

(19)日本国特許庁 (J P)

(12) **公開特許公報** (A) (11)特許出願公開番号

特開2002 - 330779

(P2002 - 330779A)

(43)公開日 平成14年11月19日(2002.11.19)

(51) Int.Cl ⁷	識別記号	F I	テ-マ-コ-ト* (参考)
C 1 2 N 15/09	ZNA	A 6 1 K 45/00	2 G 0 4 5
A 6 1 K 45/00		A 6 1 P 1/00	4 B 0 2 4
A 6 1 P 1/00		5/00	4 B 0 6 3
5/00		9/00	4 B 0 6 4
9/00		25/00	4 B 0 6 5

審査請求 未請求 請求項の数 38 O L (全 58数) 最終頁に続く

(21)出願番号 特願2001 - 206151(P2001 - 206151)

(22)出願日 平成13年7月6日(2001.7.6)

(31)優先権主張番号 特願2000 - 211989(P2000 - 211989)

(32)優先日 平成12年7月7日(2000.7.7)

(33)優先権主張国 日本(JP)

(31)優先権主張番号 特願2000 - 383794(P2000 - 383794)

(32)優先日 平成12年12月18日(2000.12.18)

(33)優先権主張国 日本(JP)

(71)出願人 000002934

武田薬品工業株式会社

大阪府大阪市中央区道修町四丁目1番1号

(72)発明者 守谷 岳郎

大阪府箕面市箕面8丁目12 - 6

(72)発明者 伊藤 隆司

茨城県つくば市春日1丁目7番地9 武田春日

ハイツ704号

(72)発明者 新谷 靖

茨城県つくば市春日1丁目7番地9 武田春日

ハイツ703号

(74)代理人 100093676

弁理士 小林 純子 (外 3 名)

最終頁に続く

(54)【発明の名称】 新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質およびそのDNA

(57)【要約】

【課題】 アゴニスト/アンタゴニストのスクリーニング等に有用な新規蛋白質の提供。

【解決手段】 ヒト由来の蛋白質またはその塩、該蛋白質をコードするDNA、該蛋白質に対するリガンドの決定方法、リガンドと該蛋白質との結合性を变化させる化合物のスクリーニング方法/スクリーニング用キット、該スクリーニングで得られる化合物またはその塩など。

【効果】 本発明のヒト由来の蛋白質またはそれをコードするDNAは、(1)本発明の蛋白質に対するリガンドの決定、(2)本発明の蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤、(3)本発明の蛋白質とリガンドとの結合性を变化させる化合物(アゴニスト、アンタゴニストなど)のスクリーニングなどに用いることができる。

【特許請求の範囲】

【請求項1】 配列番号：10で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有することを特徴とするG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩。

【請求項2】 配列番号：10で表わされるアミノ酸配列を有する請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩。

【請求項3】 配列番号：1、配列番号：5、配列番号：7、配列番号：13または配列番号：15で表わされるアミノ酸配列である請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩。

【請求項4】 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の部分ペプチドまたはその塩。

【請求項5】 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするポリヌクレオチドを含有するポリヌクレオチド。

【請求項6】 DNAである請求項5記載のポリヌクレオチド。

【請求項7】 配列番号：2、配列番号：6、配列番号：8、配列番号：11、配列番号：14または配列番号：16で表される塩基配列を有する請求項5記載のポリヌクレオチド。

【請求項8】 請求項5記載のポリヌクレオチドを含有する組換えベクター。

【請求項9】 請求項8記載の組換えベクターで形質転換させた形質転換体。

【請求項10】 請求項9記載の形質転換体を培養し、請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を生成せしめることを特徴とする請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩の製造法。

【請求項11】 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは請求項4記載の部分ペプチドまたはその塩に対する抗体。

【請求項12】 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質のシグナル伝達を不活性化する中和抗体である請求項11記載の抗体。

【請求項13】 請求項11記載の抗体を含有してなる診断薬。

【請求項14】 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは請求項4記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることにより得られうる請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩に対するリガンド。

【請求項15】 請求項14記載のG蛋白質共役型レセプターのリガンドを含有してなる医薬。

【請求項16】 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは請求項4記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることを特徴とする請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩に対するリガ

ンドの決定方法。

【請求項17】 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは請求項4記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることを特徴とするリガンドと請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法。

【請求項18】 請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは請求項4記載の部分ペプチドまたはその塩を含有することを特徴とするリガンドと請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング用キット。

【請求項19】 請求項17記載のスクリーニング方法または請求項18記載のスクリーニング用キットを用いて得られうるリガンドと請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩。

【請求項20】 請求項17記載のスクリーニング方法または請求項18記載のスクリーニング用キットを用いて得られうるリガンドと請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬。

【請求項21】 請求項5記載のポリヌクレオチドとハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズするポリヌクレオチド。

【請求項22】 請求項5記載のポリヌクレオチドと相補的な塩基配列またはその一部を含有してなるポリヌクレオチド。

【請求項23】 請求項5記載のポリヌクレオチドまたはその一部を用いることを特徴とする請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質のmRNAの定量方法。

【請求項24】 請求項11記載の抗体を用いることを特徴とする請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の定量方法。

【請求項25】 請求項23または請求項24記載の定量方法を用いることを特徴とする請求項1記載のG蛋白質共役型レセプターの機能が関連する疾患の診断方法。

【請求項26】 請求項23記載の定量方法を用いることを特徴とする請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法。

【請求項27】 請求項24記載の定量方法を用いることを特徴とする細胞膜における請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法。

【請求項28】 請求項26記載のスクリーニング方法を用いて得られうる請求項1記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩。

【請求項 2 9】 請求項 2 7 記載のスクリーニング方法を用いて得られうる細胞膜における請求項 1 記載の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩。

【請求項 3 0】 請求項 2 6 記載のスクリーニング方法を用いて得られうる請求項 1 記載の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬。

【請求項 3 1】 請求項 2 7 記載のスクリーニング方法を用いて得られうる細胞膜における請求項 1 記載の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬。

【請求項 3 2】 中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療剤である請求項 2 0、3 0 または 3 1 記載の医薬。

【請求項 3 3】 哺乳動物に対して、請求項 1 7 記載のスクリーニング方法または請求項 1 8 記載のスクリーニング用キットを用いて得られうるリガンドと請求項 1 記載の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療方法。

【請求項 3 4】 哺乳動物に対して、請求項 2 6 記載のスクリーニング方法を用いて得られうる請求項 1 記載の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療方法。

【請求項 3 5】 哺乳動物に対して、請求項 2 7 記載のスクリーニング方法を用いて得られうる細胞膜における請求項 1 記載の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療方法。

【請求項 3 6】 中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療剤を製造するための請求項 1 7 記載のスクリーニング方法または請求項 1 8 記載のスクリーニング用キットを用いて得られうるリガンドと請求項 1 記載の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を変化させる化合物またはその塩の使用。

【請求項 3 7】 中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療剤を製造するための請求項 2 6 記載のスクリーニング方法を用いて得られうる請求項 1 記載の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩の使用。

【請求項 3 8】 中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療剤を製造するための請求項 2 7 記載のスクリーニング方法を用いて得られうる細胞膜における請求項 1 記載の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩の使用。

【発明の詳細な説明】

【0 0 0 1】

【発明の属する技術分野】本発明は、ヒト精巢由来の新規 G 蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩およびそれをコードする DNA に関する。

【0 0 0 2】

【従来技術】多くのホルモンや神経伝達物質などの生理活性物質は、細胞膜に存在する特異的なレセプター蛋白質を通じて生体の機能を調節している。これらのレセプター蛋白質のうち多くは共役している guanine nucleotide-binding protein (以下、G 蛋白質と略称する場合がある) の活性化を通じて細胞内のシグナル伝達を行ない、また、7 個の膜貫通領域を有する共通した構造をもっていることから、G 蛋白質共役型レセプター蛋白質あるいは 7 回膜貫通型レセプター蛋白質 (7 TMR) と総称される。G 蛋白質共役型レセプター蛋白質は生体の細胞や臓器の各機能細胞表面に存在し、それら細胞や臓器の機能を調節する分子、例えば、ホルモン、神経伝達物質および生理活性物質等の標的として生理的に重要な役割を担っている。レセプターは生理活性物質との結合を介してシグナルを細胞内に伝達し、このシグナルにより細胞の賦活や抑制といった種々の反応が惹起される。各種生体の細胞や臓器の内の複雑な機能を調節する物質と、その特異的レセプター蛋白質、特に G 蛋白質共役型レセプター蛋白質との関係を明らかにすることは、各種生体の細胞や臓器の機能を解明し、それら機能と密接に関連した医薬品開発に非常に重要な手段を提供することとなる。

【0 0 0 3】例えば、生体の種々の器官では、多くのホルモン、ホルモン様物質、神経伝達物質あるいは生理活性物質による調節のもとで生理的な機能の調節が行なわれている。特に、生理活性物質は生体内の様々な部位に存在し、それぞれに対応するレセプター蛋白質を通してその生理機能の調節を行っている。生体内には未知のホルモンや神経伝達物質その他の生理活性物質も多く、それらのレセプター蛋白質の構造に関して、これまで報告されていないものが多い。さらに、既知のレセプター蛋白質においてもサブタイプが存在するかどうかについても分かっていないものが多い。生体における複雑な機能を調節する物質と、その特異的レセプター蛋白質との関係を明らかにすることは、医薬品開発に非常に重要な手段である。また、レセプター蛋白質に対するアゴニスト、アンタゴニストを効率よくスクリーニングし、医薬品を開発するためには、生体内で発現しているレセプター

一蛋白質の遺伝子の機能を解明し、それらを適当な発現系で発現させることが必要であった。近年、生体内で発現している遺伝子を解析する手段として、cDNAの配列をランダムに解析する研究が活発に行なわれており、このようにして得られたcDNAの断片配列がExpressed Sequence Tag (EST)としてデータベースに登録され、公開されている。しかし、多くのESTは配列情報のみであり、その機能を推定することは困難である。

【0004】

【発明が解決しようとする課題】従来、G蛋白質共役型レセプターと生理活性物質(すなわち、リガンド)との結合を阻害する物質や、結合して生理活性物質(すなわち、リガンド)と同様なシグナル伝達を引き起こす物質は、これらレセプターの特異的なアンタゴニストまたはアゴニストとして、生体機能を調節する医薬品として活用されてきた。従って、このように生体内での生理発現において重要であるばかりでなく、医薬品開発の標的ともなりうるG蛋白質共役型レセプター蛋白質を新規に見出し、その遺伝子(例えばcDNA)をクローニングすることは、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質の特異的リガンドや、アゴニスト、アンタゴニストを見出す際に、非常に重要な手段となる。しかし、G蛋白質共役型レセプターはその全てが見出されているわけではなく、現時点でもなお、未知のG蛋白質共役型レセプター、また対応するリガンドが同定されていない、いわゆるオーファンレセプターが多数存在しており、新たなG蛋白質共役型レセプターの探索および機能解明が切望されている。G蛋白質共役型レセプターは、そのシグナル伝達作用を指標とする、新たな生理活性物質(すなわち、リガンド)の探索、また、該レセプターに対するアゴニストまたはアンタゴニストの探索に有用である。一方、生理的リガンドが見出されなくても、該レセプターの不活化実験(ノックアウト動物)から該レセプターの生理作用を解析することにより、該レセプターに対するアゴニストまたはアンタゴニストを作製することも可能である。これら該レセプターに対するリガンド、アゴニストまたはアンタゴニストなどは、G蛋白質共役型レセプターの機能不全に関連する疾患の予防/治療薬や診断薬として活用することが期待できる。さらにまた、G蛋白質共役型レセプターの遺伝子変異に基づく、生体内での該レセプターの機能の低下または昂進が、何らかの疾患の原因となっている場合も多い。この場合には、該レセプターに対するアンタゴニストやアゴニストの投与だけでなく、該レセプター遺伝子の生体内(またはある特定の臓器)への導入や、該レセプター遺伝子に対するアンチセンス核酸の導入による、遺伝子治療に応用することもできる。この場合には該レセプターの塩基配列は遺伝子上の欠失や変異の有無を調べるために必要不可欠な情報であり、該レセプターの遺伝子は、該レセプターの機能不全に関連する疾患の予防/治療薬や診断薬に応用するこ

ともできる。本発明は、上記のように有用な新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質を提供するものである。すなわち、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩、該G蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその部分ペプチドをコードするポリヌクレオチド(DNA、RNAおよびそれらの誘導体)を含有するポリヌクレオチド(DNA、RNAおよびそれらの誘導体)、該ポリヌクレオチドを含有する組換えベクター、該組換えベクターを保持する形質転換体、該G蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩の製造法、該G蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩に対する抗体、該G蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物、該G蛋白質共役型レセプターに対するリガンドの決定方法、リガンドと該G蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合性を変化させる化合物(アンタゴニスト、アゴニスト)またはその塩のスクリーニング方法、該スクリーニング用キット、該スクリーニング方法もしくはスクリーニングキットを用いて得られうるリガンドと該G蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合性を変化させる化合物(アンタゴニスト、アゴニスト)またはその塩、およびリガンドと該G蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合性を変化させる化合物(アンタゴニスト、アゴニスト)もしくは該G蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬品を提供する。

【0005】

【課題を解決するための手段】本発明者らは、鋭意研究を重ねた結果、ヒト精巣由来の新規なG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNAを単離し、その全塩基配列を解析することに成功した。そして、この塩基配列をアミノ酸配列に翻訳したところ、第1~第7膜貫通領域が疎水性プロット上で確認され、これらのcDNAにコードされる蛋白質が7回膜貫通型のG蛋白質共役型レセプター蛋白質であることを確認した。本発明者らは、これらの知見に基づいて、さらに研究を重ねた結果、本発明を完成するに至った。

【0006】すなわち、本発明は、(1)配列番号:10で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有することを特徴とするG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩、(2)配列番号:10で表わされるアミノ酸配列を有する上記(1)のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩、(3)配列番号:1、配列番号:5、配列番号:7、配列番号:13または配列番号:15で表わされるアミノ酸配列である上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩、(4)上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の部分ペプチドまたはその塩、(5)上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードする塩基配列を有するポリヌクレオチド

を含有するポリヌクレオチド、(6) DNAである上記(4)記載のポリヌクレオチド、(7) 配列番号: 2、配列番号: 6、配列番号: 8、配列番号: 11、配列番号: 14または配列番号: 16で表される塩基配列を有する上記(4)記載のポリヌクレオチド、(8) 上記(5)記載のポリヌクレオチドを含有する組換えベクター、(9) 上記(8)記載の組換えベクターで形質転換させた形質転換体、(10) 上記(9)記載の形質転換体を培養し、上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を生成せしめることを特徴とする上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩の製造法、(11) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩に対する抗体、(12) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質のシグナル伝達を不活性化する中和抗体である上記(11)記載の抗体、(13) 上記(11)記載の抗体を含有してなる診断薬、(14) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることにより得られうる上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩に対するリガンド、(15) 上記(14)記載のG蛋白質共役型レセプターのリガンドを含有してなる医薬、(16) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることを特徴とする上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法、(17) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩を用いることを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、(18) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩を含有することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング用キット、(19) 上記(17)記載のスクリーニング方法または上記(18)記載のスクリーニング用キットを用いて得られうるリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩、(20) 上記(17)記載のスクリーニング方法または上記(18)記載のスクリーニング用キットを用いて得られうるリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬、(21) 上記(5)記載のポリヌクレオチドとハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズするポリヌクレオチド、(22) 上記(5)記載のポリヌクレオチドと相補的な塩基配列またはその

一部を含有してなるポリヌクレオチド、(23) 上記(5)記載のポリヌクレオチドまたはその一部を用いることを特徴とする上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質のmRNAの定量方法、(24) 上記(11)記載の抗体を用いることを特徴とする上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の定量方法、(25) 上記(23)または上記(24)記載の定量方法を用いることを特徴とする上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプターの機能が関連する疾患の診断剤、(26) 上記(23)記載の定量方法を用いることを特徴とする上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、(27) 上記(24)記載の定量方法を用いることを特徴とする細胞膜における上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、(28) 上記(26)記載のスクリーニング方法を用いて得られうる上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩、(29) 上記(27)記載のスクリーニング方法を用いて得られうる細胞膜における上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩、(30) 上記(26)記載のスクリーニング方法を用いて得られうる上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬、(31) 上記(27)記載のスクリーニング方法を用いて得られうる細胞膜における上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩を含有してなる医薬、(32) 中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療剤である上記(20)、(30)または(31)記載の医薬、(33) 哺乳動物に対して、上記(17)記載のスクリーニング方法または上記(18)記載のスクリーニング用キットを用いて得られうるリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療方法、(34) 哺乳動物に対して、上記(26)のスクリーニング方法を用いて得られうる上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療方法、(35) 哺乳動物に対して、(27)記載のスクリーニング方法を用いて得られうる細胞膜における上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患

たは消化器系疾患の予防・治療方法、(36)中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療剤を製造するための上記(17)記載のスクリーニング方法または上記(18)記載のスクリーニング用キットを用いて得られうるリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩の使用、(37)中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療剤を製造するための上記(26)記載のスクリーニング方法を用いて得られうる上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩の使用、(38)中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防・治療剤を製造するための上記(27)記載のスクリーニング方法を用いて得られうる細胞膜における上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩の使用等に関する。

【0007】さらには、(39)ヒト以外の哺乳動物に対して、上記(17)記載のスクリーニング方法または上記(18)記載のスクリーニング用キットを用いて得られうるリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩の有効量を投与することにより中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防方法又は、治療方法、(40)ヒト以外の哺乳動物に対して、上記(26)記載のスクリーニング方法を用いて得られうる上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現量を変化させる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防方法又は、治療方法、(41)ヒト以外の哺乳動物に対して、上記(27)記載のスクリーニング方法を用いて得られうる細胞膜における上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質量を変化させる化合物またはその塩の有効量を投与することを特徴とする中枢疾患、炎症性疾患、循環器疾患、癌、代謝性疾患、免疫系疾患または消化器系疾患の予防方法又は、治療方法、(42)蛋白質が、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列中の1または2個以上(好ましくは、1~30個程度、より好ましくは1~10個程度、さらに好ましくは数個(1~5個))のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列に1または2個以上(好ましくは、1~30個程度、より好ましくは1~10個程度、さらに好ましくは数個(1~5個))のアミノ酸が付加したアミノ酸配列、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列中の1または2個以上(好ましくは、1~30

個程度、より好ましくは1~10個程度、さらに好ましくは数個(1~5個))のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、またはそれらを組み合わせたアミノ酸配列を含有する蛋白質である上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩、(43)上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記(4)記載の部分ペプチドもしくはその塩と、試験化合物とを接触させることを特徴とする上記(16)記載のリガンドの決定方法、(44)リガンドが、例えば、アンジオテンシン、ボンベシン、カナビノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP(例、PACAP27、PACAP38)、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP(バソアクティブインテスティナルポリペプチド)、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP(カルシトニンジーンリレーティッドペプチド)、ロイコトリエン、パンクレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、ケモカインスーパーファミリー(例、IL-8、GRO、GRO、GRO、NAP-2、ENA-78、GCP-2、PF4、IP-10、Mig、PBSF/SDF-1などのCXCKeモカインサブファミリー；MCAF/MCP-1、MCP-2、MCP-3、MCP-4、eotaxin、RANTES、MIP-1、MIP-1、HCC-1、MIP-3/LARC、MIP-3/ELC、I-309、TARC、MIPF-1、MIPF-2/eotaxin-2、MDC、DC-CK1/PARC、SLCなどのCCKeモカインサブファミリー；lymphotactinなどのCKeモカインサブファミリー；fractalkineなどのCX3CKeモカインサブファミリー等)、エンドセリン、エンテロガストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンクレアティックポリペプチド、ガラニン、リゾホスファチジン酸(LPA)またはスフィンゴシン1-リン酸である上記(43)記載のリガンドの決定方法、【0008】(45)(i)上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記(4)記載の部分ペプチドもしくはその塩と、リガンドとを接触させた場合と、(ii)上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記(4)記載の部分ペプチドもしくはその塩と、リガンドおよび試験化合物とを接触させた場合との比較を行なうことを特徴とする上記(17)記載のスクリーニング方法、(46)(i)標識したリガンドを上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記(4)記載の部分ペプチドもしくはその塩に接触

させた場合と、(ii) 標識したリガンドおよび試験化合物を上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記(4)記載の部分ペプチドもしくはその塩に接触させた場合における、標識したリガンドの上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその塩または上記(4)記載の部分ペプチドもしくはその塩に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、(47) (i) 標識したリガンドを上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞に接触させた場合と、(ii) 標識したリガンドおよび試験化合物を上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞に接触させた場合における、標識したリガンドの該細胞に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、(48) (i) 標識したリガンドを上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞の膜画分に接触させた場合と、(ii) 標識したリガンドおよび試験化合物を上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞の膜画分に接触させた場合における、標識したリガンドの該細胞の膜画分に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、【0009】(49) (i) 標識したリガンドを上記(9)記載の形質転換体を培養することによって該形質転換体の細胞膜に発現したG蛋白質共役型レセプター蛋白質に接触させた場合と、(ii) 標識したリガンドおよび試験化合物を上記(9)記載の形質転換体を培養することによって該形質転換体の細胞膜に発現したG蛋白質共役型レセプター蛋白質に接触させた場合における、標識したリガンドの該G蛋白質共役型レセプター蛋白質に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、(50) (i) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩を活性化する化合物および試験化合物を上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞に接触させた場合における、G蛋白質共役型レセプター蛋白質を介した細胞刺激活性を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を

变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、(51) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩を活性化する化合物を上記(9)記載の形質転換体を培養することによって該形質転換体の細胞膜に発現したG蛋白質共役型レセプター蛋白質に接触させた場合と、上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩を活性化する化合物および試験化合物を上記(9)記載の形質転換体を培養することによって該形質転換体の細胞膜に発現したG蛋白質共役型レセプター蛋白質に接触させた場合における、G蛋白質共役型レセプター蛋白質を介する細胞刺激活性を測定し、比較することを特徴とするリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

【0010】(52) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を活性化する化合物が、アンジオテンシン、ボンベシン、カナビノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP(例、PACAP27、PACAP38)、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP(バソアクティブインテスティナルポリペプチド)、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP(カルシトニンジーンリレーティッドペプチド)、ロイコトリエン、パンクレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、ケモカインスーパーファミリー(例、IL-8、GRO₁、GRO₂、GRO₃、NAP-2、ENA-78、GCP-2、PF4、IP-10、Mig、PBSF/SDF-1などのCXCKeモカインサブファミリー；MCAF/MCP-1、MCP-2、MCP-3、MCP-4、eotaxin、RANTES、MIP-1、MIP-1₂、HCC-1、MIP-3/LARC、MIP-3/ELC、I-309、TARC、MIPF-1、MIPF-2/eotaxin-2、MDC、DC-CK1/PARC、SLCなどのCCKeモカインサブファミリー；lymphotactinなどのCKeモカインサブファミリー；fractalkineなどのCX3CKeモカインサブファミリー等)、エンドセリン、エンテログアストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンクレアティックポリペプチド、ガラニン、リゾホスファチジン酸(LPA)またはスフィンゴシン1-リン酸である上記(50)または(51)記載のスクリーニング方法、(53) 上記(45)~(52)記載のスクリーニング方法で得られうるリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩、

(54) 上記(45)～上記(52)記載のスクリーニング方法で得られうるリガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩を含有することを特徴とする医薬、

【0011】(55) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞を含有することを特徴とする上記(18)記載のスクリーニング用キット、(56) 上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有する細胞の膜画分を含有することを特徴とする上記(18)記載のスクリーニング用キット、(57) 上記(9)記載の形質転換体を培養することによって該形質転換体の細胞膜に発現したG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含有することを特徴とする上記(18)記載のスクリーニング用キット、(58) 上記(55)～(57)記載のスクリーニング用キットを用いて得られうる、リガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩、(59) 上記(55)～(57)記載のスクリーニング用キットを用いて得られうる、リガンドと上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩を含有することを特徴とする医薬、(60) 上記(11)記載の抗体と、上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩とを接触させることを特徴とする上記(1)のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩の定量法、(61) 上記(11)記載の抗体と、被検液および標識化された上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩とを競合的に反応させ、該抗体に結合した標識化された上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩の割合を測定することを特徴とする被検液中の上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩の定量法、(62) 被検液と担体上に不溶化した上記(11)記載の抗体および標識化された上記(11)記載の抗体とを同時あるいは連続的に反応させたのち、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することを特徴とする被検液中の上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくは上記(4)記載の部分ペプチドまたはその塩の定量法、(63) 上記(6)に記載のDNAを含有してなる遺伝子診断薬、(64) 上記(6)のDNAが導入されることを特徴とするトランスジェニック動物、(65) 上記(8)記載の組換えベクターにより上記(6)記載のDNAが動物に導入されることを特徴とする上記(64)記載のトランスジェニック動物、(66) トランスジェニック動物がヒト以外の哺乳動物である上記(64)記

載のトランスジェニック動物、(67) 上記(64)記載のトランスジェニック動物を用いることを特徴とする上記(6)記載のDNAの欠損・損傷に起因する疾病に対して効果を有する化合物またはその塩のスクリーニング方法、(68) 上記(64)記載のトランスジェニック動物を用いることを特徴とする上記(1)記載のG蛋白質共役型レセプター蛋白質またはその塩の製造法等を提供する。

【0012】

【発明の実施の形態】本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質(以下、レセプター蛋白質と略記する場合がある)は、配列番号:10で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質である。ここで、配列番号:10で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質としては例えば配列番号:1で表わされるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質などが挙げられるが、かかる配列番号:1で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質としては、例えば配列番号:5で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号:7で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号:10で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号:13で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号:15で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質が挙げられる。本発明のレセプター蛋白質は、例えば、ヒトや哺乳動物(例えば、モルモット、ラット、マウス、ウサギ、ブタ、ヒツジ、ウシ、サルなど)のあらゆる細胞(例えば、脾細胞、神経細胞、グリア細胞、膵臓細胞、骨髄細胞、メサングウム細胞、ランゲルハンス細胞、表皮細胞、上皮細胞、内皮細胞、繊維芽細胞、繊維細胞、筋細胞、脂肪細胞、免疫細胞(例、マクロファージ、T細胞、B細胞、ナチュラルキラー細胞、肥満細胞、好中球、好塩基球、好酸球、単球)、巨核球、滑膜細胞、軟骨細胞、骨細胞、骨芽細胞、破骨細胞、乳腺細胞、肝細胞もしくは間質細胞、またはこれら細胞の前駆細胞、幹細胞もしくはガン細胞など)や血球系の細胞、またはそれらの細胞が存在するあらゆる組織、例えば、脳、脳の各部位(例、嗅球、扁頭核、大脳基底核、海馬、視床、視床下部、視床下核、大脳皮質、延髄、小脳、後頭葉、前頭葉、側頭葉、被殻、尾状核、脳梁、黒質)、脊髄、下垂体、胃、膵臓、腎臓、肝臓、生殖腺、甲状腺、胆のう、骨髄、副腎、皮膚、筋肉、肺、消化管(例、大腸、小腸)、血管、心臓、胸腺、脾臓、顎下腺、末梢血球、末梢血球、前立腺、睾丸、精巣、卵巣、胎盤、子宮、骨、関節、骨格筋などに由来する蛋白質であってもよく、また合成蛋白質であってもよい。

【0013】配列番号:10で表わされるアミノ酸配列

と実質的に同一のアミノ酸配列としては、例えば、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列と約50%以上、好ましくは約60%以上、より好ましくは約70%以上、さらに好ましくは約80%以上、なかでも好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の同一性を有するアミノ酸配列などが挙げられる。本発明の配列番号：10で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有する蛋白質としては、例えば、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を有し、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列と実質的に同質の活性を有する蛋白質などが好ましい。実質的に同質の活性としては、例えば、リガンド結合活性、シグナル情報伝達作用などが挙げられる。実質的に同質とは、それらの活性が性質的に同質であることを示す。したがって、リガンド結合活性やシグナル情報伝達作用などの活性が同等（例、約0.01~100倍、好ましくは約0.5~20倍、より好ましくは約0.5~2倍）であることが好ましいが、これらの活性の程度や蛋白質の分子量などの量的要素は異なってもよい。配列番号：10で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質としては、例えば配列番号：1で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号：5で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号：7で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号：13で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質、配列番号：15で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質が挙げられる。リガンド結合活性やシグナル情報伝達作用などの活性の測定は、自体公知の方法に準じて行なうことができるが、例えば、後に記載するリガンドの決定方法やスクリーニング方法に従って測定することができる。

【0014】また、本発明のレセプター蛋白質としては、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列中の1または2個以上（好ましくは、1~30個程度、より好ましくは1~10個程度、さらに好ましくは数個（1~5個））のアミノ酸が欠失したアミノ酸配列、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列に1または2個以上（好ましくは、1~30個程度、より好ましくは1~10個程度、さらに好ましくは数個（1~5個））のアミノ酸が付加したアミノ酸配列、配列番号：10で表わされるアミノ酸配列中の1または2個以上（好ましくは、1~30個程度、より好ましくは1~10個程度、さらに好ましくは数個（1~5個））のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されたアミノ酸配列、またはそれらを組み合わせたアミノ酸配列を含有する蛋白質なども用いられる。

【0015】本明細書におけるレセプター蛋白質は、ペプチド標記の慣例に従って、左端がN末端（アミノ末端）、右端がC末端（カルボキシル末端）である。配列

番号：1で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をはじめとする、本発明のレセプター蛋白質は、C末端がカルボキシル基（-COOH）、カルボキシレート（-COO⁻）、アミド（-CONH₂）またはエステル（-COOR）の何れであってもよい。ここでエステルにおけるRとしては、例えば、メチル、エチル、n-プロピル、イソプロピルもしくはn-ブチルなどのC₁₋₆アルキル基、例えば、シクロペンチル、シクロヘキシルなどのC₃₋₈シクロアルキル基、例えば、フェニル、-ナフチルなどのC₆₋₁₂アリール基、例えば、ベンジル、フェネチルなどのフェニル-C₁₋₂アルキル基もしくは-ナフチルメチルなどの-ナフチル-C₁₋₂アルキル基などのC₇₋₁₄アラールキル基のほか、経口用エステルとして汎用されるピパロイルオキシメチル基などが用いられる。本発明のレセプター蛋白質がC末端以外にカルボキシル基（またはカルボキシレート）を有している場合、カルボキシル基がアミド化またはエステル化されているものも本発明のレセプター蛋白質に含まれる。この場合のエステルとしては、例えば上記したC末端のエステルなどが用いられる。さらに、本発明のレセプター蛋白質には、上記した蛋白質において、N末端のメチオニン残基のアミノ基が保護基（例えば、ホルミル基、アセチルなどのC₂₋₆アルカノイル基などのC₁₋₆アシル基など）で保護されているもの、N端側が生体内で切断され生成したグルタミル基がピログルタミン酸化したもの、分子内のアミノ酸の側鎖上の置換基（例えば、-OH、-SH、アミノ基、イミダゾール基、インドール基、グアニジノ基など）が適当な保護基（例えば、ホルミル基、アセチルなどのC₂₋₆アルカノイル基などのC₁₋₆アシル基など）で保護されているもの、あるいは糖鎖が結合したいわゆる糖蛋白質などの複合蛋白質なども含まれる。本発明のレセプター蛋白質の具体例としては、例えば、配列番号：1、5、7、10、13または15で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質などが用いられる。

【0016】本発明のレセプター蛋白質の部分ペプチド（以下、部分ペプチドと略記する場合がある）としては、上記した本発明のレセプター蛋白質の部分ペプチドであれば何れのものであってもよいが、例えば、本発明のレセプター蛋白質分子のうち、細胞膜の外に露出している部位であって、レセプター結合活性を有するものなどが用いられる。具体的には、配列番号：1、5、7、10、13または15で表わされるアミノ酸配列を有するレセプター蛋白質の部分ペプチドとしては、疎水性プロット解析において細胞外領域（親水性（Hydrophilic）部位）であると分析された部分を含むペプチドである。また、疎水性（Hydrophobic）部位を一部を含むペプチドも同様に用いることができる。個々のドメインを個別に含むペプチドも用い得るが、複数のドメインを同時に含む部分のペプチドでも良い。本発明の部分ペプチ

ドのアミノ酸の数は、上記した本発明のレセプター蛋白質の構成アミノ酸配列のうち少なくとも20個以上、好ましくは50個以上、より好ましくは100個以上のアミノ酸配列を有するペプチドなどが好ましい。実質的に同一のアミノ酸配列とは、これらアミノ酸配列と約50%以上、好ましくは約60%以上、より好ましくは約70%以上、さらに好ましくは約80%以上、なかでも好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列を示す。ここで、「実質的に同質の活性」とは、上記と同意義を示す。「実質的に同質の活性」の測定は上記と同様に行なうことができる。

【0017】また、本発明の部分ペプチドは、上記アミノ酸配列中の1または2個以上（好ましくは、1~10個程度、さらに好ましくは数個（1~5個））のアミノ酸が欠失し、または、そのアミノ酸配列に1または2個以上（好ましくは、1~20個程度、より好ましくは1~10個程度、さらに好ましくは数個（1~5個））のアミノ酸が付加し、または、そのアミノ酸配列中の1または2個以上（好ましくは、1~10個程度、より好ましくは数個、さらに好ましくは1~5個程度）のアミノ酸が他のアミノ酸で置換されていてもよい。また、本発明の部分ペプチドはC末端が通常カルボキシル基（-COOH）またはカルボキシレート（-COO⁻）であるが、上記した本発明の蛋白質のごとく、C末端がアミド（-CONH₂）またはエステル（-COOR）であってもよい。さらに、本発明の部分ペプチドには、上記した本発明のレセプター蛋白質と同様に、N末端のメチオニン残基のアミノ基が保護基で保護されているもの、N端側が生体内で切断され生成したGlnがピログルタミン酸化したもの、分子内のアミノ酸の側鎖上の置換基が適切な保護基で保護されているもの、あるいは糖鎖が結合したいわゆる糖ペプチドなどの複合ペプチドなども含まれる。本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの塩としては、酸または塩基との生理学的に許容される塩が挙げられ、とりわけ生理学的に許容される酸付加塩が好ましい。この様な塩としては、例えば、無機酸（例えば、塩酸、リン酸、臭化水素酸、硫酸）との塩、あるいは有機酸（例えば、酢酸、ギ酸、プロピオン酸、フマル酸、マレイン酸、コハク酸、酒石酸、クエン酸、リンゴ酸、蔞酸、安息香酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸）との塩などが用いられる。

【0018】本発明のレセプター蛋白質またはその塩は、上記したヒトや哺乳動物の細胞または組織から自体公知のレセプター蛋白質の精製方法によって製造することもできるし、後に記載する本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを含有する形質転換体を培養することによっても製造することができる。また、後に記載する蛋白質合成法またはこれに準じて製造することもできる。ヒトや哺乳動物の組織または細胞から製造する場

合、ヒトや哺乳動物の組織または細胞をホモジナイズした後、酸などで抽出を行ない、該抽出液を逆相クロマトグラフィー、イオン交換クロマトグラフィーなどのクロマトグラフィーを組み合わせるにより精製分離することができる。

【0019】本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩またはそのアミド体の合成には、通常市販の蛋白質合成用樹脂を用いることができる。そのような樹脂としては、例えば、クロロメチル樹脂、ヒドロキシメチル樹脂、ベンズヒドリルアミン樹脂、アミノメチル樹脂、4-ベンジルオキシベンジルアルコール樹脂、4-メチルベンズヒドリルアミン樹脂、PAM樹脂、4-ヒドロキシメチルメチルフェニルアセトアミドメチル樹脂、ポリアクリルアミド樹脂、4-(2',4'-ジメトキシフェニル-ヒドロキシメチル)フェノキシ樹脂、4-(2',4'-ジメトキシフェニル-Fmocアミノエチル)フェノキシ樹脂などを挙げることができる。このような樹脂を用い、-アミノ基と側鎖官能基を適当に保護したアミノ酸を、目的とする蛋白質の配列通りに、自体公知の各種縮合方法に従い、樹脂上で縮合させる。反応の最後に樹脂から蛋白質を切り出すと同時に各種保護基を除去し、さらに高希釈溶液中で分子内ジスルフィド結合形成反応を実施し、目的の蛋白質またはそのアミド体を取得する。上記した保護アミノ酸の縮合に関しては、蛋白質合成に使用できる各種活性化試薬を用いることができるが、特に、カルボジイミド類がよい。カルボジイミド類としては、DCC、N,N'-ジイソプロピルカルボジイミド、N-エチル-N'-(3-ジメチルアミノプロリル)カルボジイミドなどが用いられる。これらによる活性化にはラセミ化抑制添加剤（例えば、HOBT、HOObt）とともに保護アミノ酸を直接樹脂に添加するか、または、対称酸無水物またはHOBTエステルあるいはHOObtエステルとしてあらかじめ保護アミノ酸の活性化を行なった後に樹脂に添加することができる。

【0020】保護アミノ酸の活性化や樹脂との縮合に用いられる溶媒としては、蛋白質縮合反応に使用しうることが知られている溶媒から適宜選択されうる。例えば、N,N-ジメチルホルムアミド、N,N-ジメチルアセトアミド、N-メチルピロリドンなどの酸アミド類、塩化メチレン、クロロホルムなどのハロゲン化炭化水素類、トリフルオロエタノールなどのアルコール類、ジメチルスルホキシドなどのスルホキシド類、ピリジン、ジオキサン、テトラヒドロフランなどのエーテル類、アセトニトリル、プロピオニトリルなどのニトリル類、酢酸メチル、酢酸エチルなどのエステル類あるいはこれらの適宜の混合物などが用いられる。反応温度は蛋白質結合形成反応に使用され得ることが知られている範囲から適宜選択され、通常約-20~50の範囲から適宜選択される。活性化されたアミノ酸誘導体は通常1.5~

4倍過剰で用いられる。ニンヒドリン反応を用いたテストの結果、縮合が不十分な場合には保護基の脱離を行うことなく縮合反応を繰り返すことにより十分な縮合を行なうことができる。反応を繰り返しても十分な縮合が得られないときには、無水酢酸またはアセチルイミダゾールを用いて未反応アミノ酸をアセチル化することができる。

【0021】原料のアミノ基の保護基としては、例えば、Z、Boc、ターシャリーベンチルオキシカルボニル、イソボルニルオキシカルボニル、4-メトキシベンジルオキシカルボニル、Cl-Z、Br-Z、アダマンチルオキシカルボニル、トリフルオロアセチル、フタロイル、ホルミル、2-ニトロフェニルスルフェニル、ジフェニルホスフィノチオイル、Fmocなどが用いられる。カルボキシル基は、例えば、アルキルエステル化（例えば、メチル、エチル、プロピル、ブチル、ターシャリーブチル、シクロペンチル、シクロヘキシル、シクロヘプチル、シクロオクチル、2-アダマンチルなどの直鎖状、分枝状もしくは環状アルキルエステル化）、アラキルエステル化（例えば、ベンジルエステル、4-ニトロベンジルエステル、4-メトキシベンジルエステル、4-クロロベンジルエステル、ベンズヒドリルエステル化）、フェナシルエステル化、ベンジルオキシカルボニルヒドラジド化、ターシャリーブトキシカルボニルヒドラジド化、トリチルヒドラジド化などによって保護することができる。セリンの水酸基は、例えば、エステル化またはエーテル化によって保護することができる。このエステル化に適する基としては、例えば、アセチル基などの低級アルカノイル基、ベンゾイル基などのアロイル基、ベンジルオキシカルボニル基、エトキシカルボニル基などの炭酸から誘導される基などが用いられる。また、エーテル化に適する基としては、例えば、ベンジル基、テトラヒドロピラニル基、t-ブチル基などである。チロシンのフェノール性水酸基の保護基としては、例えば、Bzl、Cl₂-Bzl、2-ニトロベンジル、Br-Z、ターシャリーブチルなどが用いられる。ヒスチジンのイミダゾールの保護基としては、例えば、Tos、4-メトキシ-2,3,6-トリメチルベンゼンスルホンニル、DNP、ベンジルオキシメチル、Bum、Boc、Trt、Fmocなどが用いられる。

【0022】原料のカルボキシル基の活性化されたものとしては、例えば、対応する酸無水物、アジド、活性エステル〔アルコール（例えば、ペンタクロロフェノール、2,4,5-トリクロロフェノール、2,4-ジニトロフェノール、シアノメチルアルコール、パラニトロフェノール、HONB、N-ヒドロキシスクシミド、N-ヒドロキシフタルイミド、HOBt）とのエステル〕などが用いられる。原料のアミノ基の活性化されたものとしては、例えば、対応するリン酸アミドが用いられる。保護基の除去（脱離）方法としては、例えば、Pd-

黒あるいはPd-炭素などの触媒の存在下での水素気流中での接触還元や、また、無水フッ化水素、メタンスルホン酸、トリフルオロメタンスルホン酸、トリフルオロ酢酸あるいはこれらの混合液などによる酸処理や、ジイソプロピルエチルアミン、トリエチルアミン、ピペリジン、ピペラジンなどによる塩基処理、また液体アンモニア中ナトリウムによる還元なども用いられる。上記酸処理による脱離反応は、一般に約-20～40の温度で行なわれるが、酸処理においては、例えば、アニソール、フェノール、チオアニソール、メタクレゾール、パラクレゾール、ジメチルスルフィド、1,4-ブタンジチオール、1,2-エタンジチオールなどのようなカチオン捕捉剤の添加が有効である。また、ヒスチジンのイミダゾール保護基として用いられる2,4-ジニトロフェニル基はチオフェノール処理により除去され、トリプトファンインドール保護基として用いられるホルミル基は上記の1,2-エタンジチオール、1,4-ブタンジチオールなどの存在下の酸処理による脱保護以外に、希水酸化ナトリウム溶液、希アンモニアなどによるアルカリ処理によっても除去される。

【0023】原料の反応に関与すべきでない官能基の保護ならびに保護基、およびその保護基の脱離、反応に関与する官能基の活性化などは公知の基または公知の手段から適宜選択しうる。蛋白質のアミド体を得る別の方法としては、例えば、まず、カルボキシ末端アミノ酸のカルボキシル基をアミド化して保護した後、アミノ基側にペプチド（蛋白質）鎖を所望の鎖長まで延ばした後、該ペプチド鎖のN末端のアミノ基の保護基のみを除いた蛋白質とC末端のカルボキシル基の保護基のみを除去した蛋白質とを製造し、この両蛋白質を上記したような混合溶媒中で縮合させる。縮合反応の詳細については上記と同様である。縮合により得られた保護蛋白質を精製した後、上記方法によりすべての保護基を除去し、所望の粗蛋白質を得ることができる。この粗蛋白質は既知の各種精製手段を駆使して精製し、主要画分を凍結乾燥することで所望の蛋白質のアミド体を得ることができる。蛋白質のエステル体を得るには、例えば、カルボキシ末端アミノ酸のカルボキシル基を所望のアルコール類と縮合しアミノ酸エステルとした後、蛋白質のアミド体と同様にして、所望の蛋白質のエステル体を得ることができる。

【0024】本発明の蛋白質の部分ペプチドまたはその塩は、自体公知のペプチドの合成法に従って、あるいは本発明の蛋白質を適当なペプチダーゼで切断することによって製造することができる。ペプチドの合成法としては、例えば、固相合成法、液相合成法のいずれによっても良い。すなわち、本発明の蛋白質を構成し得る部分ペプチドもしくはアミノ酸と残余部分とを縮合させ、生成物が保護基を有する場合は保護基を脱離することにより目的のペプチドを製造することができる。公知の縮合方

法や保護基の脱離としては、例えば、以下の ~ に記載された方法が挙げられる。

M. Bodanszky および M.A. Ondetti、ペプチド シンセシス (Peptide Synthesis), Interscience Publishers, New York (1966年)

SchroederおよびLuebke、ザ ペプチド(The Peptide), Academic Press, NewYork (1965年)

泉屋信夫他、ペプチド合成の基礎と実験、丸善(株) (1975年)

矢島治明 および榊原俊平、生化学実験講座 1、蛋白質の化学IV、205、(1977年)

矢島治明監修、続医薬品の開発 第14巻 ペプチド合成 広川書店

また、反応後は通常の前製法、例えば、溶媒抽出・蒸留・カラムクロマトグラフィー・液体クロマトグラフィー・再結晶などを組み合わせて本発明の部分ペプチドを精製単離することができる。上記方法で得られる部分ペプチドが遊離体である場合は、公知の方法によって適当な塩に変換することができるし、逆に塩で得られた場合は、公知の方法によって遊離体に変換することができる。

【0025】本発明のレセプター蛋白質をコードするポリヌクレオチドとしては、上記した本発明のレセプター蛋白質をコードする塩基配列(DNAまたはRNA、好ましくはDNA)を含有するものであればいかなるものであってもよい。該ポリヌクレオチドとしては、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNA、mRNA等のRNAであり、二本鎖であっても、一本鎖であってもよい。二本鎖の場合は、二本鎖DNA、二本鎖RNAまたはDNA:RNAのハイブリッドでもよい。一本鎖の場合は、センス鎖(すなわち、コード鎖)であっても、アンチセンス鎖(すなわち、非コード鎖)であってもよい。本発明のレセプター蛋白質をコードするポリヌクレオチドを用いて、例えば、公知の実験医学増刊「新PCRとその応用」15(7)、1997記載の方法またはそれに準じた方法により、本発明のレセプター蛋白質のmRNAを定量することができる。本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、ゲノムDNA、ゲノムDNAライブラリー、上記した細胞・組織由来のcDNA、上記した細胞・組織由来のcDNAライブラリー、合成DNAのいずれでもよい。ライブラリーに使用するベクターは、バクテリオファージ、プラスミド、コスミド、ファージミドなどいずれであってもよい。また、上記した細胞・組織よりtotal RNAまたはmRNA画分を調製したものをを用いて直接Reverse Transcriptase Polymerase Chain Reaction(以下、RT-PCR法と略称する)によって増幅することもできる。具体的には、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、例えば、配列番号: 2、6、8、11、14または16で表わされる塩基配列を含有するDNA、または配列番

号: 2、6、8、11、14または16で表わされる塩基配列とハイストリンジエントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有し、本発明のレセプター蛋白質と実質的に同質の活性(例、リガンド結合活性、シグナル情報伝達作用など)を有するレセプター蛋白質をコードするDNAであれば何れのもでもよい。配列番号: 2、6、8、11、14または16で表わされる塩基配列とハイブリダイズできるDNAとしては、例えば、配列番号: 2、6、8、11、14または16で表わされる塩基配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

【0026】ハイブリダイゼーションは、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法、例えば、モレキュラー・クローニング(Molecular Cloning) 2nd(J. Sambrook et al., Cold Spring Harbor Lab. Press, 1989)に記載の方法などに従って行なうことができる。また、市販のライブラリーを使用する場合、添付の使用説明書に記載の方法に従って行なうことができる。より好ましくは、ハイストリンジエントな条件に従って行なうことができる。該ハイストリンジエントな条件とは、例えば、ナトリウム濃度が約19~40mM、好ましくは約19~20mMで、温度が約50~70、好ましくは約60~65の条件を示す。特に、ナトリウム濃度が約19mMで温度が約65の場合が最も好ましい。より具体的には、配列番号: 1で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、配列番号: 2で表わされる塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。また、配列番号: 5で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、配列番号: 6で表わされる塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。配列番号: 7で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、配列番号: 8で表わされる塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。配列番号: 10で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、配列番号: 11で表わされる塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。配列番号: 13で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、配列番号: 14で表わされる塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。配列番号: 15で表わされるアミノ酸配列を含有するレセプター蛋白質をコードするDNAとしては、配列番号: 16で表わされる塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAの塩基配列の一部、または該DNAと相補的な塩基配列の一部を含有してなるポリヌクレオチドとは、下記の本発明の部分ペプチドをコードするDNAを包含するだけでなく、RNAをも包含する意味で用いられ

る。本発明に従えば、G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子の複製または発現を阻害することのできるアンチセンス・ポリヌクレオチド(核酸)を、クローン化した、あるいは決定されたG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするDNAの塩基配列情報に基づき設計し、合成しうる。そうしたポリヌクレオチド(核酸)は、G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子のRNAとハイブリダイズすることができ、該RNAの合成または機能を阻害することができるか、あるいはG蛋白質共役型レセプター蛋白質関連RNAとの相互作用を介してG蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子の発現を調節・制御することができる。G蛋白質共役型レセプター蛋白質関連RNAの選択された配列に相補的なポリヌクレオチド、およびG蛋白質共役型レセプター蛋白質関連RNAと特異的にハイブリダイズすることができるポリヌクレオチドは、生体内および生体外でG蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子の発現を調節・制御するのに有用であり、また病気などの治療または診断に有用である。用語「対応する」とは、遺伝子を含めたヌクレオチド、塩基配列または核酸の特定の配列に相同性を有するあるいは相補的であることを意味する。ヌクレオチド、塩基配列または核酸とペプチド(蛋白質)との間で「対応する」とは、ヌクレオチド(核酸)の配列またはその相補体から誘導される指令にあるペプチド(蛋白質)のアミノ酸を通常指している。G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子の5'端ヘアピンループ、5'端6-ベースペア・リピート、5'端非翻訳領域、ポリペプチド翻訳開始コドン、蛋白質コード領域、ORF翻訳開始コドン、3'端非翻訳領域、3'端パンドローム領域、および3'端ヘアピンループは好ましい対象領域として選択しうるが、G蛋白質共役型レセプター蛋白質遺伝子内の如何なる領域も対象として選択しうる。

【0027】目的核酸と、対象領域の少なくとも一部に相補的なポリヌクレオチドとの関係は、対象物とハイブリダイズすることができるポリヌクレオチドとの関係は、「アンチセンス」であるということができる。アンチセンス・ポリヌクレオチドは、2-デオキシ-D-リボースを含有しているポリデオキシヌクレオチド、D-リボースを含有しているポリデオキシヌクレオチド、プリンまたはピリミジン塩基のN-グリコシドであるその他のタイプのポリヌクレオチド、あるいは非ヌクレオチド骨格を有するその他のポリマー(例えば、市販の蛋白質核酸および合成配列特異的な核酸ポリマー)または特殊な結合を含有するその他のポリマー(但し、該ポリマーはDNAやRNA中に見出されるような塩基のペアリングや塩基の付着を許容する配置をもつヌクレオチドを含有する)などが挙げられる。それらは、2本鎖DNA、1本鎖DNA、2本鎖RNA、1本鎖RNA、さらにDNA:RNAハイブリッドであることができ、さらに非修飾ポリヌクレオチド(または非修飾オリゴヌクレ

オチド)、さらには公知の修飾の付加されたもの、例えば当該分野で知られた標識のあるもの、キャップの付いたもの、メチル化されたもの、1個以上の天然のヌクレオチドを類縁物で置換したもの、分子内ヌクレオチド修飾のされたもの、例えば非荷電結合(例えば、メチルホスホネート、ホスホトリエステル、ホスホホルアミデート、カルバメートなど)を持つもの、電荷を有する結合または硫黄含有結合(例えば、ホスホロチオエート、ホスホロジチオエートなど)を持つもの、例えば蛋白質(ヌクレアーゼ、ヌクレアーゼ・インヒビター、トキシン、抗体、シグナルペプチド、ポリ-L-リジンなど)や糖(例えば、モノサッカライドなど)などの側鎖基を有しているもの、インターカレント化合物(例えば、アクリジン、プソラレンなど)を持つもの、キレート化合物(例えば、金属、放射活性をもつ金属、ホウ素、酸化性の金属など)を含有するもの、アルキル化剤を含有するもの、修飾された結合を持つもの(例えば、アノマー型の核酸など)であってもよい。ここで「ヌクレオシド」、「ヌクレオチド」および「核酸」とは、プリンおよびピリミジン塩基を含有するのみでなく、修飾されたその他の複素環型塩基をもつようなものを含んでいてよい。こうした修飾物は、メチル化されたプリンおよびピリミジン、アシル化されたプリンおよびピリミジン、あるいはその他の複素環を含むものであってよい。修飾されたヌクレオチドおよび修飾されたヌクレオチドはまた糖部分が修飾されていてよく、例えば、1個以上の水酸基がハロゲンとか、脂肪族基などで置換されていたり、あるいはエーテル、アミンなどの官能基に変換されていてよい。

【0028】本発明のアンチセンス・ポリヌクレオチド(核酸)は、RNA、DNA、あるいは修飾された核酸(RNA、DNA)である。修飾された核酸の具体例としては核酸の硫黄誘导体やチオホスフェート誘导体、そしてポリヌクレオシドアミドやオリゴヌクレオシドアミドの分解に抵抗性のものが挙げられるが、それに限定されるものではない。本発明のアンチセンス核酸は次のような方針で好ましく設計されうる。すなわち、細胞内でのアンチセンス核酸をより安定なものにする、アンチセンス核酸の細胞透過性をより高める、目標とするセンス鎖に対する親和性をより大きなものにする、そしてもし毒性があるならアンチセンス核酸の毒性をより小さなものにする。こうして修飾は当該分野で数多く知られており、例えばJ. Kawakami et al., Pharm Tech Japan, Vol. 8, pp.247, 1992; Vol. 8, pp.395, 1992; S. T. Crooke et al. ed., Antisense Research and Applications, CRC Press, 1993などに開示がある。本発明のアンチセンス核酸は、変化せしめられたり、修飾された糖、塩基、結合を含有していて良く、リボゾーム、ミクロソフェアのような特殊な形態で供与されたり、遺伝子治療により適用されたり、付加された形態で与えられること

ができる。こうして付加形態で用いられるものとしては、リン酸基骨格の電荷を中和するように働くポリリジンのようなポリカチオン体、細胞膜との相互作用を高めたり、核酸の取込みを増大せしめるような脂質（例えば、ホスホリピド、コレステロールなど）といった疎水性のものが挙げられる。付加するに好ましい脂質としては、コレステロールやその誘導体（例えば、コレステリルクロロホルメート、コール酸など）が挙げられる。こうしたものは、核酸の3'端あるいは5'端に付着させることができ、塩基、糖、分子内ヌクレオシド結合を介して付着させることができ、その他の基としては、核酸の3'端あるいは5'端に特異的に配置されたキャップ用の基で、エキソヌクレアーゼ、RNaseなどのヌクレアーゼによる分解を阻止するためのものが挙げられる。こうしたキャップ用の基としては、ポリエチレングリコール、テトラエチレングリコールなどのグリコールをはじめとした当該分野で知られた水酸基の保護基が挙げられるが、それに限定されるものではない。アンチセンス核酸の阻害活性は、本発明の形質転換体、本発明の生体内や生体外の遺伝子発現系、あるいはG蛋白質共役型レセプター蛋白質の生体内や生体外の翻訳系を用いて調べることができる。該核酸それ自体公知の各種の方法で細胞に適用できる。

【0029】本発明の部分ペプチドをコードするDNAとしては、上記した本発明の部分ペプチドをコードする塩基配列を含有するものであればいかなるものであってもよい。また、ゲノムDNA、ゲノムDNAライブラリー、上記した細胞・組織由来のcDNA、上記した細胞・組織由来のcDNAライブラリー、合成DNAのいずれでもよい。ライブラリーに使用するベクターは、バクテリオファージ、プラスミド、コスミド、ファージミドなどいずれであってもよい。また、上記した細胞・組織よりmRNA画分を調製したものをを用いて直接Reverse Transcriptase Polymerase Chain Reaction（以下、RT-PCR法と略称する）によって増幅することもできる。具体的には、本発明の部分ペプチドをコードするDNAとしては、例えば、(1)配列番号：2、6、8、11、14または16で表わされる塩基配列を有するDNAの部分塩基配列を有するDNA、または(2)配列番号：2、6、8、11、14または16で表わされる塩基配列とハイストリンジェントな条件下でハイブリダイズする塩基配列を有し、本発明のレセプター蛋白質と実質的に同質の活性（例、リガンド結合活性、シグナル情報伝達作用など）を有するレセプター蛋白質をコードするDNAの部分塩基配列を有するDNAなどが用いられる。配列番号：2、6、8、11、14または16で表わされる塩基配列ハイブリダイズできるDNAとしては、例えば、配列番号：2、6、8、11、14または16で表わされる塩基配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、より好ましくは約90%以上、最も好ま

しくは約95%以上の相同性を有する塩基配列を含有するDNAなどが用いられる。

【0030】本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチド（以下、本発明のレセプター蛋白質と略記する場合がある）を完全にコードするDNAのクローニングの手段としては、本発明のレセプター蛋白質の部分塩基配列を有する合成DNAプライマーを用いてPCR法によって増幅するか、または適当なベクターに組み込んだDNAを本発明のレセプター蛋白質の一部あるいは全領域をコードするDNA断片もしくは合成DNAを用いて標識したものとハイブリダイゼーションによって選別することができる。ハイブリダイゼーションの方法は、例えば、モレキュラー・クローニング（Molecular Cloning）2nd（J. Sambrook et al., ColdSpring Harbor Lab. Press, 1989）に記載の方法などに従って行なうことができる。また、市販のライブラリーを使用する場合、添付の使用説明書に記載の方法に従って行なうことができる。

【0031】DNAの塩基配列の変換は、PCRや公知のキット、例えば、Mutan（登録商標）-super Express Km（宝酒造（株））、Mutan（登録商標）-K（宝酒造（株））等を用いて、ODA-LA PCR法やGapped duplex法やKunkel法等の自体公知の方法あるいはそれらに準じる方法に従って行なうことができる。クローン化されたレセプター蛋白質をコードするDNAは目的によりそのまま、または所望により制限酵素で消化したり、リンカーを付加したりして使用することができる。該DNAはその5'末端側に翻訳開始コドンとしてのATGを有し、また3'末端側には翻訳終止コドンとしてのTAA、TGAまたはTAGを有していてもよい。これらの翻訳開始コドンや翻訳終止コドンは、適当な合成DNAアダプターを用いて付加することもできる。本発明のレセプター蛋白質の発現ベクターは、例えば、(イ)本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAから目的とするDNA断片を切り出し、(ロ)該DNA断片を適当な発現ベクター中のプロモーターの下流に連結することにより製造することができる。

【0032】ベクターとしては、大腸菌由来のプラスミド（例、pCR4、pCR2.1、pBR322、pBR325、pUC12、pUC13、pSL301）、枯草菌由来のプラスミド（例、pUB110、pTP5、pC194）、酵母由来プラスミド（例、pSH19、pSH15）、ファージなどのバクテリオファージ、レトロウイルス、ワクシニアウイルス、パキユロウイルスなどの動物ウイルスなどの他、pA1-11、pXT1、pRc/CMV、pRc/RSV、pcDNAI/Neoなどが用いられる。本発明で用いられるプロモーターとしては、遺伝子の発現に用いる宿主に対応して適切なプロモーターであればいかなるものでもよい。例えば、動物細胞を宿主として用いる場合は、SRP

ロモーター、SV40プロモーター、LTRプロモーター、CMVプロモーター、HSV-TKプロモーターなどが挙げられる。これらのうち、CMVプロモーター、SRプロモーターなどを用いるのが好ましい。宿主がエシェリヒア属菌である場合は、trpプロモーター、lacプロモーター、recAプロモーター、P_Lプロモーター、lppプロモーターなどが、宿主がバチルス属菌である場合は、SPO1プロモーター、SPO2プロモーター、penPプロモーターなど、宿主が酵母である場合は、PHO5プロモーター、PGKプロモーター、GAPプロモーター、ADHプロモーターなどが好ましい。宿主が昆虫細胞である場合は、ポリヘドリンプロモーター、P10プロモーターなどが好ましい。

【0033】発現ベクターには、以上の他に、所望によりエンハンサー、スプライシングシグナル、ポリA付加シグナル、選択マーカー、SV40複製オリジン（以下、SV40oriと略称する場合がある）などを含有しているものを用いることができる。選択マーカーとしては、例えば、ジヒドロ葉酸還元酵素（以下、dhfrと略称する場合がある）遺伝子〔メソトレキセート（MTX）耐性〕、アンピシリン耐性遺伝子（以下、Amp^rと略称する場合がある）、ネオマイシン耐性遺伝子（以下、Neo^rと略称する場合がある、G418耐性）等が挙げられる。特に、CHO（dhfr⁻）細胞を用いてdhfr遺伝子を選択マーカーとして使用する場合、目的遺伝子をチミジンを含まない培地によっても選択できる。また、必要に応じて、宿主に合ったシグナル配列を、本発明のレセプター蛋白質のN端末側に付加する。宿主がエシェリヒア属菌である場合は、PhoA・シグナル配列、OmpA・シグナル配列などが、宿主がバチルス属菌である場合は、 α -アミラーゼ・シグナル配列、サブチリシン・シグナル配列などが、宿主が酵母である場合は、MF α ・シグナル配列、SUC2・シグナル配列など、宿主が動物細胞である場合には、インシュリン・シグナル配列、 α -インターフェロン・シグナル配列、抗体分子・シグナル配列などがそれぞれ利用できる。このようにして構築された本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを含有するベクターを用いて、形質転換体を製造することができる。

【0034】宿主としては、例えば、エシェリヒア属菌、バチルス属菌、酵母、昆虫細胞、昆虫、動物細胞などが用いられる。エシェリヒア属菌の具体例としては、エシェリヒア・コリ（*Escherichia coli*）K12・DH1〔プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンス・オブ・ザ・ユーエスエー（Proc. Natl. Acad. Sci. USA）〕、60巻、160（1968）〕、JM103〔ヌクレック・アシックス・リサーチ、（Nucleic Acids Research）〕、9巻、309（1981）〕、JA221〔ジャーナル・オブ・モレキュラー・バイオロジー（Journal of Molecular Biolog

y）〕、120巻、517（1978）〕、HB101〔ジャーナル・オブ・モレキュラー・バイオロジー、41巻、459（1969）〕、C600〔ジェネティクス（Genetics）〕、39巻、440（1954）〕、DH5〔Inoue,H.,Nojima,H.and Okayama,H.,Gene,96,23-28（1990）〕、DH10B〔プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンス・オブ・ザ・ユーエスエー（Proc. Natl. Acad. Sci. USA）〕、87巻、4645-4649（1990）〕などが用いられる。バチルス属菌としては、例えば、バチルス・サブチリス（*Bacillus subtilis*）MI114〔ジーン、24巻、255（1983）〕、207-21〔ジャーナル・オブ・バイオケミストリー（Journal of Biochemistry）〕、95巻、87（1984）〕などが用いられる。酵母としては、例えば、サッカロマイセス セレビシエ（*Saccharomyces cerevisiae*）AH22、AH22R⁻、NA87-11A、DKD-5D、20B-12、シゾサッカロマイセス ポンベ（*Schizosaccharomyces pombe*）NCYC1913、NCYC2036、ピキア パストリス（*Pichia pastoris*）などが用いられる。

【0035】昆虫細胞としては、例えば、ウイルスがAcNPVの場合は、夜盗蛾の幼虫由来株化細胞（*Spodoptera frugiperda* cell；Sf細胞）、*Trichoplusia ni*の中腸由来のMG1細胞、*Trichoplusia ni*の卵由来のHigh FiveTM細胞、*Mamestrabracissicae*由来の細胞または*Estigmene acrea*由来の細胞などが用いられる。ウイルスがBmNPVの場合は、蚕由来株化細胞（*Bombyx mori* N；BmN細胞）などが用いられる。該Sf細胞としては、例えば、Sf9細胞（ATCC CRL1711）、Sf21細胞（以上、Vaughn, J.L.ら、イン・ヴィボ（*In Vivo*））、13、213-217、（1977））などが用いられる。昆虫としては、例えば、カイコの幼虫などが用いられる〔前田ら、ネイチャー（*Nature*）〕、315巻、592（1985）〕。動物細胞としては、例えば、サル細胞COS-7、Vero、チャイニーズハムスター細胞CHO（以下、CHO細胞と略記）、dhfr遺伝子欠損チャイニーズハムスター細胞CHO（以下、CHO（dhfr⁻）細胞と略記）、マウスL細胞、マウスAtT-20、マウスミエローマ細胞、ラットGH3、ヒトFL細胞などが用いられる。

【0036】エシェリヒア属菌を形質転換するには、例えば、プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンス・オブ・ザ・ユーエスエー（Proc. Natl. Acad. Sci. USA）〕、69巻、2110（1972）やジーン（*Gene*）〕、17巻、107（1982）などに記載の方法に従って行なうことができる。バチルス属菌を形質転換するには、例えば、モレキュラー・アンド・ジェネラル・ジェネティクス（*Molecular & General Genetics*）〕、168巻、111（19

79)などに記載の方法に従って行なうことができる。酵母を形質転換するには、例えば、メソズ・イン・エンザイモロジー (Methods in Enzymology), 194巻, 182-187(1991)、プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンス・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 75巻, 1929(1978)などに記載の方法に従って行なうことができる。昆虫細胞または昆虫を形質転換するには、例えば、バイオ/テクノロジー (Bio/Technology), 6, 47-55(1988)などに記載の方法に従って行なうことができる。動物細胞を形質転換するには、例えば、細胞工学別冊8新細胞工学実験プロトコル, 263-267(1995) (秀潤社発行)、ウイルス学 (Virology), 52巻, 456(1973)に記載の方法に従って行なうことができる。このようにして、G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするDNAを含有する発現ベクターで形質転換された形質転換体が得られる。宿主がエシェリヒア属菌、バチルス属菌である形質転換体を培養する際、培養に使用される培地としては液体培地が適当であり、その中には該形質転換体の生育に必要な炭素源、窒素源、無機物その他が含有せしめられる。炭素源としては、例えば、グルコース、デキストリン、可溶性澱粉、ショ糖など、窒素源としては、例えば、アンモニウム塩類、硝酸塩類、コーンステープ・リカー、ペプトン、カゼイン、肉エキス、大豆粕、バレイショ抽出液などの無機または有機物質、無機物としては、例えば、塩化カルシウム、リン酸二水素ナトリウム、塩化マグネシウムなどが挙げられる。また、酵母エキス、ビタミン類、生長促進因子などを添加してもよい。培地のpHは約5~8が望ましい。

【0037】エシェリヒア属菌を培養する際の培地としては、例えば、グルコース、カザミノ酸を含むM9培地〔ミラー (Miller), ジャーナル・オブ・エクスペリメンツ・イン・モレキュラー・ジェネティクス (Journal of Experiments in Molecular Genetics), 431-433, Cold Spring Harbor Laboratory, New York 1972〕が好ましい。ここに必要によりプロモーターを効率よく働かせるために、例えば、3-インドリルアクリル酸のような薬剤を加えることができる。宿主がエシェリヒア属菌の場合、培養は通常約15~43で約3~24時間行ない、必要により、通気や攪拌を加えることもできる。宿主がバチルス属菌の場合、培養は通常約30~40で約6~24時間行ない、必要により通気や攪拌を加えることもできる。宿主が酵母である形質転換体を培養する際、培地としては、例えば、パークホルダー (Burkholder) 最小培地〔Bostian, K. L. ら、「プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンス・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 77巻, 4505(1980)〕や0.5%カザミノ酸を含有するSD

培地〔Bitter, G. A. ら、「プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンス・オブ・ザ・ユーエスエー (Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 81巻, 5330(1984)〕が挙げられる。培地のpHは約5~8に調整するのが好ましい。培養は通常約20~35で約24~72時間行ない、必要に応じて通気や攪拌を加える。

【0038】宿主が昆虫細胞または昆虫である形質転換体を培養する際、培地としては、Grace's Insect Medium (Grace, T.C.C., ネイチャー (Nature), 195, 788(1962)) に非動化した10%ウシ血清等の添加物を適宜加えたものなどが用いられる。培地のpHは約6.2~6.4に調整するのが好ましい。培養は通常約27で約3~5日間行ない、必要に応じて通気や攪拌を加える。宿主が動物細胞である形質転換体を培養する際、培地としては、例えば、約5~20%の胎児牛血清を含むMEM培地〔サイエンス (Science), 122巻, 501(1952)〕, DMEM培地〔ウイルス学 (Virology), 8巻, 396(1959)〕, RPMI 1640培地〔ジャーナル・オブ・ザ・アメリカン・メディカル・アソシエーション (The Journal of the American Medical Association) 199巻, 519(1967)〕, 199培地〔プロシーディング・オブ・ザ・ソサイエティ・フォー・ザ・バイオロジカル・メディスン (Proceeding of the Society for the Biological Medicine), 73巻, 1(1950)〕などが用いられる。pHは約6~8であるのが好ましい。培養は通常約30~40で約15~60時間行ない、必要に応じて通気や攪拌を加える。以上のようにして、形質転換体の細胞内、細胞膜または細胞外に本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質を生成せしめることができる。

【0039】上記培養物から本発明のレセプター蛋白質を分離精製するには、例えば、下記の方法により行なうことができる。本発明のレセプター蛋白質を培養菌体あるいは細胞から抽出するに際しては、培養後、公知の方法で菌体あるいは細胞を集め、これを適当な緩衝液に懸濁し、超音波、リゾチームおよび/または凍結融解などによって菌体あるいは細胞を破壊したのち、遠心分離やろ過によりレセプター蛋白質の粗抽出液を得る方法などが適宜用いられる。緩衝液の中に尿素や塩酸グアニジンなどの蛋白質変性剤や、トリトンX-100TMなどの界面活性剤が含まれていてもよい。培養液中にレセプター蛋白質が分泌される場合には、培養終了後、それ自体公知の方法で菌体あるいは細胞と上清とを分離し、上清を集める。このようにして得られた培養上清、あるいは抽出液中に含まれるレセプター蛋白質の精製は、自体公知の分離・精製法を適切に組み合わせる。これらの公知の分離・精製法としては、塩析や溶媒沈澱法などの溶解度を利用する方法、透析法、限外ろ過法、ゲルろ過法、およびSDS-ポリアクリルアミドゲ

ル電気泳動法などの主として分子量の差を利用する方法、イオン交換クロマトグラフィーなどの荷電の差を利用する方法、アフィニティークロマトグラフィーなどの特異的親和性を利用する方法、逆相高速液体クロマトグラフィーなどの疎水性の差を利用する方法、等電点電気泳動法などの等電点の差を利用する方法などが用いられる。

【0040】かくして得られるレセプター蛋白質が遊離体で得られた場合には、自体公知の方法あるいはそれに準じる方法によって塩に変換することができ、逆に塩で得られた場合には自体公知の方法あるいはそれに準じる方法により、遊離体または他の塩に変換することができる。なお、組換え体が産生するレセプター蛋白質を、精製前または精製後に適当な蛋白修飾酵素を作用させることにより、任意に修飾を加えたり、ポリペプチドを部分的に除去することもできる。蛋白修飾酵素としては、例えば、トリプシン、キモトリプシン、アルギニルエンドペプチダーゼ、プロテインキナーゼ、グリコシダーゼなどが用いられる。かくして生成する本発明のレセプター蛋白質またはその塩の活性は、標識したリガンドとの結合実験および特異抗体を用いたエンザイムイムノアッセイなどにより測定することができる。

【0041】本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩に対する抗体は、本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩を認識し得る抗体であれば、ポリクローナル抗体、モノクローナル抗体の何れであってもよい。本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩（以下、本発明のレセプター蛋白質等と略記する場合がある）に対する抗体は、本発明のレセプター蛋白質等を抗原として用い、自体公知の抗体または抗血清の製造法に従って製造することができる。

【0042】〔モノクローナル抗体の作製〕

(a) モノクローナル抗体産生細胞の作製

本発明のレセプター蛋白質等は、哺乳動物に対して投与により抗体産生が可能な部位にそれ自体あるいは担体、希釈剤とともに投与される。投与に際して抗体産生能を高めるため、完全フロイントアジュバントや不完全フロイントアジュバントを投与してもよい。投与は通常2～6週毎に1回ずつ、計2～10回程度行なわれる。用いられる哺乳動物としては、例えば、サル、ウサギ、イヌ、モルモット、マウス、ラット、ヒツジ、ヤギが挙げられるが、マウスおよびラットが好ましく用いられる。モノクローナル抗体産生細胞の作製に際しては、抗原を免疫された温血動物、例えば、マウスから抗体価の認められた個体を選択し最終免疫の2～5日後に脾臓またはリンパ節を採取し、それらに含まれる抗体産生細胞を骨髓腫細胞と融合させることにより、モノクローナル抗体産生ハイブリドーマを調製することができる。抗血清中の抗体価の測定は、例えば、後記の標識化レセプター蛋

白質等と抗血清とを反応させたのち、抗体に結合した標識剤の活性を測定することにより行なうことができる。融合操作は既知の方法、例えば、ケーラーとミルスタインの方法〔ネイチャー (Nature)、256巻、495頁(1975年)〕に従い実施することができる。融合促進剤としては、例えば、ポリエチレングリコール(PEG)やセンダイウィルスなどが挙げられるが、好ましくはPEGが用いられる。骨髓腫細胞としては、例えば、NS-1、P3U1、SP2/0などが挙げられるが、P3U1が好ましく用いられる。用いられる抗体産生細胞(脾臓細胞)数と骨髓腫細胞数との好ましい比率は1:1～20:1程度であり、PEG(好ましくは、PEG1000～PEG6000)が10～80%程度の濃度で添加され、約20～40、好ましくは約30～37で約1～10分間インキュベートすることにより効率よく細胞融合を実施できる。

【0043】モノクローナル抗体産生ハイブリドーマのスクリーニングには種々の方法が使用できるが、例えば、レセプター蛋白質等の抗原を直接あるいは担体とともに吸着させた固相(例、マイクロプレート)にハイブリドーマ培養上清を添加し、次に放射性物質や酵素などで標識した抗免疫グロブリン抗体(細胞融合に用いられる細胞がマウスの場合、抗マウス免疫グロブリン抗体が用いられる)またはプロテインAを加え、固相に結合したモノクローナル抗体を検出する方法、抗免疫グロブリン抗体またはプロテインAを吸着させた固相にハイブリドーマ培養上清を添加し、放射性物質や酵素などで標識したレセプター蛋白質等を加え、固相に結合したモノクローナル抗体を検出する方法などが挙げられる。モノクローナル抗体の選別は、自体公知あるいはそれに準じる方法に従って行なうことができるが、通常はHAT(ヒポキサンチン、アミノプテリン、チミジン)を添加した動物細胞用培地などで行なうことができる。選別および育種用培地としては、ハイブリドーマが生育できるものならばどのような培地を用いても良い。例えば、1～20%、好ましくは10～20%の牛胎児血清を含むRPMI 1640培地、1～10%の牛胎児血清を含むGIT培地(和光純薬工業(株))またはハイブリドーマ培養用無血清培地(SFM-101、日水製薬(株))などを用いることができる。培養温度は、通常20～40、好ましくは約37である。培養時間は、通常5日～3週間、好ましくは1週間～2週間である。培養は、通常5%炭酸ガス下で行なうことができる。ハイブリドーマ培養上清の抗体価は、上記の抗血清中の抗体価の測定と同様にして測定できる。

【0044】(b)モノクローナル抗体の精製
モノクローナル抗体の分離精製は、通常のポリクローナル抗体の分離精製と同様に免疫グロブリンの分離精製法〔例、塩析法、アルコール沈殿法、等電点沈殿法、電気泳動法、イオン交換体(例、DEAE)による吸脱着

法、超遠心法、ゲルろ過法、抗原結合固相またはプロテインAあるいはプロテインGなどの活性吸着剤により抗体のみを採取し、結合を解離させて抗体を得る特異的精製法]に従って行なうことができる。

【0045】〔ポリクローナル抗体の作製〕本発明のポリクローナル抗体は、それ自体公知あるいはそれに準じる方法にしたがって製造することができる。例えば、免疫抗原(レセプター蛋白質等の抗原)とキャリアー蛋白質との複合体をつくり、上記のモノクローナル抗体の製造法と同様に哺乳動物に免疫を行ない、該免疫動物から本発明のレセプター蛋白質等に対する抗体含有物を採取して、抗体の分離精製を行なうことにより製造できる。哺乳動物を免疫するために用いられる免疫抗原とキャリアー蛋白質との複合体に関し、キャリアー蛋白質の種類およびキャリアーとハプテンとの混合比は、キャリアーに架橋させて免疫したハプテンに対して抗体が効率良くできれば、どの様なものをどの様な比率で架橋させてもよいが、例えば、ウシ血清アルブミン、ウシサイログロブリン、キーホール・リンペット・ヘモシアニン等を重量比でハプテン1に対し、約0.1~2.0、好ましくは約1~5の割合でカプルさせる方法が用いられる。また、ハプテンとキャリアーのカプリングには、種々の縮合剤を用いることができるが、グルタルアルデヒドやカルボジイミド、マレイミド活性エステル、チオール基、ジチオピリジル基を含有する活性エステル試薬等が用いられる。縮合生成物は、温血動物に対して、抗体産生が可能な部位にそれ自体あるいは担体、希釈剤とともに投与される。投与に際して抗体産生能を高めるため、完全フロイントアジュバントや不完全フロイントアジュバントを投与してもよい。投与は、通常約2~6週毎に1回ずつ、計約3~10回程程度行なうことができる。ポリクローナル抗体は、上記の方法で免疫された哺乳動物の血液、腹水など、好ましくは血液から採取することができる。抗血清中のポリクローナル抗体価の測定は、上記の血清中の抗体価の測定と同様にして測定できる。ポリクローナル抗体の分離精製は、上記のモノクローナル抗体の分離精製と同様の免疫グロブリンの分離精製法に従って行なうことができる。

【0046】本発明のレセプター蛋白質またはその塩、その部分ペプチドまたはその塩、および該レセプター蛋白質またはその部分ペプチドをコードするDNAは、(1)本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質に対するリガンド(アゴニスト)の決定、(2)本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤、(3)遺伝子診断剤、(4)本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニング方法、(5)本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物を含有する各種疾患の予防および/または治療剤、(6)本発明のG蛋白質共役

型レセプター蛋白質に対するリガンドの定量法、(7)本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質とリガンドとの結合性を变化させる化合物(アゴニスト、アンタゴニストなど)のスクリーニング方法、(8)本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質とリガンドとの結合性を变化させる化合物(アゴニスト、アンタゴニスト)を含有する各種疾患の予防および/または治療剤、(9)本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩の定量、(10)細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法、(11)細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物を含有する各種疾患の予防および/または治療剤、(12)本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩に対する抗体による中和、(13)本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするDNAを有する非ヒト動物の作製などに用いることができる。特に、本発明の組換え型G蛋白質共役型レセプター蛋白質の発現系を用いたレセプター結合アッセイ系を用いることによって、ヒトや哺乳動物に特異的なG蛋白質共役型レセプターに対するリガンドの結合性を变化させる化合物(例、アゴニスト、アンタゴニストなど)をスクリーニングすることができ、該アゴニストまたはアンタゴニストを各種疾患の予防・治療剤などとして使用することができる。本発明のレセプター蛋白質もしくは部分ペプチドまたはその塩(以下、本発明のレセプター蛋白質等と略記する場合がある)、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドをコードするDNA(以下、本発明のDNAと略記する場合がある)および本発明のレセプター蛋白質等に対する抗体(以下、本発明の抗体と略記する場合がある)の用途について、以下に具体的に説明する。

【0047】(1)本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質に対するリガンド(アゴニスト)の決定
本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩または本発明の部分ペプチドもしくはその塩は、本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンド(アゴニスト)を探索し、または決定するための試薬として有用である。すなわち、本発明は、本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩または本発明の部分ペプチドもしくはその塩と、試験化合物とを接触させることを特徴とする本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドの決定方法を提供する。試験化合物としては、公知のリガンド(例えば、アンジオテンシン、ボンベシン、カナビノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP(例、PACAP27、PACAP38)、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP(バン

アクティブ インテスティナル アンドリレイテッド ポリペプチド)、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP (カルシトニンジーンリレーテッドペプチド)、ロイコトリエン、パングレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、ケモカインスーパーファミリー (例、IL-8, GRO, GRO, GRO, NAP-2, ENA-78, GCP-2, PF4, IP-10, Mig, PBSF/SDF-1などのCXCKケモカインサブファミリー; MCAF/MCP-1, MCP-2, MCP-3, MCP-4, eotaxin, RANTES, MIP-1, MIP-1, HCC-1, MIP-3/LARC, MIP-3/ELC, I-309, TARC, MIPF-1, MIPF-2/eotaxin-2, MDC, DC-CK1/PARC, SLCなどのCCケモカインサブファミリー; lymphotactinなどのCケモカインサブファミリー; fractalkineなどのCX3Cケモカインサブファミリー等)、エンドセリン、エンテロガストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンク

レアティックポリペプチド、ガラニン、リゾホスファチジン酸(LPA)、スフィンゴシン1-リン酸など)の他に、例えば、ヒトまたは哺乳動物(例えばマウス、ラット、ブタ、ウシ、ヒツジ、サルなど)の組織抽出物、細胞培養上清などが用いられる。例えば、該組織抽出物、細胞培養上清などを本発明のレセプター蛋白質に添加し、細胞刺激活性などを測定しながら分画し、最終的に単一のリガンドを得ることができる。

【0048】具体的には、本発明のリガンド決定方法は、本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドもしくはその塩を用いるか、または組換え型レセプター蛋白質の発現系を構築し、該発現系を用いたレセプター結合アッセイ系を用いることによって、本発明のレセプター蛋白質に結合して細胞刺激活性(例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性)を有する化合物(例えば、ペプチド、蛋白質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物など)またはその塩を決定する方法である。本発明のリガンド決定方法においては、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドと試験化合物とを接触させた場合の、例えば、該レセプター蛋白質または該部分ペプチドに対する試験化合物の結合量や、細胞刺激活性などを測定することを特徴とする。

【0049】より具体的には、本発明は、
標識した試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質もしくはその塩または本発明の部分ペプチドもしくはその塩に接触させた場合における、標識した試験化合物の該

蛋白質もしくはその塩、または該部分ペプチドもしくはその塩に対する結合量を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法、

標識した試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞または該細胞の膜画分に接触させた場合における、標識した試験化合物の該細胞または該膜画分に対する結合量を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法、

標識した試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したレセプター蛋白質に接触させた場合における、標識した試験化合物の該レセプター蛋白質またはその塩に対する結合量を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドの決定方法、

【0050】試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞に接触させた場合における、レセプター蛋白質を介した細胞刺激活性(例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など)を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法、および

試験化合物を、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したレセプター蛋白質に接触させた場合における、レセプター蛋白質を介する細胞刺激活性(例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など)を測定することを特徴とする本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法を提供する。

特に、上記 ~ の試験を行ない、試験化合物が本発明のレセプター蛋白質に結合することを確認した後に、上記 ~ の試験を行なうことが好ましい。

【0051】まず、リガンド決定方法に用いるレセプター蛋白質としては、上記した本発明のレセプター蛋白質または本発明の部分ペプチドを含有するものであれば何れのものであってもよいが、動物細胞を用いて大量発現させたレセプター蛋白質が適している。本発明のレセプター蛋白質を製造するには、上記の発現方法が用いられるが、該レセプター蛋白質をコードするDNAを哺乳動物細胞や昆虫細胞で発現することにより行なうことが好ましい。目的とする蛋白質部分をコードするDNA断片

には、通常、相補DNAが用いられるが、必ずしもこれに制約されるものではない。例えば、遺伝子断片や合成DNAを用いてもよい。本発明のレセプター蛋白質をコードするDNA断片を宿主動物細胞に導入し、それらを効率よく発現させるためには、該DNA断片を昆虫を宿主とするバキュロウイルスに属する核多角体病ウイルス(nuclear polyhedrosis virus; NPV)のポリヘドリンプロモーター、SV40由来のプロモーター、レトロウイルスのプロモーター、メタロチオネインプロモーター、ヒトヒートショックプロモーター、サイトメガロウイルスプロモーター、SRプロモーターなどの下流に組み込むのが好ましい。発現したレセプターの量と質の検査はそれ自体公知の方法で行うことができる。例えば、文献[Nambi, P.ら、ザ・ジャーナル・オブ・バイオロジカル・ケミストリー(J. Biol. Chem.), 267巻, 19555~19559頁, 1992年]に記載の方法に従って行うことができる。

【0052】したがって、本発明のリガンド決定方法において、本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩を含有するものとしては、それ自体公知の方法に従って精製したレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩であってもよいし、該レセプター蛋白質を含有する細胞またはその細胞膜画分を用いてもよい。本発明のリガンド決定方法において、本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞を用いる場合、該細胞をグルタルアルデヒド、ホルマリンなどで固定化してもよい。固定化方法はそれ自体公知の方法に従って行なうことができる。本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞としては、本発明のレセプター蛋白質を発現した宿主細胞をいうが、該宿主細胞としては、大腸菌、枯草菌、酵母、昆虫細胞、動物細胞などが用いられる。細胞膜画分としては、細胞を破碎した後、それ自体公知の方法で得られる細胞膜が多く含まれる画分のことをいう。細胞の破碎方法としては、Potter-Elvehjem型ホモジナイザーで細胞を押し潰す方法、ワーリングブレンダーやポリトロン(Kinematica社製)による破碎、超音波による破碎、フレンチプレスなどで加圧しながら細胞を細いノズルから噴出させることによる破碎などが挙げられる。細胞膜の分画には、分画遠心分離法や密度勾配遠心分離法などの遠心力による分画法が主として用いられる。例えば、細胞破碎液を低速(500rpm~3000rpm)で短時間(通常、約1分~10分)遠心し、上清をさらに高速(15000rpm~30000rpm)で通常30分~2時間遠心し、得られる沈澱を膜画分とする。該膜画分中には、発現したレセプター蛋白質と細胞由来のリン脂質や膜蛋白質などの膜成分が多く含まれる。

【0053】該レセプター蛋白質を含有する細胞やその膜画分中のレセプター蛋白質の量は、1細胞当たり $10^3 \sim 10^8$ 分子であるのが好ましく、 $10^5 \sim 10^7$ 分子で

あるのが好適である。なお、発現量が多いほど膜画分当たりのリガンド結合活性(比活性)が高くなり、高感度なスクリーニング系の構築が可能になるばかりでなく、同一ロットで大量の試料を測定できるようになる。本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドを決定する上記の~の方法を実施するためには、適当なレセプター蛋白質画分と、標識した試験化合物が必要である。レセプター蛋白質画分としては、天然型のレセプター蛋白質画分か、またはそれと同等の活性を有する組換え型レセプター画分などが望ましい。ここで、同等の活性とは、同等のリガンド結合活性、シグナル情報伝達作用などを示す。標識した試験化合物としては、 $[^3\text{H}]$ 、 $[^{125}\text{I}]$ 、 $[^{14}\text{C}]$ 、 $[^{35}\text{S}]$ などで標識したアンギオテンシン、ボンベシン、カナピノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP(例、PACAP27、PACAP38)、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP(バソアクティブインテスティナルアンドリイテッドポリペプチド)、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP(カルシトニンジーンリレーティッドペプチド)、ロイコトリエン、パンクレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキササン、アデノシン、アドレナリン、ケモカインスーパーファミリー(例、IL-8、GRO、GRO、GRO、NAP-2、ENA-78、GCP-2、PF4、IP-10、Mig、PBSF/SDF-1などのCX3Cケモカインサブファミリー；MCAF/MCP-1、MCP-2、MCP-3、MCP-4、eotaxin、RANTES、MIP-1、MIP-1、HCC-1、MIP-3/LARC、MIP-3/ELC、I-309、TARC、MIPF-1、MIPF-2/eotaxin-2、MDC、DC-CK1/PARC、SLCなどのCCケモカインサブファミリー；lymphotactinなどのCケモカインサブファミリー；fractalkineなどのCX3Cケモカインサブファミリー等)、エンドセリン、エンテログアストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンクレアティックポリペプチド、ガラニン、リゾホスファチジン酸(LPA)、スフィンゴシン1-リン酸などが好適である。

【0054】具体的には、本発明のレセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドの決定方法を行なうには、まず本発明のレセプター蛋白質を含有する細胞または細胞の膜画分を、決定方法に適したバッファーに懸濁することによりレセプター標品を調製する。バッファーには、pH4~10(望ましくはpH6~8)のリン酸バッファー、トリス-塩酸バッファーなどのリガンドとレ

セプター蛋白質との結合を阻害しないバッファーであればいずれでもよい。また、非特異的結合を低減させる目的で、CHAPS、Tween-80TM（花王-アトラス社）、ジギトニン、デオキシコレートなどの界面活性剤やウシ血清アルブミンやゼラチンなどの各種蛋白質をバッファーに加えることもできる。さらに、プロテアーゼによるリセプターやリガンドの分解を抑える目的でPMSF、ロイペプチン、E-64（ペプチド研究所製）、ペプスタチンなどのプロテアーゼ阻害剤を添加することもできる。0.01ml~10mlの該リセプター溶液に、一定量（5000cpm~50000cpm）の³H、¹²⁵I、¹⁴C、³⁵Sなどで標識した試験化合物を共存させる。非特異的結合量（NSB）を知るために大過剰の未標識の試験化合物を加えた反応チューブも用意する。反応は約0~50、望ましくは約4~37で、約20分~24時間、望ましくは約30分~3時間行なう。反応後、ガラス繊維濾紙等で濾過し、適量の同バッファーで洗浄した後、ガラス繊維濾紙に残存する放射活性を液体シンチレーションカウンターあるいはβ-カウンターで計測する。全結合量（B）から非特異的結合量（NSB）を引いたカウント（B-NSB）が0cpmを越える試験化合物を本発明のリセプター蛋白質またはその塩に対するリガンド（アゴニスト）として選択することができる。

【0055】本発明のリセプター蛋白質またはその塩に対するリガンドを決定する上記の方法を実施するためには、該リセプター蛋白質を介する細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を公知の方法または市販の測定用キットを用いて測定することができる。具体的には、まず、リセプター蛋白質を含有する細胞をマルチウェルプレート等に培養する。リガンド決定を行なうにあたっては前もって新鮮な培地あるいは細胞に毒性を示さない適当なバッファーに交換し、試験化合物などを添加して一定時間インキュベートした後、細胞を抽出あるいは上清液を回収して、生成した産物をそれぞれの方法に従って定量する。細胞刺激活性の指標とする物質（例えば、アラキドン酸など）の生成が、細胞が含有する分解酵素によって検定困難な場合は、該分解酵素に対する阻害剤を添加してアッセイを行なってもよい。また、cAMP産生抑制などの活性については、フォルスコリンなどで細胞の基礎的産生量を増大させておいた細胞に対する産生抑制作用として検出することができる。

【0056】本発明のリセプター蛋白質またはその塩に結合するリガンド決定用キットは、本発明のリセプター蛋白質もしくはその塩、本発明の部分ペプチドもしくは

その塩、本発明のリセプター蛋白質を含有する細胞、または本発明のリセプター蛋白質を含有する細胞の膜画分などを含有するものである。本発明のリガンド決定用キットの例としては、次のものが挙げられる。

1. リガンド決定用試薬

測定用緩衝液および洗浄用緩衝液

Hanks' Balanced Salt Solution（ギブコ社製）に、0.05%のウシ血清アルブミン（シグマ社製）を加えたもの。孔径0.45μmのフィルターで濾過滅菌し、4で保存するか、あるいは用時調製しても良い。

G蛋白質共役型リセプター蛋白質標品

本発明のリセプター蛋白質を発現させたCHO細胞を、12穴プレートに5×10⁵個/穴で継代し、37、5%CO₂、95%airで2日間培養したもの。

標識試験化合物

市販の³H、¹²⁵I、¹⁴C、³⁵Sなどで標識した化合物、または適当な方法で標識化したもの水溶液の状態のものを4あるいは-20にて保存し、用時に測定用緩衝液にて1μMに希釈する。水に難溶性を示す試験化合物については、ジメチルホルムアミド、DMSO、メタノール等に溶解する。

非標識試験化合物

標識化合物と同じものを100~1000倍濃い濃度に調製する。

【0057】2. 測定法

12穴組織培養用プレートにて培養した本発明のリセプター蛋白質発現CHO細胞を、測定用緩衝液1mlで2回洗浄した後、490μlの測定用緩衝液を各穴に加える。

標識試験化合物を5μl加え、室温にて1時間反応させる。非特異的結合量を知るためには非標識試験化合物を5μl加えておく。

反応液を除去し、1mlの洗浄用緩衝液で3回洗浄する。細胞に結合した標識試験化合物を0.2N NaOH-1%SDSで溶解し、4mlの液体シンチレーターA（和光純薬製）と混合する。

液体シンチレーションカウンター（ベックマン社製）を用いて放射活性を測定する。

【0058】本発明のリセプター蛋白質またはその塩に結合することができるリガンドとしては、例えば、脳、下垂体、心臓、膵臓、脾臓、精巣などに特異的に存在する物質などが挙げられ、具体的には、アンジオテンシン、ボンベシン、カナビノイド、コレシストキニン、グルタミン、セロトニン、メラトニン、ニューロペプチドY、オピオイド、プリン、バソプレッシン、オキシトシン、PACAP（例、PACAP27、PACAP38）、セクレチン、グルカゴン、カルシトニン、アドレノメジュリン、ソマトスタチン、GHRH、CRF、ACTH、GRP、PTH、VIP（バソアクティブインテスティナルアンドリレイテッドポリペプチド）

ド)、ソマトスタチン、ドーパミン、モチリン、アミリン、ブラジキニン、CGRP(カルシトニンジーンリレーティッドペプチド)、ロイコトリエン、パンクレアスタチン、プロスタグランジン、トロンボキサン、アデノシン、アドレナリン、ケモカインスーパーファミリー(例、IL-8, GRO_α, GRO_β, GRO_γ, NAP-2, ENA-78, GCP-2, PF4, IP-10, Mig, PBSF/SDF-1などのCXCKeモカインサブファミリー; MCAF/MCP-1, MCP-2, MCP-3, MCP-4, eotaxin, RANTES, MIP-1_α, MIP-1_β, HCC-1, MIP-3_α/LARC, MIP-3_β/ELC, I-309, TARC, MIPF-1, MIPF-2/eotaxin-2, MDC, DC-CK1/PARC, SLCなどのCCケモカインサブファミリー; lymphotactinなどのCケモカインサブファミリー; fractalkineなどのCX3CKeモカインサブファミリー等)、エンドセリン、エンテロガストリン、ヒスタミン、ニューロテンシン、TRH、パンクレアティックポリペプチド、ガラニン、リゾホスファチジン酸(LPA)、スフィンゴシン1-リン酸などが用いられる。

【0059】(2)本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤

上記(1)の方法において、本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドが明らかになれば、該リガンドが有する作用に応じて、本発明のレセプター蛋白質または該レセプター蛋白質をコードするDNAを、本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤などの医薬として使用することができる。例えば、生体内において本発明のレセプター蛋白質が減少しているためにリガンドの生理作用が期待できない(該レセプター蛋白質の欠乏症)患者がいる場合に、

本発明のレセプター蛋白質を該患者に投与し該レセプター蛋白質の量を補充したり、(イ)本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを該患者に投与し発現させることによって、あるいは(ロ)対象となる細胞に本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAを挿入し発現させた後に、該細胞を該患者に移植することなどによって、患者の体内におけるレセプター蛋白質の量を増加させ、リガンドの作用を十分に発揮させることができる。すなわち、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNAは、安全で低毒性な本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤として有用である。本発明のレセプター蛋白質は、G蛋白質共役型レセプター蛋白質であるGRL101〔プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンス・オブ・ザ・ユエスエー(Proc. Natl. Acad. Sci. USA), 91巻, 4816-4820(1

994)〕にアミノ酸配列レベルで、約31%程度の相同性が認められる新規7回膜貫通型受容体蛋白質である。本発明のレセプター蛋白質または該レセプター蛋白質をコードするDNAは中枢疾患(例えば、アルツハイマー病、痴呆、摂食障害など)、炎症性疾患(例えば、アレルギー、喘息、リュウマチなど)、循環器疾患(例えば、高血圧症、心肥大、狭心症、動脈硬化症等)、癌(例えば、非小細胞肺癌、卵巣癌、前立腺癌、胃癌、膀胱癌、乳癌、子宮頸部癌、結腸癌、直腸癌等)、糖尿病などの予防および/または治療に有用である。本発明のレセプター蛋白質を上記予防・治療剤として使用する場合は、常套手段に従って製剤化することができる。一方、本発明のレセプター蛋白質をコードするDNA(以下、本発明のDNAと略記する場合がある)を上記予防・治療剤として使用する場合は、本発明のDNAを単独あるいはレトロウイルスベクター、アデノウイルスベクター、アデノウイルスアソシエートドウイルスベクターなどの適当なベクターに挿入した後、常套手段に従って実施することができる。本発明のDNAは、そのまま、あるいは摂取促進のための補助剤とともに、遺伝子銃やハイドロゲルカテーテルのようなカテーテルによって投与できる。例えば、本発明のレセプター蛋白質または該レセプター蛋白質をコードするDNAは、必要に応じて糖衣を施した錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤などとして経口的に、あるいは水もしくはそれ以外の薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、または懸濁液剤などの注射剤の形で非経口的に使用できる。例えば、本発明のレセプター蛋白質または該レセプター蛋白質をコードするDNAを生理学的に認められる公知の担体、香味剤、賦形剤、ベヒクル、防腐剤、安定剤、結合剤などとともに一般に認められた製剤実施に要求される単位用量形態で混和することによって製造することができる。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な用量が得られるようにするものである。

【0060】錠剤、カプセル剤などに混和することができる添加剤としては、例えば、ゼラチン、コーンスターチ、トラガント、アラビアゴムのような結合剤、結晶性セルロースのような賦形剤、コーンスターチ、ゼラチン、アルギン酸などのような膨化剤、ステアリン酸マグネシウムのような潤滑剤、ショ糖、乳糖またはサッカリンのような甘味剤、ペパーミント、アカモノ油またはチェリーのような香味剤などが用いられる。調剤単位形態がカプセルである場合には、上記タイプの材料にさらに油脂のような液状担体を含有することができる。注射のための無菌組成物は注射用水のようなベヒクル中の活性物質、胡麻油、椰子油などのような天然産出植物油などを溶解または懸濁させるなどの通常の製剤実施に従って処方することができる。注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張

液（例えば、D - ソルビトール、D - マンニトール、塩化ナトリウムなど）などが用いられ、適当な溶解補助剤、例えば、アルコール（例、エタノール）、ポリアルコール（例、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール）、非イオン性界面活性剤（例、ポリソルベート 80TM、HCO - 50）などと併用してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などが用いられ、溶解補助剤である安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用してもよい。

【0061】また、上記予防・治療剤は、例えば、緩衝剤（例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸ナトリウム緩衝液）、無痛化剤（例えば、塩化ベンザルコニウム、塩酸プロカインなど）、安定剤（例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコールなど）、保存剤（例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど）、酸化防止剤などと配合してもよい。調製された注射液は通常、適当なアンプルに充填される。このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。本発明のレセプター蛋白質の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、動脈硬化症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.1 mg ~ 100 mg、好ましくは約1.0 ~ 50 mg、より好ましくは約1.0 ~ 20 mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.01 ~ 30 mg程度、好ましくは約0.1 ~ 20 mg程度、より好ましくは約0.1 ~ 10 mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60 kgあたりに換算した量を投与することができる。本発明のDNAの投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、動脈硬化症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.1 mg ~ 100 mg、好ましくは約1.0 ~ 50 mg、より好ましくは約1.0 ~ 20 mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者（60 kgとして）においては、一日につき約0.01 ~ 30 mg程度、好ましくは約0.1 ~ 20 mg程度、より好ましくは約0.1 ~ 10 mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60 kgあたりに換算した量を投与することができる。

【0062】（3）遺伝子診断剤

本発明のDNAは、プローブとして使用することにより、ヒトまたは哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウ

サギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドをコードするDNAまたはmRNAの異常（遺伝子異常）を検出することができるので、例えば、該DNAまたはmRNAの損傷、突然変異あるいは発現低下や、該DNAまたはmRNAの増加あるいは発現過多などの遺伝子診断剤として有用である。本発明のDNAを用いる上記の遺伝子診断は、例えば、自体公知のノーザンハイブリダイゼーションやPCR - SSCP法（ゲノミックス（Genomics）、第5巻、874 ~ 879頁（1989年）、プロシーディングズ・オブ・ザ・ナショナル・アカデミー・オブ・サイエンシズ・オブ・ユエスエー（Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America）、第86巻、2766 ~ 2770頁（1989年））などにより実施することができる。

【0063】（4）本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニング方法

本発明のDNAは、プローブとして用いることにより、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニングに用いることができる。すなわち、本発明は、例えば、（i）非ヒト哺乳動物の血液、特定の臓器、臓器から単離した組織もしくは細胞、または（ii）形質転換体等に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNA量を測定することによる、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニング方法を提供する。

【0064】本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNA量の測定は具体的には以下のようにして行なう。

（i）正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物（例えば、マウス、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど、より具体的には痴呆ラット、肥満マウス、動脈硬化ウサギ、担癌マウスなど）に対して、薬剤（例えば、抗痴呆薬、血圧低下薬、抗癌剤、抗肥満薬など）あるいは物理的ストレス（例えば、浸水ストレス、電気ショック、明暗、低温など）などを与え、一定時間経過した後、血液、あるいは特定の臓器（例えば、脳、肝臓、腎臓、心臓、脾臓、膵臓、精巣など）、または臓器から単離した組織、あるいは細胞を得る。得られた細胞に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNAは、例えば、通常の方法により細胞等からmRNAを抽出し、例えば、TaqManPCRなどの手法を用いることにより定量することができ、自体公知の手段によりノーザンプロットを行うことにより解析することもできる。（ii）本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドを発現する形質転換体を上記の方法に従い作製し、該形質転換体に含まれる本発明の

レセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNAを同様にして定量、解析することができる。

【0065】本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物のスクリーニングは、(i)正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物に対して、薬剤あるいは物理的ストレスなどを与える一定時間前(30分前~24時間前、好ましくは30分前~12時間前、より好ましくは1時間前~6時間前)もしくは一定時間後(30分後~3日後、好ましくは1時間後~2日後、より好ましくは1時間後~24時間後)、または薬剤あるいは物理的ストレスと同時に被検化合物を投与し、投与後一定時間経過後(30分後~3日後、好ましくは1時間後~2日後、より好ましくは1時間後~24時間後)、細胞に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNA量を定量、解析することにより行なうことができ、(ii)形質転換体を常法に従い培養する際に被検化合物を培地中に混合させ、一定時間培養後(1日後~7日後、好ましくは1日後~3日後、より好ましくは2日後~3日後)、該形質転換体に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドのmRNA量を定量、解析することにより行なうことができる。

【0066】本発明のスクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩は、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる作用を有する化合物であり、具体的には、(イ)本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を増加させることにより、G蛋白質共役型レセプターを介する細胞刺激活性(例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など)を増強させる化合物、(ロ)本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を減少させることにより、該細胞刺激活性を減弱させる化合物である。該化合物としては、ペプチド、蛋白、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物などが挙げられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。該細胞刺激活性を増強させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質等の生理活性を増強するための安全で低毒性な医薬として有用である。該細胞刺激活性を減弱させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質等の生理活性を減少させるための安全で低毒性な医薬として有用である。

【0067】本発明のスクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩を医薬組成物として使用する場合、常套手段に従って実施することができる。例えば、上記した本発明のレセプター蛋白質を含有する医薬と同様に、錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロ

カプセル剤、無菌性溶液、懸濁液剤などとすることができる。このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物(例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど)に対して投与することができる。該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に、例えば、動脈硬化症患者(60kgとして)においては、一日につき約0.1~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者(60kgとして)においては、一日につき約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

【0068】(5)本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物を含有する各種疾病の予防および/または治療剤

本発明のレセプター蛋白質は上記のとおり、例えば、中枢機能、循環機能、消化機能など生体内で何らかの重要な役割を果たしていると考えられる。したがって、本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの発現量を変化させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤として用いることができる。該化合物を本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤として使用する場合は、常套手段に従って製剤化することができる。例えば、該化合物は、必要に応じて糖衣を施した錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤などとして経口的に、あるいは水もしくはそれ以外の薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、または懸濁液剤などの注射剤の形で非経口的に使用できる。例えば、該化合物を生理学的に認められる公知の担体、香味剤、賦形剤、ベヒクル、防腐剤、安定剤、結合剤などとともに一般に認められた製剤実施に要求される単位用量形態で混和することによって製造することができる。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な用量が得られるようにするものである。

【0069】錠剤、カプセル剤などに混和することができる添加剤としては、例えば、ゼラチン、コーンスターチ、トラガント、アラビアゴムのよう結合剤、結晶性セルロースのような賦形剤、コーンスターチ、ゼラチン、アルギン酸などのような膨化剤、ステアリン酸マグネシウムのような潤滑剤、ショ糖、乳糖またはサッカリンのような甘味剤、ペパーミント、アカモノ油またはチエリーのような香味剤などが用いられる。調剤単位形態

がカプセルである場合には、上記タイプの材料にさらに油脂のような液状担体を含有することができる。注射のための無菌組成物は注射用水のようなベヒクル中の活性物質、胡麻油、椰子油などのような天然産出植物油などを溶解または懸濁させるなどの通常の製剤実施に従って処方することができる。注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液（例えば、D-ソルビトール、D-マンニトール、塩化ナトリウムなど）などが用いられ、適当な溶解補助剤、例えば、アルコール（例、エタノール）、ポリアルコール（例、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール）、非イオン性界面活性剤（例、ポリソルベート 80TM、HCO-50）などと併用してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などが用いられ、溶解補助剤である安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用してもよい。

【0070】また、上記予防・治療剤は、例えば、緩衝剤（例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸ナトリウム緩衝液）、無痛化剤（例えば、塩化ベンザルコニウム、塩酸プロカインなど）、安定剤（例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコールなど）、保存剤（例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど）、酸化防止剤などと配合してもよい。調製された注射液は通常、適当なアンブルに充填される。このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、動脈硬化症患者（60kgとして）においては、一日につき約0.1~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者（60kgとして）においては、一日につき約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当たりに換算した量を投与することができる。

【0071】（6）本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質に対するリガンドの定量法

本発明のレセプター蛋白質等は、リガンドに対して結合性を有しているため、生体内におけるリガンド濃度を感度良く定量することができる。本発明の定量法は、例えば、競合法と組み合わせることによって用いることができる。すなわち、被検体を本発明のレセプター蛋白質等と接触させることによって被検体中のリガンド濃度を測定することができる。具体的には、例えば、以下のま

たは などに記載の方法あるいはそれに準じる方法に従って用いることができる。

入江寛編「ラジオイムノアッセイ」（講談社、昭和49年発行）

入江寛編「続ラジオイムノアッセイ」（講談社、昭和54年発行）

【0072】（7）本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質とリガンドとの結合性を变化させる化合物（アゴニスト、アンタゴニストなど）のスクリーニング方法
本発明のレセプター蛋白質等を用いるか、または組換え型レセプター蛋白質等の発現系を構築し、該発現系を用いたレセプター結合アッセイ系を用いることによって、リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を变化させる化合物（例えば、ペプチド、蛋白質、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物など）またはその塩を効率よくスクリーニングすることができる。このような化合物には、（イ）G蛋白質共役型レセプターを介して細胞刺激活性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を有する化合物（いわゆる、本発明のレセプター蛋白質に対するアゴニスト）、（ロ）該細胞刺激活性を有しない化合物（いわゆる、本発明のレセプター蛋白質に対するアンタゴニスト）、（ハ）リガンドと本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を増強する化合物、あるいは（ニ）リガンドと本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を減少させる化合物などが含まれる（なお、上記（イ）の化合物は、上記したリガンド決定方法によってスクリーニングすることが好ましい）。すなわち、本発明は、（i）本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩と、リガンドとを接触させた場合と（ii）本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩と、リガンドおよび試験化合物とを接触させた場合との比較を行なうことを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。本発明のスクリーニング方法においては、（i）と（ii）の場合における、例えば、該レセプター蛋白質等に対するリガンドの結合量、細胞刺激活性などを測定して、比較することを特徴とする。

【0073】より具体的には、本発明は、

標識したリガンドを、本発明のレセプター蛋白質等に接触させた場合と、標識したリガンドおよび試験化合物を本発明のレセプター蛋白質等に接触させた場合における、標識したリガンドの該レセプター蛋白質等に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を变化させる化

合物またはその塩のスクリーニング方法、

標識したリガンドを、本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞または該細胞の膜画分に接触させた場合と、標識したリガンドおよび試験化合物を本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞または該細胞の膜画分に接触させた場合における、標識したリガンドの該細胞または該膜画分に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

標識したリガンドを、本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現したレセプター蛋白質等に接触させた場合と、標識したリガンドおよび試験化合物を本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現した本発明のレセプター蛋白質等に接触させた場合における、標識したリガンドの該レセプター蛋白質等に対する結合量を測定し、比較することを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、

【0074】本発明のレセプター蛋白質等を活性化する化合物（例えば、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドなど）を本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞に接触させた場合と、本発明のレセプター蛋白質等を活性化する化合物および試験化合物を本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞に接触させた場合における、レセプターを介した細胞刺激性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を測定し、比較することを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法、および

本発明のレセプター蛋白質等を活性化する化合物（例えば、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドなど）を本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現した本発明のレセプター蛋白質等に接触させた場合と、本発明のレセプター蛋白質等を活性化する化合物および試験化合物を本発明のDNAを含有する形質転換体を培養することによって細胞膜上に発現した本発明のレセプター蛋白質等に接触させた場合における、レセプターを介する細胞刺激性（例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など）を測定し、比較することを特徴とするリガンドと本発明のレセプター蛋白質

等との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング方法を提供する。

【0075】本発明のレセプター蛋白質等が得られる以前は、G蛋白質共役型レセプターアゴニストまたはアンタゴニストをスクリーニングする場合、まずラットなどのG蛋白質共役型レセプター蛋白質を含む細胞、組織またはその細胞膜画分を用いて候補化合物を得て（一次スクリーニング）、その後該候補化合物が実際にヒトのG蛋白質共役型レセプター蛋白質とリガンドとの結合を阻害するか否かを確認する試験（二次スクリーニング）が必要であった。細胞、組織または細胞膜画分をそのまま用いれば他のレセプター蛋白質も混在するために、目的とするレセプター蛋白質に対するアゴニストまたはアンタゴニストを実際にスクリーニングすることは困難であった。しかしながら、例えば、本発明のヒト由来レセプター蛋白質を用いることによって、一次スクリーニングの必要がなくなり、リガンドとG蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合を阻害する化合物を効率良くスクリーニングすることができる。さらに、スクリーニングされた化合物がアゴニストかアンタゴニストかを簡単に評価することができる。本発明のスクリーニング方法の具体的な説明を以下にする。まず、本発明のスクリーニング方法に用いる本発明のレセプター蛋白質等としては、上記した本発明のレセプター蛋白質等を含有するものであれば何れのものであってもよいが、本発明のレセプター蛋白質等を含有する哺乳動物の臓器の細胞膜画分が好適である。しかし、特にヒト由来の臓器は入手が極めて困難なことから、スクリーニングに用いられるものとしては、組換え体を用いて大量発現させたヒト由来のレセプター蛋白質等などが適している。

【0076】本発明のレセプター蛋白質等を製造するには、上記の方法が用いられるが、本発明のDNAを哺乳細胞や昆虫細胞で発現することにより行なうことが好ましい。目的とする蛋白質部分をコードするDNA断片には相補DNAが用いられるが、必ずしもこれに制約されるものではない。例えば、遺伝子断片や合成DNAを用いてもよい。本発明のレセプター蛋白質をコードするDNA断片を宿主動物細胞に導入し、それらを効率よく発現させるためには、該DNA断片を昆虫を宿主とするバキュロウイルスに属する核多角体病ウイルス（nuclear polyhedrosis virus；NPV）のポリヘドリンプロモーター、SV40由来のプロモーター、レトロウイルスのプロモーター、メタロチオネインプロモーター、ヒトヒートショックプロモーター、サイトメガロウイルスプロモーター、SRプロモーターなどの下流に組み込むのが好ましい。発現したレセプターの量と質の検査はそれ自体公知の方法で行うことができる。例えば、文献〔Nambi, P.ら、ザ・ジャーナル・オブ・バイオロジカル・ケミストリー（J. Biol. Chem.）, 267巻, 1955～1959頁, 1992年〕に記載の方法に従って行なうことができ

る。したがって、本発明のスクリーニング方法において、本発明のレセプター蛋白質等を含有するものとしては、それ自体公知の方法に従って精製したレセプター蛋白質等であってもよいし、該レセプター蛋白質等を含有する細胞を用いてもよく、また該レセプター蛋白質等を含有する細胞の膜画分を用いてもよい。

【0077】本発明のスクリーニング方法において、本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞を用いる場合、該細胞をグルタルアルデヒド、ホルマリンなどで固定化してもよい。固定化方法はそれ自体公知の方法に従って行なうことができる。本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞としては、該レセプター蛋白質等を発現した宿主細胞をいうが、該宿主細胞としては、大腸菌、枯草菌、酵母、昆虫細胞、動物細胞などが好ましい。細胞膜画分としては、細胞を破碎した後、それ自体公知の方法で得られる細胞膜が多く含まれる画分のことをいう。細胞の破碎方法としては、Potter-Elvehjem型ホモジナイザーで細胞を押し潰す方法、ワーリングブレンダーやポリトロン(Kinematica社製)のよる破碎、超音波による破碎、フレンチプレスなどで加圧しながら細胞を細いノズルから噴出させることによる破碎などが挙げられる。細胞膜の分画には、分画遠心分離法や密度勾配遠心分離法などの遠心力による分画法が主として用いられる。例えば、細胞破碎液を低速(500rpm~3000rpm)で短時間(通常、約1分~10分)遠心し、上清をさらに高速(15000rpm~30000rpm)で通常30分~2時間遠心し、得られる沈澱を膜画分とする。該膜画分中には、発現したレセプター蛋白質等と細胞由来のリン脂質や膜蛋白質などの膜成分が多く含まれる。該レセプター蛋白質等を含有する細胞や膜画分中のレセプター蛋白質の量は、1細胞当たり $10^3 \sim 10^8$ 分子であるのが好ましく、 $10^5 \sim 10^7$ 分子であるのが好適である。なお、発現量が多いほど膜画分当たりのリガンド結合活性(比活性)が高くなり、高感度なスクリーニング系の構築が可能になるばかりでなく、同一ロットで大量の試料を測定できるようになる。

【0078】リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を变化させる化合物をスクリーニングする上記の方法を実施するためには、例えば、適当なレセプター蛋白質画分と、標識したリガンドが必要である。レセプター蛋白質画分としては、天然型のレセプター蛋白質画分か、またはそれと同等の活性を有する組換え型レセプター蛋白質画分などが望ましい。ここで、同等の活性とは、同等のリガンド結合活性、シグナル情報伝達作用などを示す。標識したリガンドとしては、標識したリガンド、標識したリガンドアナログ化合物などが用いられる。例えば $[^3\text{H}]$ 、 $[^{125}\text{I}]$ 、 $[^{14}\text{C}]$ 、 $[^{35}\text{S}]$ などで標識されたリガンドなどが用いられる。具体的には、リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を变化させる化合物のスクリーニングを行なうには、ま

ず本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞または細胞の膜画分を、スクリーニングに適したバッファーに懸濁することによりレセプター蛋白質標品を調製する。バッファーには、pH4~10(望ましくはpH6~8)のリン酸バッファー、トリス-塩酸バッファーなどのリガンドとレセプター蛋白質との結合を阻害しないバッファーであればいずれでもよい。また、非特異的結合を低減させる目的で、CHAPS、Tween-80TM(花王-アトラス社)、ジギトニン、デオキシコレートなどの界面活性剤をバッファーに加えることもできる。さらに、プロテアーゼによるレセプターやリガンドの分解を抑える目的でPMSF、ロイペプチン、E-64(ペプチド研究所製)、ペプスタチンなどのプロテアーゼ阻害剤を添加することもできる。0.01ml~10mlの該レセプター溶液に、一定量(5000cpm~50000cpm)の標識したリガンドを添加し、同時に $10^{-4}\text{M} \sim 10^{-10}\text{M}$ の試験化合物を共存させる。非特異的結合量(NSB)を知るために大過剰の未標識のリガンドを加えた反応チューブも用意する。反応は約0から50、望ましくは約4から37で、約20分から24時間、望ましくは約30分から3時間行う。反応後、ガラス繊維濾紙等で濾過し、適量の同バッファーで洗浄した後、ガラス繊維濾紙に残存する放射活性を液体シンチレーションカウンターまたはβ-カウンターで計測する。拮抗する物質がない場合のカウント(B_0)から非特異的結合量(NSB)を引いたカウント($B_0 - \text{NSB}$)を100%とした時、特異的結合量($B - \text{NSB}$)が、例えば、50%以下になる試験化合物を拮抗阻害能力のある候補物質として選択することができる。

【0079】リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を变化させる化合物スクリーニングする上記の方法を実施するためには、例えば、レセプター蛋白質を介する細胞刺激活性(例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca^{2+} 遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など)を公知の方法または市販の測定用キットを用いて測定することができる。具体的には、まず、本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞をマルチウェルプレート等に培養する。スクリーニングを行なうにあたっては前もって新鮮な培地あるいは細胞に毒性を示さない適当なバッファーに交換し、試験化合物などを添加して一定時間インキュベートした後、細胞を抽出あるいは上清液を回収して、生成した産物をそれぞれの方法に従って定量する。細胞刺激活性の指標とする物質(例えば、アラキドン酸など)の生成が、細胞が含有する分解酵素によって検定困難な場合は、該分解酵素に対する阻害剤を添加してアッセイを行なってもよい。また、cAMP産生抑制などの活性については、フォルス

コリンなどで細胞の基礎的産生量を増大させておいた細胞に対する産生抑制作用として検出することができる。細胞刺激活性を測定してスクリーニングを行なうには、適当なレセプター蛋白質を発現した細胞が必要である。本発明のレセプター蛋白質等を発現した細胞としては、天然型の本発明のレセプター蛋白質等を有する細胞株、上記の組換え型レセプター蛋白質等を発現した細胞株などが望ましい。試験化合物としては、例えば、ペプチド、蛋白、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物、細胞抽出液、植物抽出液、動物組織抽出液などが用

いられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。
【0080】リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を变化させる化合物またはその塩のスクリーニング用キットは、本発明のレセプター蛋白質等、本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞、または本発明のレセプター蛋白質等を含有する細胞の膜画分を含有するものなどである。本発明のスクリーニング用キットの例としては、次のものが挙げられる。

1. スクリーニング用試薬

測定用緩衝液および洗浄用緩衝液

Hanks' Balanced Salt Solution (ギブコ社製) に、0.05% のウシ血清アルブミン (シグマ社製) を加えたもの。孔径 0.45 μm のフィルターで濾過滅菌し、4 で保存するか、あるいは用時調製しても良い。

G 蛋白質共役型レセプター標品

本発明のレセプター蛋白質を発現させた CHO 細胞を、12 穴プレートに 5×10^5 個/穴で継代し、37、5% CO₂、95% air で 2 日間培養したもの。

標識リガンド

市販の [³H]、[¹²⁵I]、[¹⁴C]、[³⁵S] などで標識したリガンド水溶液の状態のものを 4 あるいは -20 にて保存し、用時に測定用緩衝液にて 1 μM に希釈する。

リガンド標準液

リガンドを 0.1% ウシ血清アルブミン (シグマ社製) を含む PBS で 1mM となるように溶解し、-20 で保存する。

【0081】2. 測定法

12 穴組織培養用プレートにて培養した本発明のレセプター蛋白質発現 CHO 細胞を、測定用緩衝液 1ml で 2 回洗浄した後、490 μl の測定用緩衝液を各穴に加える。

$10^{-3} \sim 10^{-10}$ M の試験化合物溶液を 5 μl 加えた後、標識リガンドを 5 μl 加え、室温にて 1 時間反応させる。非特異的結合量を知るためには試験化合物の代わりに 10^{-3} M のリガンドを 5 μl 加えておく。

反応液を除去し、1ml の洗浄用緩衝液で 3 回洗浄する。細胞に結合した標識リガンドを 0.2N NaOH - 1% SDS で溶解し、4ml の液体シンチレーター A

(和光純薬製) と混合する。

液体シンチレーションカウンター (ベックマン社製) を用いて放射活性を測定し、Percent Maximum Binding (PMB) を次の式で求める。

$$PMB = [(B - NSB) / (B_0 - NSB)] \times 100$$

PMB : Percent Maximum Binding

B : 検体を加えた時の値

NSB : Non-specific Binding (非特異的結合量)

B₀ : 最大結合量

【0082】本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる化合物またはその塩は、リガンドと本発明のレセプター蛋白質等との結合性を变化させる作用を有する化合物であり、具体的には、

(イ) G 蛋白質共役型レセプターを介して細胞刺激活性 (例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内 Ca²⁺遊離、細胞内 cAMP 生成、細胞内 cGMP 生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fos の活性化、pH の低下

などを促進する活性または抑制する活性など) を有する化合物 (いわゆる、本発明のレセプター蛋白質に対するアゴニスト)、(ロ) 該細胞刺激活性を有しない化合物 (いわゆる、本発明のレセプター蛋白質に対するアンタゴニスト)、(ハ) リガンドと本発明の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を増強する化合物、あるいは (ニ) リガンドと本発明の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を減少させる化合物である。該化合物としては、ペプチド、蛋白、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物などが挙げられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であっても

よい。本発明のレセプター蛋白質等に対するアゴニストは、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドが有する生理活性と同様の作用を有しているため、該リガンド活性に応じて安全で低毒性な医薬として有用である。本発明のレセプター蛋白質等に対するアンタゴニストは、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドが有する生理活性を抑制することができるので、該リガンド活性を抑制する安全で低毒性な医薬として有用である。

リガンドと本発明の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を増強する化合物は、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドが有する生理活性を増強するための安全で低毒性な医薬として有用である。リガンドと本発明の G 蛋白質共役型レセプター蛋白質との結合力を減少させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質等に対するリガンドが有する生理活性を減少させるための安全で低毒性な医薬として有用である。

【0083】本発明のスクリーニング方法またはスクリーニング用キットを用いて得られる化合物またはその塩を上記の医薬組成物として使用する場合、常套手段に従って実施することができる。例えば、上記した本発明の

レセプター蛋白質を含有する医薬と同様にして、錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤、無菌性溶液、懸濁液剤などとして投与することができる。このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、動脈硬化症患者（60kgとして）においては、一日につき約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者（60kgとして）においては、一日につき約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当りに換算した量を投与することができる。

【0084】(8)本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質とリガンドとの結合性を变化させる化合物（アゴニスト、アンタゴニスト）を含有する各種疾病の予防および/または治療剤

本発明のレセプター蛋白質は上記のとおり、例えば中枢機能、循環機能、消化機能など生体内で何らかの重要な役割を果たしていると考えられる。従って、本発明のレセプター蛋白質とリガンドとの結合性を变化させる化合物（アゴニスト、アンタゴニスト）や本発明のレセプター蛋白質に対するリガンドは、本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤として用いることができる。該化合物やリガンドを本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤として使用する場合は、常套手段に従って製剤化することができる。例えば、該化合物やリガンドは、必要に応じて糖衣を施した錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤などとして経口的に、あるいは水もしくはそれ以外の薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、または懸濁液剤などの注射剤の形で非経口的に使用できる。例えば、該化合物を生理学的に認められる公知の担体、香味剤、賦形剤、ベヒクル、防腐剤、安定剤、結合剤などとともに一般に認められた製剤実施に要求される単位用量形態で混和することによって製造することができる。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な用量が得られるようにするものである。

【0085】錠剤、カプセル剤などに混和することができる添加剤としては、例えば、ゼラチン、コーンスターチ、トラガント、アラビアゴムの様な結合剤、結晶性セルロースの様な賦形剤、コーンスターチ、ゼラチ

ン、アルギン酸などの様な膨化剤、ステアリン酸マグネシウムなどの様な潤滑剤、ショ糖、乳糖またはサッカリンの様な甘味剤、ペパーミント、アカモノ油またはチェリーなどの様な香味剤などが用いられる。調剤単位形態がカプセルである場合には、上記タイプの材料にさらに油脂の様な液状担体を含有することができる。注射のための無菌組成物は注射用水の様なベヒクル中の活性物質、胡麻油、椰子油などの様な天然産出植物油などを溶解または懸濁させるなどの通常の製剤実施に従って処方することができる。注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液（例えば、D-ソルビトール、D-マンニトール、塩化ナトリウムなど）などが用いられ、適当な溶解補助剤、例えば、アルコール（例、エタノール）、ポリアルコール（例、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール）、非イオン性界面活性剤（例、ポリソルベート80TM、HCO-50）などと併用してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などが用いられ、溶解補助剤である安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用してもよい。

【0086】また、上記予防・治療剤は、例えば、緩衝剤（例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸ナトリウム緩衝液）、無痛化剤（例えば、塩化ベンザルコニウム、塩酸プロカインなど）、安定剤（例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコールなど）、保存剤（例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど）、酸化防止剤などと配合してもよい。調製された注射液は通常、適当なアンブルに充填される。さらに、上記予防・治療剤は適当な薬剤と組み合わせて例えば本発明のレセプター蛋白質が高発現している臓器や組織を特異的なターゲットとしたDDS製剤として使用することもできる。このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）に対して投与することができる。該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、動脈硬化症患者（60kgとして）においては、一日につき約0.1～100mg、好ましくは約1.0～50mg、より好ましくは約1.0～20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者（60kgとして）においては、一日につき約0.01～30mg程度、好ましくは約0.1～20mg程度、より好ましくは約0.1～10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当りに換算した量を投与することができる。

【0087】(9)本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩の定量

本発明の抗体は、本発明のレセプター蛋白質等を特異的に認識することができるので、被検液中の本発明のレセプター蛋白質等の定量、特にサンドイッチ免疫測定法による定量などに使用することができる。すなわち、本発明は、例えば、(i)本発明の抗体と、被検液および標識化レセプター蛋白質等を競合的に反応させ、該抗体に結合した標識化レセプター蛋白質等の割合を測定することを特徴とする被検液中の本発明のレセプター蛋白質等の定量法、(ii)被検液と担体上に不溶化した本発明の抗体および標識化された本発明の抗体とを同時あるいは連続的に反応させたのち、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することを特徴とする被検液中の本発明のレセプター蛋白質等の定量法を提供する。上記(ii)においては、一方の抗体が本発明のレセプター蛋白質等のN端部を認識する抗体で、他方の抗体が本発明のレセプター蛋白質等のC端部に反応する抗体であることが好ましい。

【0088】本発明のレセプター蛋白質等に対するモノクローナル抗体(以下、本発明のモノクローナル抗体と称する場合がある)を用いて本発明のレセプター蛋白質等の測定を行なえるほか、組織染色等による検出を行なうこともできる。これらの目的には、抗体分子そのものを用いてもよく、また、抗体分子のF(ab')₂、Fab'、あるいはFab画分を用いてもよい。本発明のレセプター蛋白質等に対する抗体を用いる測定法は、特に制限されるべきものではなく、被測定液中の抗原量(例えば、レセプター蛋白質量)に対応した抗体、抗原もしくは抗体-抗原複合体の量を化学的または物理的手段により検出し、これを既知量の抗原を含む標準液を用いて作製した標準曲線より算出する測定法であれば、いずれの測定法を用いてもよい。例えば、ネフロメトリー、競合法、イムノメトリック法およびサンドイッチ法が好適に用いられるが、感度、特異性の点で、後に記載するサンドイッチ法を用いるのが特に好ましい。標識物質を用いる測定法に用いられる標識剤としては、例えば、放射性同位元素、酵素、蛍光物質、発光物質などが用いられる。放射性同位元素としては、例えば、¹²⁵I)、¹³¹I)、³H)、¹⁴C)などが用いられる。上記酵素としては、安定で比活性の大きなものが好ましく、例えば、 α -ガラクトシダーゼ、 β -グルコシダーゼ、アルカリフォスファターゼ、パーオキシダーゼ、リンゴ酸脱水素酵素などが用いられる。蛍光物質としては、例えば、フルオレスカミン、フルオレッセンイソチオシアネートなどが用いられる。発光物質としては、例えば、ルミノール、ルミノール誘導体、ルシフェリン、ルシゲニンなどが用いられる。さらに、抗体あるいは抗原と標識剤との結合にビオチン-アビジン系を用いることもできる。

【0089】抗原あるいは抗体の不溶化に当っては、物理吸着を用いてもよく、また通常、蛋白質あるいは酵素

等を不溶化、固定化するのに用いられる化学結合を用いる方法でもよい。担体としては、例えば、アガロース、デキストラン、セルロースなどの不溶性多糖類、ポリスチレン、ポリアクリルアミド、シリコン等の合成樹脂、あるいはガラス等が用いられる。サンドイッチ法においては不溶化した本発明のモノクローナル抗体に被検液を反応させ(1次反応)、さらに標識化した本発明のモノクローナル抗体を反応させ(2次反応)た後、不溶化担体上の標識剤の活性を測定することにより被検液中の本発明のレセプター蛋白質量を定量することができる。1次反応と2次反応は逆の順序に行なっても、また、同時に行なってもよいし時間をずらして行なってもよい。標識化剤および不溶化の方法は上記のそれらに準じることができる。また、サンドイッチ法による免疫測定法において、固相用抗体あるいは標識用抗体に用いられる抗体は必ずしも1種類である必要はなく、測定感度を向上させる等の目的で2種類以上の抗体の混合物を用いてもよい。本発明のサンドイッチ法によるレセプター蛋白質等の測定法においては、1次反応と2次反応に用いられる本発明のモノクローナル抗体はレセプター蛋白質等の結合する部位が相異なる抗体が好ましく用いられる。すなわち、1次反応および2次反応に用いられる抗体は、例えば、2次反応で用いられる抗体が、レセプター蛋白質のC端部を認識する場合、1次反応で用いられる抗体は、好ましくはC端部以外、例えばN端部を認識する抗体が用いられる。

【0090】本発明のモノクローナル抗体をサンドイッチ法以外の測定システム、例えば、競合法、イムノメトリック法あるいはネフロメトリーなどに用いることができる。競合法では、被検液中の抗原と標識抗原とを抗体に対して競合的に反応させたのち、未反応の標識抗原と(F)と抗体と結合した標識抗原(B)とを分離し(B/F分離)、B、Fいずれかの標識量を測定し、被検液中の抗原量を定量する。本反応法には、抗体として可溶性抗体を用い、B/F分離をポリエチレングリコール、上記抗体に対する第2抗体などを用いる液相法、および、第1抗体として固相化抗体を用いるか、あるいは、第1抗体は可溶性のものを用い第2抗体として固相化抗体を用いる固相化法とが用いられる。イムノメトリック法では、被検液中の抗原と固相化抗原とを一定量の標識化抗体に対して競合反応させた後固相と液相を分離するか、あるいは、被検液中の抗原と過剰量の標識化抗体とを反応させ、次に固相化抗原を加え未反応の標識化抗体を固相に結合させたのち、固相と液相を分離する。次に、いずれかの相の標識量を測定し被検液中の抗原量を定量する。また、ネフロメトリーでは、ゲル内あるいは溶液中で抗原抗体反応の結果、生じた不溶性の沈降物の量を測定する。被検液中の抗原量が僅かであり、少量の沈降物しか得られない場合にもレーザーの散乱を利用するレーザーネフロメトリーなどが好適に用いられる。

【0091】これら個々の免疫学的測定法を本発明の測定方法に適用するにあたっては、特別の条件、操作等の設定は必要とされない。それぞれの方法における通常の条件、操作法に当業者の通常の技術的配慮を加えて本発明のレセプター蛋白質またはその塩の測定系を構築すればよい。これらの一般的な技術手段の詳細については、総説、成書などを参照することができる〔例えば、入江 寛編「ラジオイムノアッセイ」(講談社、昭和49年発行)、入江 寛編「続ラジオイムノアッセイ」(講談社、昭和54年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」(医学書院、昭和53年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」(第2版)(医学書院、昭和57年発行)、石川栄治ら編「酵素免疫測定法」(第3版)(医学書院、昭和62年発行)、「メソッズ・イン・エンジモノロジー(Methods in ENZYMOLOGY)」Vol. 70(Immunochemical Techniques(Part A))、同書 Vol. 73(Immunochemical Techniques(Part B))、同書 Vol. 74(Immunochemical Techniques(Part C))、同書 Vol. 84(Immunochemical Techniques(Part D:Selected Immunoassays))、同書 Vol. 92(Immunochemical Techniques(Part E:Monoclonal Antibodies and General Immunoassay Methods))、同書 Vol. 121(Immunochemical Techniques(Part I:Hybridoma Technology and Monoclonal Antibodies))(以上、アカデミックプレス社発行)など参照)。以上のように、本発明の抗体を用いることによって、本発明のレセプター蛋白質またはその塩を感度良く定量することができる。さらに、本発明の抗体を用いて、生体内での本発明のレセプター蛋白質またその塩を定量することによって、本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する各種疾患の診断をすることができる。また、本発明の抗体は、体液や組織などの被検体中に存在する本発明のレセプター蛋白質等の特異的に検出するために使用することができる。また、本発明のレセプター蛋白質等を精製するために使用する抗体カラムの作製、精製時の各分画中の本発明のレセプター蛋白質等の検出、被検細胞内における本発明のレセプター蛋白質の挙動の分析などのために使用することができる。

【0092】(10)細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法

本発明の抗体は、本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩を特異的に認識することができるので、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニングに用いることができる。すなわち本発明は、例えば、(i)非ヒト哺乳動物の血液、特定の臓器、臓器から単離した組織もしくは細胞等を破壊した後、細胞膜画分を単離し、細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドを定量することによる、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質

またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法、(ii)本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドを発現する形質転換体等を破壊した後、細胞膜画分を単離し、細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドを定量することによる、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法、(iii)非ヒト哺乳動物の血液、

特定の臓器、臓器から単離した組織もしくは細胞等を切片とした後、免疫染色法を用いることにより、細胞表面での該受容体蛋白質の染色度合いを定量化することにより、細胞膜上の該蛋白質を確認することによる、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法を提供する。(iv)本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドを発現する形質転換体等を切片とした後、免疫染色法を用いることにより、細胞表面での該受容体蛋白質の染色度合いを定量化することにより、細胞膜上の該蛋白質を確認することによる、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニング方法を提供する。

【0093】細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの定量は具体的には以下のようにして行なう。

(i)正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物(例えば、マウス、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど、より具体的には痴呆ラット、肥満マウス、動脈硬化ウサギ、担癌マウスなど)に対して、薬剤(例えば、抗痴呆薬、血圧低下薬、抗癌剤、抗肥満薬など)あるいは物理的ストレス(例えば、浸水ストレス、電気ショック、明暗、低温など)などを与え、一定時間経過した後、血液、あるいは特定の臓器(例えば、脳、肝臓、腎臓、脾臓、精巣など)、または臓器から単離した組織、あるいは細胞を得る。得られた臓器、組織または細胞等を、例えば、適当な緩衝液(例えば、トリス塩酸緩衝液、リン酸緩衝液、ヘペス緩衝液など)等に懸濁し、臓器、組織あるいは細胞を破壊し、界面活性剤(例えば、トリトンX100TM、ツイーン20TMなど)などを用い、さらに遠心分離や濾過、カラム分画などの手法を用いて細胞膜画分を得る。

【0094】細胞膜画分としては、細胞を破碎した後、それ自体公知の方法で得られる細胞膜が多く含まれる画分のことをいう。細胞の破碎方法としては、Potter-Evehjem型ホモジナイザーで細胞を押し潰す方法、ワーリングブレンダーやポリトロン(Kinematica社製)のよる破碎、超音波による破碎、フレンチプレスなどで加圧しながら細胞を細いノズルから噴出させることによる破碎などが挙げられる。細胞膜の分画には、分画遠心分離法や密度勾配遠心分離法などの遠心力による分画法が主として用いられる。例えば、細胞破碎液を低速(500r

pm~3000rpm)で短時間(通常、約1分~10分)遠心し、上清をさらに高速(15000rpm~30000rpm)で通常30分~2時間遠心し、得られる沈澱を膜画分とする。該膜画分中には、発現したレセプター蛋白質等と細胞由来のリン脂質や膜蛋白質などの膜成分が多く含まれる。

【0095】細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドは、例えば、本発明の抗体を用いたサンドイッチ免疫測定法、ウエスタンブロット解析などにより定量することができる。かかるサンドイッチ免疫測定法は上記の方法と同様にして行なうことができ、ウエスタンブロットは自体公知の手段により行なうことができる。

【0096】(ii)本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドを発現する形質転換体を上記の方法に従い作製し、細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドを定量することができる。

【0097】細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物のスクリーニングは、

(i)正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物に対して、薬剤あるいは物理的ストレスなどを与える一定時間前(30分前~24時間前、好ましくは30分前~12時間前、より好ましくは1時間前~6時間前)もしくは一定時間後(30分後~3日後、好ましくは1時間後~2日後、より好ましくは1時間後~24時間後)、または薬剤あるいは物理的ストレスと同時に被検化合物を投与し、投与後一定時間経過後(30分後~3日後、好ましくは1時間後~2日後、より好ましくは1時間後~24時間後)、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を定量することにより行なうことができ、

(ii)形質転換体を常法に従い培養する際に被検化合物を培地中に混合させ、一定時間培養後(1日後~7日後、好ましくは1日後~3日後、より好ましくは2日後~3日後)、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を定量することにより行なうことができる。

【0098】細胞膜画分に含まれる本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの確認は具体的には以下のようにして行なう。

(iii)正常あるいは疾患モデル非ヒト哺乳動物(例えば、マウス、ラット、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど、より具体的には痴呆ラット、肥満マウス、動脈硬化ウサギ、担癌マウスなど)に対して、薬剤(例えば、抗痴呆薬、血圧低下薬、抗癌剤、抗肥満薬など)あるいは物理的ストレス(例えば、浸水ストレス、電気ショック、明暗、低温など)などを与え、一定時間経過した後に、血液、あるいは特定の臓器(例え

ば、脳、肝臓、腎臓、心臓、膵臓、脾臓、精巣など)、または臓器から単離した組織、あるいは細胞を得る。得られた臓器、組織または細胞等を、常法に従い組織切片とし、本発明の抗体を用いて免疫染色を行う。細胞表面での該受容体蛋白質の染色度合いを定量化することにより、細胞膜上の該蛋白質を確認することにより、定量的または定性的に、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を確認することができる。

(iv)本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドを発現する形質転換体等を用いて同様の手段をとることにより確認することもできる。

【0099】本発明のスクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩は、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる作用を有する化合物であり、具体的には、(イ)細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を増加させることにより、G蛋白質共役型レセプターを介する細胞刺激活性(例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など)を増強させる化合物、(ロ)細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を減少させることにより、該細胞刺激活性を減弱させる化合物である。該化合物としては、ペプチド、蛋白、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物などが挙げられ、これら化合物は新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。該細胞刺激活性を増強させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質等の生理活性を増強するための安全で低毒性な医薬として有用である。該細胞刺激活性を減弱させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質等の生理活性を減少させるための安全で低毒性な医薬として有用である。

【0100】本発明のスクリーニング方法を用いて得られる化合物またはその塩を医薬組成物として使用する場合、常套手段に従って実施することができる。例えば、上記した本発明のレセプター蛋白質を含有する医薬と同様にして、錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤、無菌性溶液、懸濁液剤などとしてすることができる。このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物(例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど)に対して投与することができる。該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、動脈硬化症患者(60kgとして)においては、一日につき約0.1~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mg

である。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者(60kgとして)においては、一日につき約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~10mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当りに換算した量を投与することができる。

【0101】(11)細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物を含有する各種疾病の予防および/または治療剤
本発明のレセプター蛋白質は上記のとおり、例えば、中枢機能など生体内で何らかの重要な役割を果たしていると考えられる。したがって、細胞膜における本発明のレセプター蛋白質またはその部分ペプチドの量を変化させる化合物は、本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤として用いることができる。該化合物を本発明のレセプター蛋白質の機能不全に関連する疾患の予防および/または治療剤として使用する場合は、常套手段に従って製剤化することができる。例えば、該化合物は、必要に応じて糖衣を施した錠剤、カプセル剤、エリキシル剤、マイクロカプセル剤などとして経口的に、あるいは水もしくはそれ以外の薬学的に許容し得る液との無菌性溶液、または懸濁液剤などの注射剤の形で非経口的に使用できる。例えば、該化合物を生理学的に認められる公知の担体、香味剤、賦形剤、ベヒクル、防腐剤、安定剤、結合剤などととも一般に認められた製剤実施に要求される単位用量形態で混和することによって製造することができる。これら製剤における有効成分量は指示された範囲の適当な用量が得られるようにするものである。

【0102】錠剤、カプセル剤などに混和することができる添加剤としては、例えば、ゼラチン、コーンスターチ、トラガント、アラビアゴムのような結合剤、結晶性セルロースのような賦形剤、コーンスターチ、ゼラチン、アルギン酸などのような膨化剤、ステアリン酸マグネシウムのような潤滑剤、ショ糖、乳糖またはサッカリンのような甘味剤、ペパーミント、アカモノ油またはチェリーのような香味剤などが用いられる。調剤単位形態がカプセルである場合には、上記タイプの材料にさらに油脂のような液状担体を含有することができる。注射のための無菌組成物は注射用水のようなベヒクル中の活性物質、胡麻油、椰子油などのような天然産植物油などを溶解または懸濁させるなどの通常の製剤実施に従って処方することができる。注射用の水性液としては、例えば、生理食塩水、ブドウ糖やその他の補助薬を含む等張液(例えば、D-ソルビトール、D-マンニトール、塩化ナトリウムなど)などが用いられ、適当な溶解補助剤、例えば、アルコール(例、エタノール)、ポリアル

コール(例、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール)、非イオン性界面活性剤(例、ポリソルベート80TM、HCO-50)などと併用してもよい。油性液としては、例えば、ゴマ油、大豆油などが用いられ、溶解補助剤である安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用してもよい。

【0103】また、上記予防・治療剤は、例えば、緩衝剤(例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸ナトリウム緩衝液)、無痛化剤(例えば、塩化ベンザルコニウム、塩酸プロカインなど)、安定剤(例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコールなど)、保存剤(例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど)、酸化防止剤などと配合してもよい。調製された注射液は通常、適当なアンプルに充填される。このようにして得られる製剤は安全で低毒性であるので、例えば、ヒトや哺乳動物(例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど)に対して投与することができる。該化合物またはその塩の投与量は、投与対象、対象臓器、症状、投与方法などにより差異はあるが、経口投与の場合、一般的に例えば、動脈硬化症患者(60kgとして)においては、一日につき約0.1~100mg、好ましくは約1.0~50mg、より好ましくは約1.0~20mgである。非経口的に投与する場合は、その1回投与量は投与対象、対象臓器、症状、投与方法などによっても異なるが、例えば、注射剤の形では通常例えば、動脈硬化症患者(60kgとして)においては、一日につき約0.01~30mg程度、好ましくは約0.1~20mg程度、より好ましくは約0.1~100mg程度を静脈注射により投与するのが好都合である。他の動物の場合も、60kg当りに換算した量を投与することができる。

【0104】(12)本発明のレセプター蛋白質、その部分ペプチドまたはそれらの塩に対する抗体による中和本発明のレセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩に対する抗体の、それらレセプター蛋白質などに対する中和活性とは、すなわち、該レセプター蛋白質の関与するシグナル伝達機能を不活性化する活性を意味する。従って、該抗体が中和活性を有する場合は、該レセプター蛋白質の関与するシグナル伝達、例えば、該レセプター蛋白質を介する細胞刺激活性(例えば、アラキドン酸遊離、アセチルコリン遊離、細胞内Ca²⁺遊離、細胞内cAMP生成、細胞内cGMP生成、イノシトールリン酸産生、細胞膜電位変動、細胞内蛋白質のリン酸化、c-fosの活性化、pHの低下などを促進する活性または抑制する活性など)を不活性化することができる。したがって、該レセプター蛋白質の過剰発現などに起因する疾患の予防および/または治療に用いることができる。

【0105】(13)本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするDNAを有する動物の作製

本発明のDNAを用いて、本発明のレセプター蛋白質等を発現するトランスジェニック動物を作製することができる。動物としては、哺乳動物（例えば、ラット、マウス、ウサギ、ヒツジ、ブタ、ウシ、ネコ、イヌ、サルなど）など（以下、動物と略記する場合がある）が挙げられるが、特に、マウス、ウサギなどが好適である。本発明のDNAを対象動物に転移させるにあたっては、該DNAを動物細胞で発現させうるプロモーターの下流に結合した遺伝子コンストラクトとして用いるのが一般に有利である。例えば、ウサギ由来の本発明のDNAを転移させる場合、これと相溶性が高い動物由来の本発明のDNAを動物細胞で発現させうる各種プロモーターの下流に結合した遺伝子コンストラクトを、例えば、ウサギ受精卵へマイクロインジェクションすることによって本発明のレセプター蛋白質等を高産生するDNA転移動物を作出できる。このプロモーターとしては、例えば、ウイルス由来プロモーター、メタロチオネイン等のユビキアスな発現プロモーターも使用しうるが、好ましくは脳で特異的に発現するNGF遺伝子プロモーターやエノラーゼ遺伝子プロモーターなどが用いられる。

【0106】受精卵細胞段階における本発明のDNAの転移は、対象動物の胚芽細胞および体細胞の全てに存在するように確保される。DNA転移後の作出動物の胚芽細胞において本発明のレセプター蛋白質等が存在することは、作出動物の子孫が全てその胚芽細胞および体細胞の全てに本発明のレセプター蛋白質等を有することを意味する。遺伝子を受け継いだこの種の動物の子孫はその胚芽細胞および体細胞の全てに本発明のレセプター蛋白質等を有する。本発明のDNA転移動物は、交配により遺伝子を安定に保持することを確認して、該DNA保有動物として通常の飼育環境で飼育継代を行うことができる。さらに、目的DNAを保有する雌雄の動物を交配することにより、導入遺伝子を相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得し、この雌雄の動物を交配することによりすべての子孫が該DNAを有するように繁殖継代することができる。本発明のDNAが転移された動物は、本発明のレセプター蛋白質等が高発現させられているので、本発明のレセプター蛋白質等に対するアゴニストまたはアンタゴニストのスクリーニング用の動物などとして有用である。本発明のDNA転移動物を、組織培養のための細胞源として使用することもできる。例えば、本発明のDNA転移マウスの組織中のDNAもしくはRNAを直接分析するか、あるいは遺伝子により発現された本発明のレセプター蛋白質が存在する組織を分析することにより、本発明のレセプター蛋白質等について分析することができる。本発明のレセプター蛋白質等を有する組織の細胞を標準組織培養技術により培養し、これらを使用して、例えば、脳や末梢組織由来のような一般に培養困難な組織からの細胞の機能を研究することができる。また、その細胞を用いることにより、例えば、

各種組織の機能を高めるような医薬の選択も可能である。また、高発現細胞株があれば、そこから、本発明のレセプター蛋白質等を単離精製することも可能である。

【0107】本明細書および図面において、塩基やアミノ酸などを略号で表示する場合、IUPAC-IUB Commission on Biochemical Nomenclature による略号あるいは当該分野における慣用略号に基づくものであり、その例を下記する。またアミノ酸に関し光学異性体があり得る場合は、特に明示しなければL体を示すものとする。

DNA : デオキシリボ核酸
 cDNA : 相補的デオキシリボ核酸
 A : アデニン
 T : チミン
 G : グアニン
 C : シトシン
 RNA : リボ核酸
 mRNA : メッセンジャーリボ核酸
 dATP : デオキシアデノシン三リン酸
 dTTP : デオキシチミジン三リン酸
 dGTP : デオキシグアノシン三リン酸
 dCTP : デオキシシチジン三リン酸
 ATP : アデノシン三リン酸
 EDTA : エチレンジアミン四酢酸
 SDS : ドデシル硫酸ナトリウム

【0108】Gly : グリシン

Ala : アラニン
 Val : バリン
 Leu : ロイシン
 Ile : イソロイシン
 Ser : セリン
 Thr : スレオニン
 Cys : システイン
 Met : メチオニン
 Glu : グルタミン酸
 Asp : アスパラギン酸
 Lys : リジン
 Arg : アルギニン
 His : ヒスチジン
 Phe : フェニルアラニン
 Tyr : チロシン
 Trp : トリプトファン
 Pro : プロリン
 Asn : アスパラギン
 Gln : グルタミン
 pGlu : ピログルタミン酸
 * : 終止コドンに対応する
 Me : メチル基
 Et : エチル基
 Bu : ブチル基

Ph : フェニル基
 TC : チアゾリジン - 4 (R) - カルボキ
 サミド基

【0109】また、本明細書中で繁用される置換基、保護基および試薬を下記の記号で表記する。

Tos : p - トルエンスルフォニル
 CHO : ホルミル
 Bzl : ベンジル
 Cl₂Bzl : 2, 6 - ジクロロベンジル
 Bom : ベンジルオキシメチル
 Z : ベンジルオキシカルボニル
 Cl - Z : 2 - クロロベンジルオキシカルボニル
 Br - Z : 2 - ブロモベンジルオキシカルボニル
 Boc : t - ブトキシカルボニル
 DNP : ジニトロフェノール
 Trt : トリチル
 Bum : t - ブトキシメチル
 Fmoc : N - 9 - フルオレニルメトキシカル
 ボニル
 HOBt : 1 - ヒドロキシベンズトリアゾール
 HOObt : 3, 4 - ジヒドロ - 3 - ヒドロキシ
 - 4 - オキソ - 1, 2, 3 - ベンゾトリアジン
 HONB : 1-ヒドロキシ-5-ノルボルネン-2,3-
 ジカルボキシイミド
 DCC : N, N' - ジシクロヘキシルカルボ
 ジイミド

【0110】本明細書の配列表の配列番号は、以下の配列を示す。

配列番号：1

本発明のヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 TGR17-1のアミノ酸配列を示す。

配列番号：2

配列番号：1で示されるヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR17-1をコードするcDNAの塩基配列を示す。

配列番号：3

以下の実施例1、4および5におけるPCR反応で使用したプライマー1の塩基配列を示す。

配列番号：4

以下の実施例1、2、3、4および5におけるPCR反応で使用したプライマー2の塩基配列を示す。

配列番号：5

本発明のヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 TGR17-2のアミノ酸配列を示す。

配列番号：6

配列番号：5で示されるヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR17-2をコードするcDNAの塩基配列を示す。

配列番号：7

本発明のヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 TGR17-3のアミノ酸配列を示す。

配列番号：8

配列番号：7で示されるヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR17-3をコードするcDNAの塩基配列を示す。

配列番号：9

以下の実施例2におけるPCR反応で使用したプライマー-3の塩基配列を示す。

配列番号：10

本発明のヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 TGR17-4のアミノ酸配列を示す。

配列番号：11

配列番号：10で示されるヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR17-4をコードするcDNAの塩基配列を示す。

配列番号：12

以下の実施例3におけるPCR反応で使用したプライマー-4の塩基配列を示す。

配列番号：13

本発明のヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 TGR17-5のアミノ酸配列を示す。

配列番号：14

配列番号：13で示されるヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR17-5をコードするcDNAの塩基配列を示す。

配列番号：15

本発明のヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質 TGR17-6のアミノ酸配列を示す。

配列番号：16

配列番号：15で示されるヒト由来新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質TGR17-6をコードするcDNAの塩基配列を示す。

配列番号：17

以下の実施例5におけるPCR反応で使用したフォワードプライマーTGR17TQFの塩基配列を示す。

配列番号：18

以下の実施例5におけるPCR反応で使したリバープライマーTGR17TQRの塩基配列を示す。

配列番号：19

以下の実施例5におけるPCR反応で使用したプローブTGR17TQPの塩基配列を示す。

配列番号：20

以下の実施例1及び4におけるPCR反応で使用したプライマー5の塩基配列を示す。

配列番号：21

以下の実施例1及び4におけるPCR反応で使用したプライマー6の塩基配列を示す。

50 【0111】以下の実施例1で得られた形質転換体エシ

エリヒア コリ (Escherichia coli) TOP10/pSL301-TGR17-1は、2000年(平成12年)12月7日から茨城県つくば市東1丁目1番1号(郵便番号305-8566)の独立行政法人産業技術総合研究所 特許生物寄託センター(旧 通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所: NIBH)に寄託番号FERM BP-7385として、2000年(平成12年)11月28日から大阪府大阪市淀川区十三本町2-17-85(郵便番号532-8686)の財団法人・発酵研究所(IFO)に寄託番号IFO 16505として寄託されている。以下の実施例2で得られた形質転換体エシエリヒア コリ (Escherichia coli) TOP10/pCR2.1-TGR17-2は、2000年(平成12年)12月7日から茨城県つくば市東1丁目1番1号(郵便番号305-8566)の独立行政法人産業技術総合研究所 特許生物寄託センター(旧 通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所: NIBH)に寄託番号FERM BP-7386として、2000年(平成12年)11月28日から大阪府大阪市淀川区十三本町2-17-85(郵便番号532-8686)の財団法人・発酵研究所(IFO)に寄託番号IFO 16506として寄託されている。以下の実施例2で得られた形質転換体エシエリヒア コリ (Escherichia coli) TOP10/pCR2.1-TGR17-3は、2000年(平成12年)12月7日から茨城県つくば市東1丁目1番1号(郵便番号305-8566)の独立行政法人産業技術総合研究所 特許生物寄託センター(旧 通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所: NIBH)に寄託番号FERM BP-7387として、2000年(平成12年)11月28日から大阪府大阪市淀川区十三本町2-17-85(郵便番号532-8686)の財団法人・発酵研究所(IFO)に寄託番号IFO 16507として寄託されている。以下の実施例3で得られた形質転換体エシエリヒア コリ (Escherichia coli) TOP10/pCR2.1-TGR17-4は、2000年(平成12年)12月7日から茨城県つくば市東1丁目1番1号(郵便番号305-8566)の独立行政法人産業技術総合研究所 特許生物寄託センター(旧 通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所: NIBH)に寄託番号FERM BP-7388として、2000年(平成12年)11月28日から大阪府大阪市淀川区十三本町2-17-85(郵便番号532-8686)の財団法人・発酵研究所(IFO)に寄託番号IFO 16508として寄託されている。以下の実施例4で得られた形質転換体エシエリヒア コリ (Escherichia coli) TOP10/pSL301-TGR17-5は、2000年(平成12年)12月7日から茨城県つくば市東1丁目1番1号(郵便番号305-8566)の独立行政法人産業技術総合研究所 特許生物寄託センター(旧 通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所: NIBH)に寄託番号FERM BP-7389として、2000年(平成12年)1

1月28日から大阪府大阪市淀川区十三本町2-17-85(郵便番号532-8686)の財団法人・発酵研究所(IFO)に寄託番号IFO 16509として寄託されている。以下の実施例4で得られた形質転換体エシエリヒア コリ (Escherichia coli) TOP10/pSL301-TGR17-6は、2000年(平成12年)12月7日から茨城県つくば市東1丁目1番1号(郵便番号305-8566)の独立行政法人産業技術総合研究所 特許生物寄託センター(旧 通商産業省工業技術院生命工学工業技術研究所: NIBH)に寄託番号FERM BP-7390として、2000年(平成12年)11月28日から大阪府大阪市淀川区十三本町2-17-85(郵便番号532-8686)の財団法人・発酵研究所(IFO)に寄託番号IFO 16510として寄託されている。

【0112】

【実施例】以下に実施例を示して、本発明をより詳細に説明するが、これらは本発明の範囲を限定するものではない。なお、大腸菌を用いての遺伝子は、モレキュラー・クローニング(Molecular cloning)に記載されている方法に従った。

実施例1 ヒト精巢由来G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNAのクローニングと塩基配列の決定 ヒト精巢cDNA (CLONTECH社)を鋳型とし、2個のプライマー、プライマー1(配列番号:3)およびプライマー2(配列番号:4)を用いてPCR反応を行った。該反応における反応液の組成は上記cDNAを3 μ l鋳型として使用し、Advantage-GC2 Polymerase Mix (CLONTECH社)1 μ l量、プライマー1(配列番号:3)およびプライマー2(配列番号:4)を各0.5 μ M、dNTPsを200 μ M、および酵素に添付のバッファーを10 μ l、GC Meltを5 μ l加え、50 μ lの液量とした。PCR反応は、95 \cdot 1分の後、95 \cdot 30秒、68 \cdot 2分のサイクルを5回、95 \cdot 30秒、66 \cdot 30秒、68 \cdot 2分のサイクルを5回、95 \cdot 30秒、64 \cdot 30秒、68 \cdot 2分のサイクルを30回繰り返し最後に68 \cdot 7分の伸長反応を行った。該PCR反応産物をTOPO-TAクローニングキット (Invitrogen社)の処方に従いプラスミドベクターpCR2.1 (Invitrogen社)へサブクローニングした。これを大腸菌TOP10に導入し、cDNAを持つクローンをアンピシリンを含むLB寒天培地中で選択した。個々のクローンの配列を解析した結果、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNA配列(配列番号:2)を得た。これらのアミノ酸配列を含有する新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をTGR17-1と命名した。さらに、TGR17-1をpCR2.1にクローニングして作製したプラスミド(pCR2.1-TGR17-1)1 μ lを鋳型としてAdvantage-GC2 Polymerase Mix (CLONTECH社)1 μ l量、プライマー5(配列番号:20)およびプライマー6(配列番号:21)を各0.5 μ M、dNTPsを200 μ M、および酵素に添付のバッファーを10 μ l、GC Meltを5 μ l加え、50 μ lの液量

とし、PCR反応を行った。PCR反応は、95・1分の後、95・30秒、68・2分のサイクルを5回、95・30秒、66・30秒、68・2分のサイクルを5回、95・30秒、64・30秒、68・2分のサイクルを30回繰り返し最後に68・7分の伸長反応を行った。得られたPCR反応物をQIAquick PCR Purification Kit [QIAGEN (Germany)] にて精製し、制限酵素Sal IおよびSpe Iにより全長cDNA断片を切り出した後、プラスミドベクターpSL301 (Invitrogen社) のSal I、Spe I siteに該遺伝子断片を組み込み、プラスミドベクターpSL301-TGR17-1を作製した。その形質転換体をエシェリヒア コリ (Escherichia coli) TOP10/pSL301-TGR17-1と命名した。

【0113】実施例2 ヒト精巢由来G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNAのクローニングと塩基配列の決定

ヒト精巢cDNA (CLONTECH社) を鋳型とし、2個のプライマー、プライマー3 (配列番号 : 9) およびプライマー2 (配列番号 : 4) を用いてPCR反応を行った。該反応における反応液の組成は上記cDNAを3 μ l鋳型として使用し、Advantage-GC2 Polymerase Mix (CLONTECH社) 1 μ l量、プライマー3 (配列番号 : 9) およびプライマー2 (配列番号 : 4) を各0.5 μ M、dNTPsを200 μ M、および酵素に添付のバッファーを10 μ l、GC MeItを5 μ l加え、50 μ lの液量とした。PCR反応は、95・1分の後、95・30秒、68・2分のサイクルを5回、95・30秒、66・30秒、68・2分のサイクルを5回、95・30秒、64・30秒、68・2分のサイクルを30回繰り返し最後に68・7分の伸長反応を行った。該PCR反応産物をTOPO-TAクローニングキット (Invitrogen社) の処方に従いプラスミドベクターpCR2.1 (Invitrogen社) ヘサブクローニングした。これを大腸菌TOP10に導入し、cDNAを持つクローンをアンピシリンを含むLB寒天培地中で選択した。個々のクローンの配列を解析した結果、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードする2種のcDNA配列 (配列番号 : 6および配列番号 : 8) を得た。これらのアミノ酸配列を含有する新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をTGR17-2およびTGR17-3と命名した。さらに、それらの形質転換体をそれぞれエシェリヒア コリ (Escherichia coli) TOP10/pCR2.1-TGR17-2、エシェリヒア コリ (Escherichia coli) TOP10/pCR2.1-TGR17-3と命名した。

【0114】実施例3 ヒト精巢由来G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNAのクローニングと塩基配列の決定

ヒト精巢cDNA (CLONTECH社) を鋳型とし、2個のプライマー、プライマー4 (配列番号 : 12) およびプライマー2 (配列番号 : 4) を用いてPCR反応を行った。該反応における反応液の組成は上記cDNAを3 μ l鋳型として使用し、Advantage-GC2 Polymerase Mix (CLONTECH社) 1 μ l量、プライマー4 (配列番号 : 12) およびプライマー2 (配列番号 : 4) を各0.5 μ M、dNTPsを200 μ M、および酵

素に添付のバッファーを10 μ l、GC MeItを5 μ l加え、50 μ lの液量とした。PCR反応は、95・1分の後、95・30秒、68・2分のサイクルを5回、95・30秒、66・30秒、68・2分のサイクルを5回、95・30秒、64・30秒、68・2分のサイクルを30回繰り返し最後に68・7分の伸長反応を行った。該PCR反応産物をTOPO-TAクローニングキット (Invitrogen社) の処方に従いプラスミドベクターpCR2.1 (Invitrogen社) ヘサブクローニングした。これを大腸菌TOP10に導入し、cDNAを持つクローンをアンピシリンを含むLB寒天培地中で選択した。個々のクローンの配列を解析した結果、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNA配列 (配列番号 : 11) を得た。これらのアミノ酸配列を含有する新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をTGR17-4と命名した。さらに、その形質転換体をエシェリヒア コリ (Escherichia coli) TOP10/pCR2.1-TGR17-4と命名した。TGR17-1、TGR17-2、TGR17-3およびTGR17-4の疎水性プロット図をそれぞれ図1、図2、図3および図4に示す。

【0115】実施例4 ヒト精巢由来G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードするcDNAのクローニングと塩基配列の決定

ヒト精巢cDNA (CLONTECH社) を鋳型とし、2個のプライマー、プライマー1 (配列番号 : 3) およびプライマー2 (配列番号 : 4) を用いてPCR反応を行った。該反応における反応液の組成は上記cDNAを3 μ l鋳型として使用し、Advantage-GC2 Polymerase Mix (CLONTECH社) 1 μ l量、プライマー1 (配列番号 : 3) およびプライマー2 (配列番号 : 4) を各0.5 μ M、dNTPsを200 μ M、および酵素に添付のバッファーを10 μ l、GC MeItを5 μ l加え、50 μ lの液量とした。PCR反応は、95・1分の後、95・30秒、68・2分のサイクルを5回、95・30秒、66・30秒、68・2分のサイクルを5回、95・30秒、64・30秒、68・2分のサイクルを30回繰り返し最後に68・7分の伸長反応を行った。該PCR反応産物をTOPO-TAクローニングキット (Invitrogen社) の処方に従いプラスミドベクターpCR2.1 (Invitrogen社) ヘサブクローニングした。これを大腸菌TOP10に導入し、cDNAを持つクローンをアンピシリンを含むLB寒天培地中で選択した。個々のクローンの配列を解析した結果、新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をコードする2種のcDNAの塩基配列 (配列番号 : 14および配列番号 : 16) を得た。これらのアミノ酸配列を含有する新規G蛋白質共役型レセプター蛋白質をTGR17-5およびTGR17-6とそれぞれ命名した。さらに、TGR17-5およびTGR17-6をpCR2.1にクローニングして作製したプラスミド (pCR2.1-TGR17-5およびpCR2.1-TGR17-6) 1 μ lを鋳型としてAdvantage-GC2 Polymerase Mix (CLONTECH社) 1 μ l量、プライマー5 (配列番号20) およびプライマー6 (配列番号21) を各0.5 μ M、dNTPsを200 μ M、および酵素に添付のバッファ

ーを10μl、GC MeItを5μl加え、50μlの液量とし、PCR反応を行った。PCR反応は、95・1分の後、95・30秒、68・2分のサイクルを5回、95・30秒、66・30秒、68・2分のサイクルを5回、95・30秒、64・30秒、68・2分のサイクルを30回繰り返し最後に68・7分の伸長反応を行った。得られたPCR反応物をQIAquick PCR Purification Kit [QIAGEN (Germany)] にて精製し、制限酵素Sal IおよびSpe Iにより全長cDNA断片を切り出した後、プラスミドベクターpSL301 (Invitrogen社) のSal I、Spe I siteに該遺伝子断片を組み込み、プラスミドベクターpSL301-TGR17-5およびpSL301-TGR17-6を作製した。それらの形質転換体をそれぞれエシエリヒア コリ(Escherichia coli)TOP10/pSL301-TGR17-5、エシエリヒア コリ(Escherichia coli)TOP10/pSL301-TGR17-6と命名した。TGR17-5およびTGR17-6の疎水性プロット図をそれぞれ図9および図10に示す。

【0116】実施例5 TaqMan PCRを用いたTGR17の発現組織分布の解析

プライマーおよびプローブは、Primer Express ver.1.0 (PEバイオシステムズジャパン) を用いてデザインし、フォワードプライマー TGR17TQF (5' - TCTGC TA CTG ACCTA CTTGA CTTT GG- 3' (配列番号 : 17))、リバースプライマーTGR17TQR (5' - ACTGAGGTCTGCCGTTTT CCAG- 3' (配列番号 : 18))、プローブTGR17TQP (5' - TCCTG GTCAT TGTCT TCCC CTCA GTAA CA- 3' (配列番号 : 19)) を作製した。プローブのリポーター色素はFAM (6-carboxyfluorescein) を付加した。スタンダード cDNA は、pCR2.1-TGR17-1を鋳型にしてプライマー 1 (配列番号 : 3)、プライマー 2 (配列番号 : 4) を用いて*30

*増幅したPCR断片を QIAquick PCR Purification Kit [QIAGEN (Germany)] にて精製し、10⁰ - 10⁶ コピー / 5μl に調製して用いた。各組織の cDNAソースはC LONTECH社SMART RACE Library Systemを用いて作製した各種cDNA libraryを用いた。TGR17-1発現量と同時に、TaqMan -actin control reagents Mix (PEバイオシステムズジャパン) を用いて -actin発現量を測定してnormalizeすることにより、TGR17-1の組織分布を比較した。TaqMan PCRは、TaqMan Universal PCR Master Mix (PEバイオシステムズジャパン) の試薬を用い、ABI PRISM 7700 Sequence Detection System (PEバイオシステムズジャパン) にて、添付の説明書に従い反応させた。結果を図13に示す。これより、TGR17は精巢および脳に高い発現が見られた。

【0117】

【発明の効果】本発明のG蛋白質共役型レセプター蛋白質もしくはその部分ペプチドまたはその塩、該レセプター蛋白質またはその部分ペプチドをコードするポリヌクレオチド (例えば、DNA、RNAおよびそれらの誘導体) は、リガンド (アゴニスト) の決定、抗体および抗血清の入手、組換え型レセプター蛋白質の発現系の構築、同発現系を用いたレセプター結合アッセイ系の開発と医薬品候補化合物のスクリーニング、構造的に類似したリガンド・レセプターとの比較にもとづいたドラッグデザインの実施、遺伝子診断におけるプローブやPCRプライマーの作成のための試薬、トランスジェニック動物の作製または 遺伝子予防・治療剤等の医薬等として用いることができる。

【0118】

【配列表】

SEQUENCE LISTING

```

<110> Takeda Chemical Industries, Ltd.
<120> Novel G Protein-Coupled Receptor and its DNA
<130> P2001-162
<150> JP 2000-211989
<151> 2000-07-07
<150> JP 2000-388794
<151> 2000-12-18
<160> 21
<210> 1
<211> 610
<212> PRT
<213> Human
<400> 1
Met Ile Val Phe Leu Val Phe Lys His Leu
Phe Ser Leu Arg Leu Ile
1 5 10 15
Thr Met Phe Phe Leu Leu His Phe Ile Val
Leu Ile Asn Val Lys Asp
20 25 30
Phe Ala Leu Thr Gln Gly Ser Met Ile Thr

```

Tyr Phe Pro Cys Gly Asn Leu Thr Lys Cys
 Leu Pro Arg Ala Phe His
 50 55 60
 Cys Asp Gly Lys Asp Asp Cys Gly Asn Gly
 Ala Asp Glu Glu Asn Cys
 65 70 75 80

 Gly Asp Thr Ser Gly Trp Ala Thr Ile Phe
 Gly Thr Val His Gly Asn
 85 90 95
 Ala Asn Ser Val Ala Leu Thr Gln Glu Cys
 Leu Leu Lys Gln Tyr Pro
 100 105 110
 Gln Cys Cys Asp Cys Lys Glu Thr Glu Leu
 Glu Cys Val Asn Gly Asp
 115 120 125
 Leu Lys Ser Val Pro Met Ile Ser Asn Asn
 Val Thr Leu Leu Ser Leu
 130 135 140
 Lys Lys Asn Lys Ile His Ser Leu Pro Asp
 Lys Val Phe Ile Lys Tyr
 145 150 155 1
 60
 Thr Lys Leu Lys Lys Met Asp Leu Ser Ser
 Asn Thr Ile Thr Glu Leu
 165 170 175
 Ser Pro His Leu Phe Lys Asp Leu Lys Leu
 Leu Gln Lys Leu Asn Leu
 180 185 190
 Ser Ser Asn Pro Leu Met Tyr Leu His Lys
 Asn Gln Phe Glu Ser Leu
 195 200 205
 Lys Gln Leu Gln Ser Leu Asp Leu Glu Arg
 Ile Glu Ile Pro Asn Ile
 210 215 220
 Asn Thr Arg Met Phe Gln Pro Met Lys Asn
 Leu Ser His Ile Tyr Phe
 225 230 235 2
 40
 Lys Asn Phe Arg Tyr Cys Ser Tyr Ala Pro
 His Val Arg Ile Cys Met
 245 250 255
 Pro Leu Thr Asp Gly Ile Ser Ser Phe Glu
 Asp Leu Leu Ala Asn Asn
 260 265 270
 Ile Leu Arg Ile Phe Val Trp Val Ile Ala
 Phe Ile Thr Cys Phe Gly
 275 280 285
 Asn Leu Phe Val Ile Gly Met Arg Ser Phe
 Ile Lys Ala Glu Asn Thr
 290 295 300
 Thr His Ala Met Ser Ile Lys Ile Leu Cys
 Cys Ala Asp Cys Leu Met

Ile Phe Leu Gly Val Asn Leu Leu Ala Phe
 Leu Ile Ile Val Phe Ser
 450 455 460
 Tyr Ile Thr Met Phe Cys Ser Ile Gln Lys
 Thr Ala Leu Gln Thr Thr
 465 470 475 4
 80
 Glu Val Arg Asn Cys Phe Gly Arg Glu Val
 Ala Val Ala Asn Arg Phe
 485 490 495
 Phe Phe Ile Val Phe Ser Asp Ala Ile Cys
 Trp Ile Pro Val Phe Val
 500 505 510
 Val Lys Ile Leu Ser Leu Phe Arg Val Glu
 Ile Pro Asp Thr Met Thr
 515 520 525
 Ser Trp Ile Val Ile Phe Phe Leu Pro Val
 Asn Ser Ala Leu Asn Pro
 530 535 540
 Ile Leu Tyr Thr Leu Thr Thr Asn Phe Phe
 Lys Asp Lys Leu Lys Gln
 545 550 555 5
 60
 Leu Leu His Lys His Gln Arg Lys Ser Ile
 Phe Lys Ile Lys Lys Lys
 565 570 575
 Ser Leu Ser Thr Ser Ile Val Trp Ile Glu
 Asp Ser Ser Ser Leu Lys
 580 585 590
 Leu Gly Val Leu Asn Lys Ile Thr Leu Gly
 Asp Ser Ile Met Lys Pro
 595 600 605
 Val Ser
 610

<210> 2

<211> 1830

<212> DNA

<213> Human

<400> 2

atgattgttt ttctggtttt taacatctc ttca
 gcctca gattgattac aatgttcttt 60
 ctacttcatt tcatcgttct gatcaatgac aaag
 attttg cactgactca aggtagcatg 120
 atcactcctt catgccaaaa aggatatttt ccct
 gtggga atcttaccaa gtgcttacc 180
 cgagcttttc actgtgatgg caaggatgac tggg
 ggaacg gggcggacga agagaactgt 240
 ggtgacacta gtggatgggc gaccatattt ggca
 cagtgc atggaaatgc taacagcgtg 300
 gccttaacac aggagtgcct tctaaaacag tatic
 cacaat gctgtgactg caaagaact 360
 gaattggaat gtgtaaatgg tgacttaaag tctg
 tgccga tgatttctaa caatgtgaca 420

attgtgtttt cctatattac tatgttctgt tcca
 ttcaaa aaaccgcctt gcagaccaca 1440
 gaagtaagga attgttttgg aagagagggtg gctg
 ttgcaa atcgttttctt ttttatagtg 1500
 ttctctgatg ccatctgctg gattcctgta ttg
 tagtta aaatcctttc cctcttccgg 1560
 gtggaaatac cagacacaat gacttcctgg atag
 tgattt ttttccttcc agttaacagt 1620
 gctttgaatc caatcctcta tactctcaca acca
 actttt ttaaggacaa gttgaaacag 1680
 ctgctgcaca aacatcagag gaaatcaatt ttca
 aaatta aaaaaaaaaag tttatctaca 1740
 tccattgtgt ggatagagga ctctcttcc ctga
 aacttg gggttttgaa caaataaca 1800
 ctggagaca gtataatgaa accagtttcc
 1830

<210> 3

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide

primer to amplify DNA encoding TGR17-1, T

GR17-5, and TGR17-6

<400> 3

gtaaacctat gattgttttt ctggtt 26

<210> 4

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Designed oligonucleotide

primer to amplify DNA encoding TGR17-1, T

GR17-2, TGR17-3 and, TGR17-4, TGR17-5, and TGR17-6

<400> 4

ctaggaaact ggtttcatta tactg 25

<210> 5

<211> 515

<212> PRT

<213> Human

<400> 5

Met Val Asn Asn Tyr Leu Glu Ala Leu Pro
 Lys Gln Met Cys Ala Gln

1

5

10

15

Met Pro Gln Leu Asn Trp Val Asp Leu Glu
 Gly Asn Arg Ile Lys Tyr

20

25

30

Leu Thr Asn Ser Thr Phe Leu Ser Cys Asp
 Ser Leu Thr Val Leu Phe

<213> Human

<400> 6

atggtaata actacttaga agctcttccc aagc
agatgt gtgcccacat gcctcaactc 60
aactgggtgg atttgaagg caatagaata aagt
atctca caaattctac gtttctgtcg 120
tgcgattcgc tcacagtgcg gtttctgcct agaa
atcaaa ttggttttgt tccagagaag 180
acattttctt cattaaaaaa ttagggagaa ctgg
atctgt ctagcaatac gataacggaa 240
ctatcacctc accttttaa agacttgaag ctic
tacaaa agctgaacct gtcaccaat 300
cctcttatgt atcttcacaa gaaccagttt gaaa
gtctta aacaacttca gtctctagac 360
ctggaaagga tagagattcc aaatataaac acac
gaatgt ttcaacccat gaagaatctt 420
tctcacattt atttcaaaaa ctttcgatac tgct
cctatg ctccccatgt ccgaatatgt 480
atgcccttga cggacggcat ttcttcatit gagg
acctct tggctaacaa taccctcaga 540
atatttgtct gggttatagc ttccattacc tgct
ttggaa atctttttgt cattggcatg 600
agatctttca ttaaagctga aaatacaact cacg
ctatgt ccatcaaaaat cctttgttgt 660
gctgattgcc tgatgggtgt ttacttgttc ttg
ttggca ttttcgatat aaaataccga 720
gggcagtatc agaagtatgc ctgtctgtgg atgg
agagcg tgcagtgccg cctcatgggg 780
ttcctggcca tgctgtccac cgaagtctct gttc
tgctac tgacctactt gactttggag 840
aagttcctgg tcattgtctt ccccttcagt aaca
ttcgac ctggaaaacg gcagacctca 900
gtcatcctca ttgcatctg gatggcggga tttt
taatag ctgtaattcc attttggaa 960
aaggattatt ttggaaactt ttatgggaaa aatg
gagtat gtttccact ttattatgac 1020
caaacagaag atattggaag caaagggtat tctc
ttggaa ttttcttagg tgtgaacttg 1080
ctggcttttc tcatcattgt gttttcctat atta
ctatgt tctgttccat tcaaaaaacc 1140
gccttgcaga ccacagaagt aaggaattgt ttg
gaagag aggtggctgt tgcaaatcgt 1200
ttctttttta tagtgttctc tgatccatc tgct
ggattc ctgtatttgt agttaaatac 1260
ctttccctct tccgggtgga aataccagac acaa
tgactt cctggatagt gattttttc 1320
cttccagtta acagtgtttt gaatccaatc ctct
atactc tcacaaccaa cttttttaag 1380
gacaagtga aacagctgct gcacaaacat caga
ggaaat caattttcaa aattaaanaa 1440
aaaagtttat ctacatccat tgtgtggata gagg
actcct cttccctgaa acttgggggt 1500
ttgaacaaaa taacacttgg agacagtata atga

130	135	140	
Ser Phe Glu Asp Leu Leu Ala Asn Asn Ile			
Leu Arg Ile Phe Val Trp			
145	150	155	1
60			
Val Ile Ala Phe Ile Thr Cys Phe Gly Asn			
Leu Phe Val Ile Gly Met			
	165	170	175
Arg Ser Phe Ile Lys Ala Glu Asn Thr Thr			
His Ala Met Ser Ile Lys			
	180	185	190
Ile Leu Cys Cys Ala Asp Cys Leu Met Gly			
Val Tyr Leu Phe Phe Val			
	195	200	205
Gly Ile Phe Asp Ile Lys Tyr Arg Gly Gln			
Tyr Gln Lys Tyr Ala Leu			
	210	215	220
Leu Trp Met Glu Ser Val Gln Cys Arg Leu			
Met Gly Phe Leu Ala Met			
225	230	235	2
40			
Leu Ser Thr Glu Val Ser Val Leu Leu Leu			
Thr Tyr Leu Thr Leu Glu			
	245	250	255
Lys Phe Leu Val Ile Val Phe Pro Phe Ser			
Asn Ile Arg Pro Gly Lys			
	260	265	270
Arg Gln Thr Ser Val Ile Leu Ile Cys Ile			
Trp Met Ala Gly Phe Leu			
	275	280	285
Ile Ala Val Ile Pro Phe Trp Asn Lys Asp			
Tyr Phe Gly Asn Phe Tyr			
	290	295	300
Gly Lys Asn Gly Val Cys Phe Pro Leu Tyr			
Tyr Asp Gln Thr Glu Asp			
305	310	315	3
20			
Ile Gly Ser Lys Gly Tyr Ser Leu Gly Ile			
Phe Leu Gly Val Asn Leu			
	325	330	335
Leu Ala Phe Leu Ile Ile Val Phe Ser Tyr			
Ile Thr Met Phe Cys Ser			
	340	345	350
Ile Gln Lys Thr Ala Leu Gln Thr Thr Glu			
Val Arg Asn Cys Phe Gly			
	355	360	365
Arg Glu Val Ala Val Ala Asn Arg Phe Phe			
Phe Ile Val Phe Ser Asp			
	370	375	380
Ala Ile Cys Trp Ile Pro Val Phe Val Val			
Lys Ile Leu Ser Leu Phe			
385	390	395	4
00			

atggtaata actacttaga agctcttccc aagc
agatgt gtgccc aaat gcctcaactc 60
aactgggtgg atttgaagg caatagaata aagt
atctca caaatctac gtttctgtcg 120
tgcgattcgc tcacagtgcg ggatctgtct agca
atacga taacggaact atcacctcac 180
cttttaaaag acttgaagct tctacaaaag ctga
acctgt catccaatcc tcttatgtat 240
cttcacaaga accagtttga aagtcttaaa caac
ttcagt ctctagacct ggaaggata 300
gagattccaa atataaacac acgaatgttt caac
ccatga agaattcttc tcacatttat 360
ttcaaaaact ttcgatactg ctctatgct cccc
atgtcc gaatatgtat gcccttgacg 420
gacggcattt ctctatttga ggacctcttg gcta
acaata tcctcagaat atttgtctgg 480
gttatagctt tcattacctg ctttggaaat cttt
ttgtca ttggcatgag atctttcatt 540
aaagctgaaa atacaactca cgctatgtcc atca
aatcc tttgttgtgc tgattgcctg 600
atgggtgttt acttgttctt tgttggcatt ttcg
atataa aataccgagg gcagatcag 660
aagtatgcct tgctgtggat ggagagcgtg cagt
gccgcc tcatggggtt cctggccatg 720
ctgtccaccg aagtctctgt tctgctactg acct
acttga ctttggagaa gttcctggtc 780
attgtcttcc ccttcagtaa cattcgacct ggaa
aacggc agacctcagt catcctcatt 840
tgcatctgga tggcgggatt ttaataagct gtaa
ttccat tttggaataa ggattatfff 900
ggaaactfff atgggaaaaa tggagtatgt ttcc
cacttt attatgacca aacagaagat 960
attggaagca aagggtattc tcttgaatt ttcc
taggtg tgaacttgct ggcttttctc 1020
atcattgtgt tttcctatat tactatgttc tght
ccattc aaaaaccgc ctgcagacc 1080
acagaagtaa ggaattgttt tgaagagag gtgg
ctgttg caaatcgttt cttttttata 1140
gtgttctctg atgcatctg ctggattcct gtat
ttgtag ttaaaatcct ttccctcttc 1200
cgggtggaaa taccagacac aatgacttcc tgga
tagtga tttttttcct tccagttaac 1260
agtgccttga atccaatcct ctatactctc acaa
ccaact ttttaagga caagttgaaa 1320
cagctgctgc acaaacatca gaggaaatca attt
tcaaaa ttaaaaaaaa aagtttatct 1380
acatccattg tgtggataga ggactcctct tccc
tgaaac ttggggtttt gaacaaaata 1440
acacttggag acagtataat gaaaccagtt tcc
1473

<210> 9

<211> 26

<212> DNA

	85	90	95
Arg Leu Met Gly Phe Leu Ala Met Leu Ser			
Thr Glu Val Ser Val Leu			
	100	105	110
Leu Leu Thr Tyr Leu Thr Leu Glu Lys Phe			
Leu Val Ile Val Phe Pro			
	115	120	125
Phe Ser Asn Ile Arg Pro Gly Lys Arg Gln			
Thr Ser Val Ile Leu Ile			
	130	135	140
Cys Ile Trp Met Ala Gly Phe Leu Ile Ala			
Val Ile Pro Phe Trp Asn			
145	150	155	1
60			
Lys Asp Tyr Phe Gly Asn Phe Tyr Gly Lys			
Asn Gly Val Cys Phe Pro			
	165	170	175
Leu Tyr Tyr Asp Gln Thr Glu Asp Ile Gly			
Ser Lys Gly Tyr Ser Leu			
	180	185	190
Gly Ile Phe Leu Gly Val Asn Leu Leu Ala			
Phe Leu Ile Ile Val Phe			
	195	200	205
Ser Tyr Ile Thr Met Phe Cys Ser Ile Gln			
Lys Thr Ala Leu Gln Thr			
	210	215	220
Thr Glu Val Arg Asn Cys Phe Gly Arg Glu			
Val Ala Val Ala Asn Arg			
225	230	235	2
40			
Phe Phe Phe Ile Val Phe Ser Asp Ala Ile			
Cys Trp Ile Pro Val Phe			
	245	250	255
Val Val Lys Ile Leu Ser Leu Phe Arg Val			
Glu Ile Pro Asp Thr Met			
	260	265	270
Thr Ser Trp Ile Val Ile Phe Phe Leu Pro			
Val Asn Ser Ala Leu Asn			
	275	280	285
Pro Ile Leu Tyr Thr Leu Thr Thr Asn Phe			
Phe Lys Asp Lys Leu Lys			
	290	295	300
Gln Leu Leu His Lys His Gln Arg Lys Ser			
Ile Phe Lys Ile Lys Lys			
305	310	315	3
20			
Lys Ser Leu Ser Thr Ser Ile Val Trp Ile			
Glu Asp Ser Ser Ser Leu			
	325	330	335
Lys Leu Gly Val Leu Asn Lys Ile Thr Leu			
Gly Asp Ser Ile Met Lys			
	340	345	350
Pro Val Ser			

```

ctggcttttc tcatcattgt gttttcctat atta
ctatgt tctgttccat tcaaaaaacc 660
gccttgcaga ccacagaagt aaggaattgt ttg
gaagag aggtggctgt tgcaaatcgt 720
ttctttttta tagtgttctc tgatgccatc tgct
ggattc ctgtatttgt agttaaatac 780
ctttccctct tccgggtgga aataccagac acaa
tgactt cctggatagt gatttttttc 840
cttccagtta acagtgttt gaatccaatc ctct
atactc tcacaaccaa cttttttaag 900
gacaagtga aacagctgct gcacaaacat caga
ggaaat caattttcaa aattaaanaa 960
aaaagttat ctacatccat tgtgtggata gagg
actcct cttccctgaa acttgggggt 1020
ttgaacaaaa taacacttgg agacagtata atga
aaccag tttcc 1065
<210> 12
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
<220>
<223> Designed oligonucleotide
primer to amplify DNA encoding TGR17-
4
<400> 12
atgcccttga cggacggcat tt 22
<210> 13
<211> 754
<212> PRT
<213> Human
<400> 13
Met Ile Val Phe Leu Val Phe Lys His Leu
Phe Ser Leu Arg Leu Ile
5 10 15
Thr Met Phe Phe Leu Leu His Phe Ile Val
Leu Ile Asn Val Lys Asp
20 25 30
Phe Ala Leu Thr Gln Gly Ser Met Ile Thr
Pro Ser Cys Gln Lys Gly
35 40 45
Tyr Phe Pro Cys Gly Asn Leu Thr Lys Cys
Leu Pro Arg Ala Phe His
50 55 60
Cys Asp Gly Lys Asp Asp Cys Gly Asn Gly
Ala Asp Glu Glu Asn Cys
65 70 75 80
Gly Asp Thr Ser Gly Trp Ala Thr Ile Phe
Gly Thr Val His Gly Asn
85 90 95
Ala Asn Ser Val Ala Leu Thr Gln Glu Cys
Leu Leu Lys Gln Tyr Pro
100 105 110

```

225 230 235 2
 40
 Val Asn Asn Tyr Leu Glu Ala Leu Pro Lys
 Gln Met Cys Ala Gln Met
 245 250 255
 Pro Gln Leu Asn Trp Val Asp Leu Glu Gly
 Asn Arg Ile Lys Tyr Leu
 260 265 270
 Thr Asn Ser Thr Phe Leu Ser Cys Asp Ser
 Leu Thr Val Leu Phe Leu
 275 280 285
 Pro Arg Asn Gln Ile Gly Phe Val Pro Glu
 Lys Thr Phe Ser Ser Leu
 290 295 300
 Lys Asn Leu Gly Glu Leu Asp Leu Ser Ser
 Asn Thr Ile Thr Glu Leu
 305 310 315 3
 20
 Ser Pro His Leu Phe Lys Asp Leu Lys Leu
 Leu Gln Lys Leu Asn Leu
 325 330 335
 Ser Ser Asn Pro Leu Met Tyr Leu His Lys
 Asn Gln Phe Glu Ser Leu
 340 345 350
 Lys Gln Leu Gln Ser Leu Asp Leu Glu Arg
 Ile Glu Ile Pro Asn Ile
 355 360 365
 Asn Thr Arg Met Phe Gln Pro Met Lys Asn
 Leu Ser His Ile Tyr Phe
 370 375 380
 Lys Asn Phe Arg Tyr Cys Ser Tyr Ala Pro
 His Val Arg Ile Cys Met
 385 390 395 4
 00
 Pro Leu Thr Asp Gly Ile Ser Ser Phe Glu
 Asp Leu Leu Ala Asn Asn
 405 410 415
 Ile Leu Arg Ile Phe Val Trp Val Ile Ala
 Phe Ile Thr Cys Phe Gly
 420 425 430
 Asn Leu Phe Val Ile Gly Met Arg Ser Phe
 Ile Lys Ala Glu Asn Thr
 435 440 445
 Thr His Ala Met Ser Ile Lys Ile Leu Cys
 Cys Ala Asp Cys Leu Met
 450 455 460
 Gly Val Tyr Leu Phe Phe Val Gly Ile Phe
 Asp Ile Lys Tyr Arg Gly
 465 470 475 4
 80
 Gln Tyr Gln Lys Tyr Ala Leu Leu Trp Met
 Glu Ser Val Gln Cys Arg
 485 490 495

625 630 635 6
 40
 Phe Phe Ile Val Phe Ser Asp Ala Ile Cys
 Trp Ile Pro Val Phe Val
 645 650 655
 Val Lys Ile Leu Ser Leu Phe Arg Val Glu
 Ile Pro Asp Thr Met Thr
 660 665 670
 Ser Trp Ile Val Ile Phe Phe Leu Pro Val
 Asn Ser Ala Leu Asn Pro
 675 680 685
 Ile Leu Tyr Thr Leu Thr Thr Asn Phe Phe
 Lys Asp Lys Leu Lys Gln
 690 695 700
 Leu Leu His Lys His Gln Arg Lys Ser Ile
 Phe Lys Ile Lys Lys Lys
 705 710 715 7
 20
 Ser Leu Ser Thr Ser Ile Val Trp Ile Glu
 Asp Ser Ser Ser Leu Lys
 725 730 735
 Leu Gly Val Leu Asn Lys Ile Thr Leu Gly
 Asp Ser Ile Met Lys Pro
 740 745 750
 Val Ser

754

<210> 14

<211> 2262

<212> DNA

<213> Human

<400> 14

atgattgttt ttctggtttt taacatctc ttca
 gcctca gattgattac aatgttcttt 60
 ctacttcatt tcatcgttct gatcaatgac aaag
 attttg cactgactca aggtagcatg 120
 atcactcctt catgccaaaa aggatatit cctt
 gtggga atcttaccaa gtgcttacc 180
 cgagcttttc actgigtatgg caaggatgac tgtg
 ggaacg gggcggacga agagaactgt 240
 ggtgacacta gtggatgggc gaccatattt ggca
 cagtgc atggaaatgc taacagcgtg 300
 gccttaacac aggatgcct tctaaaacag tatic
 cacaat gctgtgactg caaagaaact 360
 gaattggaat gtgtaaatgg tgacttaag tctg
 tgccga tgatttctaa caatgtgaca 420
 ttactgtctc ttaagaaaa caaatccac agtc
 ttccag ataaagtttt catcaaatc 480
 acaaaactta aaaagatatt tcttcagcat aatt
 gcatta gacacatc caggaaagca 540
 ttttttggat tatgtaact gcaaatatta tatic
 tcaacc acaactgcat cacaaccctc 600
 agacctggaa tattcaaaga ctacatcag ctaa
 ctggc taattctaga tgacaatcca 660

gattattttg gaaactttta tgggaaaaat ggag
 tatggt tcccacttta ttatgaccaa 1740
 acagaagata ttggaagcaa aggttattct ctg
 gaattt tcctaggtgt gaacttgctg 1800
 gcttttctca tcattgtgtt ttctatatt acta
 tgttct gttccattca aaaaaccgcc 1860
 ttgcagacca cagaagtaag gaattgtttt ggaa
 gagagg tggctgttgc aaatcgtttc 1920
 tttttatag tgttctctga tgccatctgc tgga
 ttctctg tattttagt taaaatcctt 1980
 tcctcttcc ggggtgaaat accagacaca atga
 cttcct ggatagtgat tttttcctt 2040
 ccagttaaca gtgctttgaa tccaatcctc tata
 ctctca caaccaactt ttttaaggac 2100
 aagttgaaac agctgctgca caaacatcag agga
 aatcaa ttttcaaat taaaaaaaaa 2160
 agtttatcta catccattgt gtggatagag gact
 cctctt ccctgaaact tggggttttg 2220
 aacaaaataa cacttggaga cagtataatg aaac
 cagttt cc 2262
 <210> 15
 <211> 730
 <212> PRT
 <213> Human
 <400> 15
 Met Ile Val Phe Leu Val Phe Lys His Leu
 Phe Ser Leu Arg Leu Ile
 5 10 15
 Thr Met Phe Phe Leu Leu His Phe Ile Val
 Leu Ile Asn Val Lys Asp
 20 25 30
 Phe Ala Leu Thr Gln Gly Ser Met Ile Thr
 Pro Ser Cys Gln Lys Gly
 35 40 45
 Tyr Phe Pro Cys Gly Asn Leu Thr Lys Cys
 Leu Pro Arg Ala Phe His
 50 55 60
 Cys Asp Gly Lys Asp Asp Cys Gly Asn Gly
 Ala Asp Glu Glu Asn Cys
 65 70 75 80
 Gly Asp Thr Ser Gly Trp Ala Thr Ile Phe
 Gly Thr Val His Gly Asn
 85 90 95
 Ala Asn Ser Val Ala Leu Thr Gln Glu Cys
 Leu Leu Lys Gln Tyr Pro
 100 105 110
 Gln Cys Cys Asp Cys Lys Glu Thr Glu Leu
 Glu Cys Val Asn Gly Asp
 115 120 125
 Leu Lys Ser Val Pro Met Ile Ser Asn Asn
 Val Thr Leu Leu Ser Leu
 130 135 140

275	280	285	
Ser Ser Asn Thr Ile Thr Glu Leu Ser Pro			
His Leu Phe Lys Asp Leu			
290	295	300	
Lys Leu Leu Gln Lys Leu Asn Leu Ser Ser			
Asn Pro Leu Met Tyr Leu			
305	310	315	3
20			
His Lys Asn Gln Phe Glu Ser Leu Lys Gln			
Leu Gln Ser Leu Asp Leu			
325	330	335	
Glu Arg Ile Glu Ile Pro Asn Ile Asn Thr			
Arg Met Phe Gln Pro Met			
340	345	350	
Lys Asn Leu Ser His Ile Tyr Phe Lys Asn			
Phe Arg Tyr Cys Ser Tyr			
355	360	365	
Ala Pro His Val Arg Ile Cys Met Pro Leu			
Thr Asp Gly Ile Ser Ser			
370	375	380	
Phe Glu Asp Leu Leu Ala Asn Asn Ile Leu			
Arg Ile Phe Val Trp Val			
385	390	395	4
00			
Ile Ala Phe Ile Thr Cys Phe Gly Asn Leu			
Phe Val Ile Gly Met Arg			
405	410	415	
Ser Phe Ile Lys Ala Glu Asn Thr Thr His			
Ala Met Ser Ile Lys Ile			
420	425	430	
Leu Cys Cys Ala Asp Cys Leu Met Gly Val			
Tyr Leu Phe Phe Val Gly			
435	440	445	
Ile Phe Asp Ile Lys Tyr Arg Gly Gln Tyr			
Gln Lys Tyr Ala Leu Leu			
450	455	460	
Trp Met Glu Ser Val Gln Cys Arg Leu Met			
Gly Phe Leu Ala Met Leu			
465	470	475	4
80			
Ser Thr Glu Val Ser Val Leu Leu Leu Thr			
Tyr Leu Thr Leu Glu Lys			
485	490	495	
Phe Leu Val Ile Val Phe Pro Phe Ser Asn			
Ile Arg Pro Gly Lys Arg			
500	505	510	
Gln Thr Ser Val Ile Leu Ile Cys Ile Trp			
Met Ala Gly Phe Leu Ile			
515	520	525	
Ala Val Ile Pro Phe Trp Asn Lys Asp Tyr			
Phe Gly Asn Phe Tyr Gly			
530	535	540	
Lys Asn Gly Val Cys Phe Pro Leu Tyr Tyr			

	675		680		685
Ser	Ile Phe Lys Ile Lys Lys Lys Ser Leu				
Ser	Thr Ser Ile Val Trp				
	690		695		700
Ile	Glu Asp Ser Ser Ser Leu Lys Leu Gly				
Val	Leu Asn Lys Ile Thr				
705		710		715	7
20					
Leu	Gly Asp Ser Ile Met Lys Pro Val Ser				
		725		730	

<210> 16

<211> 2190

<212> DNA

<213> Human

<400> 16

atgattgttt ttctggtttt taacatctc ttca
gcctca gattgattac aatgttcttt 60
ctacttcatt tcatcgttct gatcaatgac aaag
atcttg cactgactca aggtagcatg 120
atcactcctt catgccaaaa aggatatttt ccct
gtggga atcttaccaa gtgcttacc 180
cgagcttttc actgtgatgg caaggatgac tgtg
ggaacg gggcggacga agagaactgt 240
ggtgacacta gtggatgggc gaccatattt ggca
cagtgc atggaaatgc taacagcgtg 300
gccttaacac aggagtgcct tctaaaacag tatic
cacaat gctgtgactg caaagaaact 360
gaattggaat gtgtaaatgg tgacttaag tctg
tgccga tgatttctaa caatgtgaca 420
ttactgtctc ttaagaaaa caaatccac agtc
ttccag ataaagtttt catcaaatac 480
acaaaactta aaaagatatt tcttcagcat aatt
gcatta gacacatatic caggaaagca 540
ttttttggat tatgtaatct gcaaatatta tatic
tcaacc acaactgcat cacaaccctc 600
agacctggaa tattcaaaga cttacatcag ctaa
cttggc taattctaga tgacaatcca 660
ataaccagaa tttcacagcg cttgtttacg ggat
taaatt ccttgttttt cctgtctatg 720
gttaataact acttagaagc tcttccaag caga
tgtgtg cccaatgcc tcaactcaac 780
tgggtggatt tggaaggcaa tagaataag tatic
tcacaa attctacgtt tctgtcgtgc 840
gattcgtca cagtgtgga tctgtctagc aata
cgataa cggaactatic acctcacctt 900
tttaaagact tgaagcttct aaaaagctg aacc
tgtcat ccaatcctct tatgtatctt 960
cacaagaacc agtttgaaag tcttaacaa ctic
agtctc tagacctgga aaggatagag 1020
attccaata taaacacagc aatgtttcaa ccca
tgaaga atctttctca catttatctc 1080
aaaaactttc gatactgctc ctatgctccc catg

<210> 17
 <211> 26
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Designed oligonucleotide
 primer TGR17TQF
 <400> 17
 tctgtactg acctacttga ctttgg 26
 <210> 18
 <211> 22
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Designed oligonucleotide
 reverseprimer TGR17TQR
 <400> 18
 actgaggctt gccgttttcc ag 22
 <210> 19
 <211> 32
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> TGR17TQP
 <400> 19
 tcctggtcat tgtcttcccc ttcagtaaca 32
 <210> 20
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence
 <220>
 <223> Designed oligonucleotide
 primer to amplify DNA encoding TGR17-
 1, T
 GR17-5, and TGR17-6
 <400> 20
 ataagtcgac gtaaacctat gattgttttt ctgg
 tt 36
 <210> 21
 <211> 35
 <212> DNA 75 76

【図面の簡単な説明】
 【図1】 TGR17-2201の疎水性プロット図である。
 【図2】 TGR17-2232の疎水性プロット図である。
 【図3】 TGR17-2101の疎水性プロット図である。
 【図4】 TGR17-17-T4の疎水性プロット図である。
 【図5】 一文字表記によるTGR17-6 1のアミノ酸配列を示す図である。
 【図6】 一文字表記によるTGR17-2201のアミノ酸配列を示す図である。
 【図7】 一文字表記によるTGR17-3のアミノ酸配列を示す図である。
 【図8】 一文字表記によるTGR17-4のアミノ酸配列を示す図である。
 【図9】 TGR17-5の疎水性プロット図である。
 【図10】 TGR17-6の疎水性プロット図である。

配列を示す図である。
 【図7】 一文字表記によるTGR17-3のアミノ酸配列を示す図である。
 【図8】 一文字表記によるTGR17-4のアミノ酸配列を示す図である。
 【図9】 TGR17-5の疎水性プロット図である。
 【図10】 TGR17-6の疎水性プロット図である。

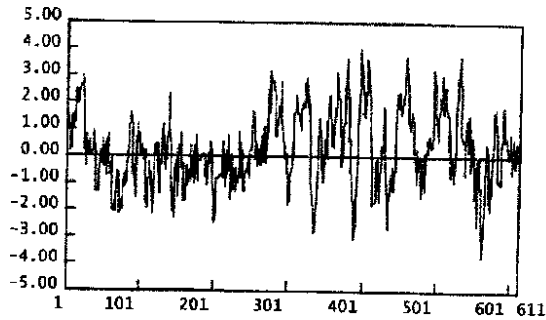
【図11】 一文字表記によるTGR17-5のアミノ酸配列を示す図である。

*酸配列を示す図である。

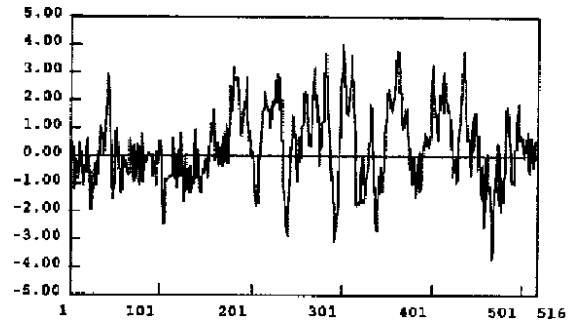
【図12】 一文字表記によるTGR17-6のアミノ酸配列を示す図である。

【図13】 実施例5で行われたTGR17-1の発現組織分布の解析結果を示す。

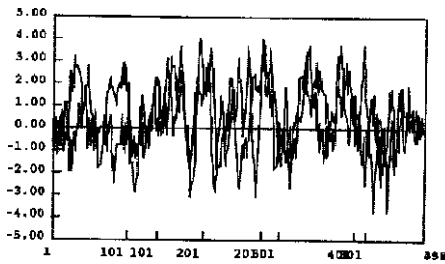
【図1】



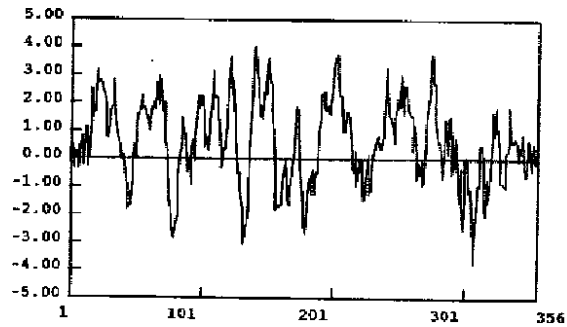
【図2】



【図3】



【図4】



【図5】

MIVFLVFKHLFSLRLITMFFLLHFIVLINVKDFALTQGSMTTPSCQKGYFPCGNLTKC
 LPRAFHCDGKDDCGNGADEENCGDTSGWATIFGTVHGNANSVALTQECLLKQYPQ
 CCDCKETELECNGDLKSVPMISNNVTLLSLKKNKIHSPLDKVFIKYTKLKKMDLS
 SNTITELSPHLFKDLKLLQKLNLSNPLMYLHKNQFESLKQLQSLDLERIEIPNINT
 RMFQPMKNLSHIYFKNFRYCSYAPHVRCMPLTDGISSFEDLLANNILRIFVWVIAFI
 TCFGNLFVIGMRSFIKAENTTHAMSIKILCCADCLMGVYLFFVGFIDIKYRGQYQKY
 ALLWMESVQCRLMGFLAMLSTEVSVLLLTYLTLEKFLVIVFPFSNIRPGKRQTSVILI
 CIWMAGFLIAVIPFWNKDYFGN FYGKNGVCPLYDQTEDIGSKGYSGLIFLGVNLL
 AFLIIVFSYITMFCSIQKTALQTEVRNCFGREVAVANRFFIVFSDAICWIPVFVVKI
 LSLFRVEIPDTMTSWIVIFFLPVNSALNPILYTLTTFNFFKDKLQLLHKKHQRKSIFKI
 KKKSLSTSIVWIEDSSSLKLGVLNKITLGDSIMKPVS

【図8】

MPLDGISSFEDLLANNILRIFVWVIAFITCFGNLFVIGMRSFIKAENTTHAMSIKI
 LCCADCLMGVYLFFVGFIDIKYRGQYQKYALLWMESVQCRLMGFLAMLSTEV
 SVLLLTYLTLEKFLVIVFPFSNIRPGKRQTSVILICIWMAGFLIAVIPFWNKDYFGN
 FYGKNGVCPLYDQTEDIGSKGYSGLIFLGVNLLAFLIIVFSYITMFCSIQKTAL
 QTEVRNCFGREVAVANRFFIVFSDAICWIPVFVVKILSLFRVEIPDTMTSWIVIF
 FLPVNSALNPILYTLTTFNFFKDKLQLLHKKHQRKSIFKIKKKSLSTSIVWIEDSSSL
 KLGVLNKITLGDSIMKPVS

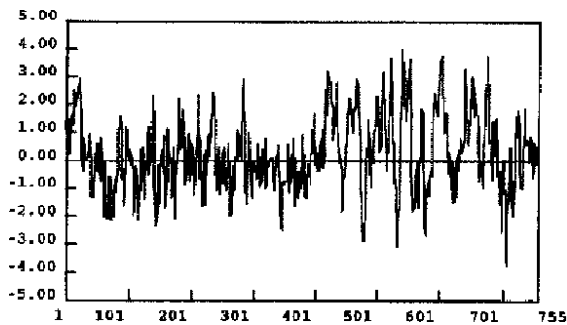
【図6】

MVNNYLEALPKQMCAQMPQLNWVDLEGNRIKYLTNSTFLSCDSLTVLFLPRNQ
 IGFVPEKTFSSLKNLGEGLDSSNTITELSPHLFKDLKLLQKLNLSNPLMYLHKN
 QFESLKQLQSLDLERIEIPNINTRMFQPMKNLSHIYFKNFRYCSYAPHVVICMPLT
 DGISSFEDLLANNILRIFVWVIAFITCFGNLFVIGMRSFIKAENTTHAMSIKILCCA
 DCLMGVYLFFVGFIDIKYRGQYQKYALLWMESVQCRLMGFLAMLSTEVSVLLL
 TYLTLEKFLVIVFPFSNIRPGKRQTSVILICIWMAGFLIAVIPFWNKDYFGNFYGK
 NGVCFPLYDQTEDIGSKGYSLGI FLGVNLLAFLIIVFSYITMFCSIQKTALQTTE
 VRNCFGREVAVANRFFFIVFSDAICWIPVFVVKILSLFRVEIPDTMTSWIVIFLPV
 NSALNPILYTLTTFKDKLKQLLHKHQRKSIFKIKKKSLSSTSIVWIEDSSSLKLG
 VLNKITLGD SIMKPV S

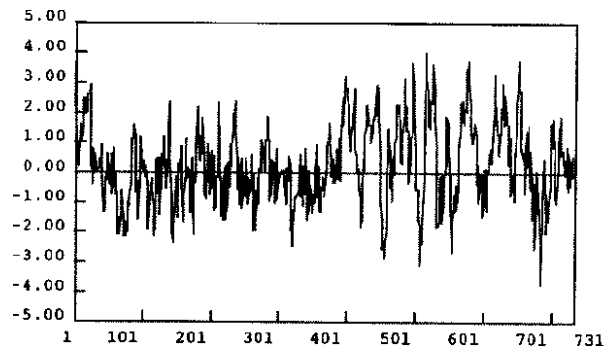
【図7】

MVNNYLEALPKQMCAQMPQLNWVDLEGNRIKYLTNSTFLSCDSLTVLDLSSNT
 ITELSPHLFKDLKLLQKLNLSNPLMYLHKNQFESLKQLQSLDLERIEIPNINTRM
 FQPMKNLSHIYFKNFRYCSYAPHVVICMPLTDGISSFEDLLANNILRIFVWVIAFIT
 CFGNLFVIGMRSFIKAENTTHAMSIKILCCADCLMGVYLFFVGFIDIKYRGQYQ
 KYALLWMESVQCRLMGFLAMLSTEVSVLLLTYLTLEKFLVIVFPFSNIRPGKRQT
 SVILICIWMAGFLIAVIPFWNKDYFGNFYGKNGVCFPLYDQTEDIGSKGYSLGI
 FLGVNLLAFLIIVFSYITMFCSIQKTALQTTEVRNCFGREVAVANRFFFIVFSDAIC
 WIPVFVVKILSLFRVEIPDTMTSWIVIFLPVNSALNPILYTLTTFKDKLKQLLH
 KHQRKSIFKIKKKSLSSTSIVWIEDSSSLKLGVLNKITLGD SIMKPV S

【図9】



【図10】



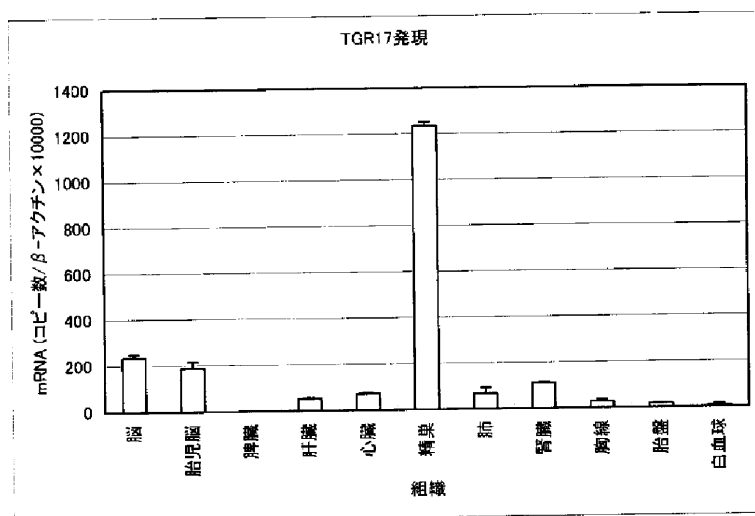
【 図 1 1 】

MIVFLVFKHLFSLRLITMFFLLHFIVLINVKDFALTQGSMITPSCQKGYFPCGNLTKCLPRAFHC DGKDD
 CGNGADEENC GDTSGWATIFGTVHGNANSVALTQECLLKQYPQCCCKETELEC VNGDLKSVPMISNNVT
 LLSLKKNKIHSLPKVFIKYTKLKKIFLQHNCIRHISRKAFFGLCNLQILYLNHNCITTLRPGIFKDLHQ
 LTWLILDDNPITRISQRLFTGLNSLFFLSMVNNYLEALPKQMQAMPQLNWDLEGNRIKYL TNSTFLSC
 DSLTVLFLPRNQIGFVPEKTFSSLKNL GELDLSSNTITELSPHLFKDLKLLQKLNLSNPLMYLHKNQFE
 SLKQLQSLDLERIEIPNINTRMPQPMKNLSHIYFKNFRYCSYAPHVRI CNPLTDGISSFEDLLANNILRI
 FVWVIAFITCFGNLFVIGMRSFIKAENTTHAMSIKILCCADCLMGVYLFFVGIFDIKYRGYQKYALLWM
 ESVQCRLMGFLANLSTEVSLLLLTYLTLEKFLVIVFPFSNIRPGKRQTSVILICIMAGFLIAVIPFWNK
 DYPGNFYGKNGVCFPLYDQTEDIGSKGYSLGIFLGYNLLAFLIIVFSYITMFCSIQKTALQTTEVRNCF
 GREVAVANRFFFIVFSDAICWIPV FVKILSLFRVEIPDTMTSWIVIFFLPVNSALNPILYTLTTFNFKD
 KKLKQLLHKHQKRSIFKIKKKSLSISIVWIEDSSSLKLGVLNKITLGDSIMKPVS

【 図 1 2 】

MIVFLVFKHLFSLRLITMFFLLHFIVLINVKDFALTQGSMITPSCQKGYFPCGNLTKCLPRAFHC DGKDD
 CGNGADEENC GDTSGWATIFGTVHGNANSVALTQECLLKQYPQCCCKETELEC VNGDLKSVPMISNNVT
 LLSLKKNKIHSLPKVFIKYTKLKKIFLQHNCIRHISRKAFFGLCNLQILYLNHNCITTLRPGIFKDLHQ
 LTWLILDDNPITRISQRLFTGLNSLFFLSMVNNYLEALPKQMQAMPQLNWDLEGNRIKYL TNSTFLSC
 DSLTVL DLSNTITELSPHLFKDLKLLQKLNLSNPLMYLHKNQFESLKQLQSLDLERIEIPNINTRMFQ
 PMKNLSHIYFKNFRYCSYAPHVRI CNPLTDGISSFEDLLANNILRIFVWVIAFITCFGNLFVIGMRSFIK
 AENTTHAMSIKILCCADCLMGVYLFFVGIFDIKYRGYQKYALLWMESVQCRLMGFLANLSTEVSLLLLT
 YLTLEKFLVIVFPFSNIRPGKRQTSVILICIMAGFLIAVIPFWNKDYPGNFYGKNGVCFPLYDQTEDIG
 SKGYSLGIFLGYNLLAFLIIVFSYITMFCSIQKTALQTTEVRNCFGREVAVANRFFFIVFSDAICWIPV
 FVKILSLFRVEIPDTMTSWIVIFFLPVNSALNPILYTLTTFNFKDKKLKQLLHKHQKRSIFKIKKKSLSI
 SIVWIEDSSSLKLGVLNKITLGDSIMKPVS

【図13】



フロントページの続き

(51)Int.Cl.⁷

識別記号

F I

テ-マコード (参考)

A 6 1 P 25/00
 29/00
 35/00
 37/02
 C 0 7 K 14/705
 16/28
 C 1 2 N 1/15
 1/19
 1/21
 5/10
 C 1 2 P 21/02
 C 1 2 Q 1/68
 G 0 1 N 33/15
 33/50
 33/53
 33/566

A 6 1 P 29/00
 35/00
 37/02
 C 0 7 K 14/705
 16/28
 C 1 2 N 1/15
 1/19
 1/21
 C 1 2 P 21/02
 C 1 2 Q 1/68
 G 0 1 N 33/15
 33/50
 33/53
 33/566
 C 1 2 N 15/00
 5/00

C
 A
 Z
 Z
 D
 Z N A A
 A

(72)発明者 宮嶋 伸行

茨城県つくば市吾妻4丁目16-4 プレビ
 ュー吾妻403

F ターム(参考) 2G045 AA25 AA29 AA40 BB20 CA25
CB01 CB26 DA12 DA13 DA14
DA36 DA77 FB02 FB03 FB04
FB07
4B024 AA01 AA11 BA41 BA63 CA01
GA11 HA12
4B063 QA01 QQ53 QR32 QR55 QS34
QX01
4B064 AG20 AG27 CA19 CC24 DA01
DA13
4B065 AA93Y AB01 AC14 BA02
CA24 CA25 CA44 CA46
4C084 AA02 AA07 AA13 AA14 AA17
BA01 BA08 BA22 BA23 BA44
CA18 CA53 CA56 CA59 NA13
NA14 ZA022 ZA362 ZA662
ZB072 ZB112 ZB262 ZC212
4H045 AA10 AA11 AA30 BA10 CA44
DA50 DA76 EA20 EA50 FA74

专利名称(译)	新型G蛋白偶联受体蛋白及其DNA		
公开(公告)号	JP2002330779A	公开(公告)日	2002-11-19
申请号	JP2001206151	申请日	2001-07-06
申请(专利权)人(译)	武田化学工业有限公司		
[标]发明人	守谷岳郎 伊藤隆司 新谷靖 宫嶋伸行		
发明人	守谷 岳郎 伊藤 隆司 新谷 靖 宫嶋 伸行		
IPC分类号	G01N33/50 A61K45/00 A61P1/00 A61P5/00 A61P9/00 A61P25/00 A61P29/00 A61P35/00 A61P37/02 C07K14/705 C07K16/28 C12N1/15 C12N1/19 C12N1/21 C12N5/10 C12N15/09 C12P21/02 C12Q1/68 G01N33/15 G01N33/53 G01N33/566		
FI分类号	A61K45/00 A61P1/00 A61P5/00 A61P9/00 A61P25/00 A61P29/00 A61P35/00 A61P37/02 C07K14/705 C07K16/28 C12N1/15 C12N1/19 C12N1/21 C12P21/02.C C12Q1/68.A G01N33/15.Z G01N33/50.Z G01N33/53.D G01N33/566 C12N15/00.ZNA.A C12N5/00.A C12N15/00.A C12N15/00.AZN.A C12N5 /00.101 C12N5/10		
F-TERM分类号	2G045/AA25 2G045/AA29 2G045/AA40 2G045/BB20 2G045/CA25 2G045/CB01 2G045/CB26 2G045 /DA12 2G045/DA13 2G045/DA14 2G045/DA36 2G045/DA77 2G045/FB02 2G045/FB03 2G045/FB04 2G045/FB07 4B024/AA01 4B024/AA11 4B024/BA41 4B024/BA63 4B024/CA01 4B024/GA11 4B024 /HA12 4B063/QA01 4B063/QQ53 4B063/QR32 4B063/QR55 4B063/QS34 4B063/QX01 4B064/AG20 4B064/AG27 4B064/CA19 4B064/CC24 4B064/DA01 4B064/DA13 4B065/AA93Y 4B065/AB01 4B065 /AC14 4B065/BA02 4B065/CA24 4B065/CA25 4B065/CA44 4B065/CA46 4C084/AA02 4C084/AA07 4C084/AA13 4C084/AA14 4C084/AA17 4C084/BA01 4C084/BA08 4C084/BA22 4C084/BA23 4C084 /BA44 4C084/CA18 4C084/CA53 4C084/CA56 4C084/CA59 4C084/NA13 4C084/NA14 4C084/ZA022 4C084/ZA362 4C084/ZA662 4C084/ZB072 4C084/ZB112 4C084/ZB262 4C084/ZC212 4H045/AA10 4H045/AA11 4H045/AA30 4H045/BA10 4H045/CA44 4H045/DA50 4H045/DA76 4H045/EA20 4H045 /EA50 4H045/FA74		
优先权	2000211989 2000-07-07 JP 2000383794 2000-12-18 JP		
外部链接	Espacenet		

摘要(译)

解决的问题：提供一种用于激动剂/拮抗剂筛选等的新型蛋白质。人源蛋白或其盐，编码该蛋白的DNA，确定该蛋白的配体的方法，用于改变该配体与该蛋白之间的结合特性的化合物的筛选方法/筛选试剂盒以及筛选所得化合物或其盐等。[效果]本发明的人源蛋白或编码其的DNA用于（1）本发明蛋白的配体的确定，（2）预防和/或治疗与本发明蛋白功能障碍有关的疾病试剂，（3）它可以用于筛选改变本发明的蛋白质和配体之间的结合特性的化合物（激动剂，拮抗剂等）。

【图4】

