とトリエステル法の主な差は、後者には、追加的な保護基が反応物および 10 産物のリン酸原子上に存在する点である (Itakura et al., 1975)。精製は典型的に、クロロホルム溶液によって行われる。この方法の他の改善点は、(i) 3量体とより長いオリゴマーの結合をブロックすること、(ii) 中間体および最終産物の両方の精製に多数回の高速液体クロマトグラフィーが実施されること、ならびに (iii) 固相合成を含む。

#### 【0132】

ポリヌクレオチドホスホリラーゼ法は、多くの有用なオリゴヌクレオチドの合成に使用可能なDNAを酵素によって合成する方法である (Gillam et al., 1978; Gillam et al., 1979)。制御された条件下で、ポリヌクレオチドホスホリラーゼは多くの場合、1個のヌクレオチドを短いオリゴヌクレオチドに付加していく。クロマトグラフィーによる精製によって、所望の1つの付加物が得られる。この手順を開始するには、少なくとも3量体が必要であり、かつこのプライマーを、いくつかの他の方法で得る必要がある。ポリヌクレオチドホスホリラーゼ法は有効であり、関与する手順に大半の生化学者が慣れているという利点を有する。 20

#### 【0133】

固相法は、ポリペプチドの固相合成のために開発された手法に基づき、当初のヌクレオチドを固体支持体材料に結合させて、ヌクレオチドの段階的な付加によって進行させることができる。全ての混合段階および洗浄段階は単純化されており、手順は自動化に適している。これらの合成は今日、自動核酸合成装置を使用して常用されている。

#### 【0134】

ホスホラミダイト化学 (Beaucage and Lyer, 1992) は、オリゴヌクレオチドの合成の最も広く使用されているカップリング化学である。オリゴヌクレオチドのホスホラミダイト合成は、ヌクレオシドホスホラミダイト単量体前駆体の活性化中間体を形成する活性化薬剤との反応と、これに続く、オリゴヌクレオチド産物を形成する伸長途上のオリゴヌクレオチド鎖 (一般に一方の末端で適切な固体支持体に係留されている) への活性化中間体の連続的な付加による活性化を含む。 30

#### 【0135】

細胞内で核酸を産生させる組換え法は当業者に周知である。このような方法は、核酸を標的細胞 (例えば癌細胞) または単に宿主細胞 (所望のRNA分子を大量に作製するため) などの細胞に輸送するベクター (ウイルスベクターまたは非ウイルスベクター)、プラスミド、コスミド、および他の媒介物の使用を含む。あるいは、このような媒介物は、RNA分子の作製用の試薬が存在する限り、無細胞系で使用することができる。このような方法は、参照により組み入れられる Sambrook, 2003、Sambrook, 2001、および Sambrook, 1989 に記載されている方法を含む。 40

#### 【0136】

ある態様で本発明は、合成されていない核酸分子に関する。いくつかの態様では、核酸分子は、1本鎖の一次miRNA (Lee 2002を参照)、1本鎖前駆体miRNA、または1本鎖成熟miRNAの正確かつ全体の配列など、天然の核酸の化学的構造および天然の核酸の配列を有する。組換え法の使用に加えて、このような非合成核酸は、オリゴヌクレオチドの作製に使用される手法の使用などによって、化学的に作製することができる。

#### 【0137】

10

20

30

40

50

### C. 核酸の単離

核酸は、当業者に周知の手法で単離することができるが、特定の態様では、小型の核酸分子を単離する方法、および/またはRNA分子を単離する方法を使用してもよい。クロマトグラフィーは、タンパク質または他の核酸からの核酸の分離または単離にしばしば使用される過程である。このような方法は、ゲルマトリックスを使用する電気泳動、フィルタカラム、アルコール沈殿法、および/または他のクロマトグラフィーを含むことができる。細胞に由来するmiRNAが使用または評価される場合、方法は一般に、細胞をカオトロピック試薬（例えばグアニジニウムイソチオシアネート）、および/または界面活性剤（例えばN-ラウロイルサルコシン）で溶解した後に、特定のRNA集団を単離する過程を実施する段階を含む。

10

#### 【0138】

他の核酸からmiRNAを分離する特定の方法では、ポリアクリルアミドを使用してゲルマトリックスを調製するが、アガロースを使用することもできる。ゲルは濃度に勾配を設けてもよく、または均一にしてもよい。電気泳動用にゲルマトリックスを固定するため、プレートまたはチューブ類を使用することができる。核酸の分離には通常、1次元の電気泳動を使用する。プレートはスラブゲルの調製に使用され、チューブ類（典型的にはガラスまたはゴム）をチューブゲルの調製に使用することができる。「チューブ電気泳動」という語句は、ゲルの形成時にプレートの代わりにチューブまたはチューブ類を使用することを意味する。当業者は、チューブ電気泳動を実施するための材料を容易に調製するか、またはC.B.S. Scientific Co., IncまたはScie-Plasなどから購入することができる。

20

#### 【0139】

方法には、核酸、特に本発明の方法および組成物で使用されるmiRNAを単離するためには、有機溶媒および/またはアルコールの使用を含めてもよい。いくつかの態様は、参照により本明細書に組み入れられる米国特許出願第10/667,126号に記載されている。一般に本開示は、以下の段階を含む、細胞から小型RNA分子を効率的に単離する方法を提供する：細胞溶解物にアルコール溶液を添加する段階、およびアルコール/溶解物混合物を固体支持体に添加した後に固体支持体からRNA分子を溶出する段階。いくつかの態様では、細胞溶解物に添加するアルコールの量は、約55%～60%のアルコール濃度を達成する。異なるアルコールを使用することもできるが、エタノールが良好に機能する。固体支持体は任意の構造をとることができ、かつ負に帯電した官能基を有する金属支持体または高分子支持体を含めることが可能なビーズ、フィルター、およびカラムを含む。このような単離手順では、ガラス纖維のフィルターまたはカラムが特に良好に機能する。

30

#### 【0140】

特定の態様では、miRNAの単離過程は以下の段階を含む：(a) 試料中の細胞を、グアニジニウムを含む溶解液で溶解する段階であって、少なくとも約1 Mの濃度のグアニジニウム溶解物が得られる、段階；(b) 溶解物からmiRNA分子をフェノールを含む抽出用溶液によって抽出する段階；(c) 溶解物にアルコール溶液を添加して、溶解物/アルコール混合物を生成させる段階であって、混合物中のアルコールの濃度が約35%～約70%である、段階；(d) 溶解物/アルコール混合物を固体支持体に添加する段階；(e) 固体支持体からmiRNA分子をイオン性溶液によって溶出する段階；および(f) miRNA分子を捕捉する段階。典型的に試料は、乾燥させて液体中に再懸濁することで、容積が後の操作に適したものとなる。

40

#### 【0141】

### II. 標識および標識法

いくつかの態様において本発明は、標識されるmiRNAに関する。miRNAが最初に単離される、および/または精製後に標識されることが想定される。これによって、miRNAが標識前に単離されていないかまたは精製されていない試料中の他のRNAに対して、miRNAをより効率的に標識する反応を達成してもよい。本発明の多くの態様では、標識は非放射性である。一般に核酸は、標識済みのヌクレオチドを添加することで（1段階工程）、または添加済みのヌクレオチドを標識することで（2段階工程）標識され得る。

50

## 【0142】

## A. 標識法

いくつかの態様において、標識済みのヌクレオチドまたはヌクレオチド群を核酸に触媒的に添加することで、核酸は標識される。1種または複数種の標識済みヌクレオチドをmiRNA分子に添加することができる。これについては、参照により本明細書に組み入れられる米国特許第6,723,509号を参照されたい。

## 【0143】

他の態様では、標識されていないヌクレオチドまたはヌクレオチド群がmiRNAに触媒的に添加され、標識されていないヌクレオチドは、後にそれを標識可能にする官能基部分によって修飾される。本発明の態様では、官能基部分は、ヌクレオチドがアミン修飾ヌクレオチドとなるような反応性アミンである。アミン修飾ヌクレオチドの例は当業者に周知であり、その多くが、Ambion、Sigma、Jena Bioscience、およびTriLinkなどから販売されている。

10

## 【0144】

合成中のcDNAの標識とは対照的に、miRNAの標識に関する問題は、既存の分子をいかに標識するかという点にある。本発明は、ニリン酸または三リン酸のリボヌクレオチドまたはデオキシリボヌクレオチドを、miRNAへの添加用の基質として使用可能な酵素の使用に関する。さらに特定の態様において本発明は、miRNAの3'端に付加される、修飾されたニリン酸または三リン酸のリボヌクレオチドの使用を含む。このような酵素の起源は限定されない。酵素の供給源の例は、酵母、大腸菌 (*E. coli*)、乳酸連鎖球菌 (*Lactococcus lactis*)などのグラム陰性細菌、およびヒツジポックスウイルスを含む。

20

## 【0145】

このようなヌクレオチドの付加が可能な酵素は、ポリ(A)ポリメラーゼ、末端トランスフェラーゼ、およびポリヌクレオチドホスホリラーゼを含むが、これらに限定されない。本発明の特定の態様では、リガーゼは、標識の付加に使用される酵素ではなく、非リガーゼ酵素が使用されることが想定される。

## 【0146】

末端トランスフェラーゼは、核酸の3'末端へのヌクレオチドの付加を触媒する。

## 【0147】

ポリヌクレオチドホスホリラーゼは、プライマーを必要とすることなくヌクレオチドニリン酸を重合可能である。

30

## 【0148】

## B. 標識

miRNAまたはmiRNAプローブ上の標識は、比色標識（蛍光を含む可視スペクトルおよびUVスペクトルを含む）、発光標識、酵素標識、または陽電子放出標識（放射性物質を含む）であってよい。標識は、直接的または間接的に検出することができる。放射性標識は、<sup>125</sup>I、<sup>32</sup>P、<sup>33</sup>P、および<sup>35</sup>Sを含む。酵素標識の例は、アルカリホスファターゼ、ルシフェラーゼ、西洋ワサビペルオキシダーゼ、およびs-ガラクトシダーゼを含む。標識は、発光特性を有するタンパク質、例えば緑色蛍光タンパク質またはフィコエリトリンも可能である。

40

## 【0149】

コンジュゲートとしての使用に想定される比色標識および蛍光標識は、Alexa Fluor色素、BODIPY FLなどのBODIPY色素；Cascade Blue；Cascade Yellow；クマリン、ならびに7-アミノ-4-メチルクマリン、アミノクマリン、およびヒドロキシクマリンなどのクマリン誘導体；Cy3またはCy5などのシアニン色素；エオシンおよびエリトロシン；フルオレセインおよびフルオレセインイソチオシアナートなどのフルオレセイン誘導体；Quantum Dye（商標）などのランタニドイオンの大環状キレート；Marina Blue；Oregon Green；ローダミンレッド、テトラメチルローダミン、およびローダミン6Gなどのローダミン色素；テキサスレッド；チアゾールオレンジ-エチジウムヘテロダイマーなどの蛍光エネルギー転移色素；およびTOTABを含むが、これらに限定されない。

50

## 【0150】

色素の特定の例は上記および下記の色素を含むが、これらに限定されない：Alexa Fluor 350、Alexa Fluor 405、Alexa Fluor 430、Alexa Fluor 488、Alexa Fluor 500、Alexa Fluor 514、Alexa Fluor 532、Alexa Fluor 546、Alexa Fluor 555、Alexa Fluor 568、Alexa Fluor 594、Alexa Fluor 610、Alexa Fluor 633、Alexa Fluor 647、Alexa Fluor 660、Alexa Fluor 680、Alexa Fluor 700、およびAlexa Fluor 750；BODIPY 493/503、BODIPY 530/550、BODIPY 558/568、BODIPY 564/570、BODIPY 576/589、BODIPY 581/591、BODIPY 630/650、BODIPY 650/655、BODIPY FL、BODIPY R6G、BODIPY TMR、およびBODIPY-TRなどのアミン反応性のBODIPY色素；Cy3、Cy5、6-FAM、フルオレセインイソチオシアネート、HEX、6-JOE、Oregon Green 488、Oregon Green 500、Oregon Green 514、Pacific Blue、REG、ローダミングリーン、ローダミンレッド、Renographin、ROX、SYPRO、TAMRA、2',4',5',7'-テトラブロモスルホンフルオレセイン、ならびにTET。

10

## 【0151】

蛍光標識されたリボヌクレオチドの特定の例は、Molecular Probesから入手可能であり、Alexa Fluor 488-5-UTP、フルオレセイン-12-UTP、BODIPY FL-14-UTP、BODIPY TMR-14-UTP、テトラメチルローダミン-6-UTP、Alexa Fluor 546-14-UTP、Texas Red-5-UTP、およびBODIPY TR-14-UTPを含む。Cy3-UTPまたはCy5-UTPなどの他の蛍光リボヌクレオチドは、Amersham Biosciencesから入手できる。

20

## 【0152】

蛍光標識されたデオキシリボヌクレオチドの例は、ジニトロフェニル(DNP)-11-dUTP、Cascade Blue-7-dUTP、Alexa Fluor 488-5-dUTP、フルオレセイン-12-dUTP、Oregon Green 488-5-dUTP、BODIPY FL-14-dUTP、ローダミングリーン-5-dUTP、Alexa Fluor 532-5-dUTP、BODIPY TMR-14-dUTP、テトラメチルローダミン-6-dUTP、Alexa Fluor 546-14-dUTP、Alexa Fluor 568-5-dUTP、Texas Red-12-dUTP、Texas Red-5-dUTP、BODIPY TR-14-dUTP、Alexa Fluor 594-5-dUTP、BODIPY 630/650-14-dUTP、BODIPY 650/665-14-dUTP、Alexa Fluor 488-7-OBEA-dCTP、Alexa Fluor 546-16-OBEA-dCTP、Alexa Fluor 594-7-OBEA-dCTP、Alexa Fluor 647-12-OBEA-dCTPを含む。

20

## 【0153】

核酸は、2種類の異なる標識によって標識してもよいことが想定される。さらに本発明の方法には、蛍光共鳴エネルギー転移(FRET)を利用することができる(例えばそれぞれ参照により組み入れられるKlostermeier et al., 2002; Emptage, 2001; Didenko, 2001)。

30

## 【0154】

あるいは標識は、それだけでは検出されないが、間接的に検出可能であってもよく、または標的核酸の単離もしくは分離が可能であってもよい。例えば標識は、ビオチン、ジゴキシゲニン、多価陽イオン、キレート基、および対抗体リガンドを含む他のリガンドの場合がある。

30

## 【0155】

## C. 可視化法

標識核酸を可視化または検出するいくつかの手法が、容易に利用できる。このような手法は、顕微鏡、アレイ、蛍光定量法、Light cyclerもしくは他のリアルタイムPCR装置、FACS解析、シンチレーションカウンター、ホスホイメージャー、ガイガーカウンター、MRI、CAT、抗体ベースの検出法(ウェスタン、免疫蛍光、免疫組織化学)、組織化学的手法、HPLC(Griffey et al., 1997)、分光法、キャピラリゲル電気泳動(Cummins et al., 1996)、分光法；質量分光法；放射線法；および物質収支法を含む。

40

## 【0156】

2種類以上の差次的に着色される標識が使用される場合は、蛍光共鳴エネルギー転移(FRET)法で、1種または複数種の核酸の結合を解析することができる。また当業者であれば、標識核酸の可視化法、同定法、および解析法を十分に承知しているので、このようなプロトコルを本発明の一部として使用することができる。使用可能なツールの例は、蛍光顕

50

微鏡、BioAnalyzer、プレートリーダー、Storm (Molecular Dynamics)、Array Scanner、FACS (蛍光活性化セルソーター)、または蛍光分子を励起および検出する能力を有する任意の装置も含む。

【0157】

### III. アレイの作製およびスクリーニング

#### A. アレイの作製

本発明は、複数のmiRNA分子または前駆体miRNA分子に対して完全にまたはほぼ相補的または同一であり、かつ支持体または支持体材料上に空間的に分離した構造で位置する核酸分子（プローブ）が規則的に並んだマクロアレイまたはマイクロアレイである、miRNAまたはmiRNAプローブアレイの作製および使用に関する。マクロアレイは典型的に、表面にプローブがスポットティングされたニトロセルロースまたはナイロンのシートである。マイクロアレイは、核酸プローブを、最大10,000個の核酸分子が、典型的には1~4 cm<sup>2</sup>の領域中に収まるように、より密に配置させる。マイクロアレイは、核酸分子、例えば遺伝子、オリゴヌクレオチドなどを基質上にスポットティングするか、または基質上にオリゴヌクレオチド配列をインサイチューで作製することにより、作製することができる。スポットティングされたかまたは作製された核酸分子は、1 cm<sup>2</sup>あたり最大約30個もしくはこれ以上の非同一な核酸分子、例えば1 cm<sup>2</sup>あたり最大約100個もしくはさらには1000個の高密度マトリックスパターンで添加することができる。マイクロアレイは典型的に、フィルターアレイの場合のニトロセルロースベースの材料とは対照的に、固体支持体としてコーティングされたガラスを使用する。miRNAに相補的な核酸試料を秩序だったアレイとすることで、各試料の位置を追跡し、かつ当初の試料に関連づけることができる。複数の異なる核酸プローブが固体支持体の表面に安定に結合される多種多様なアレイ装置が、当業者に既知である。アレイに有用な基質は、ナイロン、ガラス、金属、プラスチック、ラテックス、およびシリコンを含む。このようなアレイは、平均プローブ長、プローブの配列またはタイプ、プローブとアレイ表面間の結合の性質（例えば共有結合か非共有結合か）などのいくつかの点が異なる。本発明の標識法およびスクリーニング法、ならびにアレイは、プローブがmiRNAを検出することを除いて、任意のパラメーターに関して、その有用性は限定されないので、方法および組成物は、多種多様なタイプのmiRNAアレイとともに使用することができる。

【0158】

マイクロアレイを作製する代表的な方法および装置は例えば、全体が参照により本明細書に組み入れられる米国特許第5,143,854号；第5,202,231号；第5,242,974号；第5,288,644号；第5,324,633号；第5,384,261号；第5,405,783号；第5,412,087号；第5,424,186号；第5,429,807号；第5,432,049号；第5,436,327号；第5,445,934号；第5,468,613号；第5,470,710号；第5,472,672号；第5,492,806号；第5,525,464号；第5,503,980号；第5,510,270号；第5,525,464号；第5,527,681号；第5,529,756号；第5,532,128号；第5,545,531号；第5,547,839号；第5,554,501号；第5,556,752号；第5,561,071号；第5,571,639号；第5,580,726号；第5,580,732号；第5,593,839号；第5,599,695号；第5,599,672号；第5,610,287号；第5,624,711号；第5,631,134号；第5,639,603号；第5,654,413号；第5,658,734号；第5,661,028号；第5,665,547号；第5,667,972号；第5,695,940号；第5,700,637号；第5,744,305号；第5,800,992号；第5,807,522号；第5,830,645号；第5,837,196号；第5,871,928号；第5,847,219号；第5,876,932号；第5,919,626号；第6,004,755号；第6,087,102号；第6,368,799号；第6,383,749号；第6,617,112号；第6,638,717号；第6,720,138号、ならびに

10

20

30

40

WO 93/17126; WO 95/11995; WO 95/21265; WO 95/21944; WO 95/35505; WO 96/31622; WO 97/10365; WO 97/27317; WO 99/35505; WO 09923256; WO 09936760; WO0138580; WO 0168255; WO 03020898; WO 03040410; WO 03053586; WO 03087297; WO 03091426; WO03100012; WO 04020085; WO 04027093; EP 373 203; EP 785 280; EP 799 897 およびUK 8 803 000

に記載されている。

10

【 0 1 5 9 】

アレイは、2、20、25、50、80、100種類、またはこれ以上の異なるプローブを含むような高密度のアレイとすることが想定される。アレイは、1000、16,000、65,000、250,000、または1,000,000種類、もしくはこれ以上の異なるプローブを含むことができると想定される。プローブは、1種または複数種の異なる生物体または細胞タイプの標的に対する場合がある。オリゴヌクレオチドプローブの長さは、いくつかの態様では5～50、5～45、10～40、9～34、または15～40ヌクレオチドである。ある態様では、オリゴヌクレオチドプローブの長さは、間にある全ての整数および範囲を含む、5、10、15、20～20、25、30、35、40ヌクレオチドである。

【 0 1 6 0 】

アレイ中の個々の異なるプローブ配列の位置および配列は、一般に既知である。さらに、多数の異なるプローブが比較的小さな面積を占め、一般に1 cm<sup>2</sup>あたり約60、100、600、1000、5,000、10,000、40,000、100,000、または400,000個の異なるオリゴヌクレオチドプローブより大きいプローブ密度を有する高密度アレイを提供することができる。アレイの表面積は、約1、1.6、2、3、4、5、6、7、8、9、もしくは10 cm<sup>2</sup>、またはそれ未満の場合がある。

20

【 0 1 6 1 】

さらに当業者であれば、アレイを使用して得られたデータを容易に解析できるであろう。このようなプロトコルは前述しており、いずれも特異的に参照により組み入れられるWO 9743450 ; WO 03023058 ; WO 03022421 ; WO 03029485 ; WO 03067217 ; WO 03066906 ; WO 03076928 ; WO 03093810 ; WO 03100448A1に記載されている情報を含む。

30

【 0 1 6 2 】

B. 試料の調製

さまざまな試料のmiRNAは、本発明のアレイ、プローブのインデックス、またはアレイ技術を使用して解析可能なことが想定される。内因性のmiRNAは、本発明の組成物および方法による使用を想定しているが、組換えmiRNA（内因性のmiRNAまたは前駆体miRNAに相補的または同一な核酸を含む）も、本明細書に記載する手順で扱うことが可能であり、解析することができる。試料は生物学的試料のあってよく、この場合、生検、穿刺吸引物、剥離物、血液、組織、器官、精液、唾液、涙液、他の体液、毛包、皮膚、または生物学的細胞を含むか、またはこれらからなる任意の試料に由来する場合がある。ある態様で、試料は、新鮮な試料、凍結した試料、固定した試料、ホルマリンで固定した試料、パラフィンで包埋した試料、またはホルマリンで固定してパラフィンで包埋した試料であるが、これらに限定されない。あるいは、試料は生物学的試料ではなく、無細胞反応混合物（1種または複数種の生物学的酵素を含むことができる）などの化学的混合物であってよい。

40

【 0 1 6 3 】

C. ハイブリダイゼーション

アレイまたは一連のmiRNAプローブを作製し、試料中のmiRNAを標識した後、標的核酸の集団をアレイまたはプローブに、ハイブリダイゼーション条件で接触させる。このような条件は、望ましければ、実施される特定のアッセイ法を考慮して、最適なレベルの特異性を提供するように調節可能である。適切なハイブリダイゼーション条件は当業者に周知で

50

あり、Sambrook et al. (2001) およびWO 95/21944にまとめられている。多くの態様では、ハイブリダイゼーション中のストリンジエントな条件の使用に特に关心がもたれる。ストリンジエントな条件は、当業者に既知である。

【0164】

1つのアレイまたは一群のプローブが複数の試料に接触する可能性があることが特に想定される。試料は、試料を区別するために、さまざまな標識によって標識してもよい。例えば、1つのアレイに、Cy3で標識された腫瘍組織試料と、Cy5で標識された正常組織試料とを接触させることができる。アレイ上のプローブに対応する特定のmiRNAの試料間の差は、容易に確認および定量することができる。

【0165】

アレイは表面積が小さいので、温度調節および塩含量などの均一なハイブリダイゼーション条件が可能となる。さらに、小さな面積が高密度のアレイで占められるので、ハイブリダイゼーションは、極めて少量の液量（例えば約5、10、25、50、60、70、80、90、100 μl、もしくはそれ未満、またはこれらの間の任意の範囲の容量を含む、約250 μlまたはこれ未満）で実施することができる。少容量では、ハイブリダイゼーションは極めて速やかに進行する可能性がある。

【0166】

D. 差次的発現解析

本発明のアレイを使用して、2つの試料間の差を検出することができる。特に想定される応用は、正常な試料に由来するmiRNAと、正常ではない試料に由来するmiRNAの差、癌性状態と非癌性状態の差、または2つの異なる処理を行った試料間の差を同定および/または定量することを含む。またmiRNAを、特定の疾患もしくは状態に対して感受性があると考えられる試料と、疾患もしくは状態に対して感受性がないかまたは耐性を有すると考えられる試料との間で比較することができる。正常ではない試料とは、疾患もしくは状態の表現型形質を示す試料か、またはそのような疾患もしくは状態に関して正常ではないと考えられる試料である。これは、疾患または状態に関して正常な細胞と比較することができる。表現型形質は、成分が遺伝的であるか、遺伝的である可能性があるか、遺伝的でない可能性があるか、または過剰増殖性細胞もしくは新生細胞もしくは細胞群に起因する疾患もしくは状態の症状、または疾患もしくは状態に対する感受性を含む。

【0167】

アレイは、核酸プローブが結合した固体支持体を含む。アレイは典型的に、基質の表面の異なる既知の位置に結合した複数の異なる核酸プローブを含む。「マイクロアレイ」または集合的に「チップ」とも表現される、このようなアレイは一般に当技術分野で、例えば、それぞれがあらゆる目的で全体が参照により本明細書に組み入れられる米国特許第5,143,854号、第5,445,934号、第5,744,305号、第5,677,195号、第6,040,193号、第5,424,186号、およびFodor et al., (1991) に記載されている。このようなアレイは一般に、機械的な合成法、またはフォトリソグラフィー法と固相合成法の組み合わせを組み入れた光による合成法で作製することができる。機械的な合成法を使用するこのようなアレイの合成法は例えば、あらゆる目的で参照により全体が本明細書に組み入れられる米国特許第5,384,261号に記載されている。ある局面では平面的なアレイ表面が使用されるが、アレイは表面上に、実質的に任意の形状に、またはさらには複数の層の表面を作製してもよい。アレイは、ビーズ、ゲル、高分子の表面、光ファイバーなどのファイバー、ガラスまたは他の任意の適切な基質上の核酸であってよい。これについては、あらゆる目的で参照により全体が本明細書に組み入れられる米国特許第5,770,358号、第5,789,162号、第5,708,153号、第6,040,193号、および第5,800,992号を参照されたい。アレイは、全ての包括的な装置の診断または他の操作を可能とするように組み立ててもよい。これについては例えば、あらゆる目的で参照により全体が本明細書に組み入れられる米国特許第5,856,174号および第5,922,591号を参照されたい。また、アレイ、その製造、およびその特徴に関する追加情報に関しては、あらゆる目的で参照により全体が本明細書に組み入れられる、2000年4月7日に出願された米国特許出願第09/545,207号も参照されたい。

10

20

30

40

50

## 【0168】

特に、アレイを使用して、以下を含むがこれらに限定されない疾患または状態に関して試料を評価することができる：慢性脾炎；脾臓癌；AIDS、自己免疫疾患（関節リウマチ、多発性硬化症、糖尿病（インスリン依存性およびインスリン非依存性）、全身性エリテマトーデス、およびグレーブス病）；癌（例えば悪性、良性、転移性、前癌性）；心血管疾患（心疾患、または冠動脈疾患、卒中（虚血性および出血性）、ならびにリウマチ性心疾患）；神経系の疾患；ならびに病原性微生物による感染（水虫、水痘、感冒、下痢性疾患、インフルエンザ、性器ヘルペス、マラリア、髄膜炎、肺炎、副鼻腔炎、皮膚疾患、連鎖球菌性咽頭炎、結核、尿路感染症、膿感染症、ウイルス性肝炎）；炎症（アレルギー、喘息）；プリオン病（例えばCJD、クールー、GSS、FFI）。

10

## 【0169】

さらに、miRNAを以下の疾患、状態、および障害に関して評価することができる：脾炎、慢性脾炎、および/または脾臓癌。

## 【0170】

本発明の方法および組成物によって評価可能な癌は、胰管腺癌（PDAC）を含む、特に胰臓に由来する癌細胞を含むが、膀胱、血液、骨、骨髄、脳、乳房、結腸、食道、胃腸、歯肉、頭部、腎臓、肝臓、肺、上咽頭、頸部、卵巣、前立腺、皮膚、胃、精巣、舌、または子宮に由来する細胞および癌細胞を含んでもよい。加えて癌は、特に以下の組織型であってもよいが、これらに限定されない：新生物、悪性；癌；癌、未分化型；巨大細胞および紡錘細胞の癌；小細胞癌；乳頭癌；扁平細胞癌；リンパ上皮癌；基底細胞癌；毛質性（pilomatrix）癌；移行上皮細胞癌；乳頭状移行上皮癌；腺癌；ガストリン産生腫瘍、悪性；胆管癌；肝細胞癌；肝細胞癌と胆管癌の併発；索状腺癌；腺様囊胞癌；腺腫性ポリープの腺癌；腺癌、家族性大腸ポリポージス；固形癌；カルチノイド腫瘍、悪性；細気管支肺胞腺癌；乳頭腺癌；嫌色素性癌；抗酸球癌；好酸性腺癌；好塩基球癌；明細胞腺癌；顆粒細胞癌；濾胞状腺癌；乳頭状および濾胞状の腺癌；非被囊性硬化性（nonencapsulating sclerosing）癌；副腎皮質癌；類内膜癌；皮膚付属器癌；アポクリン腺癌；皮脂腺癌；耳垢腺癌；粘膜表皮性癌；囊胞腺癌；乳頭状囊胞腺癌；乳頭状漿液性囊胞腺癌；ムチン性囊胞腺癌；粘液腺癌；印環細胞癌；浸潤性導管癌；髄様癌；小葉癌；炎症性癌；パジェット病、乳腺；腺房細胞癌；腺扁平上皮癌；扁平上皮化生を伴う腺癌；胸腺腫、悪性；卵巣間質性腫瘍、悪性；莢膜細胞腫、悪性；顆粒膜細胞腫瘍、悪性；セルトリ間質細胞腫瘍、悪性；セルトリ細胞癌；ライディッヒ細胞腫瘍、悪性；脂質細胞腫瘍、悪性；傍神経節腫、悪性；乳房外傍神経節腫、悪性；褐色細胞腫；血管球血管肉腫；悪性黒色腫；メラニン欠乏性黒色腫；表在拡大型黒色腫；巨大色素性母斑の悪性黒色腫；類上皮細胞黒色腫；青色母斑、悪性；肉腫；線維肉腫；線維性組織球腫、悪性；粘液肉腫；脂肪肉腫；平滑筋肉腫；横紋筋肉腫；胎児横紋筋肉腫；肺胞横紋筋肉腫；間質性肉腫；混合腫瘍、悪性；ミュラー管混合腫瘍；腎芽腫；肝芽腫；癌肉腫；間葉細胞腫、悪性；ブレンナー腫瘍、悪性；葉状腫瘍、悪性；滑膜肉腫；中皮腫、悪性；未分化胚細胞腫；胚性癌腫；奇形腫、悪性；卵巣甲状腺腫、悪性；絨毛癌；中腎腫、悪性；血管肉腫；血管内皮腫、悪性；カボジ肉腫；血管外皮細胞腫、悪性；リンパ管肉腫；骨肉腫；傍骨性骨肉腫；軟骨肉腫；軟骨芽細胞腫、悪性；間葉性軟骨肉腫；骨の巨細胞腫瘍；ユーイング肉腫；歯性腫瘍、悪性；エナメル上皮肉腫；エナメル上皮腫、悪性；エナメル上皮線維肉腫；松果体腫、悪性；脊索腫；神経膠腫、悪性；上衣細胞腫；星細胞腫；原形質性星状細胞腫；線維性星細胞腫；星状芽細胞腫；膠芽腫；乏突起細胞腫；乏突起膠芽腫；未分化神経外胚葉性腫瘍；小脳肉腫；神経節芽細胞腫；神経芽腫；網膜芽腫；嗅覚神経因性腫瘍；髄膜腫、悪性；神経線維肉腫；神経鞘腫、悪性；顆粒細胞腫、悪性；悪性リンパ腫；ホジキン病；ホジキンリンパ腫；傍肉芽腫；悪性リンパ腫、小リンパ球性；悪性リンパ腫、大型細胞、びまん性；悪性リンパ腫、濾胞性；菌状息肉症；他の特定の非ホジキンリンパ腫；悪性組織球増殖症；多発性骨髄腫；マスト細胞肉腫；免疫増殖性小腸疾患；白血病；リンパ性白血病；形質細胞白血病；赤白血病；リンパ肉腫細胞白血病；骨髄性白血病；好塩基球性白血病；好酸球性白血病；单球性白血病；マスト細胞白血病；巨核芽球性白血病；骨髄性肉腫；および有毛細胞白血病

20

30

40

50

。さらにmiRNAを、化生、異形成、および過形成などの前癌を対象に評価することができる。

【0171】

本発明を使用して、過形成、新形成、前癌状態と癌の間、または原発性腫瘍と転移性腫瘍の間など、疾患の病期間の差を評価可能なことが特に想定される。

【0172】

さらに、特定の経路の活性に差を有する試料についても比較可能なことが想定される。これらの経路は、以下の経路および以下の因子が関与する経路を含む：抗体反応、アポトーシス、カルシウム/NFATシグナル伝達、細胞周期、細胞遊走、細胞接着、細胞分裂、サイトカインおよびサイトカイン受容体、薬剤代謝、成長因子および成長因子受容体、炎症性反応、インスリンシグナル伝達、NF Bシグナル伝達、血管形成、脂肪生成、細胞接着、ウイルス感染、細菌感染、老化、運動性、グルコース輸送、ストレス反応、酸化、加齢、テロメア伸長、テロメア短縮、神経伝達、血液凝固、幹細胞分化、G-タンパク質共役型受容体(GPCR)シグナル伝達、ならびにp53の活性化。

【0173】

プロファイルの作成が可能な細胞経路は、以下も含むがこれらに限定されない：環状AMP、タンパク質キナーゼA、G-タンパク質共役型受容体、アデニリルシクラーゼ、L-セレクチン、E-セレクチン、PECAM、VCAM-1、-アクチニン、パキシリン、カドヘリン、AKT、インテグリン-、インテグリン-、RAF-1、ERK、PI-3キナーゼ、ピンキュリン、マトリックスマタロプロテイナーゼ、Rho GTPアーゼ、p85、トレフォイル因子、プロフィリン、FAK、MAPキナーゼ、Ras、カベオリン、カルパイン-1、カルパイン-2、表皮成長因子受容体、ICAM-1、ICAM-2、コフィリン、アクチン、グルソリン、RhoA、RAC1、ミオシン軽鎖キナーゼ、血小板由来成長因子受容体、またはエズリンを含むが、これらに限定されない任意の接着もしくは運動の経路が関与する経路；AKT、Fasリガンド、NF B、カスパーゼ-9、PI3キナーゼ、カスパーゼ-3、カスパーゼ-7、ICAD、CAD、EndoG、Granzyme B、Bad、Bax、Bid、Bak、APAF-1、シトクロムC、p53、ATM、Bcl-2、PARP、Chk1、Chk2、p21、c-Jun、p73、Rad51、Mdm2、Rad50、c-Ab1、BRCA-1、パーフォリン、カスパーゼ-4、カスパーゼ-8、カスパーゼ-6、カスパーゼ-1、カスパーゼ-2、カスパーゼ-10、Rho、Junキナーゼ、Junキナーゼキナーゼ、Rip2、ラミン-A、ラミン-B1、ラミン-B2、Fas受容体、H<sub>2</sub>O<sub>2</sub>、Granzyme A、NADPHオキシダーゼ、HMG2、CD4、CD28、CD3、TRADD、IKK、FADD、GADD45、DR3デス受容体、DR4/5デス受容体、FLIP、APO-3、GRB2、SHC、ERK、MEK、RAF-1、環状AMP、タンパク質キナーゼA、E2F、網膜芽腫タンパク質、Smac/Diablo、ACH受容体、14-3-3、FAK、SODD、TNF受容体、RIP、サイクリン-D1、PCNA、Bcl-XL、PIP2、PIP3、PTEN、ATM、Cdc2、タンパク質キナーゼC、カルシニューリン、IKK、IKK、IKK、SOS-1、c-FOS、Traf-1、Traf-2、I B、またはプロテアソームが関与する経路を含むがこれらに限定されない、任意のアポトーシス経路；タンパク質キナーゼA、酸化窒素、カベオリン-1、アクチン、カルシウム、タンパク質キナーゼC、Cdc2、サイクリンB、Cdc25、GRB2、SRCタンパク質キナーゼ、ADP-リボシル化因子(ARF)、ホスホリパーゼD、AKAP95、p68、Aurora B、CDK1、Eg7、ヒストンH3、PKAc、CD80、PI3キナーゼ、WASP、Arp2、Arp3、p16、p34、p20、PP2A、アンジオテンシン、アンジオテンシン変換酵素、プロテアーゼ活性化受容体-1、プロテアーゼ活性化受容体-4、Ras、RAF-1、PLC、PLC、COX-1、Gタンパク質共役型受容体、ホスホリパーゼA2、IP3、SUMO1、SUMO2/3、ユビキチン、Ran、Ran-GAP、Ran-GEF、p53、グルココルチコイド、グルココルチコイド受容体、SWI/SNF複合体の成分、RanBP1、RanBP2、インポーチン、エクスポート、RCC1、CD40、CD40リガンド、p38、IKK、IKK、NF B、TRAF2、TRAF3、TRAF5、TRAF6、IL-4、IL-4受容体、CDK5、AP-1転写因子、CD45、CD4、T細胞受容体、MAPキナーゼ、神経成長因子、神経成長因子受容体、c-Jun、c-Fos、Junキナーゼ、GRB2、SOS-1、ERK-1、ERK、JAK2、STAT4、IL-12、IL-12受容体、酸化窒素合成酵素、TYK2、IFN、エラスターーゼ、IL-8、エピセリン、IL-2、IL-2受容体、CD28、SMAD3、SMAD4、TGF、またはTGF受容体が関与する経路を含むが、これらに限定されない任意の細胞活性化経路；TNF、SRCタンパク質キナーゼ、Cdc2、サイクリンB、Grb2、S

10

20

30

40

50

os-1、SHC、p68、Auroraキナーゼ、タンパク質キナーゼA、タンパク質キナーゼC、Eg7、p53、サイクリン、サイクリン依存性キナーゼ、神経成長因子、表皮成長因子、網膜芽腫タンパク質、ATF-2、ATM、ATR、AKT、CHK1、CHK2、14-3-3、WEE1、CDC25、CDC6、複製起点認識複合体タンパク質、p15、p16、p27、p21、ABL、c-ABL、SMAD、ユビキチン、SUMO、熱ショックタンパク質、Wnt、GSK-3、アンジオテンシン、p73 any PPAR、TGF<sub>β</sub>、TGF<sub>α</sub>、p300、MDM2、GADD45、Notch、cdc34、BRCA-1、BRCA-2、SKP1、the プロテアソーム、CUL1、E2F、p107、ステロイドホルモン、ステロイドホルモン受容体、I<sub>g</sub>B、I<sub>g</sub>B、Sin3A、熱ショックタンパク質、Ras、Rho、ERK、IKK、PI3キナーゼ、Bcl-2、Bax、PCNA、MAPキナーゼ、ダイニン、RhoA、PKAc、環状AMP、FAK、PIP2、PIP3、インテグリン、トロンボポエチン、Fas、Fasリガンド、PLK3、MEK、JAK、STAT、アセチルコリン、パキシリン、カルシニューリン、p38、インポーチン、エクスポートン、Ran、Rad50、Rad51、DNAポリメラーゼ、RNAポリメラーゼ、Ran-GAP、Ran-GEF、NuMA、Tpx2、RCC1、Sonic Hedgehog、Crm1、Patched (Ptc-1)、MPF、CaMキナーゼ、チューブリン、アクチン、動原体結合タンパク質、セントロメア結合タンパク質、テロメラーゼ、TERT、PP2A、c-MYC、インスリン、T細胞受容体、B細胞受容体、CBP、IK<sub>β</sub>、NF<sub>κ</sub>B、RAC1、RAF1、EPO、ジアシルグリセロール、c-Jun、c-Fos、Junキナーゼ、低酸素誘導因子、GATA4、-カテニン、-カテニン、カルシウム、アレスチン、サバイビン、カスパーーゼ、プロカスパーーゼ、CREB、CREM、カドヘリン、PECAM、コルチコステロイド、コロニー刺激因子、カルバイン、アデニリルシクラーゼ、成長因子、酸化窒素、膜貫通受容体、レチノイド、G-タンパク質、イオンチャネル、転写活性化因子、転写補助活性化因子、転写抑制因子、インターロイキン、ビタミン、インターフェロン、転写補助抑制因子、核膜孔、窒素、トキシン、タンパク質分解、もしくはリン酸化が関与する経路を含むがこれらに限定されない、任意の細胞周期調節経路、シグナル伝達経路、もしくは分化経路；またはアミノ酸の生合成、脂肪酸の酸化、神経伝達物質および他の細胞シグナル伝達分子の生合成、ポリアミンの生合成、脂質およびスフィンゴ脂質の生合成、アミノ酸および栄養素の異化、ヌクレオチド合成、エイコサノイド、電子伝達反応、小胞体関連分解、解糖、線維素溶解、ケトン体の形成、ファゴソームの形成、コレステロール代謝、食物摂取の調節、エネルギー恒常性の維持、プロトロンビン活性化、乳糖および他の糖の合成、多剤耐性、ホスファチジルコリンの生合成、プロテアソーム、アミロイド前駆体タンパク質、Rab GTPアーゼ、デンプン合成、グリコシル化、ホスホグリセリドの合成、ビタミン、クエン酸サイクル、IGF-1受容体、尿素サイクル、小胞輸送、またはサルベージ経路が関与する経路を含むがこれらに限定されない、任意の代謝経路。他の細胞経路は、表10に記載する遺伝子および関連するmRNAを含む経路を含む。本発明の核酸分子は、上記の任意の経路または因子に関する診断法および処置法に使用可能なことが、さらに想定される。したがって、本発明のいくつかの態様では、miRNAは、1つまたは複数の上記の経路または因子に関して差次的に発現される場合がある。

## 【0174】

表現型形質は、寿命、罹患率、外見（例えば、禿頭、肥満）、体力、速さ、耐久力、生殖能力、特定の薬剤に対する感受性もしくは受容性、または処置（薬剤の有効性）、および薬剤の毒性のリスクなどの特徴も含む。これらの表現型形質が異なる試料も、記載するアレイおよび方法を使用して評価される場合がある。

## 【0175】

ある態様では、miRNAプロファイルを作成して、プロファイルを評価し、薬物動態と相関させることができる。例えば、miRNAプロファイルを作成して、患者の腫瘍試料および血液試料を、患者の処置前または処置中に評価して、発現が患者の臨床転帰と相関するmiRNAが存在するか否かを判定することができる。miRNAの差の同定は、どの薬剤レジメンを患者に提供すべきかを決定するために、腫瘍試料および/または血液試料を評価するのに使用できるmiRNAを含む診断アッセイ法につながる可能性がある。加えて、これを使用して、特定の臨床試験に適した患者を同定または選択することができる。miRNAプロファイルが、薬剤の有効性または薬剤の毒性と相関すると判定された場合、それは、その患者が薬剤の投与を受けるのにまたは特定の薬剤の投与量の投与に適切な患者であるか否かに關

10

20

30

40

50

連する可能性がある。

【 0 1 7 6 】

上記の予後予測アッセイ法に加えて、さまざまな疾患を有する患者に由来する血液試料を評価して、異なる疾患が、血液中のmiRNAレベルを元に同定可能か否かを判定することができる。診断アッセイ法は、医師が、疾患を有する個人、または疾患を発症するリスクのある個人の同定に使用可能なプロファイルを元に、設計することができる。あるいは処置を、miRNAのプロファイリングを元に設計することができる。このような方法および組成物の例は、参照により全体が本明細書に組み入れられる、2005年5月23日にDavid Brown、Lance Ford、Angie Cheng、およびRich Jarvisの名前によって出願された「Methods and Compositions Involving miRNA and miRNA Inhibitor Molecules」と題する米国仮特許出願に記載されている。10

【 0 1 7 7 】

E. 他のアッセイ法

アレイおよびマイクロアレイの使用に加えて、いくつかの異なるアッセイ法で、miRNA、その活性、およびその作用を解析可能なことが想定される。このようなアッセイ法は、核酸増幅、ポリメラーゼ連鎖反応、定量的PCR、RT-PCR、インサイチューハイブリダイゼーション、ノーザンハイブリダイゼーション、ハイブリダイゼーション保護アッセイ法(HPA) (GenProbe)、分岐DNA (bDNA) アッセイ法 (Chiron)、ローリングサークル増幅 (RCA)、単分子ハイブリダイゼーション検出 (US Genomics)、インベーダー (Invader) アッセイ法 (ThirdWave Technologies)、および/またはBridge Litigationアッセイ法 (Genaco) を含むが、これらに限定されない。20

【 0 1 7 8 】

IV. キット

本明細書に記載する任意の組成物を、キット中に含めることができる。非制限的な例では、アレイ、核酸増幅、および/またはハイブリダイゼーションを使用する、miRNAの単離用、miRNAの標識用、および/またはmiRNA集団の評価用の試薬を、臍臓試料由来の試料の調製用の試薬とともにキットに含めることができる。キットにはさらに、miRNAプローブの作製用または合成用の試薬を含めることができる。したがってキットは、適切な容器手段中に、標識されたヌクレオチドまたは後に標識される非標識ヌクレオチドを組み入れることでmiRNAを標識するための酵素を含む。ある局面では、キットは増幅用試薬を含むことができる。他の局面では、キットは、ガラス、ナイロン、ポリマービーズなど、さまざまな支持体、および/または任意のプローブおよび/または標的核酸のカップリング用の試薬を含むことができる。キットは、反応用緩衝液、標識用緩衝液、洗浄用緩衝液、またはハイブリダイゼーション用緩衝液など、1種または複数種の緩衝液、miRNAプローブ作製用の化合物、およびmiRNA単離用の成分を含んでもよい。本発明の他のキットは、miRNAを含む核酸アレイの作製用の成分を含むことができるので、例えば固体支持体を含むことができる。30

【 0 1 7 9 】

本明細書に記載する本発明の方法を実施するためのキットが特に想定される。いくつかの態様では、多重標識用のmiRNAを調製するためのキット、ならびにmiRNAプローブおよび/またはmiRNAアレイを作製するためのキットが存在する。これらの態様では、キットは、適切な容器手段中に、以下の1、2、3、4、5、6、7、8、9、10、11、12、もしくはこれ以上を含む：(1)ポリ(A)ポリメラーゼ；(2)非修飾ヌクレオチド(G、A、T、C、および/またはU)；(3)修飾ヌクレオチド(標識済みもしくは非標識)；(4)ポリ(A)ポリメラーゼ緩衝液；ならびに(5)少なくとも1種類のマイクロフィルター；(6)ヌクレオチドに結合可能な標識；(7)少なくとも1種類のmiRNAプローブ；(8)反応緩衝液；(9)miRNAアレイ、またはこのようなアレイの作製用の成分；(10)酢酸；(11)アルコール；(12)miRNAまたはmiRNAのプローブもしくはアレイの作製、単離、濃縮、および精製用の溶液。他の試薬は、ホルムアミド、ローディング用色素、リボヌクレアーゼ阻害剤、およびDNaseなどの、RNAの操作に一般に使用される試薬を含む。40

10

20

30

40

50

## 【0180】

特定の態様では、本発明のキットは、本出願に記載するように、miRNAプローブを含むアレイを含む。アレイは、生物体もしくは特定の条件における特定の組織もしくは器官の全て既知のmiRNAに対応する、またはこのようなプローブのサブセットに対応するプローブを有してもよい。本発明のアレイ上のプローブのサブセットは、特定の診断、処置、もしくは予後予測の応用に重要なことがわかっているサブセットであるか、またはこのようなサブセットを含むことができる。例えばアレイは、(1)疾患もしくは状態(慢性膵炎および/または膵臓癌)、(2)特定の薬剤もしくは処置に対する感受性もしくは耐性；(3)薬剤もしくは物質に由来する毒性に対する感受性；(4)疾患もしくは状態の発症段階もしくは重症度(予後)；ならびに(5)疾患もしくは状態に対する遺伝的素因を意味するかまたは示唆する、1種または複数種のプローブを含むことができる。

10

## 【0181】

アレイを含む任意のキット態様に関しては、SEQ ID NO:1～350の任意の全体もしくは一部に同一もしくは相補的である配列を含むか、または変種である配列の増幅に使用可能な核酸分子が存在し得る。ある態様では、本発明のキットまたはアレイは、SEQ ID NO:1～350によって同定されるmiRNAに対する1種または複数種のプローブを含むことができる。上記の任意の核酸をキットの一部として実施することができる。

## 【0182】

キットの成分は、水性溶媒中または凍結乾燥状態のいずれかの状態で収容することができる。キットの容器手段は一般に、内部に成分を入れて、好ましくは適切にアリコートしてもよい、少なくとも1本のバイアル、試験管、フラスコ、ボトル、シリング、または他の容器手段を含む。キット中に複数の成分が存在する場合(標識用試薬および標識は、まとめてパッケージングされる場合がある)は、キットは一般に、内部に追加成分を個別に配することが可能な、第2の、第3の、または他の追加の容器も含む。しかしながら、成分のさまざまな組み合わせを1本のバイアル中に含めることができる。本発明のキットは典型的に、核酸を含む手段、および販売目的で厳密に密封された他の任意の試薬容器も含む。このような容器は、内部に所望のバイアルが収められる、射出成形または吹き込み成形されたプラスチック製容器を含むことができる。

20

## 【0183】

キットの成分が1つおよび/または複数の液体溶液の状態で提供される場合は、液体溶液は水溶液であり、特に無菌性の水溶液が好ましい。

30

## 【0184】

しかしながら、キットの成分を、乾燥粉末として提供してもよい。試薬および/または成分が乾燥粉末として提供される場合、粉末は、適切な溶媒の添加によって再構成可能である。溶媒は、別の容器手段中に提供される場合もあることが想定される。いくつかの態様では、標識用色素は乾燥粉末として提供される。10、20、30、40、50、60、70、80、90、100、120、120、130、140、150、160、170、180、190、200、300、400、500、600、700、800、900、1000 μgの乾燥色素、または少なくともこれらの重量の乾燥色素、または最大でこれらの重量の乾燥色素が、本発明のキット中に提供されることが想定される。色素は後に、DMSOなどの任意の適切な溶媒で再懸濁され得る。

40

## 【0185】

容器手段は一般に、内部に核酸製剤が、好ましくは適切に分割された状態で配される、少なくとも1本のバイアル、試験管、フラスコ、ボトル、シリングおよび/または他の容器手段を含む。キットは、無菌性の薬学的に許容可能な緩衝液および/または他の希釈物を収容するための第2の容器手段を含む場合もある。

## 【0186】

本発明のキットは典型的に、例えば内部に所望のバイアルが収められる射出成形および/または吹き込み成形されたプラスチック容器など、販売目的で厳密に密封されたバイアルを収容するための手段も含む。

## 【0187】

50

このようなキットは、標識されたmiRNAの単離を容易にする成分を含んでもよい。キットは、miRNAを保存もしくは維持する成分、またはその分解を防ぐ成分を含んでもよい。このような成分はRNaseを含まないか、またはRNaseの作用を防ぐ場合がある。このようなキットは一般に、適切な手段中に個々の試薬または溶液用の個別の容器を含む。

【0188】

キットは、キットの成分の使用、および同キットに含まれない他の任意の試薬の使用に関する指示書も含む。指示書は、実行可能な変形形態を含むことができる。

【0189】

本発明のキットは、以下の1つまたは複数を含んでもよい：对照RNA；ヌクレアーゼを含まない水；1.5 mlチューブなどのRNaseを含まない容器；RNaseを含まない溶出用チューブ；PEGまたはデキストラン；エタノール；酢酸；酢酸ナトリウム；酢酸アンモニウム；グアニジニウム；界面活性剤；核酸サイズマーカー；RNaseを含まないチューブチップ；およびRNaseまたはDNaseの阻害剤。

10

【0190】

このような試薬は本発明のキットの態様であることが想定される。しかしながら、このようなキットは上記の特定の項目に制限されず、miRNAの操作または解析に使用される任意の試薬を含むことができる。

【0191】

V. 実施例

以下の実施例は、本発明のさまざまな態様を説明する目的で供され、本発明をいかなる様式でも制限することを意味しない。当業者であれば、本発明が、目的の実施に、ならびに言及された目的および利点、ならびに本発明に固有の目的 (object)、目的 (ends)、および利点を得るのに良好に適していることを容易に理解するであろう。本発明の実施例は、本明細書に記載する方法とともに、好ましい態様の現時点における代表的なものであり、例示的なものであり、および本発明の範囲を制限することは意図されない。特許請求の範囲によって定義される、本発明の趣旨に含まれる、実施例の変更および他の使用は当業者に明らかであろう。特に指定がなければ、カタログ番号は、その番号によって、Ambion, Inc. (登録商標)、The RNA Companyから入手可能な製品を意味する。

20

【0192】

実施例1

30

試料の回収およびRNAの単離

6つの原発性の膵管腺癌細胞株 (IMIMPC2、PT45、PL45、SKPC1、PancTul、PaCa44)、ならびに正常膵臓 (N, n=7)、慢性膵炎 (Ch, n=7)、および膵管腺癌 (PDAC) (Ca, n=10) に由来する組織試料を採取し、新鮮な状態で凍結して-80°で保存した。最後の2種類の疾患組織を大きく切除 (macro-dissect) して、正常膵臓組織を可能な限り除去した。全24種類の組織試料を対象に、詳細な病理解析を実施した (表2)。疾患膵臓組織の13の穿刺吸引 (FNA) 試料を手術中に採取し、および採取開始から30分以内にRNARetain (商標) (Asuragen, Inc. ; Austin, TX) 中に配置して4°で保存した。

【0193】

RNAの単離を、mirVana (商標) miRNA単離キット (Ambion) を製造業者のプロトコルに従って使用して行った。膵臓などの高レベルのヌクレアーゼを含む器官からの高品質のRNAの単離は困難なため、単離されたRNAの完全性を、標準的な1%ホルムアルデヒドアガロースゲル上で検証した (図1)。RNARetain (商標) 溶液から疾患膵臓組織を回収するために、FNA試料を4°で3,000 rpmで5分間、遠心分離した後にRNAを単離した。精製された全RNAを、Nanodrop (登録商標) ND-1000 (Nanodrop Technologies) を使用して定量した。

40

【0194】

(表2) 組織試料の病理報告

ID	性別	年齢	アッセイ法	診断	コメント	組織塊の特徴
Ca1	M	63	アレイ PCR	膵管腺癌	グレード3, T4N1M0	腫瘍内容物:100%, 線維形成:40%, 炎症細胞: 強い好中球, リンパ球
Ca2	M	62	アレイ PCR	膵管腺癌	グレード3, T4N1M0	腫瘍内容物:100%, 線維形成:80%, 炎症細胞: 弱い好中球
Ca3	F	69	アレイ PCR	膵管腺癌	グレード2, T3N0M0	腫瘍内容物:100%, 線維形成:60%, 炎症細胞: 弱い好中球
Ca4	M	71	アレイ PCR	膵管腺癌	グレード3, T3N1M0	腫瘍内容物:100%, 線維形成:50%, 炎症細胞: 中程度のリンパ球
Ca5	F	70	アレイ PCR	膵管腺癌	グレード3, T4N1M0	腫瘍内容物:100%, 線維形成:40%, 炎症細胞: 中程度の好中球, リンパ球, 形質細胞
Ca6	F	63	アレイ PCR	膵管腺癌	グレード3, T3N1M0	腫瘍内容物:80%, 線維形成:70%, 炎症細胞: 弱い好中球
Ca7	F	71	アレイ PCR	膵管腺癌	グレード2, T3N0M0	腫瘍内容物:100%, 線維形成:70%, 炎症細胞: 弱いリンパ球
Ca8	F	51	アレイ PCR	膵管腺癌	グレード2, T3N1M0	腫瘍内容物:80%, 線維形成:80%, 炎症細胞: 弱い好中球, リンパ球
Ca9	F	77	PCR	膵管腺癌	グレード3, T3N1M0	腫瘍内容物:90%, 線維形成:80%, 炎症細胞: 弱い好中球
Ca10	M	80	PCR	膵管腺癌	グレード3, T3N0M0	腫瘍内容物:100%, 線維形成:30%, 炎症細胞なし
Ch1	M	58	アレイ PCR	慢性膵炎	顕著な線維形成, 偽嚢胞および 多数の結石の形成	線維形成約90%, 中程度の炎症活性
Ch2	M	37	アレイ PCR	慢性膵炎	散在性の小偽嚢胞, 線維形成, 結石	線維形成約75%, 中程度の炎症活性

10

20

30

40

Ch3	F	43	アレイ PCR	慢性膵炎	顕著な線維形成、 結石	線維形成約30%, 低い炎症活性
Ch4	F	56	アレイ PCR	慢性膵炎	中程度の線維形成、 少數の結石	線維形成約80%, 低い炎症活性, CAVE: リンパ節の 小さな断片もあり
Ch5	M	37	アレイ PCR	慢性膵炎	顕著な線維形成、 限局性の急性炎症 および多数の結石	線維形成約50%, 低い炎症活性
Ch6	F	58	アレイ PCR	慢性膵炎	顕著な線維形成、 結石	線維形成約50%, 低い炎症活性
Ch7	F	70	PCR	慢性膵炎	中程度の線維形成、 結石なし	線維形成約25%, 中程度の炎症活性
N1	F	35	アレイ PCR	組織学的に正常な 膵臓	固形の偽乳頭状 新生物のため切除	正常
N2	M	73	アレイ PCR	組織学的に正常な 膵臓	膨大部癌のため 切除	正常
N3	F	58	アレイ PCR	組織学的に正常な 膵臓	固形の偽乳頭状 新生物のため切除	線維形成10%
N4	M	61	アレイ PCR	組織学的に正常な 膵臓	胆管癌のため切除	線維形成10%
N5	F	47	アレイ PCR	組織学的に正常な 膵臓	胆管癌のため切除	線維形成10%
N6	M	58	PCR	組織学的に正常な 膵臓	膵臓の重篤な 囊胞腺腫のため 切除	正常
N7	F	76	PCR	組織学的に正常な 膵臓	膵臓の末端部の 導管腺癌のため 切除	正常
FNA-1	F	74	PCR	膵管腺癌	MX;	N/A
FNA-2	F	72	PCR	膵管腺癌	MX;	N/A
FNA-3	F	72	PCR	膵管腺癌	MX;	N/A
FNA-4	F	65	PCR	膵管腺癌	MX; 広範囲の壞死	N/A

10

20

30

40

FNA-5	F	68	PCR	膵管腺癌	M0;	N/A
FNA-6	F	84	PCR	膵管腺癌	M0;	N/A
FNA-7	M	84	PCR	膵管腺癌	MX;	N/A
FNA-8	F	59	PCR	膵管腺癌の疑い	M0;	N/A
FNA-9	M	72	PCR	膵管腺癌	M1;	N/A
FNA-11	F	57	PCR	膵管腺癌	M1;	N/A
FNA-12	F	46	PCR	膵臓内分泌部の 新生物	MX;	N/A
FNA-13	M	59	PCR	非定型	MX;	N/A
FNA-14	F	85	PCR	膵管腺癌	MX; 広範囲の壊死	N/A

Ca=PDAC ; Ch=慢性膵炎 ; N=正常 ; FNA=穿刺吸引物 ; MX=未評価の遠隔転移の存在。

10

20

【0195】

実施例2:

正常試料および疾患膵臓試料を対象としたmiRNA発現プロファイリング

miRNAの発現プロファイリングを、文献 (Shingara et al., 2005) に記載された手順で実施した。ただし、10~15 μgの全RNAから回収したmiRNAフラクションをCy5蛍光色素 (GE Healthcare Life Sciences) で標識し、ならびにmiRBase配列データベース (ワールドワイドウェブ上のmicrorna.sanger.ac.uk/) に由来する281種類のヒトmiRNA (Griffiths-Jones et al., 2006)、33種類の新しいヒトmiRNA (Ambi-miR)、およびmiRBase配列データベースに由来する63種類のマウスまたはラットのmiRNAを含む377種類の個々のmiRNAプローブを含むmiRvana miRNA Bioarrays (Ambion) にハイブリダイズさせた。ハイブリダイゼーション後に、Axon (登録商標) GenePix 4000Bスキャナー、および付属のGenePixソフトウェアを使用してアレイをスキャンした。生アレイデータを分散安定化法 (Huber et al., 2002) で標準化した。

30

【0196】

6つの原発性の膵管腺癌細胞株、5つの正常膵臓組織試料、6つの慢性膵炎組織試料、および8つのPDAC組織試料のプロファイルを得た。アレイの処理および標準化後に、25の異なる試料の発現されたmiRNomeを確立した (表3および表4)。平均すると、組織試料については200種類のmiRNA、および細胞株については140種類のmiRNAが、バックグラウンドシグナルを越えて検出され、これらはマイクロアレイ上に存在するmiRNAプローブのそれぞれ54%および38%に対応する。試料およびmiRNAの発現レベルの非管理型 (unsupervised) クラスタリングの結果、4つの試料タイプ (正常、慢性、癌、および細胞株) に明瞭な分離が存在することが判明し、個々の試料のタイプ内のmiRNAの発現プロファイルの再現性が高いことがわかった。

40

【0197】

(表3) 19種類の個別の組織試料の標準化アレイデータ: 8種類のPDAC (Ca)、6種類の慢性膵炎 (Ch)、および5種類の正常膵臓

miRNA名		Ca1	Ca2	Ca3	Ca4	Ca5	Ca6	Ca7	Ca8	Ca	Ch1	Ch2	Ch3	Ch4	Ch5	Ch6	Ch	N1	N2	N3	N4	N5	N
TV*	2.29	1.61	2.01	1.88	1.68	2.13	1.58	1.80	1.87	2.28	2.26	1.94	2.20	2.23	2.46	2.23	2.03	1.90	2.21	1.71	2.27	2.02	
miRNAs > TV**	173	228	222	211	226	184	237	224	213	193	190	209	200	222	185	200	191	195	182	229	175	194	
%***	45.9	60.5	58.9	56.0	59.9	48.8	62.9	59.4	56.5	51.2	50.4	55.4	53.1	58.9	49.1	53.0	50.7	51.7	48.3	60.7	46.4	51.6	
miRNA名	Ca1	Ca2	Ca3	Ca4	Ca5	Ca6	Ca7	Ca8	Ca	Ch1	Ch2	Ch3	Ch4	Ch5	Ch6	Ch	N1	N2	N3	N4	N5	N	
hsa-let-7a	8.89	9.41	8.51	8.92	8.76	9.01	9.19	8.51	8.90	8.83	8.91	9.16	8.84	9.17	8.48	8.90	9.42	9.68	9.24	9.56	9.61	9.50	
hsa-let-7b	8.53	8.91	8.36	8.42	8.38	8.46	8.71	8.12	8.48	8.75	9.10	9.16	8.69	8.88	8.50	8.85	9.22	9.55	8.93	9.06	9.33	9.22	
hsa-let-7c	8.45	9.05	8.19	8.58	8.40	8.62	8.87	8.19	8.55	8.82	8.89	9.14	8.74	8.78	8.51	8.81	9.27	9.58	9.07	9.37	9.36	9.33	
hsa-let-7d	7.78	8.78	7.59	8.20	8.10	8.32	8.43	7.95	8.14	7.97	7.79	8.29	7.93	7.91	7.63	7.92	8.72	8.90	8.51	9.13	8.90	8.83	
hsa-let-7e	6.45	7.04	6.14	6.63	6.73	7.04	6.79	6.79	6.70	6.39	6.32	6.45	6.01	6.16	6.28	6.27	6.82	6.97	6.92	7.92	7.05	7.14	
hsa-let-7f	7.70	8.57	6.99	7.81	7.90	8.13	8.22	7.78	7.89	7.42	7.13	7.97	7.56	7.62	7.79	7.58	8.58	8.56	8.37	9.08	8.73	8.66	
hsa-let-7g	7.56	6.60	7.08	7.37	7.29	7.45	7.17	7.26	6.95	6.92	7.35	7.13	7.19	6.98	7.09	7.60	7.86	7.45	7.73	7.75	7.68		
hsa-let-7i	7.91	7.49	7.33	7.27	7.24	7.92	4.80	5.70	3.74	3.36	2.39	1.90	3.38	3.12	7.28	6.81	7.19	6.44	6.38	6.20	6.77	6.47	
hsa-miR-1	2.43	3.77	1.27	2.24	2.92	4.80	5.70	3.74	3.36	2.39	1.90	3.38	3.12	2.57	5.01	3.06	2.42	2.53	2.55	2.67	2.22	2.48	
hsa-miR-100	5.39	6.78	6.12	6.11	6.40	5.97	6.94	6.64	6.29	6.79	6.63	6.42	6.73	6.09	6.45	6.52	5.45	5.16	5.10	5.21	5.71	5.32	
hsa-miR-101	4.69	4.47	3.71	3.88	4.68	4.69	4.81	4.80	4.47	4.14	4.29	4.68	4.76	4.16	4.50	4.42	5.09	4.83	5.21	5.15	4.89	5.03	
hsa-miR-103	6.63	6.59	6.93	6.18	7.12	6.61	6.71	6.60	6.67	6.24	6.20	6.14	6.19	5.82	5.97	6.10	5.98	6.02	5.77	6.02	6.28	6.01	
hsa-miR-105	1.34	1.24	1.18	1.21	1.25	1.24	1.53	1.01	1.25	1.11	0.77	1.04	1.28	1.49	0.70	1.06	1.20	1.12	1.88	1.61	1.23	1.41	
hsa-miR-106a	6.82	6.39	6.83	6.64	6.92	6.49	6.49	6.58	6.70	6.02	5.94	6.39	6.42	5.97	6.33	6.18	6.67	6.38	6.29	6.53	6.42	6.46	
hsa-miR-106b	6.17	5.14	5.51	5.70	5.59	5.69	5.49	5.53	5.60	5.11	5.18	5.19	5.29	5.01	4.85	5.11	5.15	5.15	5.00	5.34	5.07	5.14	
hsa-miR-107	6.68	6.59	6.94	6.33	7.12	6.63	6.75	6.64	6.71	6.34	6.28	6.10	6.29	5.95	6.08	6.18	5.92	5.98	5.74	6.03	6.22	5.98	
hsa-miR-10a	5.59	6.64	6.27	6.30	6.39	5.64	6.61	6.06	6.19	5.87	5.66	5.90	5.80	5.54	5.87	5.77	5.22	5.07	4.88	5.11	5.14	5.09	
hsa-miR-10b	4.67	5.59	5.03	5.25	5.54	4.90	5.50	5.15	5.20	5.17	4.89	5.30	5.58	4.43	4.88	5.04	4.94	4.40	4.68	4.78	4.74	4.71	
hsa-miR-122a	2.98	2.64	2.48	2.96	2.68	3.69	2.00	3.04	2.81	2.86	2.87	2.81	2.99	3.15	2.97	2.94	2.75	2.47	3.01	2.67	2.56	2.69	
hsa-miR-124a	0.63	1.57	0.85	1.27	0.96	1.13	1.20	1.27	1.11	0.56	0.70	1.16	0.87	0.70	1.11	0.85	1.07	0.86	1.43	0.89	0.54	0.96	
hsa-miR-125a	5.09	6.26	6.06	6.17	6.37	5.93	6.21	5.91	6.00	6.41	6.17	6.31	5.79	5.92	5.83	6.07	5.48	5.31	5.39	5.85	5.48		
hsa-miR-125b	6.17	7.33	7.06	6.53	6.91	6.52	7.43	7.06	6.88	7.76	7.45	7.46	7.47	7.11	7.38	7.44	6.16	6.07	6.15	5.96	6.25	6.12	
hsa-miR-126	7.28	7.22	7.39	7.28	7.00	7.89	7.44	7.38	7.36	7.64	7.61	7.71	8.01	7.26	7.48	7.62	7.54	7.11	7.36	7.11	7.24	7.27	
hsa-miR-126-AS	2.14	3.82	3.72	3.64	4.49	3.95	3.21	3.58	3.58	2.49	4.29	4.43	3.02	2.79	3.43	4.37	3.56	4.03	4.47	4.01	4.09		
hsa-miR-127	1.24	1.96	2.35	1.80	1.63	1.71	2.03	1.83	1.82	2.73	2.41	2.15	2.02	2.12	2.21	2.27	1.45	2.06	2.00	1.61	2.52	1.93	
hsa-miR-128a	2.62	3.02	3.06	2.69	3.12	2.74	2.86	2.62	2.84	2.62	2.23	2.46	2.55	2.41	2.66	2.49	2.47	2.66	1.88	2.43	2.82	2.45	
hsa-miR-129	1.96	1.66	2.19	1.92	1.68	1.75	1.76	1.72	1.83	2.25	2.26	1.54	2.39	2.61	3.21	2.38	1.86	1.52	2.21	1.61	2.17	1.88	
hsa-miR-130a	5.68	5.49	5.71	5.09	5.77	5.34	5.84	5.71	5.58	5.82	6.16	5.95	6.11	5.79	6.02	5.98	6.24	6.34	6.08	6.34	6.00	6.20	

hsa-miR-130b	4.14	3.74	4.26	3.71	3.89	3.54	3.53	3.83	4.23	4.11	5.55	5.25	5.09	5.85	5.01	6.46	6.74	6.47	6.28	6.17	6.42	
hsa-miR-132	3.66	4.54	4.22	4.14	3.65	4.29	4.31	3.80	4.08	4.59	4.38	3.87	3.86	4.31	3.19	4.03	2.71	3.15	2.47	4.08	3.28	
hsa-miR-133a	1.96	2.58	2.28	2.18	1.99	3.45	4.68	2.49	2.70	2.62	2.23	2.43	2.64	2.41	3.98	2.72	1.94	1.59	1.75	0.89	1.42	1.52
hsa-miR-134	2.02	2.62	2.55	2.52	2.20	2.44	2.91	2.85	2.52	3.60	2.73	2.77	2.72	2.68	2.56	2.84	3.21	3.53	2.74	2.97	3.58	3.21
hsa-miR-135a	0.34	1.41	2.17	1.02	1.97	1.24	1.31	0.96	1.30	1.89	1.90	1.82	1.04	2.54	1.81	1.83	1.94	1.79	2.11	2.93	1.74	2.10
hsa-miR-135b	1.83	2.10	2.17	2.77	3.02	1.66	1.88	2.59	2.25	1.89	2.38	1.64	1.97	1.94	1.71	1.92	0.67	1.37	1.07	1.71	1.74	1.31
hsa-miR-136	0.94	1.46	2.07	1.02	1.05	0.95	1.26	0.91	1.21	1.64	2.38	1.49	1.70	2.64	1.11	1.83	1.20	1.04	1.07	1.51	1.33	1.23
hsa-miR-137	0.94	2.49	2.22	0.96	2.01	1.13	1.37	1.60	1.59	2.02	2.01	1.97	2.07	1.99	1.94	1.07	1.29	1.07	1.15	1.33	1.18	
hsa-miR-138	1.34	1.51	1.80	2.59	1.92	2.00	1.72	1.82	1.44	1.46	1.33	1.28	1.88	0.84	1.37	1.86	1.45	1.60	1.27	1.42	1.42	1.52
hsa-miR-139	1.96	1.84	1.44	2.61	1.82	2.39	2.58	2.09	2.41	2.71	2.75	2.72	2.37	2.56	2.59	2.42	2.66	2.47	2.05	2.36	2.39	
hsa-miR-140	3.90	4.14	3.87	3.58	3.94	4.75	4.21	4.17	4.07	4.10	3.74	3.98	4.01	3.29	3.38	3.75	3.59	3.42	3.18	3.38	3.61	3.44
hsa-miR-141	6.57	5.14	6.01	6.37	6.32	5.87	5.54	5.82	5.95	5.94	6.30	7.23	6.67	7.07	7.11	6.72	7.47	7.84	7.90	7.64	7.41	7.65
hsa-miR-142-3p	4.17	3.51	2.83	3.98	3.73	4.05	3.47	3.74	3.68	2.93	2.46	3.35	3.88	2.12	3.01	2.96	2.53	2.32	2.86	4.50	2.63	2.97
hsa-miR-142-5p	3.72	2.28	2.24	2.39	1.97	2.56	2.25	2.12	2.44	2.45	2.67	2.70	2.58	3.09	2.51	2.67	2.36	2.53	2.68	3.22	2.27	2.61
hsa-miR-143	7.35	7.91	7.77	7.44	7.54	8.62	8.84	7.81	7.91	7.52	7.69	7.49	7.48	7.28	8.07	7.59	6.12	6.38	5.91	6.17	6.33	6.18
hsa-miR-144	0.94	1.06	0.52	0.63	0.90	1.07	0.84	1.17	0.89	1.06	0.77	0.77	0.85	0.39	0.81	0.84	0.79	1.67	0.95	0.14	1.71	1.14
hsa-miR-145	6.99	8.38	8.21	7.55	7.82	8.68	9.29	7.84	8.10	8.03	7.77	8.02	7.63	7.41	8.49	7.89	6.54	6.69	6.14	6.32	6.67	6.47
hsa-miR-146a	6.72	5.90	5.85	5.90	6.46	5.83	5.10	5.32	5.89	4.66	5.71	5.02	5.68	4.11	4.58	4.96	4.19	3.84	3.54	3.97	4.59	4.03
hsa-miR-147	1.83	1.51	1.52	1.39	1.88	3.12	1.37	1.90	1.82	1.48	1.34	1.27	1.28	2.46	0.84	1.45	0.94	1.59	2.68	1.27	1.14	1.52
hsa-miR-148a	5.49	5.57	4.80	5.45	5.66	5.05	4.90	4.94	5.23	6.45	6.18	8.23	7.24	7.60	7.57	7.21	8.39	9.12	8.98	8.83	8.29	8.72
hsa-miR-148b	2.19	3.45	2.52	2.71	3.21	2.86	3.47	2.82	2.91	2.86	2.83	4.16	2.74	2.89	3.36	3.14	4.69	5.65	5.46	5.99	4.58	5.27
hsa-miR-149	0.83	1.61	1.80	1.92	1.44	1.52	1.67	1.07	1.48	0.56	1.03	1.49	1.12	2.77	2.61	2.10	1.59	1.26	1.51	1.14	1.52	
hsa-miR-150	4.70	4.37	4.43	4.30	4.35	3.65	4.88	4.13	4.35	4.64	4.13	3.61	5.66	2.61	2.34	3.83	2.67	1.90	1.26	1.89	2.82	2.11
hsa-miR-151	4.12	4.13	4.03	4.04	4.02	3.90	3.99	3.67	3.99	3.89	3.81	4.21	3.91	3.67	4.33	3.97	4.36	4.31	4.03	4.03	4.24	4.19
hsa-miR-152	4.56	5.09	5.20	5.11	5.11	5.06	5.42	5.33	5.11	5.62	5.33	5.04	4.89	5.28	4.65	5.14	4.84	5.19	4.81	4.68	5.05	4.91
hsa-miR-153	2.14	3.38	2.14	2.18	3.39	2.60	3.57	3.31	2.84	3.50	2.23	2.89	3.30	2.41	1.99	2.72	3.42	3.73	3.32	3.43	3.25	3.43
hsa-miR-154	1.68	2.06	2.62	2.33	2.01	2.36	2.77	2.40	2.28	3.79	2.61	3.22	3.53	2.21	3.10	3.71	3.39	3.25	3.25	3.75	3.47	
hsa-miR-155	6.91	5.46	5.72	5.44	5.67	5.18	5.30	4.74	5.55	4.66	4.43	4.47	5.01	3.74	3.59	4.32	3.40	2.63	2.39	4.47	4.47	3.47
hsa-miR-15a	7.06	6.21	6.14	6.21	6.39	6.61	6.29	6.45	6.42	5.96	6.48	6.45	6.33	6.18	6.20	6.27	6.41	6.25	6.24	6.30	6.30	
hsa-miR-15b	5.10	6.11	5.72	5.92	5.83	6.06	5.58	5.47	5.72	5.14	5.34	5.19	4.99	4.47	5.00	5.22	5.51	4.92	5.40	5.62	5.33	
hsa-miR-16	8.23	8.17	8.27	8.24	8.19	8.42	8.19	8.40	8.27	7.92	8.15	8.37	8.34	7.95	7.92	8.11	8.20	8.21	8.11	8.07	8.15	
hsa-miR-17-3p	3.02	2.31	2.57	3.02	2.51	2.34	2.26	2.55	2.23	2.58	2.35	2.39	1.94	2.41	2.67	2.50	2.50	2.96	2.38	2.44	2.59	
hsa-miR-17-5p	6.84	6.20	6.75	6.48	6.92	6.45	6.30	6.62	5.90	5.90	6.23	6.47	5.88	6.31	6.57	6.12	6.09	6.40	6.34	6.31		
hsa-miR-18a	5.22	3.41	4.47	4.14	4.27	4.39	3.72	4.27	4.24	3.40	3.55	3.54	3.68	2.71	3.01	3.32	3.00	2.77	2.47	2.93	2.83	
hsa-miR-181a	4.81	5.87	5.86	6.22	5.83	5.43	5.91	5.83	5.72	5.62	5.43	5.95	4.74	5.79	5.22	5.46	5.07	5.32	5.11	5.18	5.14	5.16
hsa-miR-181b	4.51	4.97	5.45	5.52	5.07	4.65	4.91	5.01	5.01	4.60	4.81	4.80	4.15	4.72	4.01	4.51	4.29	4.61	4.36	4.58	4.78	4.52
hsa-miR-181c	2.34	2.87	2.61	2.54	3.00	2.56	3.07	3.00	2.75	2.25	2.29	2.46	2.43	2.07	2.14	2.27	2.24	2.15	2.21	2.63	2.52	2.35
hsa-miR-182	3.98	4.35	4.94	4.76	3.89	4.86	5.03	4.54	4.07	3.27	4.61	4.49	4.48	4.65	4.26	5.75	5.88	5.44	5.12	5.56	5.55	
hsa-miR-182-	1.04	1.00	1.08	1.39	1.61	1.30	1.48	1.42	1.29	2.04	2.20	2.33	1.57	1.41	0.84	1.73	1.07	1.29	1.88	1.15	0.84	1.25
AS																						
hsa-miR-183	1.34	1.88	2.74	1.27	2.04	1.57	2.56	2.18	1.95	2.43	1.67	2.08	2.46	2.94	2.07	2.28	2.47	2.66	2.39	2.05	2.60	2.43
hsa-miR-184	2.65	3.23	2.59	3.29	2.60	2.41	1.84	2.92	2.69	2.79	2.70	2.69	2.89	3.07	2.80	2.71	2.40	2.62	2.38	2.44	2.51	
hsa-miR-185	4.55	4.54	5.11	4.29	4.72	4.41	4.95	4.67	4.42	4.17	4.48	4.69	4.00	4.19	4.33	4.41	4.35	4.18	4.62	4.52	4.42	
hsa-miR-186	3.57	3.61	3.07	3.13	3.56	3.61	3.57	3.11	3.40	3.36	2.85	3.62	3.28	2.74	3.31	3.19	4.07	3.93	3.62	4.15	3.58	3.87
hsa-miR-187	2.02	1.57	1.74	1.60	1.94	1.71	3.33	1.51	1.93	1.44	1.90	1.54	1.76	2.01	1.90	1.76	1.33	1.45	0.67	2.32	0.94	1.34

hsa-miR-188	2.14	2.13	2.50	2.41	1.84	2.03	2.10	2.09	2.16	2.35	2.46	2.08	2.43	2.46	2.14	2.32	2.32	1.86	2.06	2.47	2.13	2.22	2.15
hsa-miR-189	2.14	2.13	2.09	2.00	2.75	2.41	2.77	2.51	2.35	2.07	2.26	2.48	2.28	2.01	2.83	2.32	2.24	2.66	1.43	1.81	2.60	2.15	2.15
hsa-miR-190	2.29	1.36	0.80	1.65	1.90	1.99	1.31	2.26	1.70	1.39	1.98	1.49	2.28	0.50	2.83	1.75	1.07	2.01	1.88	0.44	1.98	0.44	1.48
hsa-miR-191	5.78	6.17	6.29	5.85	6.36	6.15	6.04	5.65	6.04	5.81	5.73	5.80	5.97	5.51	5.85	5.78	5.93	6.13	5.69	5.76	6.03	5.91	5.91
hsa-miR-192	7.24	6.51	6.57	4.11	7.62	7.07	6.97	6.58	5.52	5.84	6.50	6.25	6.32	6.45	6.15	7.36	7.56	7.42	7.04	7.07	7.07	7.29	7.29
hsa-miR-193a	3.02	2.19	2.68	2.11	2.81	2.41	2.42	2.12	2.47	2.41	2.98	3.03	2.89	2.83	2.66	2.80	2.67	2.66	2.21	2.32	2.56	2.48	2.48
hsa-miR-194	7.73	6.95	7.20	4.43	7.90	7.60	7.54	7.35	7.09	5.58	5.91	6.16	5.87	6.07	6.56	6.03	6.81	6.92	6.93	6.50	6.75	6.78	6.78
hsa-miR-195	5.90	6.75	6.32	6.04	6.46	6.66	6.74	6.65	6.44	6.93	6.88	6.80	6.68	6.53	6.98	6.80	5.61	6.35	6.42	6.49	6.54	6.54	6.28
hsa-miR-196a	4.13	3.14	3.59	2.96	3.91	4.03	3.95	4.45	3.77	2.49	1.40	2.08	1.36	1.49	2.51	1.89	1.77	1.84	2.00	0.89	1.67	1.63	1.63
hsa-miR-196b	3.92	2.58	2.70	2.59	3.37	3.45	3.76	3.84	3.28	2.30	1.40	0.85	1.63	2.37	1.25	1.63	1.07	1.29	0.48	1.71	1.42	1.20	1.20
hsa-miR-197	2.29	3.25	2.47	2.27	1.88	1.99	2.39	1.97	2.31	2.35	2.32	2.27	2.46	1.88	2.87	2.36	1.86	2.15	2.21	2.13	2.06	2.08	2.08
hsa-miR-198	4.14	3.86	3.66	4.26	3.48	4.50	3.17	4.11	3.90	3.88	4.13	3.82	3.96	4.11	4.24	4.02	3.63	3.73	4.32	4.00	3.75	3.89	3.89
hsa-miR-199a	6.09	6.16	6.75	6.28	6.49	5.96	6.49	6.20	6.30	6.83	6.98	6.52	6.58	6.13	6.58	5.38	5.59	5.08	5.76	5.72	5.51	5.51	5.51
hsa-miR-199a-AS	7.14	6.93	7.18	7.05	7.04	6.75	7.20	6.81	7.01	7.57	7.38	7.42	7.23	7.52	7.31	7.41	6.33	6.61	6.37	7.00	6.63	6.59	6.59
hsa-miR-199b	4.65	4.46	4.86	4.75	4.58	4.01	4.82	4.26	4.55	4.94	5.13	4.69	5.27	4.94	4.28	4.87	4.55	4.54	4.44	4.78	4.33	4.53	4.53
hsa-miR-19a	4.91	3.90	4.54	4.31	4.43	4.07	4.04	4.25	3.80	3.90	4.37	4.29	4.14	4.23	4.12	4.87	4.99	5.02	5.23	4.40	4.40	4.90	4.90
hsa-miR-19b	6.56	5.65	6.24	6.38	6.29	6.25	5.97	5.94	6.16	5.86	6.09	6.20	6.45	6.32	6.39	6.22	6.81	6.89	6.76	6.44	6.39	6.66	6.66
hsa-miR-20a	6.16	5.51	6.17	6.04	6.12	6.09	5.71	5.78	5.95	5.42	5.29	5.69	5.95	5.38	5.86	5.60	6.12	5.60	5.69	5.88	5.69	5.80	5.80
hsa-miR-200a	6.03	5.60	5.87	4.91	5.98	5.39	5.41	4.65	5.48	4.93	5.25	6.02	5.84	5.91	6.19	5.69	6.74	6.88	6.95	6.63	6.44	6.73	6.73
hsa-miR-200b	6.53	6.76	7.04	6.35	7.44	6.59	6.76	5.93	6.68	5.87	5.97	6.96	6.55	6.57	7.09	6.50	7.64	7.68	7.62	7.78	7.55	7.65	7.65
hsa-miR-200c	7.30	6.74	7.76	7.30	7.46	7.38	6.80	7.11	7.23	7.00	7.34	8.02	7.71	7.93	8.04	7.67	8.80	8.84	8.60	8.61	8.86	8.74	8.74
hsa-miR-203	5.69	4.37	5.21	4.56	5.31	4.88	5.93	5.29	5.15	2.96	3.14	2.57	2.64	2.46	3.34	2.85	4.36	3.28	3.29	3.36	4.16	3.69	3.69
hsa-miR-204	0.83	2.39	1.90	1.39	1.46	1.88	2.25	2.12	1.78	2.37	1.72	1.94	2.72	2.46	2.21	2.24	2.03	2.36	1.75	2.26	2.36	2.15	2.15
hsa-miR-205	3.60	2.06	4.48	7.90	3.10	0.95	2.74	1.80	3.33	2.02	1.67	2.08	1.70	2.28	1.61	1.89	1.45	2.80	1.61	0.84	1.51	1.51	1.51
hsa-miR-206	2.29	1.57	1.96	2.27	1.88	3.10	1.62	1.47	2.02	2.53	2.67	2.05	2.28	2.89	2.66	2.51	2.01	1.75	1.98	2.12	1.88	1.88	1.88
hsa-miR-208	1.76	1.36	1.56	1.50	1.49	1.24	1.37	1.80	1.51	1.83	2.58	1.82	1.92	1.66	1.71	1.92	1.45	1.29	1.75	1.61	1.67	1.55	1.55
hsa-miR-21	9.57	9.93	9.40	10.2	9.38	10.0	9.93	9.48	9.75	9.68	8.89	9.28	8.68	9.53	9.47	9.26	8.53	8.39	8.46	9.69	9.25	8.86	8.86
hsa-miR-210	6.90	5.51	6.98	6.61	7.21	7.23	5.60	6.45	6.56	4.75	4.80	4.26	4.24	4.24	4.86	4.53	4.12	3.68	3.98	3.78	4.27	3.97	3.97
hsa-miR-211	0.83	1.12	2.09	1.02	1.44	1.30	1.02	1.07	1.24	1.79	1.94	1.16	1.28	2.01	0.98	1.53	0.41	1.37	1.75	1.27	0.73	1.11	1.11
hsa-miR-212	1.68	1.51	1.74	1.55	1.58	1.88	1.42	1.87	1.65	1.56	1.90	1.86	1.63	1.41	1.11	1.58	0.94	1.59	1.07	1.81	1.74	1.43	1.43
hsa-miR-213	0.63	1.06	1.90	1.27	1.28	1.24	1.31	1.17	1.23	1.83	2.41	1.69	1.87	2.64	2.07	2.08	1.77	1.12	0.48	1.15	0.94	1.09	1.09
hsa-miR-214	5.17	6.53	6.31	5.81	6.21	5.77	6.51	6.45	4.05	3.96	2.21	2.23	3.21	2.67	3.04	3.21	2.76	4.28	4.46	5.40	4.02	4.50	4.50
hsa-miR-215	6.14	3.54	2.50	1.70	5.09	4.19	4.45	2.51	2.01	5.15	5.06	7.14	6.01	5.66	6.82	5.97	6.99	7.55	7.27	7.38	7.04	7.25	7.25
hsa-miR-216	2.55	2.78	2.41	1.33	1.49	2.51	1.48	1.51	2.01	1.24	1.79	1.94	1.16	1.28	2.01	0.98	1.53	0.41	1.37	1.75	1.27	0.73	1.11
hsa-miR-217	3.16	3.43	1.04	2.36	1.99	2.97	1.80	2.62	2.42	5.97	5.94	7.95	6.91	6.36	7.49	6.77	7.78	8.19	8.02	8.15	7.95	8.02	8.02
hsa-miR-218	3.51	4.73	3.73	3.92	3.95	3.79	4.44	4.58	4.08	4.40	4.33	4.11	4.27	3.98	3.86	4.16	3.64	3.51	3.42	4.04	4.02	3.73	3.73
hsa-miR-219	1.14	1.51	2.14	1.15	1.33	1.52	1.37	1.32	1.44	1.68	2.09	1.82	2.20	2.18	1.99	1.99	1.77	2.00	1.39	1.42	1.67	1.67	1.67
hsa-miR-220	7.06	6.91	7.69	7.24	7.08	7.21	7.31	7.12	7.43	7.28	7.12	7.05	7.09	6.91	7.15	6.87	7.15	6.93	7.02	6.77	6.95	6.95	6.95
hsa-miR-220	1.90	1.00	1.27	1.27	1.38	1.13	1.58	1.27	1.35	2.02	1.27	1.76	1.49	0.84	1.46	1.56	1.52	1.07	1.39	1.04	1.32	1.32	1.32
hsa-miR-221	6.18	6.48	6.88	6.99	6.74	6.10	6.15	6.45	5.72	5.62	5.42	5.65	5.32	5.49	5.16	5.19	4.82	5.48	5.25	5.18	5.18	5.18	5.18
hsa-miR-222	5.35	5.61	5.79	6.49	6.45	6.40	5.56	5.89	5.94	4.90	5.04	4.60	4.88	4.56	4.34	4.72	4.27	4.15	3.39	4.36	4.10	4.10	4.10
hsa-miR-223	5.54	7.39	7.23	7.19	6.95	8.25	6.09	5.86	6.81	6.19	6.60	5.66	5.55	4.41	5.70	4.29	3.82	4.56	5.60	4.94	4.64	4.64	4.64
hsa-miR-224	4.14	3.45	4.05	3.82	3.40	4.04	3.85	3.82	3.40	7.34	7.62	7.91	7.61	7.73	7.35	7.37	7.09	6.88	7.04	7.21	7.07	7.07	7.07
hsa-miR-225	7.13	7.66	7.93	7.51	7.61	7.79	7.91	7.34	7.34	7.35	7.62	7.01	7.20	7.15	7.01	7.19	7.09	6.88	7.04	7.21	7.07	7.07	7.07

hsa-miR-23b	6.93	7.75	7.73	7.50	7.61	7.74	7.97	7.31	7.57	7.44	7.39	7.35	6.99	7.24	7.28	7.28	7.33	7.57	7.05	7.20	7.42	7.31	
hsa-miR-24	7.55	8.00	8.40	7.75	8.11	8.15	8.18	8.07	8.02	7.81	7.61	7.62	7.39	7.61	7.87	7.65	7.26	7.45	7.32	7.02	7.50	7.31	
hsa-miR-25	5.59	5.73	5.43	5.92	5.58	5.81	5.42	5.67	5.64	5.10	5.01	5.49	5.34	5.05	5.12	5.19	5.69	5.66	5.40	5.53	5.65	5.58	
hsa-miR-26a	8.36	8.97	8.56	8.34	9.07	8.87	8.96	8.83	8.75	8.67	8.68	9.04	8.57	8.78	8.84	8.76	9.05	9.33	9.02	8.97	9.40	9.15	
hsa-miR-26b	6.54	7.25	6.41	6.74	7.08	7.31	7.04	7.10	6.93	6.55	6.26	7.24	6.82	6.41	6.67	6.66	7.64	7.65	7.55	7.62	7.63	7.62	
hsa-miR-27a	7.40	7.12	7.09	7.57	7.32	7.40	7.69	7.11	7.34	7.03	7.04	7.10	6.44	7.02	6.79	6.90	6.91	7.15	6.96	7.07	7.03	7.03	
hsa-miR-27b	6.66	7.12	6.90	6.93	7.27	7.16	7.57	7.07	7.11	7.02	7.20	6.83	7.38	7.33	7.14	7.62	7.98	7.55	7.38	7.60	7.62	7.62	
hsa-miR-28	4.79	5.46	4.78	4.78	5.14	5.13	5.28	5.02	5.05	4.53	4.62	4.87	4.44	4.62	4.83	4.99	5.05	4.66	5.00	5.23	4.99	4.99	
hsa-miR-296	1.60	1.88	1.74	1.75	1.68	1.46	1.62	1.42	1.64	1.96	2.41	2.12	2.01	1.37	2.00	1.90	1.90	1.88	1.71	2.17	1.71	1.77	
hsa-miR-299-5p	1.83	2.37	1.63	2.44	1.78	1.84	2.07	2.28	2.03	2.51	2.06	1.90	2.28	1.74	2.66	2.19	2.57	2.40	2.74	2.38	2.44	2.51	
hsa-miR-29a	7.64	7.56	7.26	7.83	7.51	7.79	7.55	7.49	7.58	7.26	7.43	7.51	7.21	7.24	7.08	7.29	7.52	7.76	7.75	7.84	7.64	7.71	
hsa-miR-29b	6.91	6.14	5.89	6.33	6.85	6.40	6.64	6.26	6.43	5.86	5.72	6.29	6.38	5.87	6.44	6.09	6.57	6.73	6.92	6.88	6.58	6.73	
hsa-miR-29c	6.53	6.82	5.66	6.19	6.52	6.63	6.83	6.41	6.45	6.61	6.39	7.60	6.95	7.21	7.37	7.02	8.31	8.65	8.74	8.34	7.98	8.40	
hsa-miR-301	3.20	2.66	2.43	2.49	2.58	2.74	2.77	2.94	2.73	2.28	1.98	2.18	2.12	2.41	1.81	2.13	2.03	2.36	2.21	2.53	2.22	2.27	
hsa-miR-302a	1.24	1.18	1.84	0.83	1.19	1.88	0.84	1.01	1.25	1.60	1.40	1.82	2.12	2.89	1.99	1.97	2.03	1.21	0.67	1.39	1.50	1.36	
hsa-miR-302b	1.52	1.12	1.18	1.21	1.44	1.46	1.31	1.12	1.30	0.86	1.03	0.73	0.71	0.91	1.25	0.91	1.67	1.37	1.26	0.76	1.04	1.22	
hsa-miR-302b-	1.24	1.30	1.56	1.02	0.99	0.82	1.08	0.48	1.06	1.16	0.83	1.86	0.79	3.06	2.56	1.71	1.77	1.21	0.48	0.50	0.94	0.98	
hsa-miR-302c-	0.73	1.06	1.63	0.76	1.08	0.82	1.02	0.69	0.97	0.96	0.45	0.67	1.20	2.46	0.31	1.01	1.67	1.37	1.75	1.02	1.04	1.37	
hsa-miR-302c-	2.43	1.99	3.30	2.08	1.58	1.46	1.58	1.72	2.02	2.30	2.30	2.38	2.24	3.30	1.22	2.28	2.29	2.57	1.96	2.74	2.05	1.88	2.24
AS																							
hsa-miR-302d	1.76	1.57	2.39	1.70	1.49	1.52	1.31	1.37	1.64	2.28	2.06	1.22	1.70	2.18	2.21	1.94	1.94	1.29	0.31	1.39	1.33	1.25	
hsa-miR-30a-3p	2.34	2.51	2.88	2.63	2.59	2.70	2.89	2.40	2.62	3.08	3.16	3.99	3.51	3.52	4.03	3.55	4.29	4.42	4.40	4.21	4.40	4.27	
hsa-miR-30a-5p	6.15	6.66	6.84	6.61	6.77	6.71	6.85	6.54	6.64	6.84	6.97	7.50	7.38	7.11	7.52	7.22	7.99	7.78	7.80	7.51	7.76	7.77	
hsa-miR-30b	5.54	5.65	5.64	5.67	6.14	5.76	5.73	5.42	5.69	6.06	5.99	6.82	6.30	6.17	6.29	6.27	6.86	7.28	7.11	7.04	6.71	7.00	
hsa-miR-30c	5.13	5.49	5.73	5.55	5.70	5.78	5.76	5.52	5.58	5.87	5.88	6.51	6.44	6.05	6.47	6.70	7.04	7.17	7.01	6.78	6.64	6.93	
hsa-miR-30d	5.81	6.57	6.30	5.89	6.30	6.23	6.54	6.35	6.25	6.31	6.66	6.85	6.81	6.57	6.71	6.65	7.48	7.15	7.20	7.06	7.31	7.24	
hsa-miR-30e-3p	2.08	2.47	2.35	2.27	1.90	2.68	2.51	1.83	2.26	2.32	2.02	3.37	2.77	3.02	3.10	2.77	3.66	3.86	4.01	3.97	3.36	3.77	
hsa-miR-30e-5p	5.88	6.13	6.32	6.28	6.23	6.25	6.39	6.25	6.39	6.25	6.90	6.79	6.42	6.68	6.57	7.36	7.27	7.06	7.13	7.22			
hsa-miR-31	5.86	6.44	2.90	9.04	7.68	7.00	6.80	7.54	6.66	6.22	6.06	5.54	4.23	5.82	6.03	5.65	4.33	3.86	4.43	3.89	3.88	4.08	
hsa-miR-32	1.04	1.80	2.22	1.50	1.41	1.66	1.58	1.22	1.55	1.89	1.10	2.21	1.70	2.68	1.49	1.84	1.77	1.66	1.43	2.58	1.50	1.79	
hsa-miR-320	6.15	5.84	5.57	5.52	6.14	6.44	6.11	5.87	5.96	5.70	5.93	6.15	5.68	5.69	6.13	5.88	5.86	6.08	5.66	5.93	5.79	5.86	
hsa-miR-323	1.43	1.24	0.75	1.44	1.44	1.46	1.58	1.47	1.35	0.91	0.97	1.16	1.28	1.31	-0.2	0.90	1.67	1.04	1.07	1.71	1.23	1.34	
hsa-miR-324-3p	2.47	2.68	3.11	2.69	2.79	2.44	2.77	2.47	2.68	2.84	2.85	2.43	2.77	2.54	2.70	2.69	1.33	1.96	2.00	1.81	2.22	1.86	
hsa-miR-324-5p	1.60	1.66	1.74	1.02	1.49	1.66	1.67	1.56	1.55	1.11	1.28	1.22	1.50	2.28	1.25	1.44	1.07	1.52	1.88	1.27	1.74	1.50	
hsa-miR-325	0.94	1.57	0.99	1.55	1.90	1.13	1.26	1.12	1.31	0.76	0.90	1.16	1.20	1.94	1.99	1.32	1.86	1.21	1.75	1.51	1.23	1.51	
hsa-miR-326	1.68	1.88	1.99	1.39	1.25	1.46	1.48	1.07	1.52	1.92	1.72	1.54	1.12	2.50	1.90	1.78	1.33	1.37	1.26	1.15	1.50	1.32	
hsa-miR-328	1.90	1.80	1.99	1.55	1.54	1.52	1.58	1.27	1.64	1.56	1.46	1.49	1.81	2.01	1.61	1.66	1.33	1.45	0.48	1.51	1.33	1.22	
hsa-miR-33	1.68	1.41	0.90	1.21	1.25	1.30	1.48	1.42	1.33	1.60	0.45	1.82	1.76	2.99	0.43	1.51	1.20	1.37	0.87	1.02	1.81	1.25	
hsa-miR-330	1.96	1.41	1.67	1.75	1.88	1.61	1.62	1.56	1.68	1.64	2.56	1.33	1.70	2.12	2.07	1.90	1.07	1.37	0.14	1.15	1.81	1.11	
hsa-miR-331	2.69	3.61	3.93	3.01	3.62	3.37	3.79	3.70	3.46	3.30	2.58	2.66	2.32	2.37	2.56	2.63	2.53	2.36	1.60	2.13	2.63	2.25	
hsa-miR-335	4.73	5.44	4.92	4.30	4.83	4.20	5.72	5.25	4.92	5.08	4.25	5.77	5.67	4.78	5.24	5.13	6.50	6.62	5.83	6.18	6.35		
hsa-miR-337	0.94	1.51	1.08	1.84	1.16	0.88	1.26	0.80	1.19	0.91	0.83	1.33	0.41	0.84	0.95	1.77	1.21	0.48	1.39	0.84	1.14		
hsa-miR-338	4.95	3.93	2.73	3.00	3.83	4.54	3.89	4.85	3.96	3.54	4.07	4.65	4.09	4.14	4.11	4.98	5.07	5.16	4.73	4.99	4.98		
hsa-miR-339	2.34	2.28	2.48	2.81	2.43	2.46	2.58	2.38	2.47	2.78	2.81	2.55	2.79	2.18	2.61	2.62	2.57	2.71	3.14	2.43	2.60	2.69	

hsa-miR-340	1.52	1.36	1.04	1.21	1.54	2.09	1.76	1.27	1.47	1.11	0.83	1.49	0.71	1.01	1.81	1.16	1.67	1.72	1.26	1.61	1.42	1.54
hsa-miR-342	6.47	6.22	6.03	6.11	6.00	5.88	6.08	6.06	6.11	6.00	5.87	5.85	6.18	5.77	6.08	5.96	6.17	6.08	6.48	6.49	6.49	5.93
hsa-miR-345	1.83	1.88	2.26	2.00	1.96	1.88	2.16	2.03	2.00	1.64	2.41	2.30	2.64	1.94	1.37	2.05	1.56	2.01	1.26	2.05	1.50	1.68
hsa-miR-346	1.34	1.41	1.08	1.80	1.33	1.01	1.20	1.01	1.27	0.76	0.83	2.41	1.63	0.23	1.25	1.18	1.07	1.12	1.43	1.02	1.42	1.21
hsa-miR-34a	6.14	5.38	6.19	5.77	6.26	5.64	6.05	5.20	5.83	5.82	5.97	5.63	5.29	5.31	5.81	5.64	4.85	6.02	5.22	5.60	5.58	5.45
hsa-miR-34b	3.75	3.68	3.38	3.68	3.95	3.72	4.04	3.36	3.70	3.54	2.95	3.49	3.05	2.97	3.26	3.21	2.62	3.99	3.71	4.64	3.46	3.68
hsa-miR-34c	1.76	1.84	2.37	1.55	2.03	1.41	2.19	1.90	1.88	1.72	1.77	1.86	1.20	2.97	2.40	1.99	1.45	1.37	0.87	1.02	1.33	1.21
hsa-miR-361	4.16	4.85	4.89	4.36	5.05	4.87	4.96	4.66	4.72	4.40	4.52	4.60	4.69	4.50	4.16	4.48	4.63	4.70	4.44	4.43	4.88	4.61
hsa-miR-365	2.08	2.44	1.74	2.63	2.13	2.34	2.16	2.06	2.20	2.69	2.16	2.77	2.43	2.18	2.34	2.43	3.68	3.58	3.69	4.29	2.82	3.61
hsa-miR-367	1.43	1.12	1.96	1.08	1.13	0.76	0.76	1.37	0.80	1.21	2.35	2.41	1.54	1.92	1.81	2.83	2.14	0.67	0.77	1.07	1.71	1.50
hsa-miR-368	4.01	4.48	4.62	4.70	3.86	4.32	4.57	4.49	4.38	5.58	4.84	5.16	5.21	5.41	4.76	5.16	5.74	5.71	5.57	5.54	6.02	5.71
hsa-miR-369-3p	0.63	1.36	0.61	1.21	0.81	0.64	1.02	0.59	0.86	0.71	0.97	1.16	0.87	1.58	1.11	1.07	1.56	1.52	0.48	1.98	1.42	1.39
hsa-miR-370	3.09	3.36	3.35	3.14	2.31	3.18	3.03	3.32	3.10	3.39	2.95	3.15	2.89	3.59	2.87	3.14	2.71	3.05	3.03	2.79	2.79	2.86
hsa-miR-371	1.90	1.00	0.85	1.33	1.28	0.88	1.20	1.64	1.26	1.99	1.62	1.54	1.12	1.49	1.61	1.56	1.33	0.86	1.75	1.39	1.04	1.27
hsa-miR-372	1.76	1.41	1.48	1.92	1.22	1.46	1.67	1.64	1.57	1.16	1.03	1.22	1.97	1.41	0.70	1.25	0.18	1.66	0.67	1.81	1.23	1.11
hsa-miR-373	1.24	1.30	1.59	1.50	1.19	1.30	1.31	1.27	1.34	1.21	1.72	1.82	1.20	2.86	2.28	1.85	1.56	1.29	1.43	1.27	0.94	1.30
hsa-miR-373-AS	2.19	2.10	1.87	2.41	2.06	2.28	2.10	2.33	2.17	1.99	2.16	1.98	2.20	1.94	1.99	2.04	2.30	2.24	2.39	2.58	2.06	2.32
hsa-miR-374	2.65	3.36	2.41	2.71	3.33	3.41	3.68	3.31	3.11	2.76	2.13	3.12	2.89	2.41	2.94	2.71	3.94	3.58	3.88	5.03	3.52	3.99
hsa-miR-375	3.40	6.11	3.92	4.04	5.00	4.10	5.91	4.96	4.68	6.28	5.11	7.26	6.83	6.67	6.91	6.51	7.55	7.59	7.57	6.75	7.38	7.37
hsa-miR-376a	3.05	3.99	3.61	4.00	3.35	3.70	4.00	3.92	3.70	4.50	3.64	4.02	4.11	4.14	3.41	3.97	4.64	4.74	4.52	5.12	4.95	4.79
hsa-miR-377	2.58	2.62	2.54	3.19	2.04	2.49	2.91	3.20	2.70	3.89	3.00	3.15	2.97	3.38	2.87	3.21	3.35	3.70	3.14	3.49	3.83	3.50
hsa-miR-378	1.14	1.71	2.09	1.08	1.49	1.71	1.80	1.07	1.51	1.11	0.90	1.98	1.36	2.32	2.40	1.68	1.94	1.21	1.60	1.27	0.84	1.37
hsa-miR-379	3.33	3.66	3.61	3.79	2.81	3.32	3.52	3.97	3.50	4.44	3.97	4.19	4.12	4.22	4.04	4.16	4.02	4.05	4.15	3.84	4.47	4.11
hsa-miR-380-3p	0.34	1.51	1.22	1.15	1.11	0.88	1.08	0.75	1.01	0.37	0.90	0.85	1.12	1.94	2.34	1.26	1.33	0.52	0.87	1.39	1.33	1.09
hsa-miR-380-5p	0.94	1.51	1.84	0.63	1.11	1.30	1.02	0.91	1.16	1.89	1.81	1.82	1.43	2.23	1.92	0.80	1.12	1.07	0.50	1.23	0.94	0.94
hsa-miR-381	1.90	1.75	2.01	1.75	1.63	1.61	1.72	1.94	1.79	2.39	2.26	2.33	2.39	3.11	2.87	2.56	2.03	2.11	2.43	2.79	2.38	
hsa-miR-382	2.78	3.06	3.02	3.24	2.72	3.45	3.05	3.33	3.08	3.75	3.31	2.98	2.67	3.52	2.56	3.13	3.07	3.36	2.80	3.25	3.93	3.28
hsa-miR-383	1.43	1.51	2.07	1.70	1.36	1.66	1.37	1.42	1.57	2.18	2.26	1.27	2.12	2.46	2.34	2.11	1.77	1.37	2.31	1.27	1.72	1.77
hsa-miR-384	0.43	1.30	0.99	0.76	1.02	0.41	1.26	0.29	0.81	0.56	0.51	0.79	0.71	1.74	0.19	0.75	0.54	1.12	1.43	1.15	1.42	1.13
hsa-miR-422a	2.78	3.50	2.26	2.67	3.05	2.81	3.63	2.15	2.86	2.32	2.29	2.72	2.64	1.01	2.40	2.23	3.03	3.04	2.74	2.75	2.63	2.84
hsa-miR-422b	4.37	4.31	4.07	3.79	4.26	3.84	4.79	3.49	4.12	3.21	3.57	3.78	3.04	3.86	3.54	4.13	3.96	4.29	3.49	3.62	3.62	
hsa-miR-423	2.90	4.05	4.03	4.00	3.83	4.04	3.93	3.54	3.79	3.99	3.83	2.99	3.63	3.45	3.64	3.50	3.63	3.14	2.63	3.41	3.26	
hsa-miR-424	3.85	4.06	3.54	3.89	3.65	3.71	4.01	4.49	3.90	3.95	3.38	3.46	2.86	3.25	2.46	3.23	3.64	3.37	3.05	4.77	4.39	3.85
hsa-miR-425	2.24	2.28	1.99	1.84	2.48	2.09	2.07	1.68	2.08	1.79	1.86	1.39	1.76	1.74	2.46	1.83	2.10	2.36	1.43	1.71	1.59	1.84
hsa-miR-429	4.62	5.18	4.73	3.84	5.20	4.66	5.10	4.07	4.68	3.92	3.31	4.68	4.37	4.01	4.53	4.14	5.34	5.31	5.36	5.29	5.16	5.29
hsa-miR-448	1.34	1.18	0.90	0.96	1.28	1.66	1.31	1.72	1.29	0.91	1.90	1.04	0.87	0.91	0.70	1.05	1.20	1.37	2.11	1.61	1.59	1.58
hsa-miR-449	1.34	1.46	1.96	1.08	1.56	1.57	1.42	1.17	1.45	1.60	2.09	2.01	1.57	3.11	3.19	2.26	0.94	1.45	1.07	1.51	1.74	1.34
hsa-miR-450	2.19	1.61	1.93	1.84	1.70	1.79	2.03	1.97	1.88	2.23	1.77	2.12	1.28	1.66	1.49	1.76	1.56	1.37	0.87	1.98	1.50	1.46
hsa-miR-7	5.87	7.07	3.23	5.03	5.32	5.45	6.30	5.76	5.50	6.15	3.61	5.11	6.23	5.38	4.87	5.22	6.02	5.74	5.68	5.22	6.55	5.84
hsa-miR-9	1.24	1.24	2.31	1.15	1.16	1.19	1.48	1.47	1.40	1.11	2.56	1.27	2.16	2.41	2.28	1.97	0.54	1.21	0.87	1.51	1.67	1.16
hsa-miR-9-AS	2.19	1.57	2.31	1.44	1.58	1.75	1.80	2.06	1.84	1.99	2.16	1.82	1.81	2.07	1.99	2.30	1.84	1.26	1.15	1.33	1.58	1.58
hsa-miR-92	4.55	4.75	5.05	4.88	5.19	5.01	4.76	4.91	4.89	4.61	4.61	5.20	5.11	4.89	5.37	4.91	4.64	5.07	4.78	4.67	5.22	5.09
hsa-miR-93	6.29	5.22	6.08	5.72	5.90	6.05	5.97	5.95	5.90	5.09	5.33	5.09	5.37	5.37	5.37	4.91	4.64	5.07	4.78	4.67	4.67	4.99
hsa-miR-95	2.43	4.18	2.33	3.20	3.04	3.73	3.74	3.11	3.22	2.90	2.16	3.35	2.69	2.46	2.83	2.73	3.97	4.06	3.63	4.27	4.05	4.05

hsa-miR-96	2.72	3.10	2.95	3.52	3.01	2.72	3.35	3.09	2.47	2.29	3.82	2.69	3.23	3.41	2.99	4.92	5.34	5.02	4.57	4.40	4.85		
hsa-miR-98	4.30	5.20	3.68	4.57	4.90	4.08	4.89	4.83	4.56	4.25	4.04	4.42	4.28	3.99	3.97	4.16	4.89	4.93	5.00	6.10	5.16	5.22	
hsa-miR-99a	5.32	6.79	5.96	5.79	6.43	5.73	5.73	7.07	6.73	6.23	6.96	6.90	6.59	6.96	6.21	6.66	6.71	5.75	5.53	5.30	5.17	5.94	5.54
hsa-miR-99b	4.20	5.11	4.65	5.37	4.95	5.17	4.86	4.91	4.86	4.83	4.50	4.83	4.38	4.67	4.68	4.48	4.05	3.98	4.11	4.83	4.11	4.29	
mmu-let-7d-AS	1.14	1.18	2.01	0.83	1.38	1.30	1.62	1.32	1.35	0.96	1.34	0.98	1.12	1.81	0.98	1.20	1.33	1.45	2.00	1.02	1.42	1.44	
mmu-miR-101b	2.08	1.46	0.99	1.65	1.56	1.75	1.67	1.51	1.59	1.86	1.57	1.54	3.10	1.01	1.61	1.78	2.03	0.77	2.11	2.05	1.42	1.68	
mmu-miR-100a	6.23	5.92	6.18	6.02	6.44	6.40	6.03	6.03	6.16	5.28	5.16	5.73	5.81	5.17	5.66	5.47	6.07	5.69	5.63	6.19	5.83	5.88	
mmu-miR-129-	1.96	1.80	1.80	1.70	1.76	1.79	1.96	1.64	1.80	2.67	2.20	1.86	2.16	2.28	2.97	2.36	1.94	1.59	2.21	1.51	1.94	1.84	
3p																							
mmu-miR-140-	4.29	4.24	4.39	3.67	4.54	5.31	4.78	4.71	4.49	4.66	4.55	4.41	4.73	3.89	4.09	4.39	4.32	3.78	3.18	3.56	4.15	3.80	
AS																							
mmu-miR-151	2.87	3.26	2.07	3.11	2.92	2.79	3.00	2.73	2.84	2.32	2.16	2.53	2.67	1.94	2.75	2.40	3.42	3.43	3.01	3.32	3.29	3.29	
mmu-miR-155	5.04	4.72	4.52	4.29	4.61	4.39	4.37	3.90	4.48	3.41	2.49	3.41	3.52	2.80	2.51	3.02	2.67	1.96	2.31	3.78	3.88	2.92	
mmu-miR-17-	2.29	1.92	1.22	2.30	1.65	1.46	2.03	1.27	1.77	1.83	1.22	1.44	1.87	2.07	1.90	1.72	2.03	1.79	1.88	1.89	1.81	1.88	
3p																							
mmu-miR-192	7.16	6.44	6.54	3.77	7.53	7.01	6.93	6.48	6.48	5.49	5.70	6.36	6.23	6.25	6.35	6.07	7.27	7.44	7.24	6.84	6.98	7.15	
mmu-miR-196b	4.49	4.97	4.91	5.10	4.91	4.62	5.27	4.72	4.87	5.21	5.08	4.99	5.08	4.67	4.21	4.88	4.31	4.42	4.25	5.35	4.42	4.55	
mmu-miR-201	1.04	1.41	1.40	0.96	1.25	1.36	1.31	1.22	1.24	1.35	1.72	0.85	1.43	1.22	1.37	1.32	1.07	1.79	1.60	1.02	1.59	1.41	
mmu-miR-202	3.51	3.00	3.09	3.77	3.15	3.03	2.28	3.36	3.15	2.92	3.28	2.94	3.50	2.74	3.47	3.14	3.00	2.60	3.21	2.97	2.66	2.89	
mmu-miR-207	1.60	2.74	1.13	1.75	1.19	1.36	1.42	1.17	1.55	1.60	0.77	1.44	1.87	1.41	1.90	1.50	1.77	1.84	2.00	1.61	1.23	1.69	
mmu-miR-211	0.83	1.18	0.90	0.70	0.93	1.13	1.14	0.75	0.94	1.48	0.97	1.59	0.55	1.58	1.25	1.24	1.33	1.52	1.26	1.61	1.59	1.46	
mmu-miR-215	3.02	1.41	0.94	1.60	2.69	1.99	2.22	2.53	2.05	0.28	1.03	1.22	1.63	1.01	1.99	1.19	2.24	1.90	2.31	2.83	1.33	2.12	
mmu-miR-217	3.18	3.20	1.48	2.15	1.90	2.79	1.76	2.71	2.40	5.65	5.53	7.70	6.64	5.95	7.35	6.47	7.66	7.98	7.83	8.07	7.72	7.85	
mmu-miR-290	2.58	2.31	2.57	2.63	2.08	2.51	2.28	2.23	2.40	2.70	2.54	1.94	2.84	3.09	2.66	2.63	2.57	2.40	2.68	2.48	2.60	2.55	
mmu-miR-291-	1.14	1.06	1.04	1.60	1.36	1.36	1.58	1.37	1.31	2.25	1.34	2.01	1.63	2.50	1.49	1.87	0.94	1.59	1.43	0.89	0.94	1.16	
3p																							
mmu-miR-291-	1.24	1.41	1.87	1.33	1.44	1.13	1.31	1.07	1.35	1.60	1.98	1.22	2.02	2.46	2.14	1.90	1.56	0.77	1.88	1.02	1.50	1.35	
5p																							
mmu-miR-292-	1.83	1.46	2.01	1.08	1.74	1.41	1.67	1.72	1.62	1.99	1.81	1.04	1.57	0.60	1.25	1.38	0.29	1.59	1.07	0.76	1.33	1.01	
3p																							
mmu-miR-292-	2.02	1.75	1.93	1.84	1.58	1.66	1.58	1.68	1.76	1.44	1.67	1.49	2.20	2.23	2.21	1.87	1.94	1.79	2.00	2.32	1.67	1.94	
5p																							
mmu-miR-293	1.43	1.12	2.26	1.60	1.08	1.24	1.14	1.37	1.41	1.99	2.49	1.94	2.07	2.61	0.98	2.01	1.45	1.12	1.26	1.15	1.23	1.24	
mmu-miR-294	0.94	1.51	1.63	1.39	1.28	1.71	1.42	1.72	1.45	1.39	0.70	1.16	1.28	1.66	1.49	1.28	1.56	1.45	1.75	1.98	1.42	1.63	
mmu-miR-295	1.43	1.46	1.08	1.55	1.46	1.30	1.48	1.64	1.43	1.21	1.16	1.44	0.71	1.12	1.11	1.20	0.77	1.60	1.81	1.14	1.30		
mmu-miR-297	2.58	1.36	1.80	2.88	3.51	5.18	1.53	2.12	2.62	1.83	1.28	1.82	1.04	2.54	2.51	1.84	1.86	1.12	2.68	2.05	1.67	1.88	
mmu-miR-298	4.05	3.63	3.36	4.06	3.49	3.82	3.21	3.84	3.68	3.52	3.74	3.60	3.86	3.83	4.22	3.80	3.77	3.73	4.11	3.99	3.70	3.86	
mmu-miR-300	1.43	1.66	1.77	1.84	1.58	1.88	1.62	1.68	1.68	1.86	1.62	1.49	1.70	2.12	1.90	1.78	0.94	2.20	2.55	1.71	2.00	1.88	
mmu-miR-322	0.83	1.12	2.12	1.27	1.33	1.13	1.31	0.85	1.25	2.04	2.13	1.49	2.20	2.54	1.71	2.02	0.80	0.95	0.48	0.50	1.33	0.81	
mmu-miR-424	2.02	2.39	2.07	2.41	2.43	2.34	2.51	3.33	2.44	2.25	1.72	2.24	1.36	1.12	0.98	1.61	2.24	2.06	1.43	3.06	2.60	2.28	
mmu-miR-325	2.14	1.18	1.35	1.96	1.94	1.61	1.67	2.33	1.77	1.92	2.26	1.86	2.12	1.01	2.14	1.89	1.33	1.52	1.75	2.26	1.33	1.64	
mmu-miR-329	3.18	1.57	1.08	1.44	1.44	1.36	1.67	1.68	1.68	1.68	1.92	2.09	1.44	0.87	1.22	0.84	1.40	1.45	1.72	1.26	1.27	1.33	
mmu-miR-330	1.52	1.30	1.48	1.44	1.41	1.30	1.72	1.47	1.45	0.96	1.03	0.73	1.20	1.74	1.25	1.15	1.56	1.79	1.60	1.61	1.59		
mmu-miR-337	1.83	1.18	1.40	1.84	1.63	1.71	1.48	1.87	1.62	1.11	2.02	0.98	1.36	1.74	2.14	1.56	2.62	1.84	1.43	1.89	1.04		
mmu-miR-341	2.29	1.51	1.08	1.88	1.92	1.99	1.48	1.83	1.75	1.01	1.28	1.22	1.76	0.01	2.40	1.28	1.33	1.72	1.88	1.39	1.14		

mmu-miR-344	1.14	1.18	2.14	0.76	1.02	1.36	1.31	0.85	1.22	1.89	2.58	1.22	1.87	2.94	2.40	2.15	1.45	1.29	0.87	1.15	0.73	1.10	
mmu-miR-345	1.60	1.88	1.48	3.56	1.49	1.75	1.67	1.37	1.85	1.72	1.98	1.78	2.49	1.66	1.90	1.92	2.10	1.72	1.75	1.39	1.39	1.50	1.69
mmu-miR-346	1.34	1.46	1.27	1.39	1.51	1.52	1.31	0.91	1.34	1.06	1.28	1.27	0.47	1.01	1.49	1.10	0.94	1.04	0.67	1.51	1.04	1.04	
mmu-miR-34b	1.76	1.92	2.17	1.70	1.72	1.61	1.84	1.51	1.78	1.86	2.23	1.86	2.02	2.61	1.11	1.95	1.33	1.37	1.43	1.51	1.51	2.00	1.53
mmu-miR-350	1.52	1.75	1.08	1.21	1.63	1.19	1.26	1.87	1.44	1.48	1.28	1.22	1.28	1.12	1.25	1.27	1.56	1.12	2.00	1.02	1.23	1.23	1.39
mmu-miR-351	2.08	1.18	1.40	1.70	1.68	1.57	1.26	1.51	1.55	1.64	1.86	1.82	1.76	2.41	1.49	1.83	1.33	1.84	0.87	1.89	0.84	1.35	
mmu-miR-376a	1.96	2.64	2.15	1.72	1.79	2.03	1.72	2.00	2.60	2.51	1.64	1.97	2.92	2.46	2.35	2.17	2.40	2.21	3.52	2.40	2.54		
mmu-miR-376b	2.47	1.36	2.15	1.96	2.09	1.48	2.28	1.89	1.44	1.57	1.04	1.63	0.70	2.46	1.47	1.67	1.52	2.47	2.05	1.74	1.89		
mmu-miR-380- 3p	0.53	1.46	1.13	1.02	1.13	1.19	1.37	1.51	1.17	0.86	1.46	1.16	0.71	1.31	1.81	1.22	1.86	1.45	0.31	1.61	1.14	1.27	
mmu-miR-383	2.02	1.57	1.04	2.00	1.94	1.75	2.42	1.53	1.78	1.30	1.72	1.49	1.81	1.12	3.13	1.76	1.77	1.59	2.47	2.26	1.88	1.99	
mmu-miR-384	1.14	0.94	2.04	0.51	1.11	0.95	1.08	0.39	1.02	1.11	1.81	1.59	1.04	1.74	1.99	1.55	0.67	0.86	1.07	0.89	0.54	0.80	
mmu-miR-409	1.68	2.54	2.41	2.79	1.61	1.95	2.25	1.87	2.14	3.19	2.46	2.01	2.02	2.57	2.07	2.39	2.17	2.24	2.39	2.63	2.66	2.42	
hsa-miR-410	1.04	1.57	1.90	1.75	1.44	1.24	1.76	1.72	1.55	2.25	1.52	2.15	1.97	2.61	0.84	1.89	1.94	1.84	1.43	1.98	1.88	1.82	
mmu-miR-411	1.52	1.51	2.41	1.70	1.19	1.07	1.42	1.32	1.52	2.60	2.65	1.49	1.43	2.92	1.71	2.13	0.94	1.79	1.43	1.39	1.59	1.43	
hsa-miR-412	0.83	1.12	0.90	1.02	0.81	0.95	1.20	0.48	0.91	0.42	0.83	0.85	1.76	0.14	1.25	0.87	0.67	0.52	0.48	1.02	0.94	0.73	
mmu-miR-429	1.68	1.61	1.40	1.50	1.94	1.46	1.72	2.06	1.67	1.72	0.90	2.24	2.24	1.12	1.49	1.62	1.77	1.79	2.11	2.32	2.00		
mmu-miR-7b	1.76	3.57	2.24	2.04	2.14	2.31	2.66	2.51	2.40	2.73	2.29	2.50	2.46	2.12	2.61	2.45	2.67	2.28	2.62	2.86	2.85	2.66	
mo-miR-151- AS	5.08	5.86	5.38	5.40	5.63	5.37	5.39	5.39	5.44	5.33	5.30	5.42	5.17	5.37	5.35	5.32	5.35	5.36	4.89	4.95	5.48	5.20	
mo-o-miR-20-AS	1.34	1.51	2.28	1.08	1.28	1.36	1.26	0.80	1.36	1.72	2.23	1.33	1.92	1.22	1.71	1.69	0.94	1.04	0.87	0.76	1.67	1.05	
mo-o-miR-297	1.04	1.06	1.35	1.21	1.76	3.01	1.20	1.56	1.53	1.68	0.77	1.39	0.79	0.91	1.25	1.13	1.45	1.12	0.48	1.27	1.33	1.13	
mo-o-miR-327	2.81	2.28	2.14	2.96	2.17	2.62	1.80	2.92	2.47	2.65	3.06	2.77	2.49	3.11	2.83	2.82	2.42	2.28	2.80	2.43	2.27	2.44	
mo-o-miR-333	1.68	1.71	2.33	2.24	2.45	4.24	1.14	1.01	2.10	1.72	1.94	1.54	1.57	2.01	2.79	1.93	3.96	1.45	2.74	1.51	1.74	2.28	
mo-o-miR-336	2.69	3.28	2.09	2.21	2.70	2.09	2.00	1.97	2.38	2.32	2.63	2.43	3.03	2.83	3.47	2.79	2.53	2.32	2.68	3.11	2.86	3.11	
mo-o-miR-343	1.34	1.57	2.09	1.70	1.41	1.24	1.14	1.37	1.48	1.01	1.40	0.85	2.32	1.88	1.61	1.51	1.56	1.66	2.00	1.51	1.50	1.65	
mo-o-miR-344	0.53	1.51	1.18	1.50	0.78	0.70	0.96	0.43	0.95	1.16	0.57	1.27	0.55	1.81	-0.2	0.86	0.94	1.52	1.60	0.89	1.42	1.27	
mo-o-miR-346	2.08	1.41	1.56	2.21	1.74	1.92	1.20	1.60	1.71	1.64	1.57	1.59	1.92	2.18	1.71	1.77	1.56	1.29	2.39	1.61	1.59	1.51	
mo-o-miR-347	2.55	1.46	2.55	1.96	2.04	1.30	1.62	1.83	1.92	2.30	2.56	1.73	2.24	2.77	2.46	2.34	2.47	1.84	2.39	1.61	1.59	1.98	
mo-o-miR-349	1.68	1.36	1.27	1.08	1.44	1.46	1.14	1.72	1.39	1.48	0.83	1.16	0.96	0.81	0.19	0.90	1.20	1.52	1.88	1.39	1.23	1.45	
mo-o-miR-352	4.62	5.39	3.97	4.72	4.88	5.11	4.77	4.83	4.79	4.22	4.10	4.44	4.12	3.99	3.94	4.14	4.87	4.91	4.47	5.79	5.09	5.03	
mo-o-miR-421	1.68	1.18	1.44	1.15	1.51	1.57	1.14	1.90	1.45	1.35	0.90	1.64	0.63	0.50	1.11	1.02	1.45	1.04	1.07	1.27	1.50	1.27	
mo-o-miR-7-AS	2.02	1.57	2.04	1.44	1.38	1.88	1.37	0.96	1.58	1.60	1.90	1.98	1.92	1.58	1.99	2.10	1.96	1.60	2.05	2.06	1.95		
hsa-miR-522	1.34	1.75	1.31	0.51	1.22	1.01	1.14	1.27	1.19	1.44	1.34	1.27	1.28	1.94	0.19	1.25	1.67	1.12	1.60	1.27	1.42	1.42	
hsa-miR-519b	1.90	1.36	2.14	1.27	1.44	1.30	1.31	1.68	1.55	2.47	1.03	1.44	1.28	2.01	1.61	1.64	1.67	1.12	2.00	0.76	0.64	1.24	
hsa-miR-520c	0.94	1.61	1.67	0.96	1.38	0.82	0.96	0.91	1.16	0.91	0.70	1.49	1.76	2.89	1.25	1.50	1.45	1.21	1.60	1.15	1.23	1.33	
hsa-miR-519e	1.68	1.36	2.01	0.96	1.13	1.30	1.42	1.12	1.37	1.48	2.09	0.85	1.63	2.61	2.34	1.84	1.20	1.37	1.43	1.39	0.84	1.25	
hsa-miR-519d	0.83	1.80	1.84	0.89	1.05	1.41	0.90	0.59	1.16	1.60	1.77	1.98	1.43	2.61	1.90	1.88	1.20	1.12	0.31	0.63	1.74	1.00	
hsa-miR-520b	2.14	1.00	1.18	1.80	1.86	1.66	1.53	2.15	1.66	1.66	1.79	1.72	1.54	1.87	1.66	1.99	1.76	0.80	1.12	1.27	1.04	1.17	
hsa-miR-519c	1.60	0.82	1.04	1.21	1.70	1.46	1.62	1.60	1.38	1.30	1.46	1.54	1.43	1.31	1.11	1.36	1.94	0.86	1.07	1.27	1.33	1.30	
hsa-miR-526b- AS	0.63	1.36	1.52	0.57	1.19	1.01	0.90	0.59	0.97	0.56	0.02	1.78	0.87	3.19	1.46	1.33	1.45	1.26	1.02	1.14	1.24		
hsa-miR-520c	1.34	1.12	0.90	1.44	1.33	1.01	1.37	1.87	1.30	1.11	2.26	1.04	0.87	0.81	1.71	1.30	1.33	0.77	1.07	1.27	1.74	1.24	
hsa-miR-520a	1.60	1.46	2.17	0.76	1.28	1.13	0.96	0.64	1.25	1.99	2.29	1.73	2.36	1.41	2.79	2.09	0.80	1.29	1.26	1.27	1.14	1.15	
hsa-miR-520d	1.14	1.18	2.01	1.50	1.56	1.52	1.31	1.42	1.46	2.32	2.51	1.86	1.57	1.88	2.56	2.12	0.67	1.07	1.15	1.67	1.17		

hsa-miR-520h	1.90	0.88	1.90	0.83	1.33	1.53	1.83	1.44	2.25	1.40	1.69	1.50	2.18	0.98	1.67	1.20	1.21	0.48	0.76	0.64	0.86		
hsa-miR-517a	1.14	2.03	2.01	1.21	1.28	1.52	0.90	1.12	1.40	2.28	2.58	1.73	2.32	2.01	1.81	2.12	1.33	0.95	1.75	0.50	1.14	1.13	
hsa-miR-518e	1.68	1.30	0.90	1.39	1.74	0.95	1.31	1.72	1.37	0.81	1.28	0.91	1.20	0.91	1.61	1.12	0.54	1.12	1.43	1.15	1.23	1.10	
hsa-miR-521	0.94	1.18	1.70	1.02	1.28	0.95	1.53	1.37	1.25	1.86	1.94	1.64	0.71	1.66	2.51	1.72	1.67	1.12	1.26	1.15	0.94	1.23	
hsa-miR-523	1.90	1.12	1.27	1.55	1.49	1.71	1.31	1.68	1.50	1.16	4.27	1.59	2.02	0.60	1.49	1.86	1.20	1.12	2.00	1.27	0.84	1.29	
hsa-miR-518f	0.83	1.30	1.80	1.80	1.41	1.01	1.26	0.69	1.26	1.68	2.13	0.98	1.97	2.46	2.87	2.01	1.77	1.37	1.26	1.61	1.33	1.47	
hsa-miR-518c	1.34	1.18	1.56	0.83	1.16	1.24	1.26	1.01	1.20	1.48	1.10	1.44	1.92	2.57	1.61	1.69	1.45	0.86	0.48	1.51	1.04	1.07	
hsa-miR-518b	1.52	1.61	1.44	1.27	1.13	1.41	1.26	1.07	1.34	1.64	2.02	0.91	2.52	2.12	2.28	1.92	1.07	1.66	1.43	1.39	1.33	1.38	
hsa-miR-518d	0.73	1.18	0.85	1.27	1.13	1.30	1.08	0.85	1.05	1.48	1.03	0.79	0.25	0.41	0.31	0.71	0.80	1.21	0.48	3.22	1.33	1.41	
hsa-miR-525-AS	0.53	1.41	0.48	0.76	1.08	0.70	1.02	0.59	0.82	0.56	0.57	1.04	1.36	0.70	0.70	0.82	1.56	1.04	0.48	1.27	1.42	1.16	
hsa-miR-524	1.83	1.24	1.87	3.01	1.38	1.61	1.26	1.56	1.72	1.30	1.10	1.73	2.12	2.12	1.25	1.60	1.07	1.45	2.00	1.02	1.50	1.41	
hsa-miR-518a	1.24	1.18	1.96	1.15	1.05	1.30	1.08	0.91	1.23	1.64	1.94	1.44	0.87	1.12	2.21	1.54	0.54	1.59	0.87	1.51	1.23	1.15	
hsa-miR-515-3p	1.83	1.18	1.31	0.96	1.65	1.61	1.58	1.80	1.49	0.56	1.10	1.69	1.04	1.12	1.49	1.17	0.67	1.04	1.60	1.39	1.33	1.20	
hsa-miR-516-3p	1.04	1.57	1.52	1.21	1.19	1.52	1.20	1.56	1.35	1.06	1.46	1.04	0.47	0.91	1.11	1.01	0.94	1.52	2.11	0.89	1.23	1.34	
ambi-miR-7026	0.83	0.82	1.63	0.89	1.22	1.19	0.78	0.80	1.02	0.86	0.90	1.78	1.87	2.46	1.37	1.54	0.67	1.04	0.48	1.02	0.73	0.79	
ambi-miR-7027	1.83	1.12	1.99	1.60	1.74	1.66	1.62	2.06	1.70	1.48	1.52	2.08	1.57	0.81	1.37	1.47	1.45	1.52	0.87	2.13	2.06	1.60	
hsa-miR-512-3p	1.90	1.61	1.70	1.55	1.49	1.71	1.31	1.97	1.66	1.21	1.40	1.78	1.50	1.74	1.81	1.57	1.20	1.59	2.80	1.71	1.67	1.79	
ambi-miR-7029	4.75	3.77	5.62	4.92	5.77	5.31	6.83	5.26	4.15	4.54	6.30	7.37	4.76	4.96	5.35	6.30	6.88	5.08	5.95	5.31	5.45	5.74	
hsa-miR-491	2.95	2.56	2.14	3.25	2.67	2.41	2.16	2.74	2.61	2.32	2.65	2.50	2.86	2.37	3.26	2.66	2.83	3.00	3.14	2.83	2.63	2.88	
hsa-miR-506	2.38	1.41	1.08	2.08	1.82	1.92	1.62	2.06	1.80	0.66	2.69	1.04	1.12	0.81	1.81	1.35	1.33	1.66	2.39	2.13	1.23	1.75	
hsa-miR-514	1.68	1.12	1.48	0.96	1.28	1.52	1.26	1.51	1.35	1.35	0.77	0.38	0.55	0.15	1.71	0.77	1.07	0.95	0.87	1.02	1.23	1.03	
hsa-miR-509	1.90	1.57	1.99	1.75	1.82	1.79	1.42	1.72	1.74	1.89	1.77	1.78	2.07	2.07	1.99	1.93	1.67	2.01	2.31	1.39	1.42	1.76	
hsa-miR-508	1.68	1.24	1.44	1.39	1.65	1.41	1.42	2.21	1.56	2.23	1.16	1.54	2.46	2.23	3.07	2.12	2.12	1.20	1.12	2.11	2.05	1.33	1.56
hsa-miR-507	1.14	1.51	0.94	0.57	1.19	0.82	1.08	0.29	0.95	0.61	0.51	1.44	1.04	1.41	0.82	1.45	1.04	1.07	1.71	1.74	1.40		
ambi-miR-7036	1.52	1.71	2.17	1.50	1.61	1.84	1.53	2.03	1.74	1.39	2.13	2.35	1.76	1.81	1.99	1.91	2.36	2.24	2.39	1.71	2.22	2.19	
hsa-miR-193b	2.43	2.93	4.07	4.27	2.82	2.53	3.47	2.79	3.17	2.85	2.98	3.32	4.02	3.29	3.45	3.32	3.56	3.15	3.14	3.12	3.11	3.21	
ambi-miR-7038-1	0.34	1.46	0.90	0.89	1.54	1.07	1.20	0.75	1.02	2.04	0.90	1.16	1.57	1.12	1.71	1.42	1.07	0.86	1.26	1.15	1.59	1.19	
ambi-miR-7039	4.48	2.03	3.44	2.71	3.22	1.92	3.03	2.66	2.94	2.67	3.58	2.79	3.53	2.71	3.36	3.11	3.37	3.19	2.68	2.19	3.11	2.91	
hsa-miR-488	1.76	1.12	0.85	1.92	1.58	1.57	1.37	1.97	1.52	0.76	1.57	1.04	1.43	1.88	2.28	1.49	1.67	1.37	1.60	1.89	1.33	1.57	
hsa-miR-510	1.68	1.75	1.27	1.15	1.22	1.01	1.26	1.01	1.29	1.39	0.90	1.39	1.20	1.22	1.11	1.20	2.17	1.37	1.26	2.05	1.50	1.67	
hsa-miR-517-AS	1.52	1.41	2.28	1.33	1.28	1.30	1.26	0.91	1.41	1.72	2.13	1.54	0.96	1.49	1.81	1.61	0.67	0.69	2.11	1.51	1.59	1.31	
hsa-miR-518f-AS	1.68	1.24	1.56	1.39	2.62	1.57	1.37	1.17	1.57	1.39	1.81	2.15	1.43	0.50	1.61	1.48	1.33	1.37	0.31	1.27	1.04	1.06	
hsa-miR-518c-AS	3.07	2.98	2.54	3.38	2.45	2.66	2.34	2.98	2.80	2.65	2.63	2.59	2.74	3.09	2.97	2.78	3.00	2.66	2.96	2.79	2.60	2.80	
hsa-miR-526c	0.08	1.41	1.04	0.96	1.13	1.30	1.26	0.54	0.96	1.21	1.03	1.33	0.87	1.31	1.37	1.19	1.77	1.29	1.43	0.89	1.33	1.34	
hsa-miR-526b	2.29	2.25	2.04	2.21	1.61	1.66	1.84	1.80	1.96	2.13	1.86	1.94	2.46	2.37	2.07	2.14	2.57	2.24	2.21	2.26	2.22	2.30	
hsa-miR-520a-AS	0.43	1.12	1.04	0.63	1.02	0.70	1.02	0.75	0.84	1.76	0.51	1.39	1.04	0.23	0.43	0.89	0.80	1.04	1.60	0.63	0.94	1.00	
hsa-miR-525	1.04	1.80	1.35	1.60	1.11	1.52	1.08	1.27	1.35	0.81	1.16	1.04	1.12	1.01	1.11	1.04	1.86	1.52	1.43	1.61	1.74	1.63	
hsa-miR-524-AS	1.52	1.00	1.74	1.55	1.63	1.66	1.67	1.07	1.48	1.83	1.03	1.33	1.63	1.81	1.57	1.07	1.66	1.43	1.71	1.42	1.46		

hsa-miR-520cd-AS	2.02	1.24	1.80	1.39	1.54	1.41	1.42	1.68	1.56	2.51	1.52	1.86	2.28	2.57	1.37	2.02	1.86	2.01	1.07	1.39	1.59	1.58
hsa-miR-527	1.90	1.57	1.04	2.15	1.49	1.52	1.53	1.42	1.57	1.99	1.67	1.64	2.64	2.41	2.51	2.14	1.77	1.52	2.00	2.13	1.42	1.77
hsa-miR-515-5p	1.34	1.06	2.12	0.70	1.02	1.30	0.96	1.07	1.20	1.68	1.40	1.43	1.31	1.37	1.47	1.20	1.45	1.75	1.02	1.42	1.42	1.37
hsa-miR-519e-AS	0.83	1.41	1.87	1.50	1.22	1.52	1.53	1.32	1.40	2.13	0.57	1.04	1.76	2.07	1.49	1.51	1.67	1.52	1.07	1.15	1.04	1.29
ambi-miR-7054	1.60	1.12	2.14	1.44	1.25	1.52	1.48	1.76	1.54	0.91	0.70	0.91	0.71	1.81	1.90	1.16	1.20	1.37	2.00	1.27	1.42	1.45
ambi-miR-7055	1.34	1.51	2.17	1.27	1.56	1.41	1.14	1.22	1.45	2.43	2.56	1.69	1.92	2.07	1.25	1.99	1.20	1.72	1.07	0.89	1.23	1.22
hsa-miR-498	1.76	1.57	2.26	1.27	1.30	1.52	1.67	1.27	1.58	1.96	2.02	1.90	2.12	2.01	2.14	2.02	1.56	1.29	1.26	1.39	1.74	1.74
hsa-miR-513	4.78	3.92	3.65	4.41	3.72	3.91	3.27	4.08	3.97	3.93	3.91	4.01	4.67	4.22	5.56	4.38	4.29	4.19	5.08	4.76	3.95	4.45
ambi-miR-7058	4.27	3.72	3.94	4.03	4.28	4.58	3.88	4.22	4.11	3.58	3.95	4.11	4.09	3.81	4.90	4.07	4.11	4.25	4.40	4.47	3.79	4.21
ambi-miR-7059-1	0.73	0.94	1.40	1.08	1.22	1.01	1.31	0.34	1.00	1.16	1.46	1.54	0.87	0.60	1.25	1.15	0.80	0.69	0.87	1.39	1.23	1.00
hsa-miR-452	3.48	3.02	3.66	3.45	3.53	3.29	3.21	3.85	3.44	2.81	2.97	2.57	2.46	2.12	2.21	2.52	2.67	2.79	2.91	2.67	2.63	2.73
hsa-miR-493	2.34	2.06	1.93	1.60	1.86	1.66	2.00	2.12	1.95	2.30	2.09	2.05	2.02	2.57	1.99	2.17	1.86	1.59	1.88	2.19	2.17	1.94
ambi-miR-7062	2.02	1.71	1.90	2.11	1.68	1.88	1.58	1.64	1.81	1.96	1.90	1.82	1.92	2.50	2.28	2.06	2.03	1.72	2.11	1.81	1.67	1.87
hsa-miR-432	3.09	3.35	3.23	3.44	2.57	2.89	3.15	3.49	3.15	3.92	3.54	3.35	3.48	3.49	3.19	3.50	3.18	3.04	3.39	3.39	3.25	3.30
hsa-miR-495	2.55	2.22	2.09	2.61	2.46	2.25	2.10	2.36	2.33	2.79	2.56	2.21	2.55	1.66	2.07	2.31	2.42	2.32	2.74	2.63	2.56	2.53
hsa-miR-494	7.34	4.49	4.88	5.46	4.87	5.06	4.14	4.87	5.14	6.49	5.20	7.12	7.41	6.55	8.99	6.96	7.60	7.05	8.32	7.68	5.48	7.22
ambi-miR-7066	2.02	1.24	0.85	1.75	1.74	1.75	1.67	2.12	1.64	1.21	1.34	0.98	0.96	2.23	2.14	1.48	1.56	1.37	0.48	2.19	1.33	1.39
ambi-miR-7067	1.83	1.41	2.43	1.96	1.76	1.71	1.53	1.94	1.82	2.49	1.57	2.18	2.20	2.28	1.71	2.07	2.10	1.59	1.75	1.81	1.42	1.73
ambi-miR-7068-1	0.73	1.18	1.59	0.96	1.41	1.07	1.20	0.80	1.12	0.91	1.52	1.10	1.04	1.22	1.37	1.19	1.07	0.86	1.26	1.51	1.59	1.26
hsa-miR-496	1.24	0.82	2.17	1.15	1.05	1.66	1.31	1.17	1.32	1.89	1.34	0.91	0.96	1.31	0.31	1.12	0.41	1.45	0.48	0.89	2.00	1.05
ambi-miR-7070	1.43	2.31	2.39	2.11	1.58	2.06	1.92	1.90	1.96	2.81	2.23	2.27	2.61	2.68	1.71	2.39	2.57	2.60	1.75	2.05	2.90	2.37
hsa-miR-492	1.14	1.12	1.67	0.76	1.51	1.36	1.08	1.37	1.25	1.11	0.33	0.73	0.71	0.41	0.56	0.64	1.67	1.37	1.88	1.15	1.14	1.44
hsa-miR-490	0.94	1.12	1.80	1.33	1.19	1.19	1.26	0.64	1.18	1.72	1.28	1.22	2.46	2.18	1.81	1.78	1.20	1.21	0.67	1.27	1.04	1.08
hsa-miR-491	5.33	4.52	4.99	4.32	4.91	4.71	5.12	4.70	4.83	5.40	5.03	5.24	4.87	5.36	5.29	3.79	3.79	4.25	4.41	4.14	4.24	4.17
ambi-miR-7074	1.43	1.30	1.77	1.15	1.30	0.82	1.08	1.12	1.25	1.52	2.35	1.78	1.43	1.01	1.25	1.56	1.07	1.45	0.87	0.76	1.33	1.09
ambi-miR-7075	2.72	2.22	2.04	2.63	2.64	2.28	2.36	2.66	2.44	2.21	2.54	2.55	2.49	2.46	2.75	2.75	2.50	2.36	2.57	2.47	2.53	2.76
ambi-miR-7076	2.55	3.25	2.17	2.75	3.58	2.64	3.13	2.74	2.85	2.60	2.43	2.79	2.49	2.41	2.56	2.55	2.83	3.00	2.39	2.43	2.95	2.72
hsa-miR-501	2.02	1.57	1.80	1.92	1.68	2.13	1.42	2.03	1.82	2.30	2.41	1.59	1.70	1.66	1.61	1.88	1.67	1.84	1.88	1.81	1.74	1.79
hsa-miR-502	1.83	1.92	2.07	1.75	1.56	1.66	1.31	1.76	1.73	1.92	2.06	2.21	2.07	1.88	2.51	2.11	1.77	1.84	1.60	1.71	1.33	1.65
ambi-miR-7079	2.02	1.75	2.28	1.55	1.80	2.19	2.77	2.71	2.14	2.35	1.90	2.30	2.39	2.41	1.99	2.22	2.03	1.90	1.75	1.89	2.06	1.93
ambi-miR-7080	2.24	1.36	1.67	1.80	1.58	1.92	1.53	1.64	1.72	1.11	1.90	1.64	1.63	1.58	0.84	1.45	1.86	1.45	1.75	1.39	1.23	1.54
ambi-miR-7081	2.38	2.16	2.33	2.11	2.31	2.46	2.33	2.32	2.10	2.23	2.43	2.74	2.77	2.61	2.48	1.94	1.96	1.75	2.32	2.32	2.12	2.02
hsa-miR-202-AS	0.53	0.94	1.52	0.76	1.02	1.19	1.14	0.54	0.95	0.76	0.64	0.91	0.63	2.68	2.28	1.32	1.67	0.69	1.43	1.61	1.04	1.29
ambi-miR-7083	2.78	3.25	3.50	3.71	3.37	3.88	3.22	2.57	3.28	3.26	3.37	3.23	2.46	3.04	2.61	3.00	3.00	3.56	2.39	3.17	3.44	3.11
ambi-miR-7084	1.83	1.46	2.01	1.27	1.54	1.46	1.72	1.56	1.61	2.53	1.46	1.59	1.87	2.28	2.34	2.01	1.67	1.52	1.60	2.05	1.23	1.61
ambi-miR-7085	1.34	1.61	2.19	1.60	1.56	1.19	1.62	1.72	1.60	1.99	2.35	1.54	1.20	2.50	1.99	1.93	1.77	1.29	0.87	1.39	1.42	1.35
ambi-miR-7086	0.73	1.96	1.70	1.92	1.51	1.36	1.80	1.12	1.51	1.39	0.97	1.27	1.28	1.22	0.56	1.12	1.86	1.59	1.75	2.05	2.06	1.86
hsa-miR-512-5p	1.43	1.06	1.04	1.02	1.13	1.36	1.20	1.27	1.19	1.48	1.03	2.05	0.71	0.60	0.84	1.12	1.07	1.04	1.26	1.81	1.50	1.34
hsa-miR-504	1.24	0.94	0.75	1.21	1.33	1.07	1.26	1.27	1.13	0.81	0.90	1.04	0.87	0.41	1.25	0.88	1.20	1.45	1.88	1.51	1.14	1.43
ambi-miR-7089	1.90	0.94	1.13	1.84	1.58	1.36	1.14	2.06	1.49	1.48	1.98	1.27	2.02	2.28	1.37	1.74	1.67	1.45	2.11	1.71	1.88	1.76

hsa-miR-511	0.43	1.71	1.04	1.27	1.22	1.13	0.75	1.11	1.21	0.83	0.85	0.25	1.22	1.81	1.03	1.56	0.77	1.07	1.39	1.50	1.26		
hsa-miR-452-AS	1.96	1.92	1.96	2.04	2.04	2.22	1.92	2.15	2.03	0.91	1.10	1.33	0.63	0.70	1.25	0.99	1.86	1.66	2.11	1.89	1.50	1.81	
hsa-miR-503	2.38	2.58	3.52	3.22	2.62	2.56	3.04	2.79	2.84	3.33	2.61	2.05	1.63	2.50	1.81	2.32	2.03	1.84	1.60	2.38	2.63	2.09	
hsa-miR-485-5p	1.76	1.66	1.87	2.15	1.84	2.19	2.03	2.18	1.96	1.92	2.20	1.82	2.16	1.74	1.90	1.96	2.10	2.01	2.11	1.15	2.12	1.90	
hsa-miR-499	1.68	1.51	2.61	1.33	1.25	1.61	1.48	1.42	1.61	2.32	1.40	1.49	1.63	2.37	2.75	2.00	1.77	1.52	2.00	1.98	1.42	1.74	
ambi-miR-7095	2.08	1.24	1.27	1.80	1.58	1.30	1.37	1.97	1.58	1.99	1.57	1.39	2.52	1.94	0.70	1.68	0.80	1.29	1.43	1.71	1.23	1.29	
hsa-miR-505	1.76	2.47	2.17	2.24	2.06	2.19	2.34	1.80	2.13	1.86	2.02	1.90	2.02	2.50	1.11	1.90	1.77	1.79	0.67	1.89	2.06	1.64	
ambi-miR-7097	1.24	1.66	1.27	1.44	1.33	1.36	1.20	1.27	1.35	1.68	1.10	0.73	1.28	1.41	1.61	1.30	1.33	1.52	1.43	1.02	1.67	1.39	
ambi-miR-7098	1.83	1.18	1.04	1.08	1.36	1.71	1.53	1.32	1.38	0.91	1.52	1.69	0.96	-0.12	1.25	1.02	0.80	1.37	0.67	1.71	1.14	1.14	
hsa-miR-489	1.60	1.51	1.99	1.39	2.16	1.36	1.84	1.83	1.71	1.11	0.90	0.67	1.63	0.70	0.84	0.97	1.94	1.66	2.21	1.39	1.42	1.73	
ambi-miR-7100	2.51	1.41	0.99	2.08	1.90	1.71	1.92	2.21	1.84	1.92	1.62	2.15	1.63	1.38	2.46	1.89	2.17	2.36	2.80	2.53	2.27	2.43	
ambi-miR-7101	0.73	1.36	1.63	1.27	1.16	1.36	1.48	1.27	1.28	1.89	2.20	1.98	1.92	2.01	2.28	2.05	0.94	1.21	0.87	1.51	1.50	1.21	
hsa-miR-432-AS	1.43	1.24	1.84	0.89	1.28	1.28	1.61	1.26	1.12	1.33	0.76	1.28	1.33	2.24	1.66	1.71	1.50	1.07	1.12	1.88	0.26	1.59	1.19
ambi-miR-7103	1.24	1.66	1.99	1.70	1.44	1.24	1.62	1.27	1.52	1.86	2.46	1.73	2.32	2.07	1.61	2.01	0.80	1.45	1.43	1.27	1.23	1.24	
hsa-miR-500	2.29	2.28	2.04	2.11	3.08	2.31	2.51	2.31	2.37	2.18	2.54	2.30	2.39	2.32	2.56	2.38	2.42	2.20	2.21	1.39	2.60	2.16	
ambi-miR-7105	3.02	3.03	3.01	2.79	3.36	2.88	3.07	3.10	3.03	2.51	2.63	2.46	2.28	2.23	2.14	2.37	2.53	2.55	2.86	2.93	2.68		

\* 、 闘 値

\*\* 、 闘 値 を 上 回 る miRNA の 数

\*\*\* 、 闘 値 を 上 回 る miRNA の 占 め る パ セ セ ネ テ ー ジ 。

【 0 1 9 8 】

(表4) 6種類の個別の肺臓癌細胞株、および3種類の組織タイプの標準化アレイデータ

miRNAの名称	細胞株						平均	%*	平均	%*	平均	%*	平均	%*
	IMMPC2	PT45	SKPC1	PL45	PancTul	PaCa44			CL	Ca	Ch	Ch	N	N
hsa-let-7a	8.95	8.40	9.43	8.46	8.65	8.32	8.70	100	8.95	100	8.83	100	9.35	100
hsa-let-7b	8.40	7.72	8.99	7.72	7.33	7.63	7.96	100	8.53	100	8.78	100	9.06	100
hsa-let-7c	8.44	7.87	8.93	8.17	7.77	7.29	8.08	100	8.60	100	8.74	100	9.18	100
hsa-let-7d	8.05	7.73	8.34	8.31	8.07	7.53	8.01	100	8.19	100	7.85	100	8.68	100
hsa-let-7e	6.58	6.52	6.97	6.82	6.03	5.86	6.46	100	6.75	100	6.19	100	6.98	100
hsa-let-7f	7.26	7.08	7.23	8.15	7.69	6.72	7.36	100	7.94	100	7.51	100	8.51	100
hsa-let-7g	6.53	6.19	6.76	6.60	6.61	5.99	6.45	100	7.31	100	7.01	100	7.52	100
hsa-let-7i	7.52	6.59	8.91	6.91	8.88	8.95	7.96	100	7.49	100	7.12	100	6.31	100
hsa-mir-1	0.92	0.17	1.05	0.28	1.01	1.22	0.78	0	3.23	88	2.84	83	2.19	80
hsa-mir-100	7.14	6.49	6.32	7.23	7.73	7.76	7.11	100	6.34	100	6.44	100	5.16	100
hsa-mir-101	1.97	2.77	2.16	2.72	2.60	2.69	2.48	83	4.49	100	4.33	100	4.87	100
hsa-mir-103	6.14	7.33	7.36	6.75	6.62	6.63	6.80	100	6.72	100	6.02	100	5.86	100
hsa-mir-105	-0.03	2.33	2.27	0.92	1.47	1.59	1.42	33	0.50	0	0.22	0	0.81	0
hsa-mir-106a	7.09	8.19	7.55	7.68	8.46	8.50	7.91	100	6.74	100	6.10	100	6.30	100
hsa-mir-106b	5.88	6.06	5.97	6.28	5.88	6.06	6.02	100	5.65	100	5.02	100	4.98	100
hsa-mir-107	6.12	7.41	7.41	6.73	6.66	6.68	6.83	100	6.76	100	6.10	100	5.82	100
hsa-mir-10a	5.22	4.76	5.79	6.49	6.45	6.49	5.87	100	6.23	100	5.70	100	4.92	100
hsa-mir-10b	2.87	4.54	3.61	4.53	4.29	4.00	3.97	100	5.24	100	4.96	100	4.54	100
hsa-mir-122a	2.62	2.92	1.52	1.81	2.63	2.80	2.38	67	2.71	100	2.76	100	2.43	100
hsa-mir-124a	-0.15	0.85	0.59	0.92	0.44	-0.03	0.44	0	0.29	0	-0.06	0	0.21	0
hsa-mir-125a	6.38	6.65	7.11	6.37	5.21	5.53	6.21	100	6.04	100	6.00	100	5.32	100
hsa-mir-125b	6.01	5.23	5.26	6.47	6.54	6.85	6.06	100	6.93	100	7.37	100	5.96	100
hsa-mir-126	3.07	2.20	3.79	4.56	4.49	4.52	3.77	100	7.41	100	7.54	100	7.12	100
hsa-mir-126-AS	1.63	-0.20	1.24	1.50	0.88	0.35	0.90	0	3.55	88	3.27	100	3.91	100
hsa-mir-127	0.92	0.17	-0.18	0.84	1.14	0.35	0.54	0	1.42	50	1.97	50	1.52	40
hsa-mir-128a	3.26	3.17	4.19	3.55	3.25	3.61	3.50	100	2.77	100	2.23	83	2.16	80
hsa-mir-129	1.16	1.41	0.90	0.75	1.47	1.59	1.21	0	1.46	50	2.07	50	1.44	0
hsa-mir-130a	5.39	6.66	6.46	4.07	2.67	2.36	4.60	100	5.62	100	5.90	100	6.04	100
hsa-mir-130b	4.56	5.00	5.77	4.42	5.08	5.06	4.98	100	3.84	100	4.93	100	6.27	100
hsa-mir-132	2.36	2.79	2.24	1.61	2.45	1.80	2.21	67	4.09	100	3.92	100	3.06	100

hsa-miR-133a	1.27	0.59	0.67	0.84	0.74	0.62	0.79	0	2.55	88	2.49	83	0.97	0
hsa-miR-134	1.16	1.21	0.75	0.92	1.88	0.62	1.09	0	2.37	88	2.65	100	2.99	100
hsa-miR-135a	-0.48	1.10	1.11	0.92	0.88	1.00	0.76	0	0.62	25	1.35	17	1.72	20
hsa-miR-135b	0.10	0.45	1.42	1.81	1.26	1.80	1.14	0	2.01	75	1.49	17	0.72	0
hsa-miR-136	0.65	0.04	0.19	0.01	1.01	0.75	0.44	0	0.42	13	1.32	33	0.57	0
hsa-miR-137	1.71	0.98	0.04	0.01	-0.13	0.62	0.54	0	1.02	38	1.51	17	0.51	0
hsa-miR-138	3.05	2.24	4.38	1.16	0.59	0.62	2.01	50	1.41	25	0.67	0	0.96	0
hsa-miR-139	1.78	0.98	1.36	2.34	1.26	0.49	1.37	17	1.81	75	2.36	100	2.09	100
hsa-miR-140	2.40	1.87	1.79	1.37	1.88	1.32	1.77	33	4.08	100	3.63	100	3.24	100
hsa-miR-141	5.81	6.28	6.46	6.53	6.33	6.63	6.34	100	6.00	100	6.65	100	7.50	100
hsa-miR-142-3p	0.79	0.72	0.67	0.92	0.88	1.22	0.87	0	3.68	100	2.76	83	2.71	100
hsa-miR-142-5p	1.37	0.17	0.35	0.47	1.14	0.75	0.71	0	2.28	100	2.44	100	2.34	80
hsa-miR-143	0.79	0.59	0.27	0.37	0.59	0.35	0.49	0	7.96	100	7.52	100	6.02	100
hsa-miR-144	0.23	1.31	1.05	0.10	0.59	-0.15	0.52	0	-0.05	0	-0.14	0	0.48	0
hsa-miR-145	1.37	0.31	0.51	0.75	0.59	0.35	0.65	0	8.15	100	7.82	100	6.32	100
hsa-miR-146a	3.01	2.37	5.33	3.95	2.01	2.09	3.13	67	5.93	100	4.87	100	3.85	100
hsa-miR-147	0.10	0.59	0.75	1.24	1.14	0.22	0.67	0	1.38	38	0.76	17	0.94	20
hsa-miR-148a	1.37	2.96	5.02	1.31	2.53	2.09	2.55	50	5.27	100	7.14	100	8.57	100
hsa-miR-148b	2.87	2.77	3.76	2.29	3.05	2.57	2.88	100	2.82	88	2.97	100	5.11	100
hsa-miR-149	1.97	2.59	2.34	1.72	1.47	1.93	2.00	33	0.90	25	0.94	33	0.96	20
hsa-miR-150	1.16	0.04	1.05	1.61	1.94	1.32	1.19	0	4.38	100	3.68	83	1.73	60
hsa-miR-151	4.24	4.35	4.87	4.65	4.65	4.94	4.62	100	4.00	100	3.86	100	4.02	100
hsa-miR-152	2.94	4.12	2.88	2.06	3.07	2.32	2.90	83	5.15	100	5.05	100	4.75	100
hsa-miR-153	1.16	0.59	1.11	1.66	2.12	1.59	1.37	0	2.73	88	2.47	67	3.23	100
hsa-miR-154	0.92	0.72	0.19	0.56	-0.13	1.50	0.63	0	2.07	88	2.92	83	3.27	100
hsa-miR-155	5.08	2.05	5.30	5.44	6.19	5.77	4.97	100	5.59	100	4.22	100	3.25	100
hsa-miR-15a	5.19	5.05	5.77	5.66	6.01	5.94	5.60	100	6.47	100	6.19	100	6.14	100
hsa-miR-15b	6.89	7.59	7.95	7.87	7.87	7.63	7.63	100	5.77	100	4.92	100	5.17	100
hsa-miR-16	8.08	8.20	8.98	8.49	8.50	8.66	8.48	100	8.32	100	8.04	100	7.99	100
hsa-miR-17-3p	2.58	3.59	3.44	2.84	3.40	4.12	3.33	100	2.43	100	2.13	67	2.31	100
hsa-miR-17-5p	6.95	8.11	7.53	7.65	8.40	8.52	7.86	100	6.66	100	6.04	100	6.15	100
hsa-miR-18a	4.16	5.72	4.94	4.38	5.69	5.98	5.14	100	4.26	100	3.17	100	2.58	100
hsa-miR-181a	6.31	6.53	6.75	5.41	6.09	6.31	6.23	100	5.76	100	5.38	100	5.00	100
hsa-miR-181b	5.86	6.54	6.47	4.59	6.24	6.24	5.99	100	5.05	100	4.42	100	4.35	100

hsa-miR-181c	2.62	3.41	2.48	2.16	2.56	1.80	2.51	67	2.65	100	1.97	50	2.04	80
hsa-miR-182	4.95	5.23	5.12	5.84	4.72	4.64	5.08	100	4.57	100	4.16	100	5.39	100
hsa-miR-182-AS	1.55	0.04	0.67	0.84	0.88	0.75	0.79	0	0.57	0	1.22	17	0.58	0
hsa-miR-183	2.55	3.59	3.35	3.56	3.43	2.88	3.23	100	1.57	63	1.94	67	2.14	100
hsa-miR-184	2.71	3.01	1.97	2.02	2.01	2.57	2.38	67	2.57	100	2.61	100	2.22	100
hsa-miR-185	4.16	4.65	5.09	3.80	4.44	4.22	4.39	100	4.70	100	4.23	100	4.25	100
hsa-miR-186	2.77	3.33	3.06	1.86	2.56	2.14	2.62	67	3.39	100	3.04	100	3.69	100
hsa-miR-187	0.23	1.31	1.18	1.16	0.59	0.22	0.78	0	1.55	25	1.25	0	0.73	20
hsa-miR-188	2.62	2.52	1.83	2.45	2.56	2.60	2.43	83	1.92	75	2.03	83	1.80	60
hsa-miR-189	0.37	0.85	1.71	4.80	1.26	0.88	1.65	17	2.17	88	2.02	50	1.78	80
hsa-miR-190	0.92	0.85	0.51	0.37	0.14	0.09	0.48	0	1.23	25	1.23	33	0.91	40
hsa-miR-191	6.13	6.37	5.86	5.68	5.20	4.97	5.70	100	6.08	100	5.70	100	5.75	100
hsa-miR-192	2.19	2.24	2.50	2.32	2.06	2.04	2.23	67	6.63	100	6.07	100	7.13	100
hsa-miR-193a	3.13	3.30	2.39	3.31	2.79	3.61	3.09	100	2.33	100	2.60	100	2.20	80
hsa-miR-194	1.85	2.05	2.52	2.40	2.45	2.36	2.27	83	7.13	100	5.95	100	6.63	100
hsa-miR-195	3.17	3.94	3.13	3.75	3.97	2.97	3.49	100	6.49	100	6.72	100	6.12	100
hsa-miR-196a	2.97	4.37	3.84	2.45	2.23	1.22	2.85	83	3.77	100	1.41	50	1.13	0
hsa-miR-196b	3.11	4.38	3.38	2.42	0.59	0.22	2.35	67	3.24	100	1.04	33	0.57	0
hsa-miR-197	4.32	4.25	4.79	2.29	3.68	3.13	3.74	100	2.11	75	2.07	83	1.72	40
hsa-miR-198	4.02	3.82	2.29	3.65	3.64	4.09	3.59	100	3.91	100	3.92	100	3.70	100
hsa-miR-199a	1.37	0.59	0.04	0.37	1.01	-0.03	0.56	0	6.35	100	6.51	100	5.35	100
hsa-miR-199a-AS	1.04	1.10	1.05	0.10	-0.13	1.12	0.71	0	7.06	100	7.33	100	6.43	100
hsa-miR-199b	0.51	0.98	0.35	0.92	0.29	1.32	0.73	0	4.58	100	4.79	100	4.36	100
hsa-miR-19a	3.60	4.70	4.11	3.98	4.90	4.82	4.35	100	4.27	100	4.02	100	4.74	100
hsa-miR-19b	5.90	6.89	6.51	6.42	6.82	7.04	6.60	100	6.20	100	6.14	100	6.50	100
hsa-miR-20a	6.02	7.04	6.46	6.92	7.46	7.67	6.93	100	5.99	100	5.52	100	5.64	100
hsa-miR-200a	5.79	5.32	6.37	5.27	5.28	5.74	5.63	100	5.52	100	5.61	100	6.57	100
hsa-miR-200b	7.34	6.77	7.76	7.01	6.76	6.94	7.10	100	6.72	100	6.43	100	7.50	100
hsa-miR-200c	8.15	8.60	8.45	8.67	8.53	8.38	8.46	100	7.28	100	7.60	100	8.59	100
hsa-miR-203	0.37	1.66	1.90	2.52	4.52	5.13	2.68	50	5.19	100	2.66	100	3.50	100
hsa-miR-204	1.16	0.17	1.05	0.28	0.59	0.75	0.67	0	1.34	38	1.90	50	1.80	60
hsa-miR-205	5.82	8.76	8.41	8.75	6.24	6.11	7.35	100	3.12	75	1.44	33	0.90	20

	hsa-miR-206	1.85	1.50	1.11	1.37	1.80	1.50	0	1.69	50	2.26	100	1.47	40
hsa-miR-208	0.65	0.04	0.35	1.16	1.14	0.75	0.68	0	0.92	0	1.49	17	1.02	0
hsa-miR-21	10.06	9.69	10.33	9.66	9.40	9.51	9.77	100	9.80	100	9.18	100	8.71	100
hsa-miR-210	5.38	4.58	5.65	4.00	4.43	4.25	4.71	100	6.61	100	4.43	100	3.79	100
hsa-miR-211	0.51	0.85	0.51	1.16	1.56	1.12	0.95	0	0.47	13	0.91	0	0.43	0
hsa-miR-212	1.04	0.85	1.47	0.56	1.01	-0.46	0.75	0	1.18	13	1.00	0	0.87	20
hsa-miR-213	1.63	0.98	1.18	1.01	0.59	1.87	1.21	0	0.48	0	1.70	33	0.41	0
hsa-miR-214	1.78	2.05	1.18	2.06	2.06	2.36	1.91	33	6.14	100	6.06	100	4.65	100
hsa-miR-215	0.10	0.98	0.47	1.56	1.66	0.96	0	3.91	88	2.54	67	4.33	100	
hsa-miR-216	1.91	1.31	0.75	0.56	1.26	0.49	1.05	0	1.64	50	5.90	100	7.09	100
hsa-miR-217	0.92	1.50	1.30	1.44	1.37	1.12	1.27	0	2.19	88	6.70	100	7.86	100
hsa-miR-218	2.94	2.77	1.90	1.81	2.45	1.59	2.24	50	4.10	100	4.06	100	3.54	100
hsa-miR-219	0.92	0.59	0.59	0.10	-0.48	0.88	0.43	0	0.80	13	1.59	0	1.17	0
hsa-miR-22	5.38	6.48	5.91	4.58	5.50	5.72	5.59	100	7.25	100	7.07	100	6.79	100
hsa-miR-220	0.65	0.04	0.83	0.92	1.01	0.49	0.66	0	0.66	0	0.81	0	0.69	0
hsa-miR-221	7.66	7.21	8.08	8.47	7.85	8.12	7.90	100	6.50	100	5.41	100	5.02	100
hsa-miR-222	7.14	6.81	7.70	7.62	7.12	6.90	7.22	100	5.99	100	4.63	100	3.92	100
hsa-miR-223	0.51	1.50	0.90	1.61	1.88	1.74	1.36	0	6.86	100	5.62	100	4.47	100
hsa-miR-224	2.14	2.24	5.47	5.07	5.14	5.12	4.20	100	3.83	100	2.44	100	2.56	100
hsa-miR-23a	7.92	8.35	7.93	7.89	7.96	7.65	7.95	100	7.67	100	7.08	100	6.91	100
hsa-miR-23b	7.67	7.99	7.87	7.45	7.86	7.60	7.74	100	7.62	100	7.21	100	7.16	100
hsa-miR-24	7.06	7.71	7.21	7.47	7.26	6.87	7.26	100	8.07	100	7.58	100	7.15	100
hsa-miR-25	5.83	5.58	5.90	5.98	5.32	5.37	5.66	100	5.69	100	5.10	100	5.42	100
hsa-miR-26a	7.13	7.40	8.08	7.55	7.06	7.19	7.40	100	8.80	100	8.69	100	9.00	100
hsa-miR-26b	5.15	4.70	5.27	6.18	5.50	4.89	5.28	100	6.98	100	6.58	100	7.46	100
hsa-miR-27a	7.15	7.25	6.94	7.42	7.47	7.57	7.30	100	7.39	100	6.83	100	6.87	100
hsa-miR-27b	6.36	6.17	6.78	6.38	7.20	7.57	6.74	100	7.13	100	7.07	100	7.47	100
hsa-miR-28	4.60	4.71	4.92	5.09	5.16	5.20	4.95	100	5.08	100	4.56	100	4.82	100
hsa-miR-296	1.78	0.98	1.05	1.31	1.94	1.32	1.40	0	1.16	25	1.59	33	1.32	0
hsa-miR-299-5p	1.04	1.31	1.05	1.44	1.14	1.80	1.30	0	1.73	63	1.85	50	2.22	100
hsa-miR-29a	6.90	7.09	7.52	8.80	8.02	8.08	7.73	100	7.63	100	7.22	100	7.55	100
hsa-miR-29b	5.40	5.13	5.49	6.87	6.74	6.12	5.96	100	6.48	100	6.02	100	6.58	100
hsa-miR-301	2.58	3.83	3.01	2.77	3.79	3.64	3.27	100	2.64	100	1.77	33	1.95	40

hsa-miR-302a	0.65	0.59	0.90	0.37	-0.26	1.12	0.56	0	0.50	0	1.50	17	0.77	0
hsa-miR-302b	0.79	0.98	0.98	1.31	1.14	1.00	1.03	0	0.58	0	0.01	0	0.56	0
hsa-miR-302b-AS	1.04	0.72	0.51	0.37	0.29	0.49	0.57	0	0.20	0	1.10	33	0.28	0
hsa-miR-302c	0.23	0.04	0.43	-0.23	0.74	1.12	0.39	0	0.07	0	0.18	17	0.75	0
hsa-miR-302c-AS	2.14	1.66	1.52	3.84	2.23	2.09	2.25	50	1.67	50	1.95	67	1.89	80
hsa-miR-302d	1.16	0.59	0.98	0.66	1.26	0.75	0.90	0	1.13	13	1.51	0	0.65	0
hsa-miR-30a-3p	4.90	2.05	4.65	4.09	3.82	3.69	3.87	100	2.51	100	3.42	100	4.10	100
hsa-miR-30a-5p	7.60	6.25	7.34	7.32	6.47	6.52	6.92	100	6.69	100	7.15	100	7.61	100
hsa-miR-30b	4.96	5.16	5.25	6.07	5.27	5.49	5.37	100	5.74	100	6.20	100	6.84	100
hsa-miR-30c	6.94	5.60	7.05	6.44	5.88	5.91	6.30	100	5.63	100	6.13	100	6.77	100
hsa-miR-30d	6.75	6.01	6.60	6.90	6.16	6.05	6.41	100	6.29	100	6.58	100	7.08	100
hsa-miR-30e-3p	3.93	2.20	3.67	3.09	2.73	2.60	3.04	100	2.06	88	2.54	83	3.58	100
hsa-miR-30e-5p	6.78	5.09	5.99	6.30	5.62	5.50	5.88	100	6.26	100	6.50	100	7.06	100
hsa-miR-31	1.55	7.35	1.57	8.66	8.42	8.81	6.06	67	6.69	100	5.57	100	3.90	100
hsa-miR-32	-0.15	1.10	0.51	0.92	1.14	0.35	0.64	0	1.00	25	1.33	33	1.32	20
hsa-miR-320	6.53	6.11	7.04	5.89	6.60	6.78	6.49	100	6.00	100	5.80	100	5.70	100
hsa-miR-323	0.23	0.04	0.27	1.66	1.94	0.88	0.84	0	0.69	0	0.06	0	0.73	0
hsa-miR-324-3p	2.52	3.84	3.12	3.27	2.56	2.95	3.04	100	2.58	100	2.47	100	1.44	40
hsa-miR-324-5p	1.46	2.05	1.24	0.75	1.56	1.50	1.43	17	1.01	25	0.73	17	0.95	0
hsa-miR-325	0.23	0.59	0.67	0.10	1.01	1.12	0.62	0	0.60	13	0.58	0	0.94	0
hsa-miR-326	0.92	1.58	1.11	1.09	1.37	0.49	1.09	0	0.95	13	1.28	17	0.71	0
hsa-miR-328	0.51	1.58	1.18	1.09	1.37	0.75	1.08	0	1.15	13	1.09	0	0.60	0
hsa-miR-33	0.79	1.31	0.67	0.56	0.74	0.88	0.83	0	0.64	0	0.89	17	0.64	0
hsa-miR-330	1.97	2.20	2.50	0.92	2.18	1.59	1.89	50	1.23	25	1.45	17	0.49	0
hsa-miR-331	3.95	4.06	4.08	3.73	4.30	3.11	3.87	100	3.45	100	2.40	100	1.91	80
hsa-miR-335	4.70	0.31	3.60	3.58	3.92	4.09	3.37	83	4.96	100	5.05	100	6.19	100
hsa-miR-337	0.92	0.45	1.05	-0.08	0.14	0.75	0.54	0	0.40	0	0.08	0	0.47	0
hsa-miR-338	0.79	-0.08	0.04	3.40	-0.13	1.74	0.96	17	3.97	100	4.01	100	4.82	100
hsa-miR-339	2.74	4.16	3.74	3.61	3.05	3.54	3.47	100	2.33	100	2.39	83	2.43	100
hsa-miR-340	0.37	0.45	1.18	0.75	0.44	-0.26	0.49	0	0.88	13	0.37	0	1.00	0
hsa-miR-342	5.37	5.66	4.09	5.17	5.64	5.49	5.24	100	6.15	100	5.88	100	6.07	100
hsa-miR-345	2.71	1.21	2.13	2.13	1.47	0.88	1.75	33	1.71	75	1.64	50	1.19	40

hsa-miR-346	0.79	-0.31	0.35	0.75	1.14	0.88	0.60	0	0.53	0	0.42	17	0.55	0
hsa-miR-34a	4.04	3.35	3.95	1.44	2.87	4.22	3.31	83	5.87	100	5.56	100	5.29	100
hsa-miR-34b	2.03	2.05	2.07	1.24	1.94	2.40	1.95	50	3.70	100	3.06	100	3.48	100
hsa-miR-34c	0.51	1.80	1.87	0.19	0.74	-0.03	0.85	17	1.51	63	1.53	17	0.56	0
hsa-miR-361	4.92	5.41	5.56	5.26	5.03	5.13	5.22	100	4.76	100	4.39	100	4.45	100
hsa-miR-365	2.62	2.89	2.91	2.97	2.87	2.44	2.78	100	1.97	75	2.16	50	3.41	100
hsa-miR-367	-0.03	0.31	0.98	1.31	1.01	0.49	0.68	0	0.43	0	1.78	50	0.48	0
hsa-miR-368	0.51	0.31	0.59	0.92	1.14	0.75	0.71	0	4.41	100	5.08	100	5.56	100
hsa-miR-369-3p	-0.27	1.21	1.71	0.01	0.29	1.22	0.69	0	-0.08	0	0.21	0	0.83	20
hsa-miR-370	2.74	3.13	2.34	2.68	2.85	2.92	2.78	100	3.05	100	2.98	100	2.62	100
hsa-miR-371	0.37	0.45	0.75	1.01	0.74	0.22	0.59	0	0.52	0	0.97	0	0.62	0
hsa-miR-372	-0.38	0.98	0.51	0.92	0.74	1.42	0.70	0	1.03	25	0.48	0	0.48	20
hsa-miR-373	0.23	0.17	1.11	0.28	0.59	0.75	0.52	0	0.64	0	1.32	17	0.66	0
hsa-miR-373-AS	2.03	2.33	1.42	1.61	1.94	1.99	1.89	17	1.94	75	1.67	17	2.00	80
hsa-miR-374	1.91	1.93	1.83	0.92	1.88	1.00	1.58	17	3.06	100	2.48	83	3.80	100
hsa-miR-375	0.51	0.72	0.19	1.76	0.59	1.32	0.85	0	4.70	100	6.43	100	7.21	100
hsa-miR-376a	0.37	0.45	0.67	0.92	1.37	1.12	0.82	0	3.70	100	3.86	100	4.63	100
hsa-miR-377	0.65	-0.08	0.19	2.34	1.01	1.00	0.85	17	2.59	100	3.05	100	3.30	100
hsa-miR-378	2.09	0.72	2.04	2.06	2.56	2.75	2.04	50	0.94	38	1.08	33	0.75	0
hsa-miR-379	2.48	1.99	1.18	1.81	2.23	2.44	2.02	67	3.49	100	4.06	100	3.93	100
hsa-miR-380-3p	0.37	0.45	1.24	0.84	1.56	0.49	0.82	0	0.14	0	0.50	0	0.40	0
hsa-miR-380-5p	1.16	0.17	0.35	0.47	1.26	-0.37	0.51	0	0.36	0	1.48	0	0.22	0
hsa-miR-381	0.92	0.98	0.75	1.14	1.22	0.96	0	1.39	38	2.31	83	2.08	60	
hsa-miR-382	1.37	1.31	0.43	0.56	1.47	0.88	1.00	0	3.04	100	2.96	100	3.07	100
hsa-miR-383	1.04	0.45	1.11	0.47	1.01	1.42	0.92	0	1.02	13	1.73	17	1.29	20
hsa-miR-384	-0.15	1.10	1.05	0.01	-0.13	0.62	0.41	0	-0.12	0	-0.15	0	0.46	0
hsa-miR-422a	2.90	2.37	3.94	3.86	3.89	4.26	3.54	100	2.77	100	1.89	67	2.60	100
hsa-miR-422b	3.87	2.99	4.84	4.37	4.51	5.00	4.26	100	4.13	100	3.41	100	3.43	100
hsa-miR-423	4.90	5.07	5.35	4.99	5.10	4.98	5.07	100	3.79	100	3.51	100	3.05	100
hsa-miR-424	2.62	2.94	2.01	0.84	0.59	0.35	1.56	50	3.91	100	3.07	83	3.66	100
hsa-miR-425	2.44	2.89	2.24	1.50	1.73	2.04	2.14	50	1.82	38	1.35	0	1.39	40
hsa-miR-429	4.74	4.43	4.83	4.03	4.42	4.09	4.42	100	4.71	100	4.03	100	5.13	100
hsa-miR-448	0.65	0.45	0.27	0.47	0.88	0.09	0.47	0	0.58	0	0.24	0	1.04	0

hsa-miR-449	0.79	0.85	2.01	1.81	1.01	1.32	1.30	17	0.82	0	1.89	50	0.75	0
hsa-miR-450	0.92	0.72	1.66	1.31	1.26	1.74	1.27	0	1.54	38	1.25	17	0.90	20
hsa-miR-7	5.00	5.41	4.64	4.71	5.04	3.91	4.78	100	5.54	100	5.14	100	5.68	100
hsa-miR-9	0.23	0.59	0.51	1.24	0.00	1.22	0.63	0	0.73	13	1.50	33	0.52	0
hsa-miR-9-AS	1.37	2.65	1.47	2.68	1.47	1.93	1.93	33	1.45	38	1.59	0	1.04	20
hsa-miR-92	5.42	6.69	6.45	6.22	6.65	6.65	6.35	100	4.92	100	4.80	100	4.82	100
hsa-miR-93	6.58	6.97	6.65	7.36	6.76	6.39	6.78	100	5.94	100	4.99	100	4.83	100
hsa-miR-95	1.04	2.05	1.66	0.92	1.47	1.22	1.39	17	3.17	100	2.51	83	3.87	100
hsa-miR-96	2.68	3.20	3.49	3.96	2.76	2.51	3.10	100	3.04	100	2.79	100	4.69	100
hsa-miR-98	3.99	4.72	4.00	4.57	4.73	3.30	4.22	100	4.58	100	4.05	100	5.05	100
hsa-miR-99a	6.15	5.38	4.67	6.30	6.79	6.54	5.97	100	6.27	100	6.64	100	5.38	100
hsa-miR-99b	5.43	5.99	6.01	4.95	4.61	4.30	5.22	100	4.95	100	4.59	100	4.12	100
mmu-let-7d-AS	-0.15	0.04	0.90	0.37	0.44	-0.64	0.16	0	0.67	13	0.40	0	0.86	0
mmu-miR-101b	0.51	0.04	0.98	1.66	0.44	1.42	0.84	0	1.07	13	1.24	17	1.16	20
mmu-miR-106a	6.53	7.67	7.00	7.20	7.92	7.90	7.37	100	6.20	100	5.39	100	5.72	100
mmu-miR-129-3p	1.46	0.45	1.62	1.44	1.80	1.80	1.43	0	1.42	38	2.06	50	1.40	0
mmu-miR-140-AS	3.09	2.15	3.15	1.24	2.01	2.23	2.31	50	4.52	100	4.29	100	3.61	100
mmu-miR-151	3.54	3.56	3.91	4.01	4.10	4.06	3.86	100	2.76	100	2.11	67	3.08	100
mmu-miR-155	3.26	0.45	2.91	3.99	4.60	2.90	3.02	83	4.51	100	2.84	100	2.65	100
mmu-miR-17-3p	2.48	2.65	2.32	1.81	2.60	3.01	2.48	83	1.33	38	1.18	0	1.46	20
mmu-miR-192	1.91	2.24	2.04	2.06	2.45	2.19	2.15	50	6.52	100	5.99	100	7.00	100
mmu-miR-199b	0.51	0.59	0.67	0.84	0.59	0.88	0.68	0	4.91	100	4.79	100	4.38	100
mmu-miR-201	-0.03	-0.51	0.67	0.47	0.88	0.49	0.33	0	0.49	0	0.60	0	0.84	0
mmu-miR-202	2.65	2.68	2.22	2.57	2.76	3.27	2.69	100	3.11	100	2.98	100	2.65	100
mmu-miR-207	2.14	1.21	1.79	1.37	1.88	1.50	1.65	17	0.95	13	0.86	0	1.19	0
mmu-miR-211	1.04	-0.08	0.75	0.28	-0.13	1.00	0.48	0	0.02	0	0.49	0	0.90	0
mmu-miR-215	-0.03	0.45	0.90	-0.23	-0.13	0.35	0.22	0	1.72	50	0.43	0	1.72	60
mmu-miR-217	1.04	0.17	-0.04	1.16	1.47	0.22	0.67	0	2.17	88	6.40	100	7.70	100
mmu-miR-290	3.33	2.84	2.99	2.68	2.87	2.54	2.87	100	2.24	100	2.39	83	2.27	100
mmu-miR-291-3p	0.65	0.31	0.04	1.44	1.94	0.09	0.74	0	0.61	0	1.38	33	0.48	0
mmu-miR-291-5p													0.73	0

mmu-miR-292-3p	0.92	1.31	1.36	1.01	1.56	1.12	1.21	0	1.11	25	0.72	0	0.33	0
mmu-miR-292-5p	1.04	1.31	0.51	1.56	0.59	1.50	1.09	0	1.34	13	1.39	0	1.53	20
mmu-miR-293	1.63	-0.20	0.98	0.84	1.14	0.09	0.75	0	0.73	13	1.59	33	0.59	0
mmu-miR-294	0.65	-0.31	0.43	0.92	0.74	2.88	0.89	17	0.84	0	0.53	0	1.11	20
mmu-miR-295	-0.15	0.45	0.83	0.10	0.44	1.00	0.44	0	0.80	0	0.31	0	0.66	20
mmu-miR-297	0.79	1.10	0.43	1.24	0.59	0.62	0.79	0	2.37	63	1.32	33	1.41	40
mmu-miR-298	3.75	3.62	2.41	3.11	3.35	3.56	3.30	100	3.68	100	3.68	100	3.68	100
mmu-miR-300	0.92	0.85	1.24	1.50	0.74	1.00	1.04	0	1.22	25	1.28	0	1.45	40
mmu-miR-322	1.04	1.41	0.51	1.01	1.80	0.49	1.04	0	0.49	13	1.61	17	0.07	0
mmu-miR-424	0.92	1.50	1.36	0.10	0.74	0.75	0.89	0	2.27	88	1.04	17	1.93	80
mmu-miR-425	0.65	1.41	0.51	1.01	0.29	0.62	0.75	0	1.34	50	1.45	0	1.11	20
mmu-miR-329	0.51	0.17	0.59	1.01	1.47	4.55	1.38	17	1.16	25	0.75	0	0.71	0
mmu-miR-330	0.37	1.80	0.83	1.09	1.01	-0.03	0.85	17	0.84	13	0.33	0	1.13	0
mmu-miR-337	-0.03	0.59	0.43	1.01	0.88	0.49	0.56	0	1.11	13	0.94	0	1.27	40
mmu-miR-341	0.37	0.72	0.67	0.84	0.88	1.00	0.75	0	1.32	25	0.58	0	0.92	0
mmu-miR-344	0.79	-0.31	-0.04	0.56	0.14	0.22	0.23	0	0.45	13	1.76	33	0.40	0
mmu-miR-345	1.46	2.20	1.30	1.81	2.12	2.09	1.83	17	1.40	38	1.48	17	1.20	20
mmu-miR-346	1.55	0.72	0.59	1.09	-0.26	1.00	0.78	0	0.65	0	0.29	0	0.33	0
mmu-miR-34b	1.91	1.58	1.83	1.98	1.65	1.42	1.73	0	1.37	50	1.51	17	0.99	0
mmu-miR-350	0.92	0.45	0.59	0.47	0.29	1.87	0.76	0	0.81	25	0.52	0	0.77	0
mmu-miR-351	0.79	1.41	1.05	1.24	1.26	1.32	1.18	0	0.99	0	1.34	17	0.75	20
mmu-miR-376a	0.92	0.31	0.04	0.56	0.00	0.62	0.41	0	1.70	63	2.04	50	2.25	80
mmu-miR-376b	0.51	0.72	0.75	0.92	1.14	1.74	0.96	0	1.51	50	0.83	0	1.45	40
mmu-miR-380-3p	1.55	1.31	1.11	0.10	1.94	0.62	1.11	0	0.39	0	0.45	0	0.67	0
mmu-miR-383	0.37	0.59	0.90	0.75	1.01	1.22	0.81	0	1.36	38	1.21	17	1.59	40
mmu-miR-384	0.10	0.31	1.05	1.09	0.88	-0.46	0.49	0	0.15	13	0.93	0	0.02	0
mmu-miR-409	0.79	1.31	1.24	0.92	1.14	0.35	0.96	0	1.86	63	2.09	67	2.12	100
hsa-miR-410	1.16	0.85	1.83	0.28	-0.26	1.00	0.81	0	1.00	13	1.41	33	1.38	20
mmu-miR-411	0.37	0.72	1.11	1.44	1.37	0.09	0.85	0	0.92	13	1.73	50	0.86	0
hsa-miR-412	0.51	0.85	1.36	0.47	0.59	0.88	0.78	0	-0.02	0	0.01	0	-0.06	0

mmu-miR-429	1.63	0.31	1.36	1.01	1.42	1.12	0	1.20	38	1.02	33	1.61	20	
mmu-miR-7b	1.63	1.21	0.75	1.44	1.47	1.32	1.30	0	2.21	88	2.19	83	2.39	100
mo-miR-151-AS	5.52	5.77	6.30	5.95	5.91	6.20	5.94	100	5.48	100	5.24	100	5.04	100
mo-miR-20-AS	1.04	1.10	0.83	0.92	1.26	0.75	0.98	0	0.67	13	1.15	0	0.37	0
mo-miR-297	0.37	-0.60	0.51	0.37	-0.13	-0.03	0.08	0	0.90	25	0.34	0	0.47	0
mo-miR-327	2.68	2.05	1.71	2.16	1.80	2.75	2.19	50	2.30	100	2.62	100	2.14	80
mo-miR-333	1.37	0.85	0.59	0.92	1.37	1.66	1.13	0	1.71	63	1.48	17	1.86	40
mo-miR-336	2.36	2.15	1.97	1.98	2.06	2.60	2.19	67	2.20	88	2.58	100	2.44	100
mo-miR-343	0.92	0.98	0.51	1.44	0.29	1.50	0.94	0	0.87	13	0.85	17	1.14	0
mo-miR-344	1.04	0.85	1.11	0.92	1.26	1.00	1.03	0	0.07	0	0.04	0	0.64	0
mo-miR-346	0.37	1.21	0.51	0.75	1.47	0.09	0.73	0	1.25	25	1.26	0	0.94	0
mo-miR-347	2.28	1.31	1.52	0.75	1.80	2.28	1.66	17	1.55	75	2.05	67	1.56	40
mo-miR-349	0.10	0.04	0.83	1.94	1.65	0.88	0.91	0	0.73	0	0.06	0	0.86	0
mo-miR-352	4.13	4.33	4.52	5.34	5.13	4.36	4.63	100	4.82	100	4.03	100	4.86	100
mo-miR-421	-0.38	0.45	0.98	0.56	1.37	0.35	0.55	0	0.82	13	0.20	0	0.63	0
mo-miR-7-AS	2.62	1.66	2.19	1.50	2.37	2.19	2.09	50	1.05	13	1.36	17	1.56	60
hsa-miR-522	-0.03	0.17	0.59	0.66	1.14	1.32	0.64	0	0.41	13	0.54	0	0.82	0
hsa-miR-519b	1.16	1.21	1.11	0.47	0.14	1.22	0.89	0	0.98	13	1.05	17	0.58	0
hsa-miR-520c	-0.15	0.59	0.98	0.92	0.29	1.66	0.71	0	0.35	0	0.80	17	0.70	0
hsa-miR-519e	1.04	-0.60	0.19	0.84	0.44	1.12	0.50	0	0.70	0	1.33	17	0.59	0
hsa-miR-519d	0.79	0.85	0.83	1.66	1.14	0.88	1.03	0	0.38	13	1.41	33	0.33	0
hsa-miR-520b	-0.03	0.04	0.90	1.01	0.44	1.32	0.61	0	1.18	25	1.26	0	0.48	0
hsa-miR-519c	0.10	0.17	0.67	1.37	-0.26	0.35	0.40	0	0.74	25	0.65	0	0.66	0
hsa-miR-526b-AS	0.65	0.72	1.11	0.37	1.37	0.49	0.79	0	0.08	0	0.80	33	0.58	0
hsa-miR-520e	0.23	0.31	0.35	0.01	0.00	0.88	0.30	0	0.58	13	0.58	0	0.60	0
hsa-miR-520a	0.92	0.72	0.98	0.75	0.88	1.50	0.96	0	0.50	13	1.71	50	0.47	0
hsa-miR-520d	0.92	0.85	0.67	0.56	1.37	-0.15	0.70	0	0.84	0	1.76	50	0.52	0
hsa-miR-520h	1.04	0.59	1.05	0.66	0.29	0.75	0.73	0	0.82	13	1.10	0	0.11	0
hsa-miR-517a	1.27	1.10	0.83	1.31	1.47	1.22	1.20	0	0.73	13	1.76	33	0.45	0
hsa-miR-518e	0.51	0.85	0.67	0.66	-0.91	0.88	0.44	0	0.71	13	0.30	0	0.41	0
hsa-miR-521	0.79	0.17	0.43	0.10	0.59	1.12	0.53	0	0.50	0	1.21	17	0.56	0
hsa-miR-523	0.92	0.72	1.24	0.75	0.59	1.32	0.92	0	0.92	0	1.29	17	0.63	0

hsa-miR-518f	-0.15	0.72	1.11	0.66	1.47	0.35	0.69	0	0.53	0	1.57	33	0.90	0
hsa-miR-518c	1.63	0.85	0.27	0.01	1.65	0.88	0.88	0	0.41	0	1.09	17	0.38	0
hsa-miR-518b	1.27	0.31	1.30	1.37	0.88	0.75	0.98	0	0.64	0	1.45	17	0.78	0
hsa-miR-518d	0.37	-0.41	0.98	0.75	0.29	1.32	0.55	0	0.19	0	-0.17	0	0.80	20
hsa-miR-525-AS	1.97	0.17	0.98	0.19	0.29	0.75	0.73	0	-0.12	0	-0.09	0	0.51	0
hsa-miR-524	0.37	0.98	1.47	0.37	1.01	-0.03	0.70	0	1.21	13	0.98	0	0.82	0
hsa-miR-518a	-0.03	0.72	0.27	0.01	1.01	1.32	0.55	0	0.46	0	0.94	0	0.50	0
hsa-miR-515-3p	1.04	0.72	0.59	0.47	1.01	0.22	0.68	0	0.91	0	0.37	0	0.55	0
hsa-miR-516-3p	1.27	1.58	0.11	1.44	1.47	0.62	1.08	0	0.66	0	0.16	0	0.72	0
ambi-miR-7026	1.04	0.31	0.67	0.56	0.29	0.75	0.60	0	0.13	0	0.88	17	0.02	0
ambi-miR-7027	-0.15	0.72	1.47	0.84	0.74	-0.03	0.60	0	1.25	38	0.83	17	1.11	20
hsa-miR-512-3p	1.16	1.66	0.83	1.01	0.59	0.75	1.00	0	1.17	13	0.96	0	1.31	20
ambi-miR-7029	1.16	1.31	0.75	1.16	1.14	0.49	1.00	0	5.30	100	5.26	100	5.58	100
hsa-miR-491	3.15	2.71	2.48	2.13	2.49	2.44	2.57	83	2.49	100	2.44	100	2.64	100
hsa-miR-506	0.79	1.50	0.83	1.16	1.14	1.00	1.07	0	1.39	63	0.65	17	1.25	40
hsa-miR-514	-0.03	0.59	0.67	0.47	-0.13	0.35	0.32	0	0.66	0	-0.08	0	0.31	0
hsa-miR-509	1.04	1.58	0.83	0.19	1.56	1.66	1.14	0	1.32	13	1.50	0	1.28	40
hsa-miR-508	0.10	1.50	0.75	0.75	-0.13	0.88	0.64	0	0.99	13	1.69	33	1.01	20
hsa-miR-507	0.10	-0.20	0.75	0.84	0.88	1.50	0.64	0	0.05	0	-0.04	0	0.82	0
ambi-miR-7036	1.04	0.17	0.83	1.44	0.59	0.22	0.72	0	1.30	38	1.45	17	1.84	60
hsa-miR-193b	5.10	4.62	6.00	4.76	4.67	5.32	5.08	100	3.11	100	3.17	100	3.00	100
ambi-miR-7038-1	1.27	0.85	0.90	1.44	0.59	1.12	1.03	0	0.18	0	0.74	0	0.52	0
ambi-miR-7039	2.97	3.89	3.45	2.84	2.49	2.57	3.04	100	2.84	88	2.94	100	2.66	100
hsa-miR-488	0.37	1.10	0.59	1.01	-0.37	0.62	0.55	0	0.95	25	0.83	0	1.03	20
hsa-miR-510	0.37	1.10	0.90	1.16	1.37	0.35	0.88	0	0.56	13	0.41	0	1.16	40
hsa-miR-517-AS	1.37	0.72	0.59	1.01	0.29	1.32	0.88	0	0.75	13	1.05	0	0.70	0
hsa-miR-518f-AS	1.04	0.98	1.30	0.92	0.29	0.35	0.81	0	1.01	13	0.87	17	0.39	0
hsa-miR-518c-AS	2.71	2.33	1.66	2.29	2.49	2.54	2.34	83	2.71	100	2.58	100	2.55	100
hsa-miR-526c	1.04	1.41	1.05	0.66	0.29	0.35	0.80	0	0.12	0	0.39	0	0.72	0
hsa-miR-526b	1.71	2.10	1.47	1.01	1.47	1.87	1.60	17	1.64	50	1.78	33	1.98	60

hsa-miR-520a- AS	0.79	0.85	0.75	0.56	1.14	-0.26	0.64	0	-0.12	0	0.09	0	0.27	0
hsa-miR-525	1.55	1.31	0.83	0.66	1.37	1.66	1.23	0	0.65	13	0.17	0	1.13	0
hsa-miR-524- AS	1.16	0.98	0.35	0.37	1.37	0.09	0.72	0	0.89	13	0.97	0	0.90	0
hsa-miR-520d- AS	0.10	1.21	0.51	1.09	1.14	2.09	1.02	0	1.02	0	1.58	50	1.07	20
hsa-miR-527	1.16	0.85	0.43	1.24	0.59	1.00	0.88	0	1.04	13	1.77	50	1.29	20
hsa-miR-515-5p	0.23	1.21	0.67	0.84	1.26	0.49	0.78	0	0.40	13	0.82	0	0.76	0
hsa-miR-519e- AS	1.16	0.17	0.27	1.09	1.14	0.49	0.72	0	0.76	0	0.88	0	0.65	0
ambi-miR-7054	1.04	0.85	0.83	0.28	0.74	0.75	0.75	0	0.97	13	0.36	0	0.87	0
ambi-miR-7055	-0.15	0.59	0.67	0.75	0.88	1.12	0.64	0	0.82	13	1.56	33	0.58	0
hsa-miR-498	1.55	1.41	1.11	1.01	1.01	1.42	1.25	0	1.03	25	1.64	0	0.88	0
hsa-miR-513	4.04	3.76	2.62	4.17	3.49	3.74	3.64	100	3.98	100	4.29	100	4.28	100
ambi-miR-7058	4.64	4.76	5.44	4.61	4.86	4.81	4.85	100	4.13	100	3.97	100	4.03	100
ambi-miR- 7059-1	1.04	0.59	0.11	0.37	1.14	0.88	0.69	0	0.14	0	0.36	0	0.28	0
hsa-miR-452	1.46	1.66	3.89	2.34	2.73	2.36	2.41	67	3.42	100	2.27	67	2.48	100
hsa-miR-493	1.91	1.58	0.19	0.37	0.88	0.88	0.97	0	1.63	63	1.83	50	1.53	20
ambi-miR-7062	1.85	1.80	1.30	1.09	1.80	1.42	1.54	17	1.43	25	1.68	17	1.43	20
hsa-miR-432	2.58	2.10	1.52	2.09	2.37	2.57	2.21	67	3.11	100	3.36	100	3.09	100
hsa-miR-495	-0.03	0.85	0.35	1.01	1.80	-0.37	0.60	0	2.15	100	2.00	67	2.25	100
hsa-miR-494	4.62	4.75	3.41	5.40	4.32	4.49	4.50	100	5.17	100	6.89	100	7.07	100
ambi-miR-7066	1.04	-0.08	0.04	0.84	0.14	0.49	0.41	0	1.16	38	0.80	0	0.81	20
ambi-miR-7067	0.79	1.10	0.98	0.84	1.37	1.59	1.11	0	1.42	50	1.67	50	1.25	40
ambi-miR- 7068-1	1.16	0.72	1.18	-0.08	-0.26	0.88	0.60	0	0.30	0	0.40	0	0.62	0
hsa-miR-496	1.55	0.72	0.83	1.01	0.29	1.32	0.95	0	0.61	13	0.37	0	0.41	0
ambi-miR-7070	-0.15	0.59	0.35	0.47	1.14	1.66	0.68	0	1.63	63	2.09	67	2.06	80
hsa-miR-492	0.37	0.59	-0.18	1.31	1.01	1.00	0.68	0	0.50	0	-0.30	0	0.85	0
hsa-miR-490	0.65	1.21	0.98	0.56	0.44	1.22	0.84	0	0.40	0	1.24	17	0.38	0
hsa-miR-497	1.78	2.10	1.30	1.44	2.45	2.54	1.94	50	4.86	100	5.20	100	3.99	100
ambi-miR-7074	0.10	0.04	0.83	1.16	1.56	0.62	0.72	0	0.48	0	0.96	17	0.42	0
ambi-miR-7075	2.23	2.15	2.16	2.34	1.65	1.50	2.01	67	2.29	100	2.25	83	2.26	100

ambi-miR-7076	2.74	3.38	2.50	3.70	2.73	2.60	2.94	100	2.77	100	2.31	100	2.46	100
hsa-miR-501	1.16	1.99	1.71	1.37	0.88	1.80	1.48	17	1.43	25	1.43	33	1.34	20
hsa-miR-502	1.55	1.80	1.42	1.81	1.80	1.66	1.67	17	1.29	25	1.75	33	1.15	0
ambi-miR-7079	1.27	1.10	1.24	2.61	1.47	1.12	1.47	17	1.87	75	1.89	67	1.52	20
ambi-miR-7080	1.71	0.59	1.05	0.92	1.73	0.75	1.12	0	1.27	0	0.80	0	0.98	0
ambi-miR-7081	1.55	1.41	0.98	0.92	0.88	1.22	1.16	0	2.15	100	2.22	67	1.64	40
hsa-miR-202-	0.65	0.31	0.35	0.75	0.59	0.62	0.54	0	0.06	0	0.57	17	0.65	0
AS														
ambi-miR-7083	2.40	4.03	0.35	0.56	3.05	2.40	2.13	67	3.25	100	2.82	100	2.89	100
ambi-miR-7084	0.79	0.72	1.05	1.31	0.59	1.00	0.91	0	1.09	13	1.59	33	1.09	20
ambi-miR-7085	1.71	0.98	0.90	1.44	0.59	1.50	1.19	0	1.08	25	1.48	33	0.75	0
ambi-miR-7086	2.09	2.77	1.79	0.66	1.56	1.22	1.68	17	0.95	38	0.31	0	1.44	20
hsa-miR-512-5p	0.51	0.98	0.83	1.56	0.44	0.35	0.78	0	0.39	0	0.34	17	0.72	20
hsa-miR-504	0.23	0.17	0.51	0.10	0.14	0.35	0.25	0	0.32	0	-0.03	0	0.84	0
ambi-miR-7089	0.37	0.85	1.18	1.37	1.37	0.75	0.98	0	0.89	13	1.19	17	1.30	0
hsa-miR-511	0.92	1.10	1.30	0.75	0.29	0.22	0.76	0	0.31	13	0.20	0	0.63	0
hsa-miR-452-	1.27	0.45	2.34	1.66	1.94	1.12	1.46	17	1.75	75	0.12	0	1.35	20
AS														
hsa-miR-503	3.60	4.94	3.82	1.50	1.37	0.22	2.57	50	2.76	100	1.99	67	1.73	40
hsa-miR-485-5p	0.79	1.41	0.90	0.92	1.01	1.74	1.13	0	1.64	75	1.55	0	1.47	40
hsa-miR-499	1.27	0.85	0.98	1.01	1.37	-0.03	0.91	0	1.07	13	1.55	50	1.25	20
ambi-miR-7095	1.16	1.21	0.83	0.47	1.47	1.32	1.08	0	1.03	13	1.14	17	0.67	0
hsa-miR-505	2.58	3.81	2.93	2.09	1.94	1.66	2.50	50	1.88	75	1.45	17	1.16	20
ambi-miR-7097	1.16	1.10	0.98	1.56	1.26	1.00	1.17	0	0.65	13	0.57	0	0.81	0
ambi-miR-7098	2.19	0.04	0.98	0.92	2.23	0.62	1.16	33	0.73	0	0.24	0	0.48	0
hsa-miR-489	0.92	1.41	0.04	0.84	0.00	-0.46	0.46	0	1.25	38	0.11	0	1.23	0
ambi-miR-7100	0.23	0.04	0.11	0.84	1.01	1.12	0.56	0	1.45	63	1.44	17	2.13	80
ambi-miR-7101	1.16	0.72	0.83	0.66	-0.26	0.88	0.66	0	0.57	0	1.67	17	0.56	0
hsa-miR-432-	0.79	1.31	0.11	0.75	1.37	0.62	0.82	0	0.64	0	0.83	17	0.55	0
AS														
ambi-miR-7103	1.71	0.31	1.94	1.16	1.01	1.12	1.21	0	0.95	25	1.60	33	0.59	0
hsa-miR-500	1.78	2.55	2.24	2.29	1.65	1.59	2.02	50	2.19	88	2.11	83	1.80	60
ambi-miR-7105	2.40	2.37	3.47	2.45	2.70	3.27	2.78	100	2.99	100	2.10	67	2.42	100
TV**	2.09	1.66	1.94	2.1	2.12	2.28	2.04							
miRNAs >	144	161	144	6	12	137	133	141						
TV***					9									
%*	38.2	42.7	38.2	34.	36.3	35.3	37.5							

\*、閾値を上回るmiRNAのパーセンテージ；\*\*、閾値；\*\*\*、閾値を上回るmiRNAの数；CL=細胞株；Ca=PDAC；Ch=慢性膵炎；N=正常。

【0199】

実施例3：

### 膵臓のmiRNome

正常膵臓におけるmiRNAの発現に関する包括的データセットは現在入手できないので、発明者らは最初に正常膵臓のmiRNomeを解析した。全5種類の正常膵臓試料について約190種類のmiRNAがバックグラウンドシグナル以上に再現性よく検出された（表3、平均（N）>50

2)。これらには、158種類の詳細に解析されたヒトmiRNA、およびマウスまたはラットで同定済みの21種類のmiRNAが含まれる。加えて、6種類の新規ヒトmiRNA ( Ambi-miR-7029、-7039、-7058、-7076、-7083、および-7105) が検出された。Ambi-miR-7029および-7058は、極めて有意な発現レベルを示した (平均 (N)>4)。発明者らは次に、5つの正常臍臓組織試料と、同じアレイプラットフォームで解析された33の異なるヒト組織からなる標準セット間における発現データの大規模な比較を実施した。データは、各試料における平均発現レベルのグローバルグラフ提示に要約されている (図2)。ヒトの標準セットは、以下の33の異なる組織から単離されたFirstChoice (登録商標) Total RNA試料 (Ambion) からなる：脂肪、副腎、大動脈、膀胱、骨髄、脳、乳房、頸部、結腸、十二指腸、食道、卵管、心臓、回腸、空腸、腎臓、肝臓、肺、リンパ節、筋肉、卵巣、下垂体、胎盤、前立腺、小腸、脾臓、胃、睾丸、胸腺、甲状腺、気管、子宮、および大静脈。

10

20

#### 【0200】

統計解析から、大半のmiRNAが両方の試料セットにおいて類似の平均発現レベルを有すること、ならびに全ての組織タイプで強く発現されていることが既知の多くのmiRNA ( 例えば、hsa-miR-16、-21、-24、-26、およびlet-7のファミリーの成員 ) も臍臓に極めて豊富に存在することがわかった ( 表5 )。しかしながら、複数のmiRNA ( hsa-miR-141、-148a、-200a、-200b、-200c、-216、-217、および-375 ) は、臍臓に高濃度で存在するのに対し、 ( hsa-miR-133a、-143、-145、および-150 ) 他のmiRNAは、発明者らの正常臍臓組織セットに、より低いレベルで存在することがわかった ( 表5 )。特にmiR-133aは、発明者らの標準セットの全ての組織に有意な発現レベルで検出されたが、5つの正常臍臓組織には検出されなかった。さらに、miR-216および217は、臍臓に本質的に特異的であり、標準セットにおける平均発現レベルおよび標準偏差が低いことがわかった ( 表5 )。両方のmiRNAが有意なレベルで検出された他の唯一の組織は十二指腸であったが、発現レベルは臍臓より15～25倍低かった。

20

#### 【0201】

( 表5 ) 5つの正常臍臓試料 ( N ) および33の標準組織試料 ( 標準 ) の標準化されたアレイデータ

miRの名称	標準			N		Δ (N- 標準)	
	%*	平均	S.D.	%*	平均		
hsa-miR-133a	100	7.49	2.09	0	2.86	0.83	-4.63
hsa-miR-150	97	6.75	1.42	60	3.77	0.84	-2.97
hsa-miR-145	100	10.83	0.91	100	8.32	0.36	-2.51
hsa-miR-378	94	4.98	1.04	0	2.50	0.95	-2.49
hsa-miR-143	100	10.46	0.95	100	8.02	0.31	-2.43
hsa-miR-1	97	6.58	2.40	80	4.25	0.15	-2.34
hsa-miR-324-3p	100	5.72	0.40	40	3.48	0.50	-2.24
hsa-miR-422b	100	7.64	1.24	100	5.45	0.56	-2.19
ambi-miR-7079	100	5.74	1.03	20	3.59	0.20	-2.15
hsa-miR-205	42	4.63	2.91	20	2.54	1.43	-2.09
hsa-miR-422a	97	6.66	1.34	100	4.64	0.23	-2.02
hsa-miR-505	97	5.10	0.65	20	3.10	0.98	-2.00
hsa-miR-128a	100	6.20	1.18	80	4.22	0.47	-1.98
hsa-miR-222	100	7.90	0.82	100	5.94	0.50	-1.96
hsa-miR-187	58	4.40	1.76	20	2.46	1.09	-1.94
hsa-miR-196b	48	4.16	1.98	0	2.31	0.85	-1.86
mmu-miR-140-AS	100	7.41	0.70	100	5.63	0.54	-1.78
hsa-miR-100	100	8.88	0.82	100	7.17	0.34	-1.71
hsa-miR-99a	100	9.07	1.01	100	7.38	0.40	-1.70
hsa-miR-139	97	5.81	1.24	100	4.15	0.29	-1.66
hsa-miR-328	76	4.02	0.72	0	2.39	0.79	-1.63
hsa-miR-125b	100	9.59	0.77	100	7.96	0.18	-1.63
hsa-miR-331	94	5.54	0.68	80	3.98	0.54	-1.56
hsa-miR-197	97	5.35	0.63	40	3.79	0.16	-1.56
hsa-miR-125a	100	8.87	0.72	100	7.33	0.29	-1.55
hsa-miR-124a	27	3.12	1.72	0	1.62	0.93	-1.50
hsa-miR-423	100	6.54	0.50	100	5.08	0.48	-1.46
hsa-miR-193b	100	6.48	1.03	100	5.03	0.21	-1.45
hsa-miR-221	100	8.46	0.83	100	7.02	0.32	-1.44
hsa-miR-345	91	4.64	0.61	40	3.23	0.48	-1.41
ambi-miR-7029	100	8.94	1.58	100	7.58	0.66	-1.36
hsa-miR-223	100	7.82	1.11	100	6.48	0.67	-1.34
hsa-miR-204	91	5.18	1.44	60	3.88	0.37	-1.30
hsa-miR-497	100	7.28	0.64	100	6.00	0.26	-1.27
hsa-miR-99b	100	7.40	0.62	100	6.13	0.44	-1.27
hsa-miR-10b	94	7.80	1.71	100	6.55	0.19	-1.25
hsa-miR-155	100	6.52	1.10	100	5.29	1.06	-1.23
ambi-miR-7085	64	3.83	0.56	0	2.62	0.58	-1.21
hsa-miR-132	100	6.30	0.99	100	5.10	0.81	-1.20
hsa-miR-500	88	5.03	0.65	60	3.84	0.68	-1.19
hsa-miR-15b	100	8.34	0.64	100	7.18	0.39	-1.17
hsa-miR-224	94	5.77	1.16	100	4.61	0.38	-1.16
ambi-miR-7081	97	4.83	0.60	40	3.71	0.28	-1.13
hsa-miR-126	100	10.24	0.48	100	9.12	0.17	-1.13
hsa-miR-23a	100	10.03	0.56	100	8.91	0.26	-1.12
hsa-miR-181a	100	8.11	0.84	100	7.01	0.20	-1.11
hsa-miR-330	30	3.25	0.89	0	2.16	1.12	-1.09

10

20

30

40

hsa-miR-93	100	7.92	0.56	100	6.83	0.30	-1.09
hsa-miR-503	85	4.88	1.25	40	3.79	0.54	-1.09
hsa-miR-146a	100	6.93	0.96	100	5.86	0.49	-1.07
ambi-miR-7105	100	5.52	0.49	100	4.47	0.26	-1.05
hsa-miR-23b	100	10.21	0.59	100	9.16	0.32	-1.05
hsa-miR-425	94	4.50	0.34	40	3.46	0.52	-1.04
hsa-miR-206	64	4.57	2.20	40	3.54	0.32	-1.04
hsa-miR-517a	15	3.03	1.69	0	2.01	1.07	-1.02
hsa-miR-34c	30	3.37	1.95	0	2.35	0.49	-1.02
hsa-miR-107	100	8.83	0.38	100	7.82	0.29	-1.01
ambi-miR-7083	94	5.94	1.01	100	4.93	0.57	-1.01
hsa-miR-149	67	3.90	0.79	20	2.90	0.63	-1.00
hsa-miR-103	100	8.86	0.38	100	7.86	0.30	-1.00
hsa-miR-339	100	5.46	0.77	100	4.48	0.25	-0.99
hsa-miR-189	94	4.80	0.73	80	3.85	0.70	-0.95
hsa-miR-92	100	7.76	0.54	100	6.82	0.25	-0.94
ambi-miR-7055	24	3.31	1.37	0	2.37	0.64	-0.94
mmu-miR-322	0	2.32	0.42	0	1.40	0.74	-0.92
ambi-miR-7103	39	3.30	0.51	0	2.38	0.57	-0.91
hsa-miR-212	52	3.69	0.76	20	2.78	0.71	-0.91
hsa-miR-361	100	7.36	0.46	100	6.45	0.30	-0.90
hsa-miR-199a	100	8.24	0.89	100	7.35	0.38	-0.90
hsa-miR-191	100	8.64	0.32	100	7.75	0.30	-0.89
hsa-miR-9-AS	61	3.87	1.11	20	2.98	0.76	-0.89
hsa-miR-214	100	7.54	0.89	100	6.65	0.45	-0.89
ambi-miR-7101	24	3.15	0.92	0	2.33	0.58	-0.82
hsa-miR-196a	48	3.85	1.92	0	3.05	0.89	-0.80
hsa-miR-213	18	2.76	0.67	0	1.97	0.91	-0.79
hsa-miR-520h	6	2.25	0.90	0	1.48	0.76	-0.77
hsa-miR-195	100	8.89	0.74	100	8.12	0.42	-0.77
hsa-let-7i	100	9.07	0.49	100	8.31	0.28	-0.76
hsa-miR-126-AS	100	6.64	0.54	100	5.92	0.33	-0.72
hsa-miR-16	100	10.69	0.46	100	9.99	0.17	-0.70
hsa-miR-18a	94	5.32	0.92	100	4.63	0.29	-0.70
hsa-miR-514	18	2.59	1.59	0	1.90	0.39	-0.69
hsa-miR-498	36	3.52	0.96	0	2.83	0.41	-0.69
hsa-miR-24	100	9.84	0.55	100	9.15	0.28	-0.69
mmu-miR-291-5p	15	3.14	0.61	0	2.45	1.08	-0.69
hsa-miR-140	100	5.94	0.51	100	5.26	0.27	-0.68
ambi-miR-7076	91	5.20	0.66	100	4.52	0.40	-0.68
hsa-miR-324-5p	64	3.55	0.50	0	2.88	0.58	-0.67
hsa-miR-519d	6	2.52	1.31	0	1.85	1.13	-0.67
mmu-miR-384	3	1.95	0.56	0	1.29	0.65	-0.66
ambi-miR-7068-1	18	3.03	1.07	0	2.38	0.82	-0.65
hsa-miR-320	100	8.35	0.47	100	7.70	0.25	-0.65
ambi-miR-7026	6	1.93	1.01	0	1.28	0.40	-0.65
hsa-miR-181b	100	7.01	0.80	100	6.36	0.31	-0.65
hsa-miR-181c	94	4.74	0.73	80	4.10	0.26	-0.64
hsa-miR-10a	94	7.54	1.54	100	6.93	0.22	-0.61
rno-miR-151-AS	100	7.65	0.47	100	7.05	0.38	-0.61
hsa-miR-27a	100	9.47	0.54	100	8.87	0.20	-0.60
hsa-miR-490	21	2.64	0.78	0	2.04	0.46	-0.60

10

20

30

40

hsa-miR-502	76	3.77	0.49	0	3.17	0.35	-0.60
mmu-miR-346	3	2.48	0.59	0	1.89	0.60	-0.59
hsa-miR-199a-AS	100	8.99	0.84	100	8.43	0.33	-0.55
hsa-miR-9	21	2.75	1.30	0	2.19	0.96	-0.55
ambi-miR-7075	91	4.87	0.58	100	4.32	0.23	-0.55
hsa-miR-495	97	4.85	0.99	100	4.31	0.14	-0.55
hsa-miR-22	100	9.33	0.66	100	8.79	0.20	-0.54
ambi-miR-7058	100	6.58	0.32	100	6.04	0.21	-0.54
hsa-miR-412	0	1.69	0.66	0	1.15	0.55	-0.54
hsa-miR-31	94	6.44	1.69	100	5.91	0.19	-0.53
hsa-miR-326	27	3.14	0.41	0	2.61	0.29	-0.53
hsa-miR-520d	9	2.74	1.03	0	2.23	0.77	-0.51
hsa-miR-185	100	6.73	0.61	100	6.26	0.25	-0.47
mmu-miR-34b	27	3.44	1.31	0	2.97	0.47	-0.47
mmu-miR-292-3p	0	2.34	0.40	0	1.89	1.09	-0.44
hsa-miR-152	100	7.18	0.48	100	6.75	0.31	-0.43
hsa-miR-449	18	3.03	1.80	0	2.62	0.61	-0.41
hsa-miR-138	42	3.34	1.21	0	2.93	0.40	-0.40
hsa-miR-142-5p	88	4.79	0.89	80	4.39	0.37	-0.40
hsa-miR-17-5p	100	8.54	0.60	100	8.15	0.24	-0.40
hsa-miR-509	24	3.67	1.64	40	3.29	0.55	-0.38
hsa-miR-29a	100	9.92	0.52	100	9.55	0.17	-0.38
hsa-miR-380-5p	0	2.08	0.59	0	1.71	0.70	-0.37
hsa-miR-106b	100	7.35	0.46	100	6.98	0.19	-0.37
hsa-miR-106a	100	8.66	0.62	100	8.30	0.20	-0.36
hsa-miR-342	100	8.43	0.57	100	8.07	0.15	-0.36
hsa-miR-373-AS	94	4.40	0.57	80	4.06	0.17	-0.35
ambi-miR-7074	0	2.44	0.34	0	2.10	0.64	-0.34
hsa-miR-218	100	5.90	0.76	100	5.56	0.35	-0.34
hsa-miR-517-AS	6	2.64	0.77	0	2.32	1.34	-0.33
mmu-miR-106a	100	8.05	0.61	100	7.72	0.27	-0.33
hsa-miR-515-3p	12	2.53	1.05	0	2.23	0.84	-0.30
mmu-miR-351	3	2.83	0.33	20	2.54	1.03	-0.29
hsa-miR-17-3p	85	4.66	0.54	100	4.36	0.20	-0.29
hsa-miR-337	3	2.36	0.46	0	2.07	1.02	-0.29
ambi-miR-7059-1	3	2.09	0.67	0	1.80	0.80	-0.28
hsa-miR-452	97	4.81	0.86	100	4.53	0.11	-0.28
hsa-miR-137	15	2.57	1.32	0	2.31	0.18	-0.27
hsa-miR-370	97	4.91	0.41	100	4.66	0.12	-0.26
hsa-miR-25	100	7.68	0.54	100	7.43	0.23	-0.25
mmu-miR-17-3p	64	3.77	0.64	20	3.52	0.12	-0.24
hsa-miR-373	9	2.70	0.64	0	2.45	0.64	-0.24
mmu-miR-199b	97	6.63	0.94	100	6.39	0.47	-0.24
rno-miR-20-AS	0	2.16	0.52	0	1.93	0.80	-0.23
mmu-miR-155	85	4.92	1.16	100	4.69	0.97	-0.23
mmu-miR-345	58	3.45	0.35	20	3.22	0.41	-0.22
ambi-miR-7038-1	9	2.45	1.57	0	2.23	0.76	-0.22
hsa-miR-496	0	2.13	0.56	0	1.92	1.32	-0.21
ambi-miR-7027	33	3.27	0.57	20	3.06	0.82	-0.21
hsa-miR-323	15	2.75	1.18	0	2.54	0.72	-0.21
mmu-miR-202	91	4.88	0.80	100	4.69	0.18	-0.20
hsa-miR-30c	100	8.97	0.56	100	8.77	0.23	-0.20

10

20

30

40

hsa-miR-26a	100	11.18	0.35	100	11.00	0.31	-0.19	
hsa-miR-518f-AS	6	2.22	0.59	0	2.03	0.85	-0.18	
hsa-miR-519b	6	2.29	1.04	0	2.12	1.29	-0.18	
hsa-miR-523	6	2.48	1.03	0	2.31	0.91	-0.17	
rno-miR-327	88	4.37	0.47	80	4.20	0.16	-0.17	
hsa-miR-520a-AS	3	1.86	0.59	0	1.70	0.85	-0.16	
hsa-miR-367	0	2.25	0.37	0	2.09	1.08	-0.15	
hsa-miR-28	100	6.98	0.43	100	6.83	0.33	-0.15	
hsa-miR-20a	100	7.78	0.63	100	7.64	0.20	-0.14	
hsa-miR-485-5p	64	3.61	0.57	40	3.47	0.73	-0.14	
hsa-miR-19b	100	8.64	0.53	100	8.50	0.24	-0.14	
mmu-miR-101b	24	3.11	0.59	20	2.97	1.24	-0.14	
hsa-miR-151	100	6.16	0.36	100	6.03	0.25	-0.13	
mmu-miR-300	58	3.52	0.36	40	3.40	0.96	-0.12	
hsa-miR-34a	100	7.40	0.67	100	7.30	0.53	-0.10	
hsa-miR-452-AS	45	3.49	0.88	20	3.39	0.30	-0.10	
mmu-miR-409	82	4.28	0.94	100	4.18	0.27	-0.10	
hsa-miR-127	45	3.66	0.98	40	3.57	0.59	-0.09	
hsa-miR-491	100	4.78	0.61	100	4.69	0.16	-0.09	
hsa-miR-380-3p	6	2.13	1.08	0	2.04	1.00	-0.09	
hsa-miR-519e-AS	6	2.56	0.79	0	2.47	0.60	-0.09	
hsa-miR-489	33	3.32	0.94	0	3.23	0.50	-0.08	
hsa-miR-518c	3	2.02	0.78	0	1.93	0.95	-0.08	
ambi-miR-7098	0	2.23	0.43	0	2.14	0.79	-0.08	
ambi-miR-7086	58	3.56	0.70	20	3.49	0.32	-0.07	
hsa-miR-372	6	2.17	1.00	20	2.11	1.31	-0.06	
mmu-miR-294	27	3.17	0.37	20	3.12	0.36	-0.05	
hsa-miR-184	82	4.33	0.48	100	4.28	0.14	-0.05	
hsa-miR-499	24	3.32	1.59	20	3.27	0.39	-0.05	
ambi-miR-7080	9	2.98	0.98	0	2.93	0.48	-0.05	
mmu-miR-329	3	2.59	0.35	0	2.55	0.69	-0.04	
hsa-miR-27b	100	9.51	0.64	100	9.47	0.31	-0.04	
hsa-miR-210	97	5.84	0.73	100	5.80	0.28	-0.04	
hsa-miR-346	3	2.34	0.56	0	2.31	0.52	-0.04	
hsa-miR-340	24	3.05	0.55	0	3.01	0.29	-0.03	
hsa-miR-193a	82	4.29	0.70	80	4.26	0.30	-0.03	
hsa-miR-527	21	3.34	0.98	20	3.31	0.44	-0.03	
hsa-miR-30d	100	9.11	0.46	100	9.08	0.21	-0.03	
hsa-miR-188	73	3.88	0.42	60	3.86	0.24	-0.02	
mmu-miR-380-3p	9	2.44	0.60	0	2.42	1.11	-0.02	
hsa-miR-211	0	1.99	0.48	0	1.97	1.17	-0.02	
hsa-miR-302b-AS	3	1.74	0.73	0	1.72	1.09	-0.02	
mmu-miR-424	61	4.01	1.24	80	4.00	0.74	-0.02	
hsa-miR-30b	100	8.86	0.50	100	8.84	0.24	-0.02	
hsa-miR-302d	3	2.41	0.59	0	2.39	1.08	-0.02	
mmu-miR-290	88	4.32	0.47	100	4.32	0.11	0.00	
rno-miR-7-AS	55	3.62	0.49	60	3.63	0.29	0.01	
hsa-miR-296	30	3.34	0.78	0	3.35	0.57	0.01	
mmu-miR-129-3p	33	3.41	1.05	0	3.43	0.42	0.01	
hsa-miR-521	3	2.26	1.04	0	2.27	0.70	0.01	
hsa-miR-518c-AS	91	4.58	0.49	100	4.60	0.12	0.02	
hsa-miR-520d-AS	15	3.05	1.07	20	3.07	0.59	0.02	

10

20

30

40

hsa-miR-129	33	3.45	0.80	0	3.47	0.47	0.02
hsa-miR-144	3	2.03	0.86	0	2.06	1.24	0.03
hsa-miR-524-AS	15	2.83	1.01	0	2.86	0.44	0.03
hsa-miR-526c	9	2.51	0.73	0	2.55	0.71	0.03
hsa-miR-432	97	5.09	0.87	100	5.12	0.28	0.03
hsa-miR-186	100	5.66	0.45	100	5.70	0.28	0.04
ambi-miR-7097	9	2.68	0.42	0	2.72	0.54	0.05
mmu-miR-151	100	5.07	0.52	100	5.12	0.26	0.05
hsa-miR-122a	82	4.42	1.48	100	4.47	0.14	0.05
hsa-miR-15a	100	8.08	0.51	100	8.14	0.14	0.06
hsa-miR-432-AS	3	2.12	0.66	0	2.18	1.26	0.06
hsa-miR-511	6	2.32	1.03	0	2.38	0.91	0.06
hsa-miR-302a	0	2.52	0.57	0	2.58	0.89	0.06
hsa-let-7g	100	9.46	0.52	100	9.52	0.28	0.06
hsa-miR-504	15	2.67	0.63	0	2.74	0.53	0.07
hsa-miR-199b	97	6.30	1.23	100	6.37	0.18	0.07
hsa-miR-520b	6	2.06	0.83	0	2.13	0.67	0.08
hsa-miR-518a	6	2.12	0.81	0	2.20	0.90	0.08
hsa-miR-450	18	2.73	0.72	20	2.82	0.66	0.09
ambi-miR-7084	12	2.98	1.05	20	3.07	0.49	0.09
ambi-miR-7067	30	3.18	0.80	40	3.28	0.38	0.09
hsa-let-7a	100	11.25	0.38	100	11.35	0.30	0.10
hsa-miR-219	21	3.08	1.01	0	3.19	0.40	0.11
hsa-miR-381	70	4.04	0.73	60	4.15	0.42	0.11
hsa-miR-299-5p	76	4.17	0.88	100	4.28	0.12	0.11
hsa-miR-383	30	3.15	0.77	20	3.26	0.72	0.11
ambi-miR-7066	15	2.51	1.09	20	2.63	1.06	0.11
hsa-miR-516-3p	9	2.34	0.59	0	2.46	0.90	0.12
ambi-miR-7095	6	2.34	0.65	0	2.46	0.69	0.12
hsa-miR-135b	6	2.39	0.64	0	2.52	0.91	0.13
hsa-miR-220	6	2.42	0.50	0	2.55	0.53	0.13
ambi-miR-7036	61	3.77	0.98	60	3.90	0.36	0.13
rno-miR-347	39	3.47	0.61	40	3.60	0.52	0.13
hsa-miR-198	100	5.58	0.44	100	5.72	0.21	0.14
hsa-miR-519e	6	2.22	0.93	0	2.36	0.69	0.14
hsa-miR-520a	3	2.05	0.51	0	2.19	0.46	0.15
rno-miR-346	6	2.75	0.47	0	2.89	0.40	0.15
hsa-miR-506	18	3.07	1.20	40	3.22	0.71	0.15
hsa-miR-147	0	2.60	0.38	20	2.75	1.01	0.15
ambi-miR-7062	30	3.32	0.51	20	3.48	0.24	0.16
ambi-miR-7070	67	3.97	0.93	80	4.13	0.60	0.16
hsa-miR-525-AS	3	2.02	0.97	0	2.19	0.88	0.17
hsa-miR-136	3	2.20	0.67	0	2.36	0.50	0.17
mmu-miR-298	100	5.52	0.47	100	5.69	0.09	0.17
mmu-miR-293	0	2.21	0.48	0	2.38	0.41	0.17
hsa-miR-522	9	2.53	1.20	0	2.70	0.57	0.17
hsa-miR-512-5p	9	2.37	1.16	20	2.54	0.71	0.18
hsa-miR-203	82	5.34	1.80	100	5.52	0.58	0.18
hsa-let-7c	100	10.97	0.54	100	11.17	0.30	0.20
mmu-miR-291-3p	0	1.94	0.60	0	2.14	0.78	0.20
hsa-miR-518e	6	1.82	1.32	0	2.02	0.77	0.20
hsa-let-7b	100	10.86	0.62	100	11.06	0.36	0.21

10

20

30

40

hsa-miR-515-5p	6	2.41	1.12	0	2.63	0.55	0.22
mmu-miR-411	18	2.56	0.66	0	2.79	0.61	0.22
hsa-miR-519c	3	2.17	0.69	0	2.41	0.91	0.23
hsa-miR-30a-5p	100	9.36	0.48	100	9.61	0.21	0.26
mmu-miR-341	15	2.60	0.83	0	2.85	0.55	0.26
hsa-let-7e	100	8.73	0.44	100	8.98	0.46	0.26
ambi-miR-7039	79	4.45	0.61	100	4.71	0.57	0.26
rno-miR-336	91	4.23	0.69	100	4.49	0.36	0.26
mmu-miR-344	3	1.77	0.59	0	2.04	0.74	0.26
hsa-miR-520c	6	2.27	0.77	0	2.54	0.46	0.27
hsa-miR-142-3p	85	4.48	1.09	100	4.75	0.88	0.27
hsa-miR-512-3p	9	3.02	1.23	20	3.30	0.74	0.28
hsa-miR-510	18	2.87	1.19	40	3.15	0.62	0.29
hsa-miR-508	15	2.58	1.45	20	2.87	0.83	0.29
hsa-miR-182-AS	0	1.97	0.50	0	2.26	0.83	0.29
hsa-miR-302b	0	1.98	0.55	0	2.27	0.82	0.29
hsa-miR-30e-3p	100	5.30	0.41	100	5.60	0.22	0.31
mmu-miR-295	0	2.06	0.42	20	2.38	1.00	0.32
hsa-miR-302c-AS	70	3.62	0.46	80	3.94	0.40	0.32
mmu-miR-350	3	2.22	0.60	0	2.55	0.79	0.33
hsa-miR-325	3	2.51	0.63	0	2.85	0.60	0.33
hsa-miR-526b	64	3.71	0.70	60	4.05	0.18	0.34
mmu-miR-292-5p	52	3.25	0.62	20	3.59	0.29	0.34
hsa-let-7d	100	10.32	0.42	100	10.67	0.32	0.36
hsa-miR-384	0	1.75	0.62	0	2.11	0.84	0.36
rno-miR-421	0	2.08	0.41	0	2.44	0.57	0.36
hsa-miR-29b	100	8.21	0.48	100	8.58	0.13	0.37
hsa-miR-525	9	2.78	0.85	0	3.16	0.28	0.39
hsa-miR-524	3	2.28	0.77	0	2.67	0.71	0.39
hsa-miR-526b-AS	6	2.00	1.14	0	2.40	0.41	0.39
hsa-miR-130a	100	7.64	0.69	100	8.04	0.21	0.40
hsa-miR-21	100	10.30	0.66	100	10.71	0.61	0.40
hsa-miR-492	9	2.31	0.67	0	2.71	0.64	0.40
hsa-miR-33	0	2.03	0.47	0	2.44	0.68	0.40
rno-miR-352	100	6.46	0.59	100	6.87	0.53	0.41
hsa-miR-518b	3	2.30	0.75	0	2.71	0.38	0.41
hsa-miR-202-AS	9	1.91	1.12	0	2.34	1.10	0.44
rno-miR-297	0	1.72	0.49	0	2.16	0.76	0.44
mmu-let-7d-AS	3	2.30	0.49	0	2.74	0.64	0.44
hsa-miR-34b	94	5.06	1.14	100	5.51	0.76	0.45
mmu-miR-330	12	2.72	0.63	0	3.17	0.12	0.45
hsa-miR-501	27	2.95	0.68	20	3.40	0.09	0.46
hsa-miR-520e	0	1.87	0.41	0	2.34	0.93	0.46
hsa-miR-30e-5p	100	8.58	0.42	100	9.06	0.15	0.49
rno-miR-344	0	1.91	0.63	0	2.43	0.73	0.52
hsa-miR-518d	0	1.91	0.45	20	2.43	1.57	0.52
hsa-miR-371	0	1.79	0.54	0	2.32	0.89	0.53
mmu-miR-383	27	3.09	0.85	40	3.63	0.43	0.54
hsa-miR-30a-3p	100	5.56	0.62	100	6.11	0.16	0.55
hsa-miR-105	0	2.10	0.52	0	2.65	0.64	0.55
hsa-miR-410	21	2.90	1.03	20	3.44	0.31	0.55
hsa-miR-424	88	5.12	1.34	100	5.68	0.77	0.56

10

20

30

40

ambi-miR-7054	6	2.22	0.53	0	2.78	0.49	0.56	
hsa-miR-369-3p	6	2.11	0.84	20	2.68	1.00	0.57	
hsa-miR-26b	100	8.88	0.50	100	9.46	0.16	0.58	
mmu-miR-207	9	2.58	0.59	0	3.19	0.50	0.61	
hsa-miR-382	85	4.49	0.94	100	5.11	0.53	0.62	
hsa-miR-98	100	6.42	0.54	100	7.06	0.51	0.64	
hsa-miR-32	15	2.71	0.56	20	3.36	0.57	0.65	
ambi-miR-7100	36	3.53	0.97	80	4.18	0.21	0.65	
mmu-miR-325	0	2.43	0.59	20	3.10	0.55	0.67	
hsa-miR-302c	3	1.86	0.58	0	2.55	0.75	0.69	
hsa-miR-183	55	3.51	1.00	100	4.20	0.34	0.69	
hsa-miR-493	15	2.88	0.88	20	3.58	0.37	0.70	
hsa-miR-365	94	4.73	0.86	100	5.43	0.49	0.70	
mmu-miR-211	6	2.19	0.70	0	2.89	0.23	0.70	
hsa-miR-95	97	5.18	1.28	100	5.89	0.36	0.71	
mmu-miR-201	3	1.99	0.79	0	2.73	0.69	0.74	
hsa-miR-154	76	4.55	0.96	100	5.29	0.32	0.75	
hsa-miR-379	97	5.18	0.78	100	5.94	0.30	0.76	
hsa-miR-507	3	1.90	0.83	0	2.68	0.75	0.78	
hsa-miR-518f	3	2.05	0.69	0	2.85	0.37	0.80	
hsa-miR-19a	100	5.91	0.87	100	6.74	0.27	0.83	
hsa-miR-190	0	1.80	0.61	40	2.66	1.45	0.86	
rno-miR-343	6	2.26	0.53	0	3.16	0.28	0.90	
hsa-let-7f	100	9.59	0.51	100	10.51	0.32	0.92	
hsa-miR-513	100	5.37	0.83	100	6.29	0.35	0.92	
hsa-miR-208	0	2.06	0.62	0	2.99	0.39	0.93	
hsa-miR-448	3	2.06	0.44	0	3.00	0.52	0.94	
hsa-miR-134	64	4.08	1.03	100	5.03	0.48	0.95	
mmu-miR-376b	3	2.51	0.61	40	3.48	0.47	0.97	
ambi-miR-7089	3	2.35	0.55	0	3.32	0.39	0.97	
hsa-miR-488	0	1.99	0.56	20	3.01	0.41	1.02	
hsa-miR-368	100	6.52	0.94	100	7.56	0.29	1.04	
mmu-miR-376a	39	3.26	0.82	80	4.31	0.59	1.05	
hsa-miR-135a	27	2.70	1.52	20	3.77	0.54	1.07	
hsa-miR-374	100	4.71	0.74	100	5.82	0.57	1.11	
mmu-miR-215	18	2.61	1.94	60	3.74	0.73	1.13	
rno-miR-333	9	2.70	0.82	40	3.85	1.25	1.15	
rno-miR-349	0	1.62	0.50	0	2.78	0.45	1.16	
hsa-miR-101	100	5.69	0.55	100	6.88	0.06	1.19	
mmu-miR-429	0	2.47	0.49	20	3.67	0.27	1.20	
mmu-miR-7b	21	3.21	0.94	100	4.44	0.27	1.23	
hsa-miR-301	24	2.76	0.83	40	4.02	0.22	1.25	
hsa-miR-377	64	3.99	0.95	100	5.33	0.39	1.34	
mmu-miR-337	0	1.87	0.55	40	3.21	0.96	1.34	
hsa-miR-376a	100	5.23	0.94	100	6.63	0.31	1.40	
hsa-miR-148b	100	5.71	0.38	100	7.11	0.60	1.40	
hsa-miR-335	100	6.77	0.90	100	8.19	0.35	1.42	
mmu-miR-297	0	1.79	0.49	40	3.34	0.92	1.55	
hsa-miR-153	39	3.49	1.17	100	5.26	0.25	1.76	
hsa-miR-29c	100	8.37	0.51	100	10.25	0.26	1.87	
hsa-miR-194	100	6.75	2.13	100	8.63	0.21	1.88	
hsa-miR-96	94	4.80	0.97	100	6.69	0.38	1.89	

10

20

30

40

hsa-miR-182	91	5.39	1.29	100	7.39	0.37	2.00
hsa-miR-215	42	4.09	2.37	100	6.34	0.50	2.25
hsa-miR-429	70	4.88	1.88	100	7.13	0.09	2.25
hsa-miR-494	100	6.78	0.54	100	9.07	0.97	2.28
hsa-miR-7	94	5.07	1.66	100	7.68	0.56	2.61
hsa-miR-192	97	6.47	2.25	100	9.13	0.25	2.66
mmu-miR-192	97	6.32	2.25	100	9.00	0.28	2.67
hsa-miR-130b	100	5.56	0.66	100	8.27	0.25	2.71
hsa-miR-338	58	4.09	1.31	100	6.82	0.19	2.73
hsa-miR-200b	82	6.47	2.59	100	9.49	0.14	3.02
hsa-miR-200c	94	7.37	2.65	100	10.59	0.24	3.22
hsa-miR-148a	100	7.34	1.13	100	10.57	0.36	3.23
hsa-miR-200a	67	5.31	2.78	100	8.57	0.17	3.26
hsa-miR-141	67	5.52	2.29	100	9.49	0.20	3.98
hsa-miR-375	58	4.63	2.20	100	9.21	0.39	4.59
hsa-miR-216	3	2.79	0.69	100	9.09	0.28	6.30
mmu-miR-217	6	2.37	0.89	100	9.70	0.21	7.32
hsa-miR-217	12	2.38	1.07	100	9.86	0.22	7.48

標準に対する閾値=3.47；正常に対する閾値=3.70；%\*、閾値を上回るmiRNAのパーセンテージ。

10

20

30

40

#### 【0202】

##### 実施例4：

##### PDACで差次的に発現されるmiRNAの同定

膵臓における癌の形成と潜在的に関連するmiRNAを明らかにするために、発明者らは、8つのPDAC試料に由来するmiRNAアレイデータを一括して正常膵臓セットに対して標準化した（表3）。miRNAの平均発現レベルの直接的な比較の結果、miRNAの発現がPDACでは大きく影響を受けることが判明した（表3、図3）。興味深いことに、PDACでダウンレギュレートされるmiRNAの大半は、33種類のヒト組織の標準セットに対して膵臓に高濃度で存在するmiRNAである（表3および表5）。これらのmiRNAのうち、強く発現される膵臓に高濃度で存在するmiR-216および-217は、PDAC試料では200倍以上もダウンレギュレートされており、アレイ上でかろうじて検出可能なレベルであった。

#### 【0203】

さらなるデータ解析の結果、正常膵臓とPDACの間ににおいて、84種類のmiRNAの発現に有意差が認められた（表6、Flag（N 対 Ca）=1）。これらのmiRNAのうち、PDACにおいて41種類はダウンレギュレートされており、および32種類は少なくとも2倍アップレギュレートされていた（| h | (N-Ca) >0.6）。miR-216および-217とともに、全11種類のmiRNAがPDACでは5倍以上も強くダウンレギュレートされており（h (N-Ca) >1.6；hsa-miR-29c、-30a-3p、-96、-130b、-141、-148a、-148b、-216、-217、-375、および-494）、ならびに他の11種類はPDAC試料中に高濃度で存在していた（h (N-Ca) <-1.6；hsa-miR-31、-143、-145、-146a、-150、-155、-196a、-196b、-210、-222、および-223）。

#### 【0204】

（表6）正常膵臓（N）、慢性膵炎（Ch）、およびPDAC（Ca）の組織試料間で差次的に発現されるmiRNA

miRNA名稱	Ch	平均	平均	平均	p值	Δh	p值	Flag* Ch 對 N	Δh Ch- Ca	p值	Flag* Ch 對 Ca	Δh	p值	Flag* N 對 Ca
hsa-let-7a	8.90	9.50	8.90	1.97E-03	-0.60	1.58E-03	1	0.00	9.92E-01	0	0.60	2.51E-03	1	
hsa-let-7b	8.85	9.22	8.48	2.84E-04	-0.37	3.53E-02	1	0.36	1.77E-02	1	0.73	2.21E-04	1	
hsa-let-7c	8.81	9.33	8.55	2.03E-04	-0.52	1.81E-03	1	0.27	9.06E-02	0	0.78	3.35E-04	1	
hsa-let-7d	7.92	8.83	8.14	3.95E-04	-0.91	9.38E-05	1	-0.22	2.21E-01	0	0.69	4.02E-03	1	
hsa-let-7e	6.27	7.14	6.70	1.15E-03	-0.87	1.57E-03	1	-0.43	7.80E-03	1	0.44	5.59E-02	0	
hsa-let-7f	7.58	8.66	7.89	6.23E-04	-1.08	1.35E-04	1	-0.30	1.85E-01	0	0.78	6.06E-03	1	
hsa-let-7g	7.09	7.68	7.26	3.13E-03	-0.59	2.02E-04	1	-0.17	2.47E-01	0	0.42	2.03E-02	1	
hsa-let-7i	7.19	6.47	7.44	4.78E-05	0.72	1.60E-03	1	-0.25	1.34E-01	0	-0.97	4.08E-05	1	
hsa-miR-100	6.52	5.32	6.29	2.31E-04	1.19	2.96E-05	1	0.23	3.39E-01	0	-0.97	2.23E-03	1	
hsa-miR-101	4.42	5.03	4.47	1.27E-02	-0.61	1.62E-03	1	-0.04	8.36E-01	0	0.57	1.74E-02	1	
hsa-miR-103	6.10	6.01	6.67	8.84E-05	0.08	4.53E-01	0	-0.58	6.81E-04	1	-0.66	6.54E-04	1	
hsa-miR-106a	6.18	6.46	6.70	6.89E-04	-0.28	4.24E-02	0	-0.52	6.70E-04	1	-0.24	4.19E-02	0	
hsa-miR-106b	5.11	5.14	5.60	9.30E-04	-0.04	6.88E-01	0	-0.50	2.55E-03	1	-0.46	6.75E-03	1	
hsa-miR-107	6.18	5.98	6.71	1.47E-05	0.20	7.46E-02	0	-0.53	4.44E-04	1	-0.73	9.89E-05	1	
hsa-miR-10a	5.77	5.09	6.19	1.73E-05	0.69	1.72E-05	1	-0.41	3.24E-02	0	-1.10	9.72E-05	1	
hsa-miR-125a	6.07	5.48	6.00	1.59E-02	0.59	3.05E-03	1	0.07	7.06E-01	0	-0.51	2.38E-02	1	
hsa-miR-125b	7.44	6.12	6.88	1.56E-05	1.32	4.88E-07	1	0.56	1.37E-02	1	-0.76	3.07E-03	1	
hsa-miR-130a	5.98	6.20	5.58	1.75E-04	-0.23	3.63E-02	1	0.40	5.49E-03	1	0.62	4.94E-04	1	
hsa-miR-130b	5.01	6.42	3.83	8.26E-08	-1.41	2.02E-03	1	1.19	8.11E-04	1	2.60	1.18E-09	1	
hsa-miR-134	2.84	3.21	2.52	9.05E-03	-0.36	1.41E-01	0	0.33	9.25E-02	0	0.69	3.19E-03	1	
hsa-miR-140	3.75	3.44	4.07	8.46E-03	0.32	9.77E-02	0	-0.32	1.13E-01	0	-0.63	3.01E-03	1	
hsa-miR-141	6.72	7.65	5.95	1.82E-05	-0.93	4.62E-03	1	0.77	1.33E-02	1	1.70	1.20E-05	1	
hsa-miR-143	7.59	6.18	7.91	3.86E-06	1.41	4.01E-06	1	-0.32	2.16E-01	0	-1.73	3.17E-05	1	
hsa-miR-145	7.89	6.47	8.10	1.60E-04	1.42	4.88E-05	1	-0.21	5.34E-01	0	-1.62	4.84E-04	1	
hsa-miR-146a	4.96	4.03	5.89	6.66E-05	0.93	1.98E-02	1	-0.93	1.19E-02	1	-1.86	3.34E-05	1	
hsa-miR-148a	7.21	8.72	5.23	9.28E-09	-1.52	3.00E-03	1	1.98	2.83E-05	1	3.49	2.32E-09	1	
hsa-miR-148b	3.14	5.27	2.91	1.53E-06	-2.13	1.80E-04	1	0.24	3.90E-01	0	2.37	6.17E-06	1	
hsa-miR-150	3.83	2.11	4.35	5.86E-04	1.72	2.15E-02	1	-0.52	2.82E-01	0	-2.25	5.58E-06	1	
hsa-miR-154	3.10	3.47	2.28	3.24E-04	-0.37	2.27E-01	0	0.82	6.63E-03	1	1.19	3.93E-05	1	
hsa-miR-155	4.32	3.47	5.55	3.19E-04	0.85	1.04E-01	0	-1.24	2.34E-03	1	-2.08	6.49E-04	1	

hsa-miR-15b	5.00	5.33	5.72	2.08E-03	-0.33	9.39E-02	0	-0.72	1.38E-03	1	-0.39	5.20E-02	0
hsa-miR-17-5p	6.12	6.31	6.62	4.11E-03	-0.19	2.06E-01	0	-0.50	2.95E-03	1	-0.31	3.75E-02	0
hsa-miR-18	3.32	2.83	4.24	6.85E-05	0.49	3.04E-02	1	-0.92	3.74E-03	1	-1.41	1.74E-04	1
hsa-miR-181b	4.51	4.52	5.01	1.47E-02	-0.01	9.49E-01	0	-0.50	2.13E-02	1	-0.49	1.68E-02	1
hsa-miR-182	4.26	5.55	4.54	4.58E-04	-1.29	9.47E-04	1	-0.28	2.99E-01	0	1.01	8.44E-04	1
hsa-miR-186	3.19	3.87	3.40	3.49E-03	-0.68	4.90E-03	1	-0.21	2.01E-01	0	0.47	7.99E-03	1
hsa-miR-196a	1.89	1.63	3.77	9.61E-07	0.26	4.15E-01	0	-1.88	2.25E-05	1	-2.14	8.31E-06	1
hsa-miR-196b	1.63	1.20	3.28	8.92E-06	0.44	2.14E-01	0	-1.64	2.22E-04	1	-2.08	2.86E-05	1
hsa-miR-199a	6.58	5.51	6.30	2.36E-05	1.08	1.63E-04	1	0.28	7.96E-02	0	-0.79	2.63E-04	1
hsa-miR-199a-AS	7.41	6.59	7.01	9.52E-06	0.82	8.95E-05	1	0.39	4.14E-04	1	-0.42	4.69E-03	1
hsa-miR-19a	4.12	4.90	4.25	1.90E-03	-0.78	9.51E-04	1	-0.13	4.70E-01	0	0.65	7.37E-03	1
hsa-miR-19b	6.22	6.66	6.16	8.53E-03	-0.44	9.80E-03	1	0.06	6.78E-01	0	0.50	7.49E-03	1
hsa-miR-200a	5.69	6.73	5.48	4.11E-04	-1.04	1.67E-03	1	0.21	4.47E-01	0	1.25	2.62E-04	1
hsa-miR-200b	6.50	7.65	6.68	5.63E-04	-1.15	7.01E-04	1	-0.17	5.10E-01	0	0.98	6.23E-04	1
hsa-miR-200c	7.67	8.74	7.23	2.20E-06	-1.07	4.06E-04	1	0.44	4.79E-02	0	1.51	1.23E-06	1
hsa-miR-203	2.85	3.69	5.15	5.07E-07	-0.84	1.13E-02	1	-2.30	9.16E-07	1	-1.46	5.28E-04	1
hsa-miR-21	9.26	8.86	9.75	6.29E-03	0.39	2.12E-01	0	-0.49	2.41E-02	1	-0.89	4.39E-03	1
hsa-miR-210	4.53	3.97	6.56	1.07E-07	0.56	9.02E-03	1	-2.03	1.87E-05	1	-2.59	5.51E-06	1
hsa-miR-214	6.14	4.81	6.10	1.21E-04	1.32	3.61E-04	1	0.04	8.67E-01	0	-1.28	3.35E-04	1
hsa-miR-216	5.97	7.25	2.01	1.86E-10	-1.27	1.11E-02	1	3.97	2.97E-07	1	5.24	1.40E-09	1
hsa-miR-217	6.77	8.02	2.42	2.77E-10	-1.25	9.44E-03	1	4.35	3.68E-07	1	5.60	8.83E-09	1
hsa-miR-221	5.49	5.18	6.45	1.69E-06	0.31	4.08E-02	0	-0.96	9.55E-05	1	-1.27	2.95E-05	1
hsa-miR-222	4.72	4.10	5.94	8.14E-07	0.62	1.38E-02	1	-1.22	6.91E-05	1	-1.84	1.29E-05	1
hsa-miR-223	5.70	4.64	6.81	8.24E-04	1.06	3.62E-02	1	-1.11	3.14E-02	0	-2.17	7.94E-04	1
hsa-miR-224	2.66	2.81	3.82	1.47E-06	-0.15	4.33E-01	0	-1.16	2.91E-06	1	-1.01	9.27E-05	1
hsa-miR-23a	7.15	7.07	7.62	6.46E-04	0.09	4.23E-01	0	-0.47	4.25E-03	1	-0.56	1.83E-03	1
hsa-miR-24	7.65	7.31	8.02	1.20E-04	0.34	1.14E-02	1	-0.37	1.07E-02	1	-0.72	2.72E-04	1
hsa-miR-25	5.19	5.58	5.64	3.16E-04	-0.40	2.83E-03	1	-0.46	5.50E-04	1	-0.06	5.28E-01	0
hsa-miR-26a	8.76	9.15	8.75	1.48E-02	-0.39	5.67E-03	1	0.02	9.06E-01	0	0.41	1.75E-02	1
hsa-miR-26b	6.66	7.62	6.93	1.96E-04	-0.96	1.80E-04	1	-0.28	1.57E-01	0	0.68	8.90E-04	1
hsa-miR-27a	6.90	7.03	7.34	3.70E-03	-0.12	3.33E-01	0	-0.44	5.02E-03	1	-0.31	1.35E-02	1
hsa-miR-27b	7.14	7.62	7.09	3.00E-03	-0.48	4.54E-03	1	0.06	6.74E-01	0	0.54	3.46E-03	1
hsa-miR-28	4.65	4.99	5.05	1.08E-02	-0.34	1.55E-02	1	-0.40	6.31E-03	1	-0.06	6.73E-01	0

	hsa-miR-29a	7.29	7.71	7.58	1.37E-03	-0.42	9.41E-04	1	-0.29	8.00E-03	1	0.13	1.98E-01	0
hsa-miR-29b	6.09	6.73	6.43	1.03E-02	-0.64	2.59E-03	1	-0.33	8.98E-02	0	0.31	9.90E-02	0	0
hsa-miR-29c	7.02	8.40	6.45	7.11E-07	-1.38	2.86E-04	1	0.58	2.51E-02	1	1.96	1.03E-06	1	1
hsa-miR-30a-3p	3.55	4.27	2.62	3.98E-08	-0.72	4.32E-03	1	0.93	9.37E-05	1	1.65	8.25E-09	1	1
hsa-miR-30a-5p	7.22	7.77	6.64	1.15E-06	-0.55	4.54E-03	1	0.58	1.17E-03	1	1.13	1.16E-06	1	1
hsa-miR-30b	6.27	7.00	5.69	2.84E-07	-0.73	1.42E-03	1	0.58	1.06E-03	1	1.31	3.87E-07	1	1
hsa-miR-30c	6.20	6.93	5.58	2.29E-07	-0.73	1.56E-03	1	0.62	7.64E-04	1	1.35	2.95E-07	1	1
hsa-miR-30d	6.65	7.24	6.25	4.37E-06	-0.59	4.66E-04	1	0.40	1.01E-02	1	0.99	1.61E-05	1	1
hsa-miR-30e-3p	2.77	3.77	2.26	1.07E-05	-1.01	3.30E-03	1	0.51	3.77E-02	0	1.51	1.74E-06	1	1
hsa-miR-30e-5p	6.57	7.22	6.22	2.68E-07	-0.65	5.92E-04	1	0.36	6.79E-03	1	1.00	9.08E-08	1	1
hsa-miR-31	5.65	4.08	6.66	8.86E-03	1.57	1.51E-03	1	-1.01	2.21E-01	0	-2.58	9.27E-03	1	1
hsa-miR-331	2.63	2.25	3.46	1.48E-04	0.38	1.29E-01	0	-0.83	2.06E-03	1	-1.22	3.35E-04	1	1
hsa-miR-335	5.13	6.35	4.92	3.98E-04	-1.21	2.37E-03	1	0.21	4.89E-01	0	1.42	2.48E-04	1	1
hsa-miR-365	2.43	3.61	2.20	7.58E-06	-1.18	8.46E-04	1	0.23	1.33E-01	0	1.41	4.70E-05	1	1
hsa-miR-368	5.16	5.71	4.38	1.16E-06	-0.55	7.65E-03	1	0.78	5.11E-04	1	1.33	2.60E-06	1	1
hsa-miR-374	2.71	3.99	3.11	1.34E-03	-1.28	1.96E-03	1	-0.40	1.03E-01	0	0.88	1.20E-02	1	1
hsa-miR-375	6.51	7.37	4.68	4.82E-05	-0.86	4.56E-02	0	1.83	2.56E-03	1	2.69	1.15E-04	1	1
hsa-miR-376a	3.97	4.79	3.70	1.42E-04	-0.82	2.67E-03	1	0.27	2.03E-01	0	1.09	8.06E-05	1	1
hsa-miR-377	3.21	3.50	2.70	3.28E-03	-0.29	1.83E-01	0	0.51	2.95E-02	1	0.81	2.03E-03	1	1
hsa-miR-379	4.16	4.11	3.50	5.83E-04	0.05	6.63E-01	0	0.66	1.19E-03	1	0.61	6.13E-03	1	1
hsa-miR-429	4.14	5.29	4.68	1.94E-03	-1.16	6.86E-04	1	-0.54	7.15E-02	0	0.62	2.23E-02	1	1
hsa-miR-93	5.07	4.99	5.90	3.64E-05	0.08	6.36E-01	0	-0.83	2.61E-04	1	-0.90	2.34E-04	1	1
hsa-miR-95	2.73	4.05	3.22	1.91E-03	-1.32	1.71E-04	1	-0.49	1.32E-01	0	0.83	2.08E-02	1	1
hsa-miR-96	2.99	4.85	3.09	2.27E-06	-1.86	1.90E-04	1	-0.10	6.74E-01	0	1.76	1.36E-06	1	1
hsa-miR-98	4.16	5.22	4.56	3.32E-03	-1.06	9.57E-04	1	-0.40	9.13E-02	0	0.66	4.25E-02	0	0
hsa-miR-99a	6.71	5.54	6.23	2.73E-03	1.18	1.21E-04	1	0.49	1.01E-01	0	-0.69	4.14E-02	0	0
hsa-miR-99b	4.68	4.29	4.91	1.23E-02	0.39	5.10E-02	0	-0.24	1.74E-01	0	-0.62	1.14E-02	1	1
hsa-miR-452	2.52	2.73	3.44	1.61E-05	-0.21	2.11E-01	0	-0.91	8.82E-05	1	-0.70	1.69E-04	1	1
hsa-miR-494	6.96	7.22	5.14	5.26E-03	-0.26	7.20E-01	0	1.82	9.59E-03	1	2.09	3.98E-03	1	1
hsa-miR-497	5.29	4.17	4.83	7.94E-05	1.12	1.31E-04	1	0.46	2.37E-02	1	-0.66	2.60E-03	1	1
ambi-miR-7105	2.37	2.68	3.03	2.02E-05	-0.30	2.75E-02	1	-0.66	1.53E-05	1	-0.35	5.31E-03	1	1

\* 有意に異なる発現を、Flag=1で示す。

【 0 2 0 5 】

実施例5：

正常とPDACと慢性膵炎の組織試料の比較

上記のmiRNAの発現の変化の一部は実際には、非腫瘍性過程と関連する可能性があるの  
で、発明者らは、発明者らの解析に、6つの慢性膵炎組織試料からなる対照セットに由来

するmiRNAの発現データを加えた。階層的クラスター分析の結果、慢性膵炎試料に由来するmiRNAの発現プロファイルが、正常プロファイルとPDACプロファイルの間に存在し、ならびにPDACに由来する発現プロファイルに対するより、正常膵臓に由来する発現プロファイルと全体的に類似していることがわかった。全miRNAの平均標準データを使用して計算されたピアソン相関値の対比較の結果、慢性膵炎組織における大規模なmiRNAの発現レベルは、正常組織とPDAC組織の中間であることが確認された（表7）。この観察と矛盾することなく、PDACと慢性組織試料の間で差次的に発現されていた52種類のmiRNAのうち45種類（表6、Flag（Ch 対 Ca）=1）も、正常な組織に対してPDACでは制御を受けなくなっていた（図4A、上）。慢性試料ではこれらのmiRNAの発現レベルは全て、正常発現レベルとPDAC発現レベルの間にあった。

10

## 【0206】

(表7) 対応のあるピアソン相関値

	正常	慢性	癌	細胞株
正常	1	0.96	0.93	0.78
慢性	0.96	1	0.95	0.79
癌	0.93	0.95	1	0.84
細胞 株	0.78	0.79	0.84	1

## 【0207】

20

94種類のmiRNAが、3種類の組織タイプの任意の2種類の間ににおいて有意なレベルで差次的に発現されることが判明した（表6）。正常な試料に対して慢性試料において差次的に発現される68種類のmiRNAのうち（表6、Flag（Ch 対 N）=1）、61種類は、正常膵臓に対してPDACでは制御されなくなっていた（図4A、下）。PDACと慢性の疾患組織の両方において発現が影響を受けるこれらのmiRNAは、PDACに特異的な変化より腫瘍の線維形成性の反応を反映する可能性が高い。それにもかかわらず、上記の94種類のmiRNAを使用した主成分解析（PCA）では、PDAC試料が正常膵臓および慢性疾患群から完全に分離することが判明し（図4B）、miRNAの発現によって膵臓組織が分類されることがわかる。

## 【0208】

30

## 実施例6：

膵臓疾患用のmiRNAバイオマーカー

PDACに最高のmiRNAマーカーを同定するために、発明者らは、3種類の組織タイプ間で最も大きく異なって発現されるmiRNAを、ストリンジエントなパラメーターを使用して選択した： $|h| > 1.6$ （5倍）、および少なくとも2つの試料タイプ間のp値 $< 0.0001$ （図5）。20種類のmiRNAのこのサブセットを使用することで、組織タイプ間の明瞭な区別を達成することができる。例えば、miR-29c、-96、-143、-145、-148b、および-150の発現は慢性試料と癌試料の両方において誤調節されていたが、miR-196a、-196b、-203、-210、-222、-216、-217、および-375はPDAC試料でのみ誤調節されていた。これらのデータから、少数のmiRNAの発現レベルが、正常組織、慢性膵炎組織、およびPDAC組織を明瞭にし、ならびにPDACにおける腫瘍過程と非腫瘍性過程を区別するために使用可能なことがわかる。

40

## 【0209】

## 実施例7：

膵臓癌細胞株におけるmiRNAの発現

現在、膵臓癌細胞株は、miRNAの機能のインビトロ解析で最も利用されている細胞モデル系である。したがって、IMIMPC2、PT45、PL45、SKPC1、PancTul、およびPaCa44の6種類の原発性の膵管腺癌細胞株におけるmiRNAの発現を解析するために、同じアレイプロファイルリング戦略を開発した。細胞株と原発性組織におけるmiRNAの発現プロファイルを比較するために、発明者らは、細胞株に由来するmiRNAアレイデータを一括して、19の組織セットによって標準化した（表4）。

## 【0210】

50

大規模なmiRNA集団を対象とした階層的クラスター分析、ならびに差次的に発現されるmiRNAに関するクラスター分析および主成分解析（図6）の結果、細胞株試料が原発性組織と明瞭に分けられることが判明した。この相違は主に、PDACで上位20種類の差次的に発現されるmiRNAの発明者からのリストに由来する7種類のmiRNA（miR-143、-145、-150、-216、-217、-223、および-375；図5）を含む組織試料に対する癌細胞株試料における約60種類のmiRNAの検出可能な発現の欠損の結果である。アレイデータから、140種類のmiRNAのみが癌細胞株で検出され、個々の系列は脾臓組織でも発現されていたことがわかる（miRNAが表4の閾値を超えて検出された試料の%を参照）。

#### 【0211】

全体的には、癌細胞株におけるmiRNAの平均発現レベルは、正常組織すなわち慢性組織よりPDACと良好に相関していた（ピアソン相関値はそれぞれ0.84、0.78、および0.79；表7）。さらに、PDACで差次的に発現される上位20種類のmiRNAのうちの12種類は、細胞株における発現レベルがPDACにおける発現レベルと極めて近かった。したがって、これらの癌細胞株におけるmiRNAの発現プロファイルは、正常脾臓組織に由来する発現プロファイルより、PDACの原発性腫瘍の発現プロファイルと類似性が高い。

10

#### 【0212】

##### 実施例8：

###### PDACおよび癌細胞株で過剰発現されるmiRNAバイオマーカーの同定

実施例7に記載した差と一致して、87種類のmiRNAは、PDACと癌細胞株間で差次的に発現され、および108種類は、正常脾臓と癌細胞株の間で差次的に発現されることがわかった（表8A、表8B、および表8C、Flag（Ca 対 CL）=1またはFlag（N 対 CL）=1）。特に1種類のmiRNAのmiR-205は、正常組織に対して細胞株において600倍以上に高度に過剰に発現されており、慢性組織または正常な組織に対して、8つのPDAC組織のうち5つにおいてアップレギュレートされてもいた（表3）。この観察から発明者らは、発明者らの当初のストリングエントなスクリーニングでは、高いp値または低いhのために見逃されていた可能性のある、細胞株で強く発現されていたmiRNA、およびPDACでアップレギュレートされていた他のmiRNAについて検討することにした（実施例6）。この方法で発明者らは、miR-18a、-31、-93、-221、および-224の5つの追加のmiRNAを同定した（図7）。これら6種類の腫瘍性の導管細胞のmiRNA（図7）はインビボとエクスピボの両方で過剰に発現されていたことから、PDACの追加的な潜在的なバイオマーカーとなる。

20

30

#### 【0213】

（表8A）正常脾臓（N）、慢性脾炎（Ch）、PDAC（Ca）、および脾臓癌細胞株（CL）の間で差次的に発現されるmiRNA

miRNA	平均 <b>Ch</b>	平均 <b>N</b>	平均 <b>Ca</b>	平均 <b>CL</b>	p値 <b>ANOVA</b>
hsa-let-7b	8.78	9.06	8.53	7.96	8.56E-04
hsa-let-7c	8.74	9.18	8.60	8.08	1.01E-03
hsa-let-7d	7.85	8.68	8.19	8.01	3.71E-03
hsa-let-7e	6.19	6.98	6.75	6.46	8.94E-03
hsa-let-7f	7.51	8.51	7.94	7.36	8.57E-04
hsa-let-7g	7.01	7.52	7.31	6.45	8.72E-06
hsa-let-7i	7.12	6.31	7.49	7.96	1.21E-03
hsa-miR-1	2.84	2.19	3.23	0.78	5.65E-03
hsa-miR-100	6.44	5.16	6.34	7.11	1.35E-05
hsa-miR-101	4.33	4.87	4.49	2.48	3.47E-10
hsa-miR-103	6.02	5.86	6.72	6.80	3.86E-05
hsa-miR-106a	6.10	6.30	6.74	7.91	1.34E-08
hsa-miR-106b	5.02	4.98	5.65	6.02	3.88E-08
hsa-miR-107	6.10	5.82	6.76	6.83	2.28E-05
hsa-miR-10a	5.70	4.92	6.23	5.87	5.54E-04
hsa-miR-10b	4.96	4.54	5.24	3.97	2.20E-04
hsa-miR-125b	7.37	5.96	6.93	6.06	4.23E-05
hsa-miR-126	7.54	7.12	7.41	3.77	2.53E-11
hsa-miR-126-AS	3.27	3.91	3.55	0.90	2.08E-06
hsa-miR-128a	2.23	2.16	2.77	3.50	1.53E-06
hsa-miR-130b	4.93	6.27	3.84	4.98	4.01E-08
hsa-miR-132	3.92	3.06	4.09	2.21	1.06E-05
hsa-miR-140	3.63	3.24	4.08	1.77	1.57E-09
hsa-miR-141	6.65	7.50	6.00	6.34	1.06E-05
hsa-miR-142-3p	2.76	2.71	3.68	0.87	3.52E-07
hsa-miR-143	7.52	6.02	7.96	0.49	0.00E+00
hsa-miR-145	7.82	6.32	8.15	0.65	0.00E+00
hsa-miR-146a	4.87	3.85	5.93	3.13	1.24E-05
hsa-miR-148a	7.14	8.57	5.27	2.55	1.91E-10
hsa-miR-148b	2.97	5.11	2.82	2.88	1.82E-06
hsa-miR-150	3.68	1.73	4.38	1.19	1.49E-06
hsa-miR-151	3.86	4.02	4.00	4.62	3.84E-05
hsa-miR-152	5.05	4.75	5.15	2.90	2.40E-08
hsa-miR-153	2.47	3.23	2.73	1.37	6.95E-04
hsa-miR-154	2.92	3.27	2.07	0.63	2.49E-07
hsa-miR-155	4.22	3.25	5.59	4.97	2.75E-03
hsa-miR-15a	6.19	6.14	6.47	5.60	1.48E-04
hsa-miR-15b	4.92	5.17	5.77	7.63	6.94E-11
hsa-miR-17-3p	2.13	2.31	2.43	3.33	1.60E-04
hsa-miR-17-5p	6.04	6.15	6.66	7.86	4.51E-08
hsa-miR-18a	3.17	2.58	4.26	5.14	3.68E-07
hsa-miR-181a	5.38	5.00	5.76	6.23	4.65E-04
hsa-miR-181b	4.42	4.35	5.05	5.99	1.54E-05
hsa-miR-182	4.16	5.39	4.57	5.08	5.77E-04
hsa-miR-183	1.94	2.14	1.57	3.23	3.96E-04
hsa-miR-186	3.04	3.69	3.39	2.62	1.02E-03
hsa-miR-192	6.07	7.13	6.63	2.23	5.47E-11
hsa-miR-193a	2.60	2.20	2.33	3.09	1.52E-03

10

20

30

40

hsa-miR-194	5.95	6.63	7.13	2.27	9.00E-11
hsa-miR-195	6.72	6.12	6.49	3.49	1.05E-12
hsa-miR-196a	1.41	1.13	3.77	2.85	1.00E-05
hsa-miR-196b	1.04	0.57	3.24	2.35	3.79E-04
hsa-miR-197	2.07	1.72	2.11	3.74	2.46E-05
hsa-miR-199a	6.51	5.35	6.35	0.56	0.00E+00
hsa-miR-199a-AS	7.33	6.43	7.06	0.71	0.00E+00
hsa-miR-199b	4.79	4.36	4.58	0.73	7.77E-16
hsa-miR-20a	5.52	5.64	5.99	6.93	4.27E-06
hsa-miR-200a	5.61	6.57	5.52	5.63	1.38E-03
hsa-miR-200b	6.43	7.50	6.72	7.10	1.26E-03
hsa-miR-200c	7.60	8.59	7.28	8.46	3.51E-08
hsa-miR-203	2.66	3.50	5.19	2.68	2.06E-04
hsa-miR-205	1.44	0.90	3.12	7.35	3.47E-06
hsa-miR-21	9.18	8.71	9.80	9.77	5.27E-04
hsa-miR-210	4.43	3.79	6.61	4.71	2.38E-08
hsa-miR-214	6.06	4.65	6.14	1.91	2.52E-13
hsa-miR-215	2.54	4.33	3.91	0.96	3.13E-05
hsa-miR-216	5.90	7.09	1.64	1.05	4.56E-13
hsa-miR-217	6.70	7.86	2.19	1.27	3.81E-13
hsa-miR-218	4.06	3.54	4.10	2.24	4.34E-07
hsa-miR-22	7.07	6.79	7.25	5.59	2.00E-07
hsa-miR-221	5.41	5.02	6.50	7.90	1.55E-11
hsa-miR-222	4.63	3.92	5.99	7.22	3.43E-11
hsa-miR-223	5.62	4.47	6.86	1.36	1.33E-10
hsa-miR-224	2.44	2.56	3.83	4.20	1.51E-03
hsa-miR-23a	7.08	6.91	7.67	7.95	1.62E-06
hsa-miR-23b	7.21	7.16	7.62	7.74	2.71E-03
hsa-miR-24	7.58	7.15	8.07	7.26	6.80E-06
hsa-miR-25	5.10	5.42	5.69	5.66	2.18E-04
hsa-miR-26a	8.69	9.00	8.80	7.40	2.29E-08
hsa-miR-26b	6.58	7.46	6.98	5.28	1.94E-08
hsa-miR-27a	6.83	6.87	7.39	7.30	5.46E-04
hsa-miR-27b	7.07	7.47	7.13	6.74	2.55E-02
hsa-miR-28	4.56	4.82	5.08	4.95	9.11E-03
hsa-miR-29c	6.95	8.25	6.49	4.60	1.48E-10
hsa-miR-301	1.77	1.95	2.64	3.27	1.91E-06
hsa-miR-30a-3p	3.42	4.10	2.51	3.87	1.50E-04
hsa-miR-30a-5p	7.15	7.61	6.69	6.92	1.07E-03
hsa-miR-30b	6.20	6.84	5.74	5.37	2.31E-07
hsa-miR-30c	6.13	6.77	5.63	6.30	1.71E-04
hsa-miR-30d	6.58	7.08	6.29	6.41	6.28E-04
hsa-miR-30e-3p	2.54	3.58	2.06	3.04	1.91E-04
hsa-miR-30e-5p	6.50	7.06	6.26	5.88	9.81E-05
hsa-miR-320	5.80	5.70	6.00	6.49	2.23E-03
hsa-miR-324-3p	2.47	1.44	2.58	3.04	3.63E-06
hsa-miR-331	2.40	1.91	3.45	3.87	1.48E-06
hsa-miR-335	5.05	6.19	4.96	3.37	3.25E-04
hsa-miR-338	4.01	4.82	3.97	0.96	8.80E-07
hsa-miR-339	2.39	2.43	2.33	3.47	1.37E-05
hsa-miR-342	5.88	6.07	6.15	5.24	2.21E-04
hsa-miR-34a	5.56	5.29	5.87	3.31	1.16E-06

10

20

30

40

hsa-miR-34b	3.06	3.48	3.70	1.95	3.79E-06
hsa-miR-361	4.39	4.45	4.76	5.22	1.48E-04
hsa-miR-365	2.16	3.41	1.97	2.78	6.50E-06
hsa-miR-368	5.08	5.56	4.41	0.71	0.00E+00
hsa-miR-374	2.48	3.80	3.06	1.58	4.81E-06
hsa-miR-375	6.43	7.21	4.70	0.85	1.41E-11
hsa-miR-376a	3.86	4.63	3.70	0.82	6.59E-13
hsa-miR-377	3.05	3.30	2.59	0.85	9.82E-07
hsa-miR-379	4.06	3.93	3.49	2.02	6.22E-09
hsa-miR-381	2.31	2.08	1.39	0.96	1.97E-07
hsa-miR-382	2.96	3.07	3.04	1.00	7.09E-08
hsa-miR-422a	1.89	2.60	2.77	3.54	3.60E-03
hsa-miR-422b	3.41	3.43	4.13	4.26	1.47E-02
hsa-miR-423	3.51	3.05	3.79	5.07	2.76E-07
hsa-miR-424	3.07	3.66	3.91	1.56	4.57E-05
hsa-miR-429	4.03	5.13	4.71	4.42	2.57E-03
hsa-miR-92	4.80	4.82	4.92	6.35	1.72E-08
hsa-miR-93	4.99	4.83	5.94	6.78	1.26E-09
hsa-miR-95	2.51	3.87	3.17	1.39	2.22E-06
hsa-miR-96	2.79	4.69	3.04	3.10	9.15E-06
hsa-miR-98	4.05	5.05	4.58	4.22	1.33E-02
hsa-miR-99a	6.64	5.38	6.27	5.97	1.29E-02
hsa-miR-99b	4.59	4.12	4.95	5.22	5.07E-03
ambi-miR-7029	5.26	5.58	5.30	1.00	7.87E-09
hsa-miR-193b	3.17	3.00	3.11	5.08	2.48E-06
ambi-miR-7058	3.97	4.03	4.13	4.85	3.23E-04
hsa-miR-452	2.27	2.48	3.42	2.41	9.61E-04
hsa-miR-432	3.36	3.09	3.11	2.21	3.11E-05
hsa-miR-494	6.89	7.07	5.17	4.50	2.72E-04
hsa-miR-497	5.20	3.99	4.86	1.94	3.17E-12
ambi-miR-7105	2.10	2.42	2.99	2.78	2.38E-04

【 0 2 1 4 】

(表8B) 正常脾臓 (N)、慢性脾炎 (Ch)、PDAC (Ca)、および脾臓癌細胞株 (CL) の間で差次的に発現されるmiRNA

10

20

30

miRNA	Ch 対 N			Ch 対 Ca			Ch 対 CL		
	Δh	p値	Flag	Δh	p値	Flag	Δh	p値	Flag
hsa-let-7b	-0.29	1.41E-01	0	0.24	1.32E-01	0	0.81	1.50E-02	1
hsa-let-7c	-0.44	1.64E-02	1	0.14	4.00E-01	0	0.66	2.62E-02	1
hsa-let-7d	-0.83	5.50E-04	1	-0.35	9.89E-02	0	-0.16	3.63E-01	0
hsa-let-7e	-0.79	4.08E-03	1	-0.55	4.46E-03	1	-0.27	2.04E-01	0
hsa-let-7f	-1.00	2.23E-04	1	-0.43	8.60E-02	0	0.15	5.20E-01	0
hsa-let-7g	-0.51	1.48E-03	1	-0.30	7.94E-02	0	0.57	1.94E-03	1
hsa-let-7i	0.80	1.97E-03	1	-0.38	4.30E-02	0	-0.84	1.01E-01	0
hsa-miR-1	0.65	2.56E-01	0	-0.39	6.41E-01	0	2.06	2.40E-03	1
hsa-miR-100	1.28	6.57E-05	1	0.10	6.78E-01	0	-0.67	3.71E-02	1
hsa-miR-101	-0.54	1.90E-03	1	-0.16	4.62E-01	0	1.84	8.66E-07	1
hsa-miR-103	0.16	2.75E-01	0	-0.70	3.00E-04	1	-0.78	4.04E-03	1
hsa-miR-106a	-0.20	1.21E-01	0	-0.64	7.38E-05	1	-1.81	2.39E-05	1
hsa-miR-106b	0.04	6.93E-01	0	-0.62	5.74E-04	1	-1.00	1.77E-06	1
hsa-miR-107	0.28	6.53E-02	0	-0.66	1.89E-04	1	-0.73	7.38E-03	1
hsa-miR-10a	0.77	4.48E-05	1	-0.54	1.26E-02	1	-0.17	5.96E-01	0
hsa-miR-10b	0.42	7.48E-02	0	-0.29	2.02E-01	0	0.98	1.11E-02	1
hsa-miR-125b	1.41	2.37E-06	1	0.44	5.93E-02	0	1.31	1.46E-03	1
hsa-miR-126	0.43	1.33E-02	1	0.14	3.66E-01	0	3.77	3.35E-06	1
hsa-miR-126-AS	-0.64	1.62E-01	0	-0.28	5.55E-01	0	2.37	4.29E-04	1
hsa-miR-128a	0.08	7.15E-01	0	-0.53	8.44E-04	1	-1.27	2.59E-05	1
hsa-miR-130b	-1.34	2.00E-03	1	1.09	9.55E-04	1	-0.05	8.74E-01	0
hsa-miR-132	0.86	7.20E-02	0	-0.17	5.05E-01	0	1.71	1.73E-04	1
hsa-miR-140	0.40	8.93E-02	0	-0.45	5.63E-02	0	1.86	1.20E-05	1
hsa-miR-141	-0.85	4.45E-03	1	0.65	2.27E-02	0	0.31	2.03E-01	0
hsa-miR-142-3p	0.05	9.27E-01	0	-0.92	1.24E-02	1	1.89	8.70E-05	1
hsa-miR-143	1.50	6.47E-06	1	-0.44	1.17E-01	0	7.02	1.97E-13	1
hsa-miR-145	1.50	6.33E-05	1	-0.33	3.52E-01	0	7.17	2.20E-11	1
hsa-miR-146a	1.03	1.80E-02	1	-1.06	5.94E-03	1	1.75	1.51E-02	1
hsa-miR-148a	-1.43	3.09E-03	1	1.86	3.58E-05	1	4.59	2.84E-05	1
hsa-miR-148b	-2.14	2.19E-04	1	0.15	6.41E-01	0	0.09	7.82E-01	0
hsa-miR-150	1.95	2.07E-02	1	-0.70	1.89E-01	0	2.49	2.35E-03	1
hsa-miR-151	-0.16	2.99E-01	0	-0.14	2.25E-01	0	-0.76	6.36E-04	1
hsa-miR-152	0.30	1.80E-01	0	-0.10	6.08E-01	0	2.16	7.33E-05	1
hsa-miR-153	-0.75	5.97E-02	0	-0.25	5.55E-01	0	1.10	1.50E-02	1
hsa-miR-154	-0.35	3.23E-01	0	0.85	2.22E-02	0	2.29	1.01E-04	1
hsa-miR-155	0.96	9.15E-02	0	-1.38	1.24E-03	1	-0.76	2.75E-01	0
hsa-miR-15a	0.05	6.09E-01	0	-0.28	7.62E-02	0	0.59	8.98E-03	1
hsa-miR-15b	-0.25	2.67E-01	0	-0.85	9.62E-04	1	-2.71	2.05E-07	1
hsa-miR-17-3p	-0.18	3.80E-01	0	-0.30	1.57E-01	0	-1.20	1.45E-03	1
hsa-miR-17-5p	-0.11	4.37E-01	0	-0.63	3.90E-04	1	-1.82	3.81E-05	1
hsa-miR-18a	0.59	3.25E-02	0	-1.09	1.50E-03	1	-1.97	2.84E-04	1
hsa-miR-181a	0.38	1.19E-01	0	-0.39	1.41E-01	0	-0.86	9.46E-03	1
hsa-miR-181b	0.06	7.66E-01	0	-0.63	7.94E-03	1	-1.57	9.14E-04	1
hsa-miR-182	-1.23	1.25E-03	1	-0.41	1.33E-01	0	-0.92	7.06E-03	1
hsa-miR-183	-0.20	4.93E-01	0	0.37	3.61E-01	0	-1.29	1.11E-03	1
hsa-miR-186	-0.65	1.10E-02	1	-0.35	8.00E-02	0	0.42	1.62E-01	0
hsa-miR-192	-1.06	1.99E-04	1	-0.56	2.53E-01	0	3.85	2.56E-10	1

10

20

30

40

hsa-miR-193a	0.40	3.78E-02	0	0.27	1.69E-01	0	-0.49	4.00E-02	0
hsa-miR-194	-0.68	1.54E-03	1	-1.18	2.92E-02	0	3.68	5.59E-10	1
hsa-miR-195	0.60	1.21E-02	1	0.24	1.78E-01	0	3.24	1.92E-08	1
hsa-miR-196a	0.28	5.14E-01	0	-2.36	2.01E-05	1	-1.43	2.89E-02	1
hsa-miR-196b	0.47	3.27E-01	0	-2.20	1.45E-04	1	-1.31	1.14E-01	0
hsa-miR-197	0.35	8.86E-02	0	-0.04	8.75E-01	0	-1.67	2.02E-03	1
hsa-miR-199a	1.16	3.52E-04	1	0.16	3.37E-01	0	5.95	7.62E-10	1
hsa-miR-199a-AS	0.90	1.34E-04	1	0.27	1.07E-02	1	6.62	1.00E-10	1
hsa-miR-199b	0.43	4.60E-02	0	0.21	2.72E-01	0	4.06	6.93E-09	1
hsa-miR-20a	-0.12	4.09E-01	0	-0.47	3.29E-03	1	-1.41	3.99E-04	1
hsa-miR-200a	-0.96	1.26E-03	1	0.09	7.33E-01	0	-0.02	9.46E-01	0
hsa-miR-200b	-1.07	6.18E-04	1	-0.30	2.57E-01	0	-0.67	2.06E-02	1
hsa-miR-200c	-0.99	4.17E-04	1	0.32	9.97E-02	0	-0.86	4.32E-04	1
hsa-miR-203	-0.84	1.82E-02	1	-2.54	6.14E-07	1	-0.03	9.74E-01	0
hsa-miR-205	0.53	2.66E-01	0	-1.69	1.15E-01	0	-5.91	2.04E-06	1
hsa-miR-21	0.48	1.49E-01	0	-0.62	1.03E-02	1	-0.59	2.17E-02	1
hsa-miR-210	0.65	7.35E-03	1	-2.17	9.55E-06	1	-0.28	3.79E-01	0
hsa-miR-214	1.41	5.77E-04	1	-0.08	7.67E-01	0	4.15	1.56E-08	1
hsa-miR-215	-1.79	2.60E-04	1	-1.37	5.99E-02	0	1.58	6.37E-04	1
hsa-miR-216	-1.19	1.35E-02	1	4.25	7.01E-07	1	4.85	3.16E-07	1
hsa-miR-217	-1.17	1.18E-02	1	4.51	1.71E-06	1	5.42	1.96E-08	1
hsa-miR-218	0.52	2.03E-02	1	-0.04	8.61E-01	0	1.81	3.05E-05	1
hsa-miR-22	0.28	5.62E-02	0	-0.18	1.87E-01	0	1.48	3.17E-04	1
hsa-miR-221	0.39	3.59E-02	0	-1.09	5.77E-05	1	-2.48	2.61E-07	1
hsa-miR-222	0.71	1.53E-02	1	-1.36	5.16E-05	1	-2.58	1.34E-07	1
hsa-miR-223	1.15	3.12E-02	0	-1.24	2.21E-02	0	4.27	6.85E-07	1
hsa-miR-224	-0.12	5.49E-01	0	-1.39	3.30E-07	1	-1.76	2.14E-02	1
hsa-miR-23a	0.17	2.54E-01	0	-0.59	2.24E-03	1	-0.87	8.03E-05	1
hsa-miR-23b	0.05	7.24E-01	0	-0.41	3.04E-02	0	-0.53	1.29E-03	1
hsa-miR-24	0.42	9.32E-03	1	-0.50	3.00E-03	1	0.31	5.64E-02	0
hsa-miR-25	-0.32	2.01E-02	1	-0.58	1.11E-04	1	-0.56	2.52E-03	1
hsa-miR-26a	-0.31	4.14E-02	0	-0.11	4.83E-01	0	1.29	1.87E-05	1
hsa-miR-26b	-0.88	4.21E-04	1	-0.40	6.53E-02	0	1.30	4.78E-04	1
hsa-miR-27a	-0.04	7.85E-01	0	-0.56	2.68E-03	1	-0.47	1.12E-02	1
hsa-miR-27b	-0.40	1.64E-02	1	-0.06	6.72E-01	0	0.33	1.99E-01	0
hsa-miR-28	-0.26	8.53E-02	0	-0.52	2.47E-03	1	-0.39	1.09E-02	1
hsa-miR-29c	-1.30	2.24E-04	1	0.45	7.08E-02	0	2.35	1.68E-05	1
hsa-miR-301	-0.17	3.45E-01	0	-0.86	2.11E-04	1	-1.50	1.82E-04	1
hsa-miR-30a-3p	-0.68	4.81E-03	1	0.91	2.27E-04	1	-0.45	3.32E-01	0
hsa-miR-30a-5p	-0.47	6.63E-03	1	0.46	5.87E-03	1	0.23	3.88E-01	0
hsa-miR-30b	-0.65	2.61E-03	1	0.46	7.43E-03	1	0.83	1.81E-03	1
hsa-miR-30c	-0.65	1.75E-03	1	0.50	3.89E-03	1	-0.18	5.25E-01	0
hsa-miR-30d	-0.51	1.04E-03	1	0.28	6.70E-02	0	0.16	3.67E-01	0
hsa-miR-30e-3p	-1.05	4.39E-03	1	0.48	9.68E-02	0	-0.50	1.93E-01	0
hsa-miR-30e-5p	-0.57	9.20E-04	1	0.24	5.77E-02	0	0.62	4.20E-02	0
hsa-miR-320	0.10	4.74E-01	0	-0.20	2.52E-01	0	-0.69	5.77E-03	1
hsa-miR-324-3p	1.04	7.28E-04	1	-0.10	4.47E-01	0	-0.57	2.71E-02	1
hsa-miR-331	0.49	1.38E-01	0	-1.04	1.41E-03	1	-1.47	1.61E-04	1
hsa-miR-335	-1.14	3.22E-03	1	0.09	7.68E-01	0	1.68	3.19E-02	1
hsa-miR-338	-0.81	1.03E-03	1	0.04	9.09E-01	0	3.05	3.99E-04	1
hsa-miR-339	-0.03	8.52E-01	0	0.06	6.76E-01	0	-1.08	1.37E-03	1

10

20

30

40

hsa-miR-342	-0.19	1.06E-01	0	-0.27	9.69E-03	1	0.65	2.69E-02	1
hsa-miR-34a	0.27	3.14E-01	0	-0.31	1.46E-01	0	2.25	5.36E-04	1
hsa-miR-34b	-0.43	2.47E-01	0	-0.64	2.11E-03	1	1.10	3.01E-04	1
hsa-miR-361	-0.06	6.74E-01	0	-0.37	4.08E-02	0	-0.83	7.48E-05	1
hsa-miR-365	-1.26	9.64E-04	1	0.18	3.90E-01	0	-0.63	3.65E-03	1
hsa-miR-368	-0.48	2.87E-02	0	0.67	2.41E-03	1	4.37	4.17E-10	1
hsa-miR-374	-1.32	2.21E-03	1	-0.57	6.22E-02	0	0.90	6.73E-03	1
hsa-miR-375	-0.78	5.79E-02	0	1.73	4.49E-03	1	5.58	4.23E-08	1
hsa-miR-376a	-0.77	8.25E-03	1	0.16	4.96E-01	0	3.04	1.68E-07	1
hsa-miR-377	-0.25	3.33E-01	0	0.46	8.57E-02	0	2.20	2.28E-04	1
hsa-miR-379	0.13	3.93E-01	0	0.57	5.30E-03	1	2.04	2.56E-06	1
hsa-miR-381	0.23	3.56E-01	0	0.92	4.15E-05	1	1.35	1.03E-05	1
hsa-miR-382	-0.11	7.49E-01	0	-0.07	7.57E-01	0	1.96	5.44E-05	1
hsa-miR-422a	-0.71	1.05E-01	0	-0.88	4.70E-02	0	-1.65	4.83E-03	1
hsa-miR-422b	-0.02	9.53E-01	0	-0.72	6.64E-03	1	-0.85	2.94E-02	1
hsa-miR-423	0.47	1.23E-01	0	-0.28	2.76E-01	0	-1.55	1.13E-05	1
hsa-miR-424	-0.59	1.93E-01	0	-0.85	6.16E-03	1	1.51	1.58E-02	1
hsa-miR-429	-1.10	8.23E-04	1	-0.68	3.37E-02	0	-0.39	1.37E-01	0
hsa-miR-92	-0.02	8.95E-01	0	-0.12	3.21E-01	0	-1.55	3.42E-05	1
hsa-miR-93	0.16	4.03E-01	0	-0.95	1.11E-04	1	-1.80	2.50E-06	1
hsa-miR-95	-1.36	4.92E-04	1	-0.66	9.37E-02	0	1.12	1.69E-03	1
hsa-miR-96	-1.90	2.51E-04	1	-0.25	3.60E-01	0	-0.31	3.91E-01	0
hsa-miR-98	-1.00	1.86E-03	1	-0.53	4.71E-02	0	-0.16	5.25E-01	0
hsa-miR-99a	1.26	2.09E-04	1	0.37	2.34E-01	0	0.67	8.83E-02	0
hsa-miR-99b	0.47	4.28E-02	0	-0.36	7.55E-02	0	-0.63	6.85E-02	0
ambi-miR-7029	-0.31	6.21E-01	0	-0.04	9.43E-01	0	4.26	8.68E-06	1
hsa-miR-193b	0.17	4.09E-01	0	0.06	8.57E-01	0	-1.91	3.32E-05	1
ambi-miR-7058	-0.06	7.77E-01	0	-0.17	4.02E-01	0	-0.89	1.98E-03	1
hsa-miR-452	-0.21	3.49E-01	0	-1.15	5.38E-05	1	-0.13	7.43E-01	0
hsa-miR-432	0.27	1.65E-01	0	0.25	1.67E-01	0	1.16	2.25E-04	1
hsa-miR-494	-0.18	7.96E-01	0	1.71	1.18E-02	1	2.39	1.71E-03	1
hsa-miR-497	1.21	1.68E-04	1	0.34	9.57E-02	0	3.27	1.89E-07	1
ambi-miR-7105	-0.32	8.49E-02	0	-0.89	1.91E-05	1	-0.68	1.37E-02	1

有意に異なる発現をFlag=1で示す。

【 0 2 1 5 】

(表8C) 正常臍臓 (N) 、慢性臍炎 (Ch) 、PDAC (Ca) 、および臍臓癌細胞株 (CL) の間で差次的に発現されるmiRNA

miRNA	N 対 Ca			N 対 CL			Ca 対 CL		
	Δh	p値	Flag	Δh	p値	Flag	Δh	p値	Flag
hsa-let-7b	0.53	6.62E-03	1	1.10	5.35E-03	1	0.57	3.54E-02	0
hsa-let-7c	0.58	7.45E-03	1	1.10	3.20E-03	1	0.52	5.63E-02	0
hsa-let-7d	0.48	4.50E-02	0	0.67	5.25E-03	1	0.19	3.80E-01	0
hsa-let-7e	0.23	3.08E-01	0	0.52	8.49E-02	0	0.28	1.93E-01	0
hsa-let-7f	0.57	4.31E-02	0	1.15	1.43E-03	1	0.58	5.37E-02	0
hsa-let-7g	0.21	2.50E-01	0	1.08	7.91E-05	1	0.86	3.81E-04	1
hsa-let-7i	-1.18	8.05E-06	1	-1.65	9.36E-03	1	-0.47	2.60E-01	0
hsa-miR-1	-1.04	2.09E-01	0	1.41	8.60E-05	1	2.45	5.23E-03	1
hsa-miR-100	-1.18	9.86E-04	1	-1.95	1.11E-04	1	-0.77	2.69E-02	1
hsa-miR-101	0.38	1.13E-01	0	2.39	9.82E-08	1	2.01	1.36E-06	1
hsa-miR-103	-0.86	1.56E-04	1	-0.95	2.85E-03	1	-0.08	6.80E-01	0
hsa-miR-106a	-0.44	1.37E-03	1	-1.61	1.69E-04	1	-1.17	1.34E-04	1
hsa-miR-106b	-0.67	5.10E-04	1	-1.04	1.11E-06	1	-0.37	1.24E-02	1

10

20

30

40

50

hsa-miR-107	-0.94	2.95E-05	1	-1.02	2.40E-03	1	-0.08	7.09E-01	0
hsa-miR-10a	-1.31	3.92E-05	1	-0.95	2.24E-02	1	0.37	2.62E-01	0
hsa-miR-10b	-0.70	2.30E-03	1	0.57	9.28E-02	0	1.27	5.34E-04	1
hsa-miR-125b	-0.97	8.80E-04	1	-0.10	7.62E-01	0	0.87	1.48E-02	1
hsa-miR-126	-0.29	5.67E-02	0	3.34	3.35E-05	1	3.63	2.76E-07	1
hsa-miR-126-AS	0.36	3.72E-01	0	3.01	1.23E-05	1	2.65	3.72E-05	1
hsa-miR-128a	-0.61	1.00E-02	1	-1.35	5.30E-04	1	-0.74	8.50E-04	1
hsa-miR-130b	2.43	1.13E-09	1	1.29	3.62E-04	1	-1.14	6.70E-05	1
hsa-miR-132	-1.03	9.27E-03	1	0.85	5.45E-02	0	1.88	1.39E-06	1
hsa-miR-140	-0.85	1.05E-03	1	1.46	4.84E-05	1	2.31	1.26E-07	1
hsa-miR-141	1.50	2.56E-05	1	1.16	3.50E-05	1	-0.34	1.33E-01	0
hsa-miR-142-3p	-0.97	2.74E-02	0	1.85	9.03E-04	1	2.81	1.20E-08	1
hsa-miR-143	-1.94	2.65E-05	1	5.53	1.52E-11	1	7.46	1.36E-12	1
hsa-miR-145	-1.83	3.22E-04	1	5.67	7.09E-10	1	7.50	3.98E-11	1
hsa-miR-146a	-2.09	1.35E-05	1	0.72	2.71E-01	0	2.81	1.14E-04	1
hsa-miR-148a	3.30	4.26E-09	1	6.02	5.64E-06	1	2.73	1.49E-04	1
hsa-miR-148b	2.29	2.74E-05	1	2.23	8.93E-05	1	-0.06	8.42E-01	0
hsa-miR-150	-2.65	6.12E-06	1	0.54	2.52E-01	0	3.19	7.12E-08	1
hsa-miR-151	0.02	8.75E-01	0	-0.60	3.14E-03	1	-0.61	1.91E-04	1
hsa-miR-152	-0.40	2.81E-02	0	1.85	4.01E-04	1	2.25	3.04E-06	1
hsa-miR-153	0.50	1.98E-01	0	1.86	4.81E-05	1	1.36	3.49E-03	1
hsa-miR-154	1.20	6.30E-04	1	2.64	6.56E-06	1	1.44	3.34E-04	1
hsa-miR-155	-2.34	3.56E-04	1	-1.72	5.94E-02	0	0.62	3.01E-01	0
hsa-miR-15a	-0.33	3.81E-02	0	0.53	1.65E-02	1	0.86	5.46E-04	1
hsa-miR-15b	-0.60	1.32E-02	1	-2.46	1.59E-06	1	-1.86	8.21E-07	1
hsa-miR-17-3p	-0.11	5.23E-01	0	-1.02	3.80E-03	1	-0.90	2.51E-03	1
hsa-miR-17-5p	-0.52	2.51E-03	1	-1.71	1.88E-04	1	-1.20	2.27E-04	1
hsa-miR-18a	-1.68	4.02E-05	1	-2.56	5.93E-05	1	-0.88	2.40E-02	1
hsa-miR-181a	-0.76	3.68E-03	1	-1.23	2.89E-04	1	-0.47	7.69E-02	0
hsa-miR-181b	-0.69	2.68E-03	1	-1.64	1.05E-03	1	-0.94	6.92E-03	1
hsa-miR-182	0.82	4.46E-03	1	0.31	2.27E-01	0	-0.51	5.09E-02	0
hsa-miR-183	0.57	1.66E-01	0	-1.09	1.01E-03	1	-1.66	6.66E-04	1
hsa-miR-186	0.30	1.01E-01	0	1.07	3.57E-03	1	0.77	6.10E-03	1
hsa-miR-192	0.51	3.35E-01	0	4.91	1.30E-11	1	4.40	4.92E-07	1
hsa-miR-193a	-0.13	5.21E-01	0	-0.89	3.35E-03	1	-0.76	4.66E-03	1
hsa-miR-194	-0.51	3.49E-01	0	4.36	1.84E-10	1	4.86	2.86E-07	1
hsa-miR-195	-0.36	1.24E-01	0	2.64	3.37E-06	1	3.00	9.57E-09	1
hsa-miR-196a	-2.64	3.99E-06	1	-1.72	1.39E-02	1	0.92	6.51E-02	0
hsa-miR-196b	-2.67	1.01E-05	1	-1.78	4.65E-02	0	0.89	1.84E-01	0
hsa-miR-197	-0.39	1.42E-01	0	-2.02	9.22E-04	1	-1.63	1.20E-03	1
hsa-miR-199a	-1.00	7.20E-05	1	4.79	3.95E-08	1	5.79	5.24E-12	1
hsa-miR-199a-AS	-0.63	4.67E-04	1	5.72	8.48E-09	1	6.35	1.10E-12	1
hsa-miR-199b	-0.22	1.56E-01	0	3.63	1.81E-08	1	3.85	9.95E-11	1
hsa-miR-20a	-0.36	1.60E-02	1	-1.29	1.53E-03	1	-0.94	1.82E-03	1
hsa-miR-200a	1.05	9.04E-04	1	0.95	1.35E-03	1	-0.11	6.83E-01	0
hsa-miR-200b	0.77	3.94E-03	1	0.40	5.26E-02	0	-0.37	1.36E-01	0
hsa-miR-200c	1.31	3.88E-06	1	0.12	2.97E-01	0	-1.19	2.66E-06	1
hsa-miR-203	-1.69	2.33E-04	1	0.82	3.61E-01	0	2.51	2.79E-03	1
hsa-miR-205	-2.22	7.67E-02	0	-6.44	1.42E-05	1	-4.23	2.34E-03	1
hsa-miR-21	-1.09	1.60E-03	1	-1.07	5.06E-03	1	0.03	8.91E-01	0
hsa-miR-210	-2.82	2.13E-06	1	-0.93	1.63E-02	1	1.90	1.80E-04	1
hsa-miR-214	-1.49	1.67E-04	1	2.73	1.64E-06	1	4.23	9.20E-10	1

10

20

30

40

hsa-miR-215	0.42	5.77E-01	0	3.37	4.18E-06	1	2.95	8.70E-04	1
hsa-miR-216	5.45	2.52E-08	1	6.04	2.98E-09	1	0.60	1.57E-01	0
hsa-miR-217	5.68	1.66E-07	1	6.59	1.50E-12	1	0.91	6.31E-02	0
hsa-miR-218	-0.56	4.59E-02	0	1.29	1.39E-03	1	1.85	2.29E-05	1
hsa-miR-22	-0.46	2.33E-03	1	1.20	2.59E-03	1	1.66	1.53E-05	1
hsa-miR-221	-1.48	1.18E-05	1	-2.88	4.44E-07	1	-1.40	3.25E-05	1
hsa-miR-222	-2.06	8.61E-06	1	-3.29	3.63E-07	1	-1.23	1.81E-04	1
hsa-miR-223	-2.39	4.27E-04	1	3.12	1.32E-05	1	5.50	1.99E-08	1
hsa-miR-224	-1.27	2.18E-05	1	-1.64	4.94E-02	0	-0.37	5.21E-01	0
hsa-miR-23a	-0.76	5.15E-04	1	-1.04	2.49E-05	1	-0.28	8.92E-02	0
hsa-miR-23b	-0.46	3.14E-02	0	-0.58	2.32E-03	1	-0.12	4.71E-01	0
hsa-miR-24	-0.92	7.49E-05	1	-0.11	5.14E-01	0	0.81	2.16E-04	1
hsa-miR-25	-0.26	2.80E-02	0	-0.24	1.31E-01	0	0.02	8.60E-01	0
hsa-miR-26a	0.20	2.61E-01	0	1.60	2.31E-05	1	1.39	8.09E-06	1
hsa-miR-26b	0.48	1.85E-02	1	2.18	7.78E-06	1	1.70	1.22E-05	1
hsa-miR-27a	-0.52	2.02E-03	1	-0.43	5.72E-03	1	0.09	5.26E-01	0
hsa-miR-27b	0.33	7.68E-02	0	0.72	2.45E-02	1	0.39	1.19E-01	0
hsa-miR-28	-0.26	1.43E-01	0	-0.12	4.52E-01	0	0.14	3.81E-01	0
hsa-miR-29c	1.75	5.23E-06	1	3.65	6.72E-07	1	1.89	1.85E-05	1
hsa-miR-301	-0.69	1.02E-03	1	-1.32	7.49E-04	1	-0.64	1.55E-02	1
hsa-miR-30a-3p	1.59	1.12E-07	1	0.23	6.25E-01	0	-1.36	3.12E-03	1
hsa-miR-30a-5p	0.93	2.08E-05	1	0.70	2.74E-02	1	-0.23	3.26E-01	0
hsa-miR-30b	1.11	4.45E-06	1	1.48	3.32E-05	1	0.37	4.73E-02	0
hsa-miR-30c	1.15	3.24E-06	1	0.47	1.32E-01	0	-0.68	1.33E-02	1
hsa-miR-30d	0.79	2.84E-04	1	0.67	6.02E-03	1	-0.12	5.33E-01	0
hsa-miR-30e-3p	1.53	1.57E-05	1	0.55	1.14E-01	0	-0.98	5.37E-03	1
hsa-miR-30e-5p	0.80	3.20E-06	1	1.18	2.06E-03	1	0.38	1.14E-01	0
hsa-miR-320	-0.30	1.13E-01	0	-0.79	4.19E-03	1	-0.49	3.52E-02	0
hsa-miR-324-3p	-1.14	1.09E-04	1	-1.60	3.30E-04	1	-0.46	4.05E-02	0
hsa-miR-331	-1.53	2.41E-04	1	-1.96	8.19E-05	1	-0.43	1.09E-01	0
hsa-miR-335	1.23	9.74E-04	1	2.82	3.36E-03	1	1.59	1.91E-02	1
hsa-miR-338	0.85	5.46E-02	0	3.86	1.78E-04	1	3.01	3.14E-04	1
hsa-miR-339	0.10	4.92E-01	0	-1.04	2.63E-03	1	-1.14	9.66E-05	1
hsa-miR-342	-0.08	4.44E-01	0	0.84	1.44E-02	1	0.92	1.16E-03	1
hsa-miR-34a	-0.58	3.89E-02	0	1.98	3.82E-03	1	2.56	3.43E-05	1
hsa-miR-34b	-0.21	4.92E-01	0	1.53	2.12E-03	1	1.74	5.33E-07	1
hsa-miR-361	-0.31	1.15E-01	0	-0.77	5.53E-04	1	-0.46	1.70E-02	1
hsa-miR-365	1.44	1.53E-04	1	0.63	2.26E-02	1	-0.81	7.95E-04	1
hsa-miR-368	1.15	2.52E-05	1	4.85	3.48E-10	1	3.70	3.89E-11	1
hsa-miR-374	0.75	4.31E-02	0	2.23	7.29E-05	1	1.48	2.34E-04	1
hsa-miR-375	2.51	3.16E-04	1	6.36	5.62E-09	1	3.85	3.08E-06	1
hsa-miR-376a	0.93	9.59E-04	1	3.81	2.09E-08	1	2.88	1.39E-08	1
hsa-miR-377	0.72	1.38E-02	1	2.45	2.09E-04	1	1.73	3.69E-04	1
hsa-miR-379	0.44	4.32E-02	0	1.91	2.83E-05	1	1.47	3.26E-05	1
hsa-miR-381	0.69	1.72E-03	1	1.12	2.40E-04	1	0.43	1.25E-03	1
hsa-miR-382	0.03	8.80E-01	0	2.07	4.91E-05	1	2.03	2.68E-07	1
hsa-miR-422a	-0.17	5.78E-01	0	-0.94	2.23E-02	1	-0.77	5.96E-02	0
hsa-miR-422b	-0.71	2.49E-02	0	-0.83	6.51E-02	0	-0.13	6.95E-01	0
hsa-miR-423	-0.75	1.56E-02	1	-2.02	3.00E-06	1	-1.27	3.02E-05	1
hsa-miR-424	-0.26	4.13E-01	0	2.10	6.06E-03	1	2.35	8.92E-05	1
hsa-miR-429	0.42	1.14E-01	0	0.71	1.00E-03	1	0.29	2.78E-01	0
hsa-miR-92	-0.10	4.21E-01	0	-1.53	1.21E-04	1	-1.42	8.10E-06	1

10

20

30

40

hsa-miR-93	-1.11	4.56E-05	1	-1.96	2.80E-06	1	-0.84	4.32E-04	1
hsa-miR-95	0.71	7.99E-02	0	2.48	1.94E-06	1	1.77	2.73E-04	1
hsa-miR-96	1.64	6.25E-06	1	1.59	4.07E-04	1	-0.06	8.20E-01	0
hsa-miR-98	0.47	1.51E-01	0	0.84	3.07E-02	1	0.37	2.44E-01	0
hsa-miR-99a	-0.90	1.70E-02	1	-0.60	1.58E-01	0	0.30	4.49E-01	0
hsa-miR-99b	-0.83	4.04E-03	1	-1.10	1.40E-02	1	-0.27	3.90E-01	0
ambi-miR-7029	0.27	5.70E-01	0	4.57	1.29E-07	1	4.30	1.02E-07	1
hsa-miR-193b	-0.11	7.67E-01	0	-2.08	1.63E-05	1	-1.97	1.50E-04	1
ambi-miR-7058	-0.10	5.18E-01	0	-0.82	7.83E-04	1	-0.72	7.04E-04	1
hsa-miR-452	-0.94	7.38E-06	1	0.07	8.60E-01	0	1.02	7.99E-03	1
hsa-miR-432	-0.01	9.38E-01	0	0.89	2.28E-03	1	0.90	5.65E-04	1
hsa-miR-494	1.89	5.80E-03	1	2.57	6.42E-04	1	0.68	1.60E-01	0
hsa-miR-497	-0.87	4.23E-04	1	2.06	2.01E-05	1	2.93	2.13E-08	1
ambi-miR-7105	-0.57	9.24E-04	1	-0.36	1.68E-01	0	0.21	2.83E-01	0

有意に異なる発現をFlag=1で示す。

【0216】

実施例9：

PDACおよび他の膵臓疾患に対する26種類のmiRNAバイオマーカー

膵臓細胞株および正常組織および疾患原発性組織のマイクロアレイによるプロファイリングから、発明者らは、試料間で131種類の誤調節される（差次的に発現される）miRNAを同定することができた（表8）。発明者らはさらに、正常試料、慢性試料、およびPDAC試料間で差次的に発現される94種類の一群のmiRNA（表6）、ならびに正常試料とPDAC試料間で差次的に発現される84種類のmiRNAを同定した（表6、Flag（N 対 Ca）=1）。発明者らは、3つの原発性組織タイプのうちの少なくとも2つの間で、 $|h| > 1.6$ （5倍）、およびp値<0.0001の20種類のmiRNA（図5）、ならびに腫瘍性の導管細胞においてインビボとエクスピボの両方で過剰発現された6種類のmiRNA（図7）を同定した。PDACにおいて発現が有意に影響を受ける、これら26種類のmiRNAは、PDACおよび他の膵臓疾患の新規バイオマーカーおよび治療標的となる。これらの内容を、アレイデータおよび染色体上の位置とともに表9に要約する。

【0217】

（表9）PDACにおいて差次的に発現される上位26種類のmiRNA

10

20

30

miRNA ID	染色体	平均 (N)	平均 (Ch)	平均 (Ca)	平均 (CL)	p値	Δh (Ca-N)	Δ倍	標的数
miR-205	1 q32.2	0.9	1.44	3.12	7.35	3.47E-06	2.22	9	19
miR-29c	1 q32.2	8.25	6.95	6.49	4.6	1.48E-10	-1.75	6	45
miR-216	2 p16.1	7.09	5.9	1.64	1.05	4.56E-13	-5.45	233	6
miR-217	2 p16.1	7.86	6.7	2.19	1.27	3.81E-13	-5.68	293	19
miR-375	2 q35	7.21	6.43	4.7	0.85	1.41E-11	-2.51	12	5
miR-143	5 q32	6.02	7.52	7.96	0.49	< 1E-11	1.94	7	7
miR-145	5 q32	6.32	7.82	8.15	0.65	< 1E-11	1.83	6	15
miR-146a	5 q33.3	3.85	4.87	5.93	3.13	1.24E-05	2.09	8	4
miR-148a	7 p15.2	8.57	7.14	5.27	2.55	1.91E-10	-3.3	27	28
miR-196b	7 p15.2	0.57	1.04	3.24	2.35	3.79E-04	2.67	14	7
miR-93	7 q22.1	4.83	4.99	5.94	6.78	1.26E-09	1.11	3	26
miR-96	7 q32.2	4.69	2.79	3.04	3.1	9.15E-06	-1.64	5	33
miR-31	9 p21.3	3.9	5.57	6.69	6.06	1.52E-01	2.79	16	10
miR-210	11 p15.5	3.79	4.43	6.61	4.71	2.38E-08	2.82	17	0
miR-148b	12 q13.13	5.11	2.97	2.82	2.88	1.82E-06	-2.29	10	28
miR-196a	12 q13.13	1.13	1.41	3.77	2.85	1.00E-05	2.64	14	6
miR-141	12 p13.31	7.5	6.65	6	6.34	1.06E-05	-1.5	4.5	29
miR-18a	13 q31.3	2.58	3.17	4.26	5.14	3.68E-07	1.68	5	4
miR-203	14 q32.33	3.5	2.66	5.19	2.68	2.06E-04	1.69	5	14
miR-150	19 p13.33	1.73	3.68	4.38	1.19	1.49E-06	2.65	14	6
miR-155	21 q21.3	3.25	4.22	5.59	4.97	2.75E-03	2.34	10	8
miR-130b	22 q11.21	6.27	4.93	3.84	4.98	4.01E-08	-2.43	11	41
miR-221	X p11.3	5.02	5.41	6.5	7.9	1.55E-11	1.48	4	13
miR-222	X p11.3	3.92	4.63	5.99	7.22	3.43E-11	2.06	8	12
miR-223	X q12	4.47	5.62	6.86	1.36	1.33E-10	2.39	11	10
miR-224	X q28	2.56	2.44	3.83	4.2	1.51E-03	1.27	3.5	7

10

20

30

40

50

## 【0218】

## 実施例10：

## qRT-PCRによるマイクロアレイデータの検証

発明者らのアレイデータを検証するために、発明者らは、3つの組織タイプで極めて異なる発現パターンを示す5種類のmiRNA (miR-143、-155、-196a、-217、および-223)、ならびに有意な変化の認められない1種類のmiRNA (miR-16)を対象にリアルタイムPCRを実施した。qRT-PCR反応を、SuperTaq (商標) ポリメラーゼ (Ambion)、ならびにmirVana (商標) qRT-PCR miRNA検出キット、およびプライマーセット (Ambion) を製造業者の指示書に従って使用して実施した。qRT-PCRは、5~50 ngの全RNAインプットを対象にABI7500 サーモサイクラー (Applied Biosystems; Foster City, CA, USA) で実施した。データ解析を、7500 Fast System SDS Softwareを使用して実施した。

## 【0219】

発明者らは、過去にプロファイルが得られた19種類の全RNA試料、ならびにRNA分解の規模の異なる2つの正常臍臍試料、2つのPDAC試料、および1つの慢性臍炎試料からなる独立した一群の組織を解析した (N6、N7、Ca9、Ca10、およびCh7; 図1; 病理報告については表2を参照)。miRNAの発現レベルの相対的な変動は、標準化されたアレイおよびqRT-PCRのデータと似ていた (図8)。さらに、24の全ての試料について、正常組織、癌組織、および慢性組織に特徴的な推定miRNA発現パターンが見られたことから、発明者らのアレイデータが検証されたことになり、成熟miRNA分子が安定なこともわかる。

## 【0220】

## 実施例11：

## qRT-PCRによる組織の分類

大規模なmiRNAの発現プロファイルの解析、差次的に発現されるmiRNA (図4Bおよび図6

）、ならびに26種類のmiRNAマーカー（図5、図7、および図8）から、miRNAの発現が、正常臍臓組織と疾患臍臓組織で区別されて分類可能なことがわかった。この分類をさらに一段階進めるために、腫瘍性組織と非腫瘍性組織を区別可能な最小セットのmiRNAを、成熟miRNAを対象に定量的RT-PCR解析を行うことで同定した。発明者らは、2種類のmiRNA（miR-196および-217）の生C<sub>t</sub>値間の差が、全RNA試料インプットと無関係に疾患組織を同定するための単純な指標を提供することを明らかにした（図9A）。24種類の独立した組織試料を対象に実施した同じ解析では、正常試料、PDAC試料、および慢性臍炎試料が、1.77E-13のp値で完全に分離することが判明した（図9B）。この分離は、異なるリアルタイムPCRアッセイ法であるTaqMan（登録商標）MicroRNA Assay（Applied Biosystems；Foster City, CA, USA）で確認された。qRT-PCR反応を、10 ngのRNAインプットを用いて、一群の20の凍結臍臓組織試料（6つのN、6つのCh、および8つのCa、実施例1）を対象とした7900HT Fast Real-Time PCR System（Applied Biosystems）を使用して実施した。RT反応はランダムプライマーを使用して実施し、PCR反応には遺伝子特異的なプライミングを使用した。初期データ解析は、7900HT配列検出系ソフトウェアv2.3を使用して実施した。発明者らは、過去に実施されたアッセイ法では8.18E-10のp値でほぼ同一であった正常組織、癌組織、および慢性組織が分離できることを観察した（図10）。

10

## 【0221】

## 実施例12：

疾患臍臓組織の分類におけるmRNAの発現指標

臍臓疾患の患者から得られた臨床試料中の癌胎児性抗原関連細胞接着分子6（CEACAM6）、サバイビン（BIRC5）、ムチン4（MUC4）、およびウロキナーゼプラスミノーゲンアクチベーター受容体（UPAR）の潜在的な診断上の重要性が複数の報告で述べられている（Balogue et al., 1995；Bhanot et al., 2006；Chen et al., 2007；Duxbury et al., 2004；Hollingsworth et al., 1994；Lopes et al., 2007）。全4種類の遺伝子は臍癌で、および大半の臍癌細胞株ではアップレギュレートされており、および慢性臍炎では発現されていないか（MUC4）、または発現が上昇しており（サバイビン、UPAR、CEACAM）、ならびに正常臍臓組織では発現されていないか、わずかに発現している（Jhala et al., 2006；Andrianifahanana et al., 2001；Friess et al., 1997；Shimzu et al., 1990）。

20

## 【0222】

発明者らは、実施例1に記載した一群の凍結組織試料（6つのN、6つのCh、および8つのCa）における、CEACAM6、BIRC5、MUC4、およびUPARの発現レベルをリアルタイムRT-PCRで調べた。qRT-PCR反応を、5 ngの全RNAインプットおよびABI TaqMan（登録商標）遺伝子発現アッセイ法システム（Applied Biosystems）を使用して実施した。RT反応ではランダムプライマーを使用し、およびPCR反応では遺伝子特異的なプライミングを使用した。初期のデータ解析は、7900HT Sequence Detection System Software v2.3を使用して行った。実験群間におけるCEACAM6、BIRC5、MUC4、またはUPARのmRNAの平均発現レベルの比較から、これらの遺伝子がPDACで全般的にアップレギュレートされることが明らかとなった（データは提示していない）。しかしながら、個々の試料における発現レベルの解析から、正常臍臓、慢性臍炎、およびPDACの試料セットは明瞭に分離しないことが、それぞれ、7.64E-03、1.11E-02、および2.11E-03という高いp値から判明した。慢性臍炎試料の発現プロファイルは、正常プロファイルとPDACプロファイルの中間か、または正常なプロファイルに近いかのいずれかであった（図11A）。

30

## 【0223】

## 実施例13：

miRNAとmRNAの発現指標を組み合わせることで疾患臍臓組織の分類が改善する

発明者らは、CEACAM6、BIRC5、MUC4、およびUPARを対象とした個々の診断の実施が、これらをmiRNAと組み合わせることで改善されるか否かの判定を試みた。発明者らは、2種類もしくは2種類以上のmRNA遺伝子の発現指標（expression signature）を組み合わせても、miR-196aおよびmiR-217のmiRNAインデックス（p=8.18 × 10<sup>-10</sup>、図10）との比較時に、正常臍臓試料、慢性臍炎試料、および臍癌試料の分離に関して何ら利点は得られないこ

40

50

とを明らかにした ( $p > 4.35 \times 10^{-7}$ 、図11B)。しかしながら、miRNAとmRNAの発現指標の組み合わせは、正常組織試料と慢性膵炎試料の間の分離を高め、および膵臓癌試料と正常な非悪性組織試料の区別を可能とした。最も明らかであった組み合わせである196a-217+C EACAMでは、p値は $5.24 \times 10^{-10}$ であった。

【0224】

実施例14：

膵臓の穿刺吸引物(FNA)中の膵臓腺癌の診断を目的としたmiRNAおよびmRNAバイオマーカーの検出

発明者らは、上位20種類の一群の差次的に発現されるmiRNAの発現指標を調べた(実施例6)。膵臓組織は高レベルのリボヌクレアーゼを含むので、FNAを手術から30分以内に、RNARetain(商標)(組織の回収および保存用の溶液)中に採取し、最長2日間にわたって4で保存し、ドライアイス上に保存した。qRT-PCRによって調べた標的は以下を含む：miR-130b、-148a、-155、-196a、-217、および-375、ならびに文献に報告済みの2種類のmRNAであるCEACAM6およびBIRC5。qRT-PCR反応は、10 ng (miRNAの定量用)および5 ng (mRNAの定量用)の全RNAインプットを使用して実施例12に記載した手順で実施した。10のPDAC FNA(Ca FNA)におけるmiRNA発現パターンは、標準となる凍結した膵管腺癌試料と一致していた(図12)。CEACAM6およびBIRC5のmRNAの発現レベルもPDACと一致していたが、BIRC5の場合のように、慢性膵炎および正常膵臓標本の発現レベルと重複していた。3つの非PDAC FNA試料(FNA; FNA-8-、FNA-12-、およびFNA-13-)では、発現パターンは、検討したマーカーによってさまざまであった。2種類または2種類以上のmiRNAおよび/またはmRNAのマーカーを組み合わせた、さらなる解析によって、miR-196とmiR-217の生Ct値間の差が、膵臓癌のFNA試料と正常標本または慢性膵炎標本間の分離を改善することが確認された(図13)。加えて、これらのmiRNAのみ、またはmRNAマーカーとの組み合わせによって、FNA-8(PDACであることが疑われる、)がPDAC標本であるという分類が可能となった。この結果から、miRNAが、疑わしい症例の病理学的評価を容易にし、膵臓腺癌の確定診断における有用な利点となることがわかる。さらに、miRNAとmRNAの発現レベルを組み合わせることで、膵臓癌のFNAと、凍結した正常膵臓標本ならびに慢性膵炎標本との間の分離を際だたせることができた。

【0225】

実施例15：

膵臓癌形成に潜在的に関与するmiRNAの標的の推定

膵臓癌形成中のmiRNAによる調節を潜在的に受ける生物学的経路に関するさらなる知見を得るために、発明者らは、上記の26種類のmiRNAバイオマーカーを対象に、膵臓癌で調節が解除されることが既知である公開された遺伝子と、推定標的遺伝子間の包括的な比較を行った。PDACにおいて差次的に発現される遺伝子について報告した代表的ないくつかの公開データセットを使用して、PDAC候補の遺伝子発現データベースを構築した。これと並行して、発明者らの研究によって、公開されているPicTarウェブインターフェイス(<http://pictar.bio.nyu.edu>)を使用して同定された26種類のmiRNAバイオマーカーの推定標的に関する探索を実施した。両データセットの比較後に、両方のデータセットに存在する一群の遺伝子を作製した。最後に、PDACでアップレギュレートされるmiRNAを、PDACでダウンレギュレートされることが既知である共通の一群の推定標的遺伝子に関連づけた。PDACでダウンレギュレートされるmiRNAには、反対の選択基準を適用した。

【0226】

miRNAが遺伝子発現の負の調節因子であり、このためmiRNAと推定標的の遺伝子発現間の逆相関を予測するという現在の見解を踏まえて、発明者らは、PDACで調節が解除される246種類の固有の遺伝子を同定した(表10)。これらの遺伝子の約37%が、複数のmiRNAの標的であると推定されたことは重要である。47種類の遺伝子が2種類のmiRNAによる標的となり、21種類の遺伝子が3種類のmiRNAによる標的となり、13種類の遺伝子が4種類のmiRNAによる標的となり、および7種類の遺伝子が5種類の異なるmiRNAによる標的となると推定される。これらのデータから、miRNAによって駆動される病態生理学的機序が膵臓疾患の発

10

20

30

40

50

生と直接関与し、また重要な点として、診断における使用および治療的介入の新たな標的を提供する可能性があることがわかる。

## 【0227】

(表10) 26種類のmiRNAバイオマーカー、およびそれらの推定標的遺伝子はPDACで差次的に発現される

miRNA	miRNA	標的遺伝子	推定標的遺伝子の説明	Ensembl Gene	UniGene	文献
hsa-miR-145	hsa-miR-18a	ACTB	Actin, beta	ENSG00000075624	Hs.520640	Crnogorac-Jurcevic et al., 2001
hsa-miR-205		AK3	Adenylate kinase 3-like 1	ENSG00000162433	Hs.10862	Nakamura et al., 2004, Logsdon et al., 2003
hsa-miR-141	hsa-miR-203	AMOT	Angiomotin	ENSG00000126016	Hs.528051	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-205		ANGPT2	Angiopoietin 2	ENSG00000091879	Hs.553484	Sato et al., 2003
hsa-miR-145		ANLN	Anillin, actin binding protein (scraps homolog, Drosophila)	ENSG00000011426	Hs.62180	Iacobuzio-Donahue et al., 2003; Nakamura et al., 2004
hsa-miR-217	hsa-miR-29c	RND3	Rho family GTPase 3	ENSG00000115963	Hs.6838	Gress et al., 1996
	hsa-miR-203	ARIH GAP12	Rho GTPase activating protein 12	ENSG00000165322	Hs.499264	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-93		ARIHGEF11	Rho guanine nucleotide exchange factor (GEF) 11	ENSG00000132694	Hs.516954	Han et al., 2002
hsa-miR-93	hsa-miR-130b	ARIHGEF12	Rho guanine nucleotide exchange factor (GEF) 12	ENSG00000196914	Hs.24598	Gress et al., 1996
hsa-miR-148a	hsa-miR-148b	ARPC5	Actin related protein 2/3 complex, subunit 5, 16kDa	ENSG00000162704	Hs.518609	Iacobuzio-Donahue et al., 2003; Gritzmann et al., 2003
hsa-miR-375		ASPH	Aspartate beta-hydroxylase	ENSG00000198363	Hs.332422	Iacobuzio-Donahue et al., 2003, Gress et al., 1996
hsa-miR-96						
hsa-miR-141	hsa-miR-29c	ASTN2	Astroactin 2	ENSG00000148219	Hs.209217	Buchholz et al., 2005
		ATXN2	Ataxin 2	ENSG00000204842	Hs.76253	Buchholz et al., 2005
		AXIN2	Axin 2 (conductin, axil)	ENSG00000168646	Hs.156527	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-155	hsa-miR-145	BAZ2A	Bromodomain adjacent to zinc finger domain, 2A	ENSG00000076108	Hs.314263	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-205		BCL2	B-cell CLL/lymphoma 2	ENSG00000171791	Hs.150749	Friess et al., 1998
hsa-miR-145						
hsa-miR-217	hsa-miR-96					

hsa-miR-150	アツブ	BET1	BET1 homolog (S. cerevisiae)	ENSG00000105829	Hs.489132	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-148b	ダウン	BLCAP	Bladder cancer associated protein	ENSG00000166619	Hs.472651	Gress et al., 1996
hsa-miR-145	アツブ	C14orf140	Chromosome 14 open reading frame 140	ENSG00000119703	Hs.48642	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-150	アツブ	C1orf6	Chromosome 1 open reading frame 16	ENSG00000116698	Hs.270775	Crnogorac-Jurcevic et al., 2003
hsa-miR-205	アツブ	C1QDC1	C1q domain containing 1	ENSG00000110888	Hs.234355	Iacobuzio-Donahue et al., 2002
hsa-miR-130b	ダウン	C20orf102	Chromosome 20 open reading frame 102	ENSG00000132821	Hs.517029	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-150	アツブ	C20orf161	Chromosome 20 open reading frame 161	ENSG00000124104	Hs.472854	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-205	アツブ	C21orf63	Chromosome 21 open reading frame 63	ENSG00000166979	Hs.208358	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-93	アツブ	C20orf17	Chromosome 2 open reading frame 17	ENSG00000144567	Hs.516707	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-130b	アツブ	C6orf62	Chromosome 6 open reading frame 62	ENSG00000112308	Hs.519930	Gress et al., 1996
hsa-miR-148a	ダウン	C7orf23	Chromosome 7 open reading frame 23	ENSG00000135185	Hs.196129	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-148b	ダウン	C8orf4	Chromosome 8 open reading frame 4	ENSG00000176907	Hs.283683	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-203	アツブ	C9orf58	Chromosome 9 open reading frame 58	ENSG00000126878	Hs.4944	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-150	アツブ	CACNA1G	Calcium channel, voltage-dependent, alpha 1G subunit	ENSG00000006283	Hs.194746	Sato et al., 2003
hsa-miR-31	アツブ	CADPS	Ca2+-dependent secretion activator	ENSG00000163618	Hs.127013	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-205	アツブ	CANX	Calmexin	ENSG00000127022	Hs.529890	Tan et al., 2003
hsa-miR-96	ダウン	CAV1	Caveolin 1, caveola protein, 22kDa	ENSG00000105974	Hs.74034	Iacobuzio-Donahue et al., 2003; Crnogorac-Jurcevic et al., 2001
hsa-miR-29c	ダウン	CAV2	Caveolin 2	ENSG00000105971	Hs.212332	Iacobuzio-Donahue et al., 2003; Iacobuzio-Donahue et al., 2002; Sato et al., 2003

hsa-miR-130b	ダウン	CBFB	Core-binding factor, beta subunit	ENSG00000067955	Hs.460988	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-203	アップ	CCNC	Cyclin C	ENSG00000112237	Hs.430646	Cnogorac-Jurcevic et al., 2002
hsa-miR-224	アップ	CD28	CD28 antigen (Tp44)	ENSG00000178562	Hs.1987	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-31	アップ	CD28	CD28 antigen (Tp44)	ENSG00000178562	Hs.1987	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-148a	ダウン	CDC25B	Cell division cycle 25B	ENSG00000101224	Hs.153752	Grützmann et al., 2003
hsa-miR-130b	ダウン	CDC2L6	Cell division cycle 2-like 6 (CDK8-like)	ENSG00000155111	Hs.193251	Gress et al., 1996
hsa-miR-148a	ダウン	CDC37	CDC37 cell division cycle 37 homolog (S. cerevisiae)	ENSG00000105401	Hs.160958	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-96	ダウン	CDKN1A	Cyclin-dependent kinase inhibitor 1A (p21, Cip1)	ENSG00000124762	Hs.370771	Sato et al., 2003
hsa-miR-93 hsa-miR-196a hsa-miR-196b hsa-miR-221 hsa-miR-222	アップ	CDKN1C	Cyclin-dependent kinase inhibitor 1C (p57, Kip2)	ENSG00000129757	Hs.106070	Sato et al., 2003
hsa-miR-221 hsa-miR-222	アップ	CEBPG	CCAAT/enhancer binding protein (C/EBP), gamma	ENSG00000153879	Hs.429666	Gress et al., 1996
hsa-miR-96	ダウン	CELSR1	Cadherin, EGF LAG seven-pass G-type receptor	ENSG00000075275	Hs.252387	Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-96	ダウン	CFL1	Cofilin 1 (non-muscle)	ENSG00000172757	Hs.170622	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-130b hsa-miR-141 hsa-miR-148a hsa-miR-148b hsa-miR-217	ダウン	CHD9	Chromodomain helicase DNA binding protein 9	ENSG00000177200	Hs.59159	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-224	アップ	CHGB	Chromogranin B (secretogranin 1)	ENSG00000089199	Hs.516874	Cnogorac-Jurcevic et al., 2003
hsa-miR-145	アップ	CHKB	Choline kinase beta	ENSG00000100288	Hs.439777	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-29c	ダウン	CLDN1	Claudin 1	ENSG00000163347	Hs.439060	Iacobuzio-Donahue et al., 2002
hsa-miR-375	ダウン	CLECSF2	C-type lectin domain family 2, member B	ENSG00000110852	Hs.85201	Friess et al., 2003

hsa-miR-143	アツブ	CNNM3	Cyclin M3	ENSG00000168763	Hs.150895	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-29c	ダウン	COL11A1	Collagen, type XI, alpha 1	ENSG00000060718	Hs.523446	Iacobuzio-Donahue et al., 2002
hsa-miR-29c	ダウン	COL1A1	Collagen, type I, alpha 1	ENSG00000108821	Hs.172928	Iacobuzio-Donahue et al., 2002; Nakamura et al., 2004; Gress et al., 1997; Cnogorac-Jurcevic et al., 2003; Yoshida et al., 2003
hsa-miR-29c	ダウン	COL1A2	Collagen, type I, alpha 2	ENSG00000164692	Hs.489142	Friess et al., 2003; Cnogorac-Jurcevic et al., 2002; Tan et al., 2003; Iacobuzio-Donahue et al., 2002; Nakamura et al., 2004
hsa-miR-130b hsa-miR-148a hsa-miR-148b hsa-miR-29c	ダウン	COL2A1	Collagen, type II, alpha 1	ENSG00000139219	Hs.408182	Friess et al., 2003
hsa-miR-29c	ダウン	COL3A1	Collagen, type III, alpha 1	ENSG00000168542	Hs.443625	Buchholz et al., 2005; Gress et al., 1997; Nakamura et al., 2004; Cnogorac-Jurcevic et al., 2001; Friess et al., 2003
hsa-miR-29c	ダウン	COL4A2	Collagen, type IV, alpha 2	ENSG00000134871	Hs.508716	Friess et al., 2003
hsa-miR-29c	ダウン	COL5A2	Collagen, type V, alpha 2	ENSG00000204262	Hs.445827	Gress et al., 1997
hsa-miR-29c	ダウン	COL6A3	Collagen, type VI, alpha 3	ENSG00000163359	Hs.233240	Gress et al., 1997
hsa-miR-205	アツブ	CROP	Cisplatin resistance-associated overexpressed protein	ENSG00000108848	Hs.130293	Gürtzmann et al., 2003
hsa-miR-96	ダウン	CRR9	Cisplatin resistance related protein CRR9p	ENSG00000049656	Hs.444673	Gress et al., 1996
hsa-miR-141	ダウン	CSNK1A1	Casein kinase 1, alpha 1	ENSG00000113712	Hs.529862	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-375	ダウン	CTGF	Connective tissue growth factor	ENSG00000118523	Hs.410037	Iacobuzio-Donahue et al., 2002
hsa-miR-141	ダウン	CTNNNA1	Catenin (cadherin-associated protein), alpha 1, 102kDa	ENSG00000044115	Hs.445981	Li, 2003
hsa-miR-141 hsa-miR-217	ダウン	CTNNB1	Catenin (cadherin-associated protein), beta 1, 88kDa	ENSG00000168036	Hs.476018	Iacobuzio-Donahue et al., 2002; Gress et al., 1996; Li, 2003

hsa-miR-29c hsa-miR-96	タウン	CTNNND1	Catenin (cadherin-associated protein), delta 1	ENSG00000198561	Hs.166011	Gress et al., 1996
hsa-miR-31	アツブ	CXCL12	Chemokine (C-X-C motif) ligand 12 (stromal cell-derived factor 1)	ENSG00000107562	Hs.522891	Gritzmann et al., 2003
hsa-miR-146a	アツブ	CXYorf2	Chromosome X and Y open reading frame 2	ENSG00000169098	Hs.521856	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-223	アツブ	CYB5	Cytochrome b-5	ENSG00000166347	Hs.465413	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-145	アツブ	DAG1	Dystroglycan 1 (dystrophin-associated glycoprotein 1)	ENSG00000173402	Hs.76111	Han et al., 2002
hsa-miR-223	アツブ	DAG1	Dystroglycan 1 (dystrophin-associated glycoprotein 1)	ENSG00000173402	Hs.76111	Han et al., 2002
hsa-miR-141	タウン	DEK	DEK oncogene (DNA binding)	ENSG00000124795	Hs.484813	Gress et al., 1996
hsa-miR-29c	タウン	DGKD	Diacylglycerol kinase, delta 130kDa	ENSG00000077044	Hs.471675	Gritzmann et al., 2003
hsa-miR-224	アツブ	DKFZp434K2435	Hypothetical protein DKFZp434K2435	ENSG00000139173	Hs.444668	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-150	アツブ	DKFZP586A0522	DKFZP586A0522 protein	ENSG00000185432	Hs.288771	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-217	タウン	DKK1	Dickkopf homolog 1 (Xenopus laevis)	ENSG00000107984	Hs.40499	Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-205	アツブ	DLG2	Discs, large homolog 2, chapsyn-110 (Drosophila)	ENSG00000150672	Hs.503453	Friess et al., 2003
hsa-miR-217	タウン	DNAJA1	DnaJ (Hsp40) homolog, subfamily A, member 1	ENSG00000086061	Hs.445203	Yoshida et al., 2003
hsa-miR-29c	タウン	DNM3	Dynamin 3	ENSG00000197959	Hs.567444	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-130b	タウン	DPYSL2	Dihydropyrimidinase-like 2	ENSG00000092964	Hs.173381	Gress et al., 1996
hsa-miR-148a hsa-miR-148b	タウン	DUSP1	Dual specificity phosphatase 1	ENSG00000120129	Hs.171695	Yoshida et al., 2003
hsa-miR-223	アツブ	EFNA1	Ephrin-A1	ENSG00000169242	Hs.516664	Cnogorac-Jurcevic et al., 2001
hsa-miR-203	アツブ	EGR1	Early growth response 1	ENSG00000120738	Hs.326035	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-130b hsa-miR-148a hsa-miR-148b	タウン	EIF2C4	Eukaryotic translation initiation factor 2C, 4	ENSG00000134698	Hs.471492	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-217	タウン	EIF4A2	Eukaryotic translation initiation factor 4A, isoform 2	ENSG00000156976	Hs.478553	Gress et al., 1996

hsa-miR-141	タウン	EIF4E	Eukaryotic translation initiation factor 4E	ENSG00000151247	Hs.249718	Gress et al., 1996
hsa-miR-141 hsa-miR-29c	タウン	ELF2	E74-like factor 2 (ets domain transcription factor)	ENSG00000109381	Hs.480763	Gress et al., 1996
hsa-miR-93	アツブ	EPAS1	Endothelial PAS domain protein 1	ENSG00000116016	Hs.468410	Friess et al., 2003
hsa-miR-375	タウン	EPB41L2	Erythrocyte membrane protein band 4.1-like 2	ENSG00000079819	Hs.486470	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-141	タウン	EPHA2	EPH receptor A2	ENSG00000142627	Hs.171596	Iacobuzio-Donahue et al., 2002
hsa-miR-130b	タウン	EREG	Epiregulin	ENSG00000124882	Hs.115263	Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-145	アツブ	EXA3	Eyes absent homolog 3 (Drosophila)	ENSG00000158161	Hs.185774	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-223	アツブ	FGFR2	Fibroblast growth factor receptor 2	ENSG00000066468	Hs.533683	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-93	アツブ	FLT1	Fms-related tyrosine kinase 1	ENSG00000102755	Hs.507621	Crnogorac-Jurcevic et al., 2001
hsa-miR-217	タウン	FN1	Fibronectin 1	ENSG00000115414	Hs.203717	Buchholz et al., 2005; Tan et al., 2003; Friess et al., 2003; Nakamura et al., 2004; Gress et al., 1997; Crnogorac-Jurcevic et al., 2003
hsa-miR-221 hsa-miR-222	アツブ	FOS	V-fos FB murine osteosarcoma viral oncogene homolog	ENSG00000170345	Hs.25647	Gruizmann et al., 2003; Han et al., 2002
hsa-miR-29c	タウン	FSTL1	Follistatin-like 1	ENSG00000163430	Hs.269512	Tan et al., 2003
hsa-miR-205	アツブ	FXYD2	FXYD domain containing ion transport regulator 2	ENSG00000137731	Hs.413137	Buchholz et al., 2005; Nakamura et al., 2004; Crnogorac-Jurcevic et al., 2003
hsa-miR-96	タウン	FYN	FYN oncogene related to SRC, FGR, YES	ENSG0000010810	Hs.390567	Yoshida et al., 2003; Nakamura et al., 2004
hsa-miR-141 hsa-miR-96	タウン	GALNT2	UDP-N-acetyl-alpha-D-galactosamine:polypeptide N-acetylglucosaminyltransferase 2	ENSG00000143641	Hs.567272	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-155	アツブ	GNAS	GNAS complex locus	ENSG00000087460	Hs.125898	Buchholz et al., 2005; Nakamura et al., 2004; Gruizmann et al., 2003; Friess et al., 2003
hsa-miR-143 hsa-miR-224	アツブ	HABP2	Hyaluronan binding protein 2	ENSG00000148702	Hs.422542	

hsa-miR-93	アツブ	HABP4	Hyaluronan binding protein 4	ENSG00000130956	Hs.494567	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-141	アツブ	HAPIP	Kalirin, RhoGEF kinase	ENSG00000160145	Hs.8004	Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-130b	アツブ					
hsa-miR-148a	アツブ					
hsa-miR-29c	アツブ					
hsa-miR-96	アツブ					
hsa-miR-130b	アツブ	HAS3	Hyaluronan synthase 3	ENSG00000103044	Hs.85962	Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-205	アツブ	HECA	Headcase homolog (Drosophila)	ENSG00000112406	Hs.197644	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-196a	アツブ	HMGB1	High-mobility group box 1	ENSG00000189403	Hs.434102	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-196b	アツブ	HOXA1	Homeo box A1	ENSG00000105991	Hs.67397	Sato et al., 2003
hsa-miR-29c	アツブ	HOXA10	Homeo box A10	ENSG00000153807	Hs.110637	Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-141	アツブ	HOXA11	Homeo box A11	ENSG00000005073	Hs.249171	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-141	アツブ	HOXB5	Homeo box B5	ENSG00000120075	Hs.149548	Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-205	アツブ	HS3ST1	Heptan sulfate (glucosamine) 3-O-sulfotransferase 1	ENSG00000002587	Hs.507348	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-130b	アツブ	HSH1N1	OTU domain containing 4	ENSG00000164164	Hs.27051	Gress et al., 1996
hsa-miR-148a	アツブ					
hsa-miR-148b	アツブ					
hsa-miR-217	アツブ					
hsa-miR-29c	アツブ					
hsa-miR-223	アツブ	CDH12	Cadherin 12, type 2 (N-cadherin 2)	ENSG00000154162	Hs.113684	Criogorac-Jurcevic et al., 2003
hsa-miR-93	アツブ	IL17E	Interleukin 17E	ENSG00000166090	Hs.302036	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-224	アツブ	ILF3	Interleukin enhancer binding factor 3, 90kDa	ENSG00000129351	Hs.465885	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-29c	アツブ	IMPDH1	IMP (inosine monophosphate) dehydrogenase 1	ENSG00000156802	Hs.558347	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-130b	アツブ	INHBB	Inhibin, beta B (activin AB beta polypeptide)	ENSG00000163083	Hs.1735	Sato et al., 2003; Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-148a	アツブ					
hsa-miR-148b	アツブ					
hsa-miR-155	アツブ	INPP5D	Insitol polyphosphate-5-phosphatase, 145kDa	ENSG00000168918	Hs.262886	Nakamura et al., 2004

hsa-miR-130b	ミル-130b	ダウン	ITGA11	Integrin, alpha 11	ENSG00000137809	Hs.436416	Gress et al., 1997
hsa-miR-148a	ミル-148a	ダウン	ITM1	Integral membrane protein 1	ENSG00000134910	Hs.504237	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-148b	ミル-148b	ダウン	KAB	KARP-1-binding protein	ENSG00000143702	Hs.533635	Iacobuzio-Donahue et al., 2002
hsa-miR-217	ミル-217	ダウン	KIAA0063	Josephin domain containing 1	ENSG00000100221	Hs.3094	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-130b	ミル-130b	ダウン	KIAA0276	DCN1, defective in cullin neddylation 1, domain containing 4 ( <i>S. cerevisiae</i> )	ENSG00000109184	Hs.221407	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-96	ミル-96	ダウン	KIAA1199	KIAA1199	ENSG00000103888	Hs.459088	Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-146a	ミル-146a	ダウン	KLF7	Kruppel-like factor 7 (ubiquitous)	ENSG00000118263	Hs.471221	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-93	ミル-93	ダウン	KLF9	Kruppel-like factor 9	ENSG00000119138	Hs.150557	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-29c	ミル-29c	ダウン	LASP1	LIM and SH3 protein 1	ENSG0000002834	Hs.334851	Gress et al., 1996
hsa-miR-130b	ミル-130b	ダウン	LBR	Lamin B receptor	ENSG00000143815	Hs.435166	Gress et al., 1996
hsa-miR-148a	ミル-148a	ダウン	LCP1	Lymphocyte cytosolic protein 1 (L-plastin)	ENSG00000136167	Hs.381099	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-148b	ミル-148b	ダウン	LGALS3	Lectin, galactoside-binding, soluble, 3 (galectin 3)	ENSG00000131981	Hs.531081	Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-96	ミル-96	ダウン	MAF1	MAF1 homolog ( <i>S. cerevisiae</i> )	ENSG00000179632	Hs.19673	Gress et al., 1996
hsa-miR-217	ミル-217	ダウン	MAPK1	Mitogen-activated protein kinase 1	ENSG00000100030	Hs.431850	Gress et al., 1996
hsa-miR-130b	ミル-130b	ダウン	MAPK9	Mitogen-activated protein kinase 9	ENSG00000050748	Hs.484371	Crnogorac-Jurcevic et al., 2001
hsa-miR-148a	ミル-148a	ダウン	MARK3	MAP/microtubule affinity-regulating kinase 3	ENSG00000075413	Hs.35828	Friess et al., 2003
hsa-miR-148b	ミル-148b	ダウン	MASTL	Microtubule associated serine/threonine kinase-like	ENSG00000120539	Hs.276905	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-203	ミル-203	ダウン	MCL1	Myeloid cell leukemia sequence 1 (BCL2-related)	ENSG00000143384	Hs.532826	Griessmann et al., 2003
hsa-miR-205	ミル-205	ダウン					
hsa-miR-93	ミル-93	ダウン					

hsa-miR-203	アツブ	MEF2C	MADS box transcription enhancer factor 2, polypeptide C (myocyte enhancer factor 2C)	ENSG00000081189	Hs.444409	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-223	アツブ	MEF2D	MADS box transcription enhancer factor 2, polypeptide D (myocyte enhancer factor 2D)	ENSG00000116604	Hs.314327	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-93						
hsa-miR-18a	アツブ	MEF2D				
hsa-miR-196b	アツブ	MEIS2	Meis1, myeloid ecotropic viral integration site 1 homolog 2 (mouse)	ENSG00000134138	Hs.510989	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-29c	ダウン	MFAP2	Microfibrillar-associated protein 2	ENSG00000117122	Hs.389137	Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-196a	アツブ	MGC61598	Similar to ankyrin-repeat protein Nrarp	ENSG00000198435	Hs.535075	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-196b						
hsa-miR-141	ダウン	MMP11	Matrix metallopeptidase 11 (stromelysin 3)	ENSG00000099953	Hs.143751	Nakamura et al., 2004; Iacobuzio-Donahue et al., 2003; Bramhall et al., 1997; Crnogorac-Jurcevic et al., 2003
hsa-miR-29c	ダウン	MMP2	Matrix metallopeptidase 2 (gelatinase A, 72kDa gelatinase, 72kDa type IV collagenase)	ENSG00000087245	Hs.513617	Bramhall et al., 1997; Ellerrieder et al., 2000; Gress et al., 1997
hsa-miR-143	アツブ	MSI2	Musashi homolog 2 (Drosophila)	ENSG00000153944	Hs.134470	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-145						
hsa-miR-29c	ダウン	MYBL2	V-myb myeloblastosis viral oncogene homolog (avian)-like 2	ENSG00000101057	Hs.179718	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-130b	ダウン	N4BP1	Nedd4 binding protein 1	ENSG00000102921	Hs.511839	Gress et al., 1997
hsa-miR-96	ダウン	N4BP1	Nedd4 binding protein 1	ENSG00000102921	Hs.511839	Gress et al., 1997
hsa-miR-29c	ダウン	NAV2	Neuron navigator 2	ENSG00000166833	Hs.502116	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-29c	ダウン	NCOA3	Nuclear receptor coactivator 3	ENSG00000124151	Hs.382168	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-145	アツブ	NEDD4L	Neural precursor cell expressed, developmentally down-regulated 4-like	ENSG00000049759	Hs.185677	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-93						
hsa-miR-223	アツブ	NFIB	Nuclear factor I/B	ENSG00000147862	Hs.370359	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-93						
hsa-miR-130b	ダウン	NHS	Nance-Horan syndrome (congenital cataracts and dental anomalies)	ENSG00000188158	Hs.201623	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-148a						
hsa-miR-148b						
hsa-miR-217						

hsa-miR-205	アツブ	NPR2	Natriuretic peptide receptor B/guanylate cyclase B (atrionatriuretic peptide receptor B)	ENSG00000159899	Hs.78518	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-150	アツブ	NR2F2	Nuclear receptor subfamily 2, group F, member 2	ENSG00000185551	Hs.347991	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-155	アツブ	NR3C2	Nuclear receptor subfamily 3, group C, member 2	ENSG00000151623	Hs.163924	Gress et al., 1996
hsa-miR-130b	ダウン	NR4A1	Nuclear receptor subfamily 4, group A, member 1	ENSG00000123358	Hs.524430	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-141	ダウン	NR4A2	Nuclear receptor subfamily 4, group A, member 2	ENSG00000153234	Hs.165258	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-224	アツブ	NR5A2	Nuclear receptor subfamily 5, group A, member 2	ENSG00000116833	Hs.33446	Crnogorac-Jurcevic et al., 2003
hsa-miR-93	アツブ	NUMB	Numb homolog (Drosophila)	ENSG00000133961	Hs.509909	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-143	アツブ	NUTTF2	Nuclear transport factor 2	ENSG00000102898	Hs.356630	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-146a	アツブ	OSBPL8	Oxysterol binding protein-like 8	ENSG00000091039	Hs.430849	Iacobuzio-Donahue et al., 2002
hsa-miR-31	アツブ	OXTR	Oxytocin receptor	ENSG00000180914	Hs.2820	Sato et al., 2003
hsa-miR-205	アツブ	PAFAH1B1	Platelet-activating factor acetylhydrolase, isoform Ib, alpha subunit 4 5kDa	ENSG00000007168	Hs.77318	Gress et al., 1996
hsa-miR-223	アツブ	PCDHHA6	Protocadherin alpha subfamily C, 1	ENSG00000081842	Hs.199343	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-96	アツブ	PCGF3	Polycomb group ring finger 3	ENSG00000185619	Hs.144309	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-29c	ダウン	PCNA	Proliferating cell nuclear antigen	ENSG00000132646	Hs.147433	Han et al., 2002
hsa-miR-130b	アツブ	PDCD4	Programmed cell death 4 (neoplastic transformation inhibitor)	ENSG00000150593	Hs.232543	Tan et al., 2003
hsa-miR-141	アツブ	PDGFRB	Platelet-derived growth factor receptor, beta polypeptide	ENSG00000113721	Hs.509067	Gress et al., 1997
hsa-miR-29c	ダウン					

hsa-miR-205	アツブ	PHB	Prohibitin	ENSG00000167085	Hs.514303	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-143	アツブ	PHF20L1	PHD finger protein 20-like 1	ENSG00000197967	Hs.304362	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-18a	アツブ					
hsa-miR-203	アツブ					
hsa-miR-223	アツブ					
hsa-miR-203	アツブ	PLD2	Phospholipase D2	ENSG00000129219	Hs.104519	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-31	アツブ	PLEK2	Pleckstrin 2	ENSG00000100558	Hs.170473	Sato et al., 2003
hsa-miR-96	ダウン	PLOD2	Procollagen-lysine, 2-oxoglutarate 5-dioxygenase 2	ENSG00000152952	Hs.477866	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-93	アツブ	PPARA	Peroxisome proliferative activated receptor, alpha	ENSG00000186951	Hs.275711	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-29c	ダウン	PPIC	Peptidylprolyl isomerase C (cyclophilin C)	ENSG00000168938	Hs.110364	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-216	ダウン	PPM1B	Protein phosphatase 1B (formerly 2C), magnesium-dependent, beta isoform	ENSG00000138032	Hs.416769	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-141	ダウン	PPP2R2A	Protein phosphatase 2 (formerly 2A), regulatory subunit B (PR 52), alpha isoform	ENSG00000104762	Hs.146339	Yoshida et al., 2003
hsa-miR-141	ダウン	PPT2	Palmitoyl-protein thioesterase 2	ENSG00000168452	Hs.332138	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-29c	ダウン	PRO0149	PRO0149 protein	ENSG00000182831	Hs.2221497	Gress et al., 1996
hsa-miR-130b	ダウン	PTP4A1	Protein tyrosine phosphatase type IV A, member 1	ENSG00000112245	Hs.227777	Han et al., 2002
hsa-miR-141	ダウン					
hsa-miR-29c	ダウン					
hsa-miR-96	ダウン					
hsa-miR-130b	ダウン	RAB34	RAB34, member RAS oncogene family	ENSG00000109113	Hs.301853	Buchholz et al., 2005; Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-148a	ダウン	RAC1	Ras-related C3 botulinum toxin substrate 1 (rho family, small GTP binding protein Rac1)	ENSG00000136238	Hs.413812	Crnogorac-Jurcevic et al., 2001
hsa-miR-148b	ダウン	RARB	Retinoic acid receptor, beta	ENSG00000077092	Hs.436538	Crnogorac-Jurcevic et al., 2001
hsa-miR-96	ダウン	RBMS1	RNA binding motif, single stranded interacting protein 1	ENSG00000153250	Hs.470412	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-141	ダウン					
hsa-miR-29c	ダウン					
hsa-miR-141	ダウン					

hsa-miR-223	アツブ	RBPSUH	Recombining binding protein suppressor of hairless (Drosophila)	ENSG00000168214	Hs.479396	Han et al., 2002
hsa-miR-196a	アツブ	RGL2	Ral guanine nucleotide dissociation stimulator-like 2	ENSG00000056687	Hs.509622	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-196b	アツブ					
hsa-miR-130b	ダウン	RNPEPL1	Arginyl aminopeptidase (aminopeptidase B)-like 1	ENSG00000142327	Hs.5345	Gress et al., 1996
hsa-miR-148a	ダウン					
hsa-miR-148b	ダウン					
hsa-miR-29c	ダウン					
hsa-miR-141	ダウン	RUNX1	Runt-related transcription factor 1 (acute myeloid leukemia 1; aml1 oncogene)	ENSG00000159216	Hs.149261	Iacobuzio-Donahue et al., 2002; Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-375	ダウン	SAFB	Scaffold attachment factor B	ENSG00000160633	Hs.23978	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-221	アツブ					
hsa-miR-222	アツブ	SCD	Stearoyl-CoA desaturase (delta-9-desaturase)	ENSG00000099194	Hs.558396	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-141	ダウン					
hsa-miR-205	アツブ	SCMH1	Sex comb on midleg homolog 1 (Drosophila)	ENSG0000010803	Hs.87464	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-130b	ダウン	SDFR1	Stromal cell derived factor receptor 1	ENSG00000156642	Hs.187866	Gress et al., 1996
hsa-miR-148a	ダウン					
hsa-miR-148b	ダウン					
hsa-miR-217	ダウン					
hsa-miR-205	アツブ	SEL1L	Sel-1 suppressor of lin-12-like (C. elegans)	ENSG00000071537	Hs.181300	Crnogorac-Jurcevic et al., 2003
hsa-miR-31	アツブ	SEMA3F	Sema domain, immunoglobulin domain (Ig), short basic domain, secreted, semaphorin 3F	ENSG00000001617	Hs.32981	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-205	アツブ	SENP1	SUMO1/sentrin specific peptidase 1	ENSG00000079387	Hs.371957	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-93	ダウン	SEPT11	Septin 11	ENSG00000138758	Hs.128199	Iacobuzio-Donahue et al., 2002
hsa-miR-96	ダウン					
hsa-miR-141	ダウン	SEPT7	Septin 7	ENSG00000122545	Hs.191346	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-216	ダウン					
hsa-miR-221	アツブ	SFRP2	Secreted frizzled-related protein 2	ENSG00000145423	Hs.481022	Crnogorac-Jurcevic et al., 2001
hsa-miR-222	アツブ					
hsa-miR-96	ダウン	SH3BGR13	SH3 domain binding glutamic acid-rich protein like 3	ENSG00000142669	Hs.109051	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-130b	ダウン	SIAHBP1	Fuse-binding protein-interacting repressor	ENSG00000179950	Hs.521924	Gress et al., 1996

hsa-miR-29c	ダウン	SLC16A1	AKR7 family pseudogene	ENSG00000155380	Hs.75231	Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-141	ダウン	SLC20A1	Solute carrier family 20 (phosphate transporter), member 1	ENSG00000144136	Hs.187946	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-145	アップ	SLC25A25	Solute carrier family 25 (mitochondrial carrier; phosphate carrier), member 25	ENSG00000148339	Hs.5476	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-130b hsa-miR-148a hsa-miR-148b	ダウン	SLC2A1	Solute carrier family 2 (facilitated glucose transporter), member 1	ENSG00000117394	Hs.473721	Logsdon et al., 2003; Cmogorac-Jurcevic et al., 2003; Nakamura et al., 2004; Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-96	ダウン	SLC35A1	Solute carrier family 35 (CMP-sialic acid transporter), member A1	ENSG00000055291	Hs.423163	Friess et al., 2003
hsa-miR-93	アップ	SLC40A1	Solute carrier family 40 (iron-regulated transporter), member 1	ENSG00000138449	Hs.529285	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-145 hsa-miR-203 hsa-miR-221 hsa-miR-222 hsa-miR-224	ダウン	SLC4A4	Solute carrier family 4, sodium bicarbonate cotransporter, member 4	ENSG00000080493	Hs.5462	Buchholz et al., 2005; Iacobuzio-Donahue et al., 2003; Cmogorac-Jurcevic et al., 2003; Nakamura et al., 2004
hsa-miR-96	ダウン	SLCO3A1	Solute carrier family 4, sodium transporter family, member 3A1	ENSG00000176463	Hs.311187	Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-216	ダウン	SMAD7	SMAD, mothers against DPP homolog 7 (Drosophila)	ENSG00000101665	Hs.465087	Kleeff et al., 1999
hsa-miR-96	ダウン	SMAD7	SMAD, mothers against DPP homolog 7 (Drosophila)	ENSG00000101665	Hs.465087	Kleeff et al., 1999
hsa-miR-221 hsa-miR-222	アップ	SMARCA1	SWI/SNF related, matrix associated, actin dependent regulator of chromatin, subfamily a, member 1	ENSG00000102038	Hs.152292	Sato et al., 2003
hsa-miR-148a hsa-miR-148b	ダウン	SMARCD1	SWI/SNF related, matrix associated, actin dependent regulator of chromatin, subfamily d, member 1	ENSG00000066117	Hs.79335	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-130b hsa-miR-141 hsa-miR-216	ダウン	SMC4L1	SMC4 structural maintenance of chromosomes 4-like 1 (yeast)	ENSG00000113810	Hs.58992	Nakamura et al., 2004; Iacobuzio-Donahue et al., 2003

hsa-miR-130b	SOX5	SRY (sex determining region Y)-box 5	ENSG00000134532	Hs.434948	Tan et al., 2003
hsa-miR-141					
hsa-miR-148a					
hsa-miR-148b					
hsa-miR-96					
hsa-miR-155	SOX6	SRY (sex determining region Y)-box 6	ENSG00000110693	Hs.368226	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-221	SP8	Sp8 transcription factor	ENSG00000164651	Hs.195922	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-93	SP8	Secreted protein, acidic, cysteine-rich (osteonectin)	ENSG00000113140	Hs.111779	Tan et al., 2003; Nakamura et al., 2004; Friess et al., 2003
hsa-miR-29c	SPARC	Signal transducer and activator of transcription 3 (acute-phase response factor)	ENSG00000168610	Hs.463059	Han et al., 2002
hsa-miR-93	STAT3	Spermatid perinuclear RNA binding protein	ENSG00000165209	Hs.287659	Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-217	STRBP	Sulfatase 1	ENSG00000137573	Hs.409602	Buchholz et al., 2005; Iacobuzio-Donahue et al., 2002
hsa-miR-130b	SULF1	Synaptotagmin VII	ENSG0000011347	Hs.502730	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-148a		Transforming, acidic coiled-coil containing protein 1	ENSG00000147526	Hs.279245	Gress et al., 1996
hsa-miR-148b					
hsa-miR-29c	SYT7	Transcription factor 7 (T-cell specific, HMG-box)	ENSG00000081059	Hs.519580	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-217	TACC1	Testis enhanced gene transcript (BAX inhibitor 1)	ENSG00000139644	Hs.35052	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-96	TCF7	TIMP metallopeptidase inhibitor 2	ENSG00000035862	Hs.104839	Gress et al., 1996; Bramhall et al., 1997
hsa-miR-196a		TIMP metallopeptidase inhibitor 3 (Sorsby fundus dystrophy, pseudoinflammatory)	ENSG00000197047	Hs.297324	Sato et al., 2003
hsa-miR-196b		TCDD-inducible poly(ADP-ribose) polymerase	ENSG00000163659	Hs.12813	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-96	TEGT	Tetraspanin 14	ENSG00000108219	Hs.310453	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-130b	TIMP2	Transmembrane, prostate androgen induced RNA	ENSG00000124225	Hs.517155	Iacobuzio-Donahue et al., 2002
hsa-miR-96		Transmembrane protease, serine 3	ENSG00000160183	Hs.208600	Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-29c	TMPRSS3				

hsa-miR-130b	Thymosin, beta 10	ENSG00000034510	Hs.446574	Tan et al., 2003; Nakamura et al., 2004
hsa-miR-148a				
hsa-miR-148b				
hsa-miR-96				
hsa-miR-130b	Thymosin, beta 4, X-linked	ENSG00000188364	Hs.522584	Tan et al., 2003
hsa-miR-148a				
hsa-miR-217				
hsa-miR-145	STEAP4	ENSG00000127954	Hs.521008	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-155	TP53INP1	ENSG00000164938	Hs.492261	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-93	Tumor protein p53 inducible nuclear protein 1	ENSG00000071575	Hs.467751	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-29c	TRIB2	ENSG00000136295	Hs.440899	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-130b	TRIYH3	ENSG00000131508	Hs.108332	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-96	Tweety homolog 3 (Drosophila)	ENSG00000100242	Hs.517622	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-221	UBE2D2	ENSG00000135913	Hs.166068	Gress et al., 1996
hsa-miR-222	Unc-84 homolog B (C. elegans)	ENSG00000124164	Hs.182265	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-29c	UNC84B			
hsa-miR-221	USP37			
hsa-miR-143	Ubiquitin specific peptidase 37			
hsa-miR-222	VAMP (vesicle-associated membrane protein B and C)			
hsa-miR-31	VAPB			
hsa-miR-130b	Wolf-Hirschhorn syndrome candidate 1	ENSG00000109685	Hs.113876	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-141				
hsa-miR-148a				
hsa-miR-148b				
hsa-miR-29c				
hsa-miR-130b	Wingless-type MMTV integration site family, member 10B	ENSG00000169884	Hs.91985	Buchholz et al., 2005
hsa-miR-148a				
hsa-miR-148b				
hsa-miR-18a	YPEL5	ENSG00000119801	Hs.515890	Gritzmann et al., 2003
hsa-miR-203				
hsa-miR-130b	ZCCHC2	ENSG00000141664	Hs.114191	Nakamura et al., 2004
hsa-miR-148a	Zinc finger, CCHC domain containing 2	ENSG00000043355	Hs.369063	Iacobuzio-Donahue et al., 2003
hsa-miR-148b				
hsa-miR-217	ZIC2	Zic family member 2 (odd-paired homolog, Drosophila)		
hsa-miR-96				
hsa-miR-145	ZNF462	Zinc finger protein 462		Buchholz et al., 2005
hsa-miR-205				
hsa-miR-196a				
hsa-miR-196b				

## 【 0 2 2 8 】

## 実施例16 :

## 診断法

患者は、黄疸、体重減少、痛み (bruising) 、腹痛、嘔吐、下痢、および/または悪心の1つもしくは複数を含む症状の評価を求める場合がある。患者の血漿を対象に、膵臓癌に関して50~75%の感度および83%の特異性を示す癌腫瘍マーカーCA 19-9の存在を評価するために、末梢血が採取される (Freelove and Walling, 2006)。同時に、miRNAフラクションを含む全RNAが、患者の血漿の試料から精製される。本発明の方法で、表6、表9

、ならびに図9Aおよび図9Bに列挙したmiRNAのレベルが、膵管腺癌または慢性膵炎を示唆する様式で変化するか否かが判定される。典型的に、これらの環境では本発明は、慢性膵炎の症例の診断に使用される。

【0229】

実施例17：

診断法

患者は、膵臓癌または慢性膵炎（実施例13を参照）を示唆する症状を有する場合があり、および血清腫瘍マーカーCA 19-9のレベルの上昇を示すことが明らかとなる場合があり、ならびに超音波内視鏡検査による穿刺吸引が計画される（Freelove and Walling, 2006）。この手順では、膵臓細胞を含む穿刺吸引物が採取される。あるいは、手順中に膵液が吸引される場合がある。膵液は、剥落した膵臓細胞および溶解した膵臓細胞の内容物を含む場合がある。穿刺吸引物、新鮮な試料、凍結もしくは固定した試料の内容物から、または膵液試料からmiRNAフラクションを含む全RNAが精製される。本発明の方法で、表6、表9、ならびに図9Aおよび図9Bに列挙したmiRNAのレベルが、膵管腺癌または慢性膵炎を示唆するように変化するか否かが見極められる。典型的に、このような環境で本発明は、膵臓癌の疑わしい診断の確認に使用されることになる。

【0230】

実施例18：

診断法

無症候性の患者は、CTスキャンイメージングで膵臓に瘤を有することが明らかになる場合がある。胸部X線検査および結腸鏡検査は正常である。患者は膵臓癌の家族歴を有し、およびある程度の体重減少を最近になって経験した場合がある。患者の血漿を、腫瘍マーカー抗原の存在に関して評価するために、末梢血が採取される。血漿の試料も、miRNAを精製するために処理される場合がある。次に本発明の方法によって、血漿から単離されたmiRNAのレベルが、膵管腺癌または慢性膵炎を示唆するように変化するか否かを判定することができる（表6、表9、図9Aおよび図9B）。このような環境下では、本発明を使用して、膵臓癌の診断を提供することができる。

【0231】

参考文献

以下の参考文献は、本明細書に記載した例示的な手順、またはこれに付随する他の詳細を提供する範囲で、特異的に参照により本明細書に組み入れられる。

U.S. Patent 6,723,509	
U.S. Patent 4,337,063	
U.S. Patent 4,404,289	
U.S. Patent 4,405,711	
U.S. Patent 4,659,774	
U.S. Patent 4,682,195	
U.S. Patent 4,683,202	10
U.S. Patent 4,704,362	
U.S. Patent 4,816,571	
U.S. Patent 4,959,463	
U.S. Patent 5,141,813	
U.S. Patent 5,143,854	
U.S. Patent 5,202,231	
U.S. Patent 5,214,136	20
U.S. Patent 5,221,619	
U.S. Patent 5,223,618	
U.S. Patent 5,242,974	
U.S. Patent 5,264,566	
U.S. Patent 5,268,486	
U.S. Patent 5,288,644	
U.S. Patent 5,324,633	30
U.S. Patent 5,378,825	
U.S. Patent 5,384,261	
U.S. Patent 5,405,783	
U.S. Patent 5,412,087	
U.S. Patent 5,424,186	
U.S. Patent 5,428,148	
U.S. Patent 5,429,807	40

- U.S. Patent 5,432,049  
U.S. Patent 5,436,327  
U.S. Patent 5,445,934  
U.S. Patent 5,446,137  
U.S. Patent 5,466,786  
U.S. Patent 5,468,613  
U.S. Patent 5,470,710 10  
U.S. Patent 5,470,967  
U.S. Patent 5,472,672  
U.S. Patent 5,480,980  
U.S. Patent 5,492,806  
U.S. Patent 5,503,980  
U.S. Patent 5,510,270  
U.S. Patent 5,525,464 20  
U.S. Patent 5,527,681  
U.S. Patent 5,529,756  
U.S. Patent 5,532,128  
U.S. Patent 5,545,531  
U.S. Patent 5,547,839  
U.S. Patent 5,554,501  
U.S. Patent 5,554,744 30  
U.S. Patent 5,556,752  
U.S. Patent 5,561,071  
U.S. Patent 5,571,639  
U.S. Patent 5,574,146  
U.S. Patent 5,580,726  
U.S. Patent 5,580,732  
U.S. Patent 5,583,013 40  
U.S. Patent 5,593,839  
U.S. Patent 5,599,672  
U.S. Patent 5,599,695  
U.S. Patent 5,602,240  
U.S. Patent 5,602,244  
U.S. Patent 5,610,287

- U.S. Patent 5,610,289  
U.S. Patent 5,614,617  
U.S. Patent 5,623,070  
U.S. Patent 5,624,711  
U.S. Patent 5,631,134  
U.S. Patent 5,637,683  
U.S. Patent 5,639,603 10  
U.S. Patent 5,645,897  
U.S. Patent 5,652,099  
U.S. Patent 5,654,413  
U.S. Patent 5,658,734  
U.S. Patent 5,661,028  
U.S. Patent 5,665,547  
U.S. Patent 5,667,972 20  
U.S. Patent 5,670,663  
U.S. Patent 5,672,697  
U.S. Patent 5,681,947  
U.S. Patent 5,695,940  
U.S. Patent 5,700,637  
U.S. Patent 5,700,922  
U.S. Patent 5,705,629 30  
U.S. Patent 5,708,154  
U.S. Patent 5,714,606  
U.S. Patent 5,728,525  
U.S. Patent 5,744,305  
U.S. Patent 5,763,167  
U.S. Patent 5,777,092  
U.S. Patent 5,792,847 40  
U.S. Patent 5,800,992  
U.S. Patent 5,807,522  
U.S. Patent 5,830,645  
U.S. Patent 5,837,196  
U.S. Patent 5,847,219  
U.S. Patent 5,858,988

U.S. Patent 5,859,221	
U.S. Patent 5,871,928	
U.S. Patent 5,872,232	
U.S. Patent 5,876,932	
U.S. Patent 5,886,165	
U.S. Patent 5,919,626	
U.S. Patent 6,004,755	10
U.S. Patent 6,087,102	
U.S. Patent 6,251,666	
U.S. Patent 6,368,799	
U.S. Patent 6,383,749	
U.S. Patent 6,617,112	
U.S. Patent 6,638,717	
U.S. Patent 6,720,138	20
U.S. Patent Application serial number 09/545,207	
U.S. Patent Application serial number 10/667,126	
U.S. Patent Application serial number 11/141,707	
U.S. Patent Application serial number 11/273,640	
U.S. Patent Prov. Appn. serial number 60/575,743	
U.S. Patent Prov. Appn. serial number 60/649,584	
U.S. Patent Prov. Appn. serial number 60/826,173	30

Ambros, *Cell*, 107(7):823-826, 2001.

Andrianifahanana *et al.*, *Clin. Cancer Res.*, 7(12): 4033-4040, 2001.

Balague *et al.*, *Gastroenterology*, 109(3):953-964, 1995.

Beaucage, and Lyer, *Tetrahedron*, 48:2223-2311, 1992.

Bhanot *et al.*, *Am. J. Surg. Pathol.*, 30(6): 754-759, 2006.

Brennecke *et al.*, *Cell*, 113:25-36, 2003.

Calin *et al.*, *Proc. Natl. Acad. Sci. USA*, 99:15524-15529, 2002.

Carrington *et al.* *Science*, 301(5631):336-338, 2003.

Chen *et al.*, *Int. J. Cancer*, 120(7):1511-1517, 2007.

Cummins *et al.*, In: *IRT: Nucleosides and nucleosides*, La Jolla CA, 72, 1996.

Denli *et al.*, *Trends Biochem. Sci.*, 28:196, 2003.

Didenko, *Biotechniques*, 31(5):1106-16, 1118, 1120-1, 2001.

- Duxbury *et al.*, *Br. J. Cancer*, 91(7):1384-1390, 2004.
- Emptage *et al.*, *Neuron*, 2001 Jan;29(1):197-208, 2001.
- EP 266,032
- EP 373 203
- EP 785 280
- EP 799 897
- Esquela-Kerscher and Slack, *Nat Rev Cancer*, 6(4):259-269, 2006. 10
- Fodor *et al.*, *Science*, 251:767-777, 1991.
- Freelove and Walling, *Am. Fam. Physician*, 73(3):485-492, 2006.
- Friess *et al.*, *Gastroenterology*, 113(3):904-913, 1997.
- Froehler *et al.*, *Nucleic Acids Res.*, 14(13):5399-5407, 1986.
- Gillam *et al.*, *J. Biol. Chem.*, 253:2532, 1978.
- Gillam *et al.*, *Nucleic Acids Res.*, 6:2973, 1979.
- Griffey *et al.*, *J Mass Spectrom*, 32(3):305-13, 1997. 20
- Griffiths-Jones *et al.*, *Nucleic Acids Res.*, 34 (Database Issue):D140-D144, 2006.
- He *et al.*, *Proc. Natl. Acad. Sci. USA*, 102(52):19075-19080, 2005.
- Hollingsworth *et al.*, *Int. J. Cancer*, 57(2):198-203, 1994.
- Huber *et al.*, *Bioinformatics*, 18:Suppl 1:S96-104, 2002.
- Itakura and Riggs, *Science*, 209:1401-1405, 1980.
- Itakura *et al.*, *J. Biol. Chem.*, 250:4592, 1975.
- Jemal *et al.*, *CA Cancer J Clin.*, 56(2):106-130, 2006. 30
- Jhala *et al.*, *Am. J. Clin. Pathol.* 126(4):572-579, 2006.
- Khorana, *Science*, 203, 614, 1979.
- Kleeff *et al.*, *Oncogene*, (39):5363-5372, 1999.
- Klostermeier and Millar, *Biopolymers*, 61(3):159-79, 2001-2002.
- Kornberg and Baker, In: *DNA Replication*, 2d Ed., Freeman, San Francisco, 1992.
- Lagos-Quintana *et al.*, *Science*, 294(5543):853-858, 2001.
- Lau *et al.*, *Science*, 294(5543):858-862, 2001. 40
- Lee and Ambros, *Science*, 294(5543):862-864, 2001.
- Lee *et al.*, *EMBO J.* 21:4663-70, 2002.
- Lopes *et al.*, *Int. J. Cancer*, 120(11):2344-2352, 2007
- Lu *et al.*, *Nature*, 435(7043):834-838, 2005.
- Monti *et al.*, *Virchows Arch.*, 445(3):236-247, 2004.
- Olsen *et al.*, *Dev. Biol.*, 216:671, 1999.

Sambrook *et al.*, In: *DNA microarrays: a molecular cloning manual*, Cold Spring Harbor Laboratory Press, Cold Spring Harbor, NY, 2003.

Sambrook *et al.*, In: *Molecular cloning: a laboratory manual*, 2<sup>nd</sup> Ed., Cold Spring Harbor Laboratory Press, Cold Spring Harbor, NY, 1989.

Sambrook *et al.*, In: *Molecular cloning: a laboratory manual*, 3<sup>rd</sup> Ed., Cold Spring Harbor Laboratory Press, Cold Spring Harbor, NY, 2001.

Seggerson *et al.*, *Dev. Biol.*, 243:215, 2002.

10

Shimzu *et al.*, *Arch. Pathol. Lab. Med.*, 114(2):195-200, 1990.

U.K. Patent 8 803 000

U.K. Patent 1,529,202

WO 0168255

WO 03020898

WO 03022421

WO 03023058

20

WO 03029485

WO 03040410

WO 03053586

WO 03066906

WO 03067217

WO 03076928

WO 03087297

30

WO 03091426

WO 03093810

WO 03100448A1

WO 04020085

WO 04027093

WO 09923256

WO 09936760

40

WO 93/17126

WO 95/11995

WO 95/21265

WO 95/21944

WO 95/21944

WO 95/35505

WO 96/31622

WO 97/10365

WO 97/27317

WO 9743450

WO 99/35505

WO0138580

WO03100012

10

Xu *et al.*, *Curr. Biol.*, 13:790-795, 2003.

【手続補正書】

【提出日】平成21年8月28日(2009.8.28)

【手続補正1】

【補正対象書類名】明細書

【補正対象項目名】配列表

【補正方法】追加

【補正の内容】

【配列表】

2010504102000001.app

## 【国際調査報告】

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

		International application No PCT/US2007/078936
A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER INV. C12N15/11		
According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC		
B. FIELDS SEARCHED		
Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols) C12N C07K		
Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched		
Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practical, search terms used) EPO-Internal, BIOSIS, WPI Data		
C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	TAKAMIZAWA J ET AL: "Reduced expression of the let-7 microRNAs in human lung cancers in association with shortened postoperative survival" CANCER RESEARCH, AMERICAN ASSOCIATION FOR CANCER RESEARCH, BALTIMORE, MD, US, vol. 64, 1 June 2004 (2004-06-01), pages 3753-3756, XP002385720 ISSN: 0008-5472 the whole document	1-33
X	US 2006/185027 A1 (BARTEL DAVID [US] ET AL) 17 August 2006 (2006-08-17) paragraph [1280] paragraph [1344]	1-33
		-/-
<input checked="" type="checkbox"/> Further documents are listed in the continuation of Box C.		<input checked="" type="checkbox"/> See patent family annex.
* Special categories of cited documents :		
*A* document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance		
*E* earlier document but published on or after the International filing date		
*L* document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)		
*O* document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means		
*P* document published prior to the International filing date but later than the priority date claimed		
*T* later document published after the International filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention		
*X* document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone		
*Y* document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art		
*&* document member of the same patent family		
Date of the actual completion of the International search  24 January 2008		Date of mailing of the international search report  14/04/2008
Name and mailing address of the ISA/ European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL-2280 HV Rijswijk Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl. Fax: (+31-70) 340-3016		Authorized officer  Herrmann, Klaus

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No PCT/US2007/078936
---

## C(Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	US 2006/105360 A1 (CROCE CARLO M [US] ET AL) 18 May 2006 (2006-05-18) claims 9,16,33,34,40,91,92	1-33
A	ESAU CHRISTINE ET AL: "MicroRNA-143 regulates adipocyte differentiation" JOURNAL OF BIOLOGICAL CHEMISTRY, AMERICAN SOCIETY OF BIOCHEMICAL BIOLOGISTS, BIRMINGHAM, US, vol. 279, no. 50, 25 October 2004 (2004-10-25), pages 52361-52365, XP002376644 ISSN: 0021-9258 the whole document	1-33
A	MICHAEL M Z ET AL: "REDUCED ACCUMULATION OF SPECIFIC MICRORNAs IN COLORECTAL NEOPLASIA" MOLECULAR CANCER RESEARCH, XX, XX, vol. 1, no. 12, October 2003 (2003-10), pages 882-891, XP009051992 ISSN: 1541-7786 the whole document	1-33
A	MENG ET AL: "Involvement of Human Micro-RNA in Growth and Response to Chemotherapy in Human Cholangiocarcinoma Cell Lines" GASTROENTEROLOGY, ELSEVIER, PHILADELPHIA, PA, US, vol. 130, no. 7, June 2006 (2006-06), pages 2113-2129, XP005475314 ISSN: 0016-5085 the whole document	1-33
P, X	WO 2006/128245 A (SOUTHERN ADELAIDE HEALTH SERVI [AU]; MICHAEL MICHAEL ZENON [AU]) 7 December 2006 (2006-12-07) the whole document	1-33

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.  
PCT/US2007/078936

## Box No. II Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 2 of first sheet)

This International search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:

1.  Claims Nos.: because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:  
Although claims 1-33 are directed to a diagnostic method practised on the human/animal body or to a method of treatment of the human/animal body, the search has been carried out and based on the alleged effects of the compound/composition.
2.  Claims Nos.: because they relate to parts of the International application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically:
3.  Claims Nos.: because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).

## Box No. III Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 3 of first sheet)

This International Searching Authority found multiple inventions in this International application, as follows:

see additional sheet

1.  As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this International search report covers all searchable claims.
2.  As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fees, this Authority did not invite payment of additional fees.
3.  As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this International search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:
4.  No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this International search report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:

1-33 all partially

## Remark on Protest

- The additional search fees were accompanied by the applicant's protest and, where applicable, the payment of a protest fee.
- The additional search fees were accompanied by the applicant's protest but the applicable protest fee was not paid within the time limit specified in the invitation.
- No protest accompanied the payment of additional search fees.

International Application No. PCT/US2007 /078936

## FURTHER INFORMATION CONTINUED FROM PCT/ISA/ 210

This International Searching Authority found multiple (groups of) inventions in this international application, as follows:

Invention 1: claims 1-33 (all partially)

A method for diagnosing a condition in a patient comprising measuring an expression profile of "hsa-let-7a" in a sample from the patient, wherein a difference in the expression profile in the sample from the patient and an expression profile of a normal sample is indicative of a pathological condition.

Inventions 2-95: claims 1-33 (all partially)

Idem as subject 1 but limited to each of the miRNAs listed in claim 1. Invention 2 is limited to subject-matter relating to "hsa-let-7b", invention 3 to "hsa-let-7d", etc.

Invention 96: claims 34-41 (all partially)

A method of treating a pancreatic condition by contacting a pancreatic cell with a nucleic acid comprising an miRNA sequence which is at least 85% identical to "hsa-let-7a", wherein expression of an endogenous miRNA is modulated in the pancreatic cell.

Inventions 97-190: claims 34-41 (all partially)

Idem as subject 3 but limited to each of the miRNAs listed in claim 34. Invention 97 is limited to subject-matter relating to "hsa-let-7b", invention 98 to "hsa-let-7d", etc.

Invention 191: claims 42 and 43 (all partially)

A method of treating pancreatic ductal adenocarcinoma in a subject comprising administering to the subject an effective amount of a synthetic miRNA molecule or inhibitor having a nucleic acid segment having at least 80% nucleic acid sequence identity to "hsa-let-7a".

Inventions 192-285: claims 42 and 43 (all partially)

Idem as subject 5 but limited to each of the miRNAs listed in claim 42. Invention 192 is limited to subject-matter relating to "hsa-let-7b", invention 193 to "hsa-let-7d", etc.

Invention 286: claims 44 and 45 (all partially)

International Application No. PCT/US2007/078936

## FURTHER INFORMATION CONTINUED FROM PCT/ISA/ 210

A method for treating chronic pancreatitis in a subject comprising administering to the subject an effective amount of a synthetic miRNA molecule or miRNA inhibitor comprising a nucleic acid segment having at least 80% nucleic acid sequence identity to "hsa-let-7a".

Inventions 287-380: claims 44 and 45 (all partially)

Idem as subject 7 but limited to each of the miRNAs listed in claim 44. Invention 287 is limited to subject-matter relating to "hsa-let-7b", invention 288 to "hsa-let-7d", etc.

Invention 381: claims 46-51 (all partially)

A kit suitable for analysis of a pathological sample by assessing miRNA profile for a sample comprising, in suitable container means, two or more miRNA hybridization or amplification reagents comprising "hsa-let-7a".

Inventions 382-475: claims 46-51 (all partially)

Idem as subject 9 but limited to each of the miRNAs listed in claim 46. Invention 382 is limited to subject-matter relating to "hsa-let-7b", invention 383 to "hsa-let-7d", etc.

**INTERNATIONAL SEARCH REPORT**

Information on patent family members

International application No  
PCT/US2007/078936

Patent document cited in search report	Publication date	Patent family member(s)	Publication date
US 2006185027 A1	17-08-2006	NONE	
US 2006105360 A1	18-05-2006	NONE	
WO 2006128245 A	07-12-2006	AU 2006254732 A1 CA 2610702 A1 EP 1904110 A1	07-12-2006 07-12-2006 02-04-2008

## フロントページの続き

(51)Int.Cl.	F I	テーマコード(参考)
<b>A 6 1 P 35/00 (2006.01)</b>	A 6 1 P 35/00	4 C 0 8 7
<b>A 6 1 K 31/7105 (2006.01)</b>	A 6 1 K 31/7105	
<b>A 6 1 K 35/12 (2006.01)</b>	A 6 1 K 35/12	
<b>A 6 1 K 35/56 (2006.01)</b>	A 6 1 K 35/56	
<b>A 6 1 K 35/66 (2006.01)</b>	A 6 1 K 35/66	
<b>A 6 1 K 35/76 (2006.01)</b>	A 6 1 K 35/76	
<b>A 6 1 K 48/00 (2006.01)</b>	A 6 1 K 48/00	
<b>A 6 1 P 35/02 (2006.01)</b>	A 6 1 P 35/02	
<b>G 0 1 N 33/50 (2006.01)</b>	G 0 1 N 33/50	P
<b>G 0 1 N 33/53 (2006.01)</b>	G 0 1 N 33/53	M
<b>G 0 1 N 37/00 (2006.01)</b>	G 0 1 N 37/00	1 0 2

(81)指定国 AP(BW,GH,GM,KE,LS,MW,MZ,NA,SD,SL,SZ,TZ,UG,ZM,ZW),EA(AM,AZ,BY,KG,KZ,MD,RU,TJ,TM),EP(AT,BE,BG,CH,CY,CZ,DE,DK,EE,ES,FI,FR,GB,GR,HU,IE,IS,IT,LT,LU,LV,MC,MT,NL,PL,PT,RO,SE,SI,SK,TR),OA(BF,BJ,CF,CG,CI,CM,GA,GN,GQ,GW,ML,MR,NE,SN,TD,TG),AE,AG,AL,AM,AT,AU,AZ,BA,BB,BG,BH,BR,BW,BY,BZ,CA,CH,CN,CO,CR,CU,CZ,DE,DK,DM,DO,DZ,EC,EE,EG,ES,FI,GB,GD,GE,GH,GM,GT,HN,HR,HU,ID,IL,IN,IS,JP,KE,KG,KM,KN,KP,KR,KZ,LA,LC,LK,LR,LS,LT,LU,LY,MA,MD,ME,MG,MK,MN,MW,MX,MY,MZ,NA,NG,NI,NO,NZ,OM,PG,PH,PL,PT,RO,RS,RU,SC,SD,SE,SG,SK,SL,SM,SV,SY,TJ,TM,TN,TR,TT,TZ,UA,UG,US,UZ,VC,VN,ZA,ZM,ZW

(74)代理人 100142929

弁理士 井上 隆一

(74)代理人 100114340

弁理士 大関 雅人

(72)発明者 ラボリエー エマニエル

アメリカ合衆国 テキサス州 オースティン ウッドワード ストリート 2150 スイート  
100

(72)発明者 スザフランスカ アンナ イー.

アメリカ合衆国 テキサス州 オースティン ウッドワード ストリート 2150 スイート  
100

(72)発明者 ダビソン ティム

アメリカ合衆国 テキサス州 オースティン ウッドワード ストリート 2150 スイート  
100

(72)発明者 ジョン ジェレミー

アメリカ合衆国 テキサス州 オースティン ウッドワード ストリート 2150 スイート  
100

F ターム(参考) 2G045 AA25 AA26 DA14 FB02

4B024 AA01 AA11 AA20 CA09 CA11 CA12 CA20 DA03 EA02 EA04

GA11 HA11 HA13 HA14 HA17 HA20

4B063 QA01 QA19 QQ02 QQ08 QQ53 QR08 QR32 QR35 QR40 QR42

QR55 QR56 QR62 QR84 QS16 QS24 QS25 QS34 QS36 QX01

QX02

4C084 AA13 NA14 ZA66 ZB11 ZB26 ZB27

4C086 AA01 AA02 EA17 EA18 MA02 MA05 NA14 ZA66 ZB11 ZB26  
ZB27

4C087 AA01 AA02 BB21 BB28 BC30 BC83 CA04 CA08 CA12 NA14  
ZA66 ZB11 ZB26 ZB27

专利名称(译)	微小RNA在胰腺疾病中的差异表达及其用途		
公开(公告)号	<a href="#">JP2010504102A</a>	公开(公告)日	2010-02-12
申请号	JP2009529373	申请日	2007-09-19
[标]申请(专利权)人(译)	奥斯瑞根公司		
申请(专利权)人(译)	阿修罗仁公司		
[标]发明人	ラボリエーエマニエル スザフランスカアンナ ダビソンティム ジョンジェレミー		
发明人	ラボリエー エマニエル スザフランスカ アンナ イー。 ダビソン ティム ジョン ジェレミー		
IPC分类号	C12N15/09 C12Q1/02 C12Q1/68 A61P1/18 A61P29/00 A61P35/00 A61K31/7105 A61K35/12 A61K35/56 A61K35/66 A61K35/76 A61K48/00 A61P35/02 G01N33/50 G01N33/53 G01N37/00 C12N15/113		
CPC分类号	A61P1/18 A61P29/00 A61P35/00 A61P35/02 C12N15/113 C12N2310/14 C12N2330/10 C12Q1/6886 C12Q2600/158 A61K48/00 C12Q1/686		
FI分类号	C12N15/00.A C12Q1/02 C12Q1/68.A A61P1/18 A61P29/00 A61P35/00 A61K31/7105 A61K35/12 A61K35/56 A61K35/66 A61K35/76 A61K48/00 A61P35/02 G01N33/50.P G01N33/53.M G01N37/00. 102		
F-TERM分类号	2G045/AA25 2G045/AA26 2G045/DA14 2G045/FB02 4B024/AA01 4B024/AA11 4B024/AA20 4B024/CA09 4B024/CA11 4B024/CA12 4B024/CA20 4B024/DA03 4B024/EA02 4B024/EA04 4B024/GA11 4B024/HA11 4B024/HA13 4B024/HA14 4B024/HA17 4B024/HA20 4B063/QA01 4B063/QA19 4B063/QQ02 4B063/QQ08 4B063/QQ53 4B063/QR08 4B063/QR32 4B063/QR35 4B063/QR40 4B063/QR42 4B063/QR55 4B063/QR56 4B063/QR62 4B063/QR84 4B063/QS16 4B063/QS24 4B063/QS25 4B063/QS34 4B063/QS36 4B063/QX01 4B063/QX02 4C084/AA13 4C084/NA14 4C084/ZA66 4C084/ZB11 4C084/ZB26 4C084/ZB27 4C086/AA01 4C086/AA02 4C086/EA17 4C086/EA18 4C086/MA02 4C086/MA05 4C086/NA14 4C086/ZA66 4C086/ZB11 4C086/ZB26 4C086/ZB27 4C087/AA01 4C087/AA02 4C087/BB21 4C087/BB28 4C087/BC30 4C087/BC83 4C087/CA04 4C087/CA08 4C087/CA12 4C087/NA14 4C087/ZA66 4C087/ZB11 4C087/ZB26 4C087/ZB27		
代理人(译)	清水初衷 小林智彦 渡边真一 井上隆一 正人大关		
优先权	60/826173 2006-09-19 US		
其他公开文献	JP2010504102A5 JP5520605B2		
外部链接	<a href="#">Espacenet</a>		

## 摘要(译)

本发明涉及用于鉴定特定病症(例如胰腺疾病)的miRNA谱的方法和组合物,以及用于评估患者状况的所述谱的方法和组合物。

ドローリー配列	SEQ ID NO:	miRNA	miRNA ID
UGAGGUAGUAGGUUGGUAGGUU	SEQ ID NO:1	hsa-let-7a	>hsa-let-7a MIMAT0000062
UGAGGUAGUAGGUUGGUAGGUU	SEQ ID NO:2	hsa-let-7b	>hsa-let-7b MIMAT0000063
UGAGGUAGUAGGUUGGUAGGUU	SEQ ID NO:3	hsa-let-7c	>hsa-let-7c MIMAT0000064
AGAGGUAGUAGGUUGCAUAGU	SEQ ID NO:4	hsa-let-7d	>hsa-let-7d MIMAT0000065
UGAGGUAGUAGGUUGGUAGGUU	SEQ ID NO:5	hsa-let-7e	>hsa-let-7e MIMAT0000066
UGAGGUAGUAGGUUGGUAGGUU	SEQ ID NO:6	hsa-let-7f	>hsa-let-7f MIMAT0000067
UGAGGUAGUAGGUUGGUACAGU	SEQ ID NO:7	hsa-let-7g	>hsa-let-7g MIMAT00000414
UGAGGUAGUAGGUUGGUUGCGU	SEQ ID NO:8	hsa-let-7i	>hsa-let-7i MIMAT00000415
UGGAUAGUAAAAGAAGUAUGUA	SEQ ID NO:9	hsa-mir-1	>hsa-mir-1 MIMAT00000416
AACCCGUAGAUCCGAACUUGU	SEQ ID NO:10	hsa-mir-100	>hsa-mir-100 MIMAT0000098
UACAGUACUGUAGAACUGAAG	SEQ ID NO:11	hsa-mir-101	>hsa-mir-101 MIMAT0000099
AGCGCAUUGUACAGGCCUAUGA	SEQ ID NO:12	hsa-mir-103	>hsa-mir-103 MIMAT000101
UCAAAUUGCUACAGACUCCUGU	SEQ ID NO:13	hsa-mir-105	>hsa-mir-105 MIMAT000102
AAAAGUGCUUACAGUGCAGGUAG	SEQ ID NO:14	hsa-mir-106	>hsa-mir-106 MIMAT000103
UAAAAGUGUGACAGUGCAGAU	SEQ ID NO:15	hsa-miR-106b	>hsa-miR-106b MIMAT000680
AGCGCAUUGUACAGGCCUAUCA	SEQ ID NO:16	hsa-mir-107	>hsa-mir-107 MIMAT000104
UACCCUGUAGAUUCGAAUUUGUG	SEQ ID NO:17	hsa-mir-108	>hsa-mir-108 MIMAT000253
UACCCUGUAGACCGAAUUUGU	SEQ ID NO:18	hsa-mir-10b	>hsa-mir-10b MIMAT000254
UGGAUGUGUGACAAGGUUGGUU	SEQ ID NO:19	hsa-mir-122a	>hsa-mir-122a MIMAT000421
UUAAAGGCACGGGUGAAUGCCA	SEQ ID NO:20	hsa-mir-124a	>hsa-mir-124a MIMAT000432
UCCCGUGAGACCCUUUAACCGUG	SEQ ID NO:21	hsa-miR-125a	>hsa-miR-125a MIMAT000443
UCCCGUGAGACCCUAACUUGUGA	SEQ ID NO:22	hsa-miR-125b	>hsa-miR-125b MIMAT000423
UCGUACCGUGAGUAUAUUGC	SEQ ID NO:23	hsa-miR-126	>hsa-miR-126 MIMAT000445
CAUUUUACUUUUGGUACGCC	SEQ ID NO:24	hsa-miR-126- AS	>hsa-miR-126* MIMAT000444
UCGGAUCCGUCUGAGCUUGGU	SEQ ID NO:25	hsa-miR-127	>hsa-miR-127 MIMAT000446